



## Full wwPDB EM Validation Report ⓘ

Mar 9, 2026 – 04:38 PM UTC

PDB ID : 9YH1 / pdb\_00009yh1  
EMDB ID : EMD-72948  
Title : Structure of flagellin FlaB filament in *H. pylori*  
Authors : Kumar, R.; Yu, H.; Tachiyama, S.; Liu, J.  
Deposited on : 2025-09-29  
Resolution : 3.22 Å(reported)

This is a Full wwPDB EM Validation Report for a publicly released PDB entry.

We welcome your comments at [validation@mail.wwpdb.org](mailto:validation@mail.wwpdb.org)

A user guide is available at

<https://www.wwpdb.org/validation/2017/EMValidationReportHelp>

with specific help available everywhere you see the ⓘ symbol.

The types of validation reports are described at

<http://www.wwpdb.org/validation/2017/FAQs#types>.

---

The following versions of software and data (see [references ⓘ](#)) were used in the production of this report:

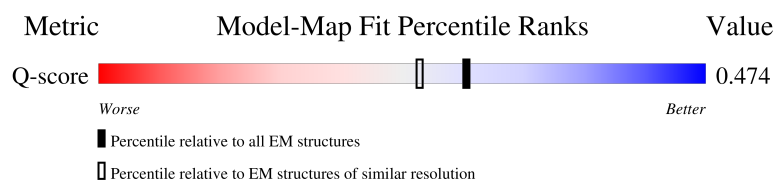
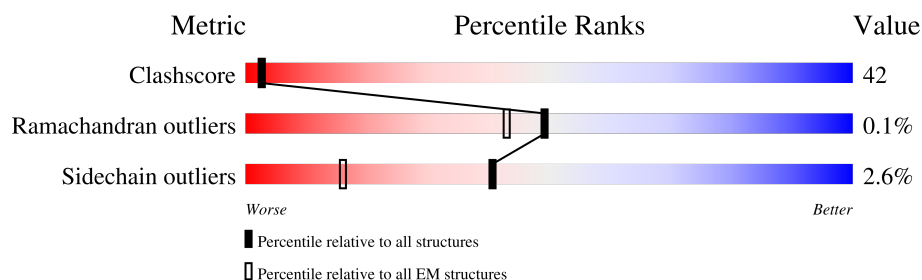
EMDB validation analysis : 0.0.1.dev132  
Mogul : 2022.3.0, CSD as543be (2022)  
MolProbity : 4-5-2 with Phenix2.0  
Buster-report : wwPDB partial adaption of 1.1.7 (2018)  
Percentile statistics : 20250101.v01 (using entries in the PDB archive January 1st 2025)  
EM percentile statistics : 202505.v01 (Using data in the EMDB archive up until May 2025)  
MapQ : 1.9.13  
Ideal geometry (proteins) : Engh & Huber (2001)  
Ideal geometry (DNA, RNA) : Parkinson et al. (1996)  
Validation Pipeline (wwPDB-VP) : 2.49

# 1 Overall quality at a glance

The following experimental techniques were used to determine the structure:  
*ELECTRON MICROSCOPY*

The reported resolution of this entry is 3.22 Å.

Percentile scores (ranging between 0-100) for global validation metrics of the entry are shown in the following graphic. The table shows the number of entries on which the scores are based.





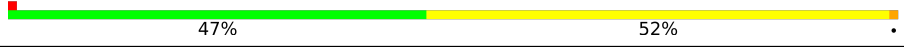
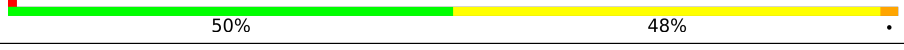



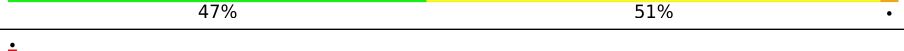
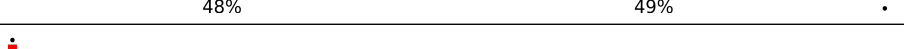
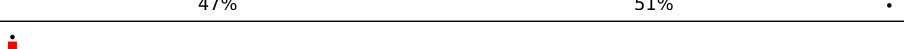
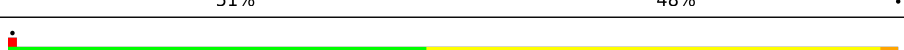
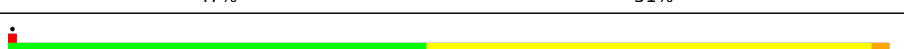

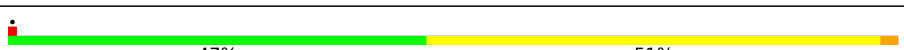
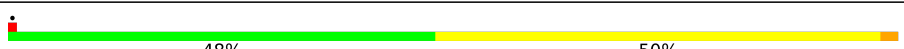










Metric	Whole archive (#Entries)	EM structures (#Entries)	Similar EM resolution (#Entries, resolution range(Å))
Clashscore	229148	23984	-
Ramachandran outliers	224038	23583	-
Sidechain outliers	223484	23102	-
Q-score	-	25397	14612 ( 2.72 - 3.72 )

The table below summarises the geometric issues observed across the polymeric chains and their fit to the map. The red, orange, yellow and green segments of the bar indicate the fraction of residues that contain outliers for  $\geq 3$ , 2, 1 and 0 types of geometric quality criteria respectively. A grey segment represents the fraction of residues that are not modelled. The numeric value for each fraction is indicated below the corresponding segment, with a dot representing fractions  $\leq 5\%$ . The upper red bar (where present) indicates the fraction of residues that have poor fit to the EM map (all-atom inclusion  $< 40\%$ ). The numeric value is given above the bar.

Mol	Chain	Length	Quality of chain
1	A1	513	
1	A2	513	
1	A3	513	
1	A4	513	




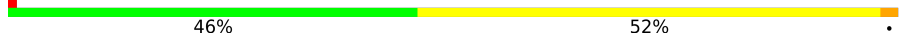
*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Length	Quality of chain
1	A5	513	
1	A6	513	
1	A7	513	
1	A8	513	
1	A9	513	
1	AA	513	
1	AB	513	
1	AC	513	
1	AD	513	
1	AE	513	
1	AF	513	
1	AG	513	
1	AH	513	
1	AI	513	
1	AJ	513	
1	AK	513	
1	AL	513	
1	AM	513	
1	AN	513	
1	AO	513	
1	AP	513	
1	AQ	513	
1	AR	513	
1	AS	513	
1	AT	513	

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Length	Quality of chain
1	AU	513	
1	AV	513	
1	AW	513	
1	AX	513	

The following table lists non-polymeric compounds, carbohydrate monomers and non-standard residues in protein, DNA, RNA chains that are outliers for geometric or electron-density-fit criteria:

Mol	Type	Chain	Res	Chirality	Geometry	Clashes	Electron density
2	P8E	A1	604	X	-	-	-
2	P8E	A2	604	X	-	-	-
2	P8E	A3	604	X	-	-	-
2	P8E	A4	604	X	-	-	-
2	P8E	A5	604	X	-	-	-
2	P8E	A6	604	X	-	-	-
2	P8E	A7	604	X	-	-	-
2	P8E	A8	604	X	-	-	-
2	P8E	A9	604	X	-	-	-
2	P8E	AA	604	X	-	-	-
2	P8E	AB	604	X	-	-	-
2	P8E	AC	604	X	-	-	-
2	P8E	AD	604	X	-	-	-
2	P8E	AE	604	X	-	-	-
2	P8E	AF	604	X	-	-	-
2	P8E	AG	604	X	-	-	-
2	P8E	AH	604	X	-	-	-
2	P8E	AI	604	X	-	-	-
2	P8E	AJ	604	X	-	-	-
2	P8E	AK	604	X	-	-	-
2	P8E	AL	604	X	-	-	-
2	P8E	AM	604	X	-	-	-
2	P8E	AN	604	X	-	-	-
2	P8E	AO	604	X	-	-	-
2	P8E	AP	604	X	-	-	-
2	P8E	AQ	604	X	-	-	-
2	P8E	AR	604	X	-	-	-
2	P8E	AS	604	X	-	-	-
2	P8E	AT	604	X	-	-	-
2	P8E	AU	604	X	-	-	-

*Continued on next page...*



*Continued from previous page...*

Mol	Type	Chain	Res	Chirality	Geometry	Clashes	Electron density
2	P8E	AV	604	X	-	-	-
2	P8E	AW	604	X	-	-	-
2	P8E	AX	604	X	-	-	-

## 2 Entry composition

There are 2 unique types of molecules in this entry. The entry contains 133980 atoms, of which 4752 are hydrogens and 0 are deuteriums.

In the tables below, the AltConf column contains the number of residues with at least one atom in alternate conformation and the Trace column contains the number of residues modelled with at most 2 atoms.

- Molecule 1 is a protein called Flagellin.

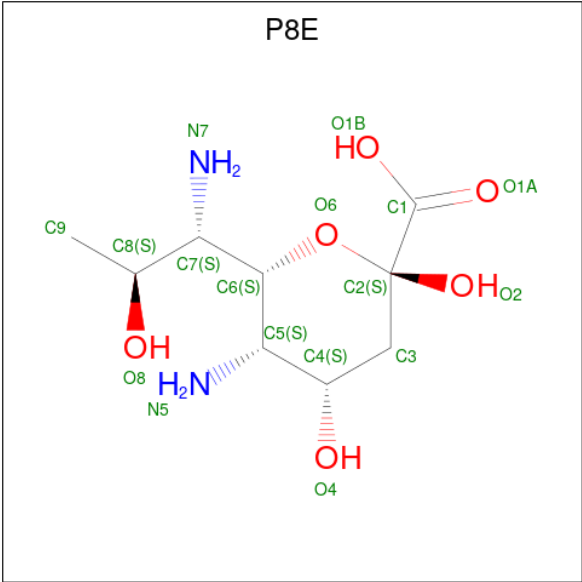
Mol	Chain	Residues	Atoms					AltConf	Trace
1	A1	513	Total	C	N	O	S	0	0
			3772	2289	695	775	13		
1	A2	513	Total	C	N	O	S	0	0
			3772	2289	695	775	13		
1	A3	513	Total	C	N	O	S	0	0
			3772	2289	695	775	13		
1	A4	513	Total	C	N	O	S	0	0
			3772	2289	695	775	13		
1	A5	513	Total	C	N	O	S	0	0
			3772	2289	695	775	13		
1	A6	513	Total	C	N	O	S	0	0
			3772	2289	695	775	13		
1	A7	513	Total	C	N	O	S	0	0
			3772	2289	695	775	13		
1	A8	513	Total	C	N	O	S	0	0
			3772	2289	695	775	13		
1	A9	513	Total	C	N	O	S	0	0
			3772	2289	695	775	13		
1	AA	513	Total	C	N	O	S	0	0
			3772	2289	695	775	13		
1	AB	513	Total	C	N	O	S	0	0
			3772	2289	695	775	13		
1	AC	513	Total	C	N	O	S	0	0
			3772	2289	695	775	13		
1	AD	513	Total	C	N	O	S	0	0
			3772	2289	695	775	13		
1	AE	513	Total	C	N	O	S	0	0
			3772	2289	695	775	13		
1	AF	513	Total	C	N	O	S	0	0
			3772	2289	695	775	13		
1	AG	513	Total	C	N	O	S	0	0
			3772	2289	695	775	13		
1	AH	513	Total	C	N	O	S	0	0
			3772	2289	695	775	13		

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Residues	Atoms					AltConf	Trace
1	AI	513	Total 3772	C 2289	N 695	O 775	S 13	0	0
1	AJ	513	Total 3772	C 2289	N 695	O 775	S 13	0	0
1	AK	513	Total 3772	C 2289	N 695	O 775	S 13	0	0
1	AL	513	Total 3772	C 2289	N 695	O 775	S 13	0	0
1	AM	513	Total 3772	C 2289	N 695	O 775	S 13	0	0
1	AN	513	Total 3772	C 2289	N 695	O 775	S 13	0	0
1	AO	513	Total 3772	C 2289	N 695	O 775	S 13	0	0
1	AP	513	Total 3772	C 2289	N 695	O 775	S 13	0	0
1	AQ	513	Total 3772	C 2289	N 695	O 775	S 13	0	0
1	AR	513	Total 3772	C 2289	N 695	O 775	S 13	0	0
1	AS	513	Total 3772	C 2289	N 695	O 775	S 13	0	0
1	AT	513	Total 3772	C 2289	N 695	O 775	S 13	0	0
1	AU	513	Total 3772	C 2289	N 695	O 775	S 13	0	0
1	AV	513	Total 3772	C 2289	N 695	O 775	S 13	0	0
1	AW	513	Total 3772	C 2289	N 695	O 775	S 13	0	0
1	AX	513	Total 3772	C 2289	N 695	O 775	S 13	0	0

- Molecule 2 is 5,7-diamino-3,5,7,9-tetradeoxy-L-glycero-alpha-L-manno-non-2-ulopyranosonic acid (CCD ID: P8E) (formula: C<sub>9</sub>H<sub>18</sub>N<sub>2</sub>O<sub>6</sub>).



Mol	Chain	Residues	Atoms					AltConf
2	A1	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	A1	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	A1	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	A1	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	A1	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	A1	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	A1	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	A1	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	A2	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	A2	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	A2	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	A2	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	

Continued on next page...

*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Residues	Atoms					AltConf
2	A2	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	A2	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	A2	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	A2	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	A3	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	A3	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	A3	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	A3	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	A3	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	A3	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	A3	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	A3	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	A4	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	A4	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	A4	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	A4	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	A4	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	A4	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Residues	Atoms					AltConf
2	A4	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	A5	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	A5	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	A5	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	A5	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	A5	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	A5	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	A5	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	A5	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	A6	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	A6	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	A6	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	A6	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	A6	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	A6	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	A6	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	A6	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	A7	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	A7	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Residues	Atoms					AltConf
2	A7	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	A7	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	A7	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	A7	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	A7	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	A7	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	A8	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	A8	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	A8	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	A8	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	A8	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	A8	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	A8	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	A8	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	A9	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	A9	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	A9	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	A9	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Residues	Atoms					AltConf
2	A9	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	A9	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	A9	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	A9	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AA	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AA	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AA	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AA	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AA	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AA	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AA	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AA	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AB	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AB	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AB	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AB	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AB	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AB	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AB	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	

*Continued on next page...*



*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Residues	Atoms					AltConf
2	AB	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AC	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AC	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AC	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AC	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AC	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AC	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AC	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AD	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AD	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AD	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AD	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AD	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AD	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AD	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AE	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AE	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Residues	Atoms					AltConf
2	AE	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AE	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AE	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AE	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AE	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AF	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AF	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AF	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AF	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AF	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AF	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AF	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AG	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AG	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AG	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AG	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Residues	Atoms					AltConf
2	AG	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AG	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AG	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AG	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AH	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AH	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AH	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AH	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AH	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AH	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AH	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AI	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AI	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AI	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AI	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AI	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AI	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Residues	Atoms					AltConf
2	AI	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AJ	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AJ	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AJ	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AJ	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AJ	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AJ	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AJ	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AK	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AK	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AK	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AK	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AK	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AK	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AK	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AL	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AL	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Residues	Atoms					AltConf
2	AL	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AL	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AL	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AL	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AL	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AM	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AM	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AM	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AM	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AM	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AM	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AM	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AN	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AN	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AN	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AN	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Residues	Atoms					AltConf
2	AN	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AN	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AN	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AN	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AO	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AO	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AO	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AO	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AO	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AO	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AO	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AO	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AP	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AP	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AP	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AP	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AP	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AP	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AP	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Residues	Atoms					AltConf
2	AP	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AQ	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AQ	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AQ	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AQ	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AQ	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AQ	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AQ	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AR	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AR	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AR	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AR	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AR	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AR	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AR	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AS	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AS	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Residues	Atoms					AltConf
2	AS	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AS	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AS	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AS	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AS	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AS	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AT	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AT	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AT	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AT	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AT	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AT	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AT	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AU	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AU	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AU	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AU	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	

*Continued on next page...*



*Continued from previous page...*

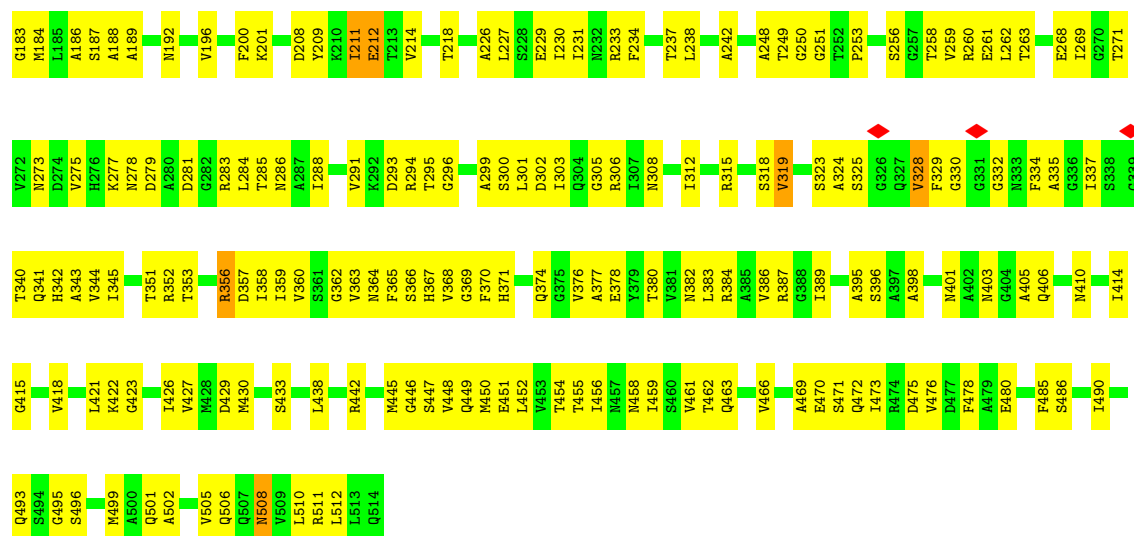
Mol	Chain	Residues	Atoms					AltConf
2	AU	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AU	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AU	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AU	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AV	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AV	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AV	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AV	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AV	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AV	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AV	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AV	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AW	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AW	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AW	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AW	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AW	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AW	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AW	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	

*Continued on next page...*

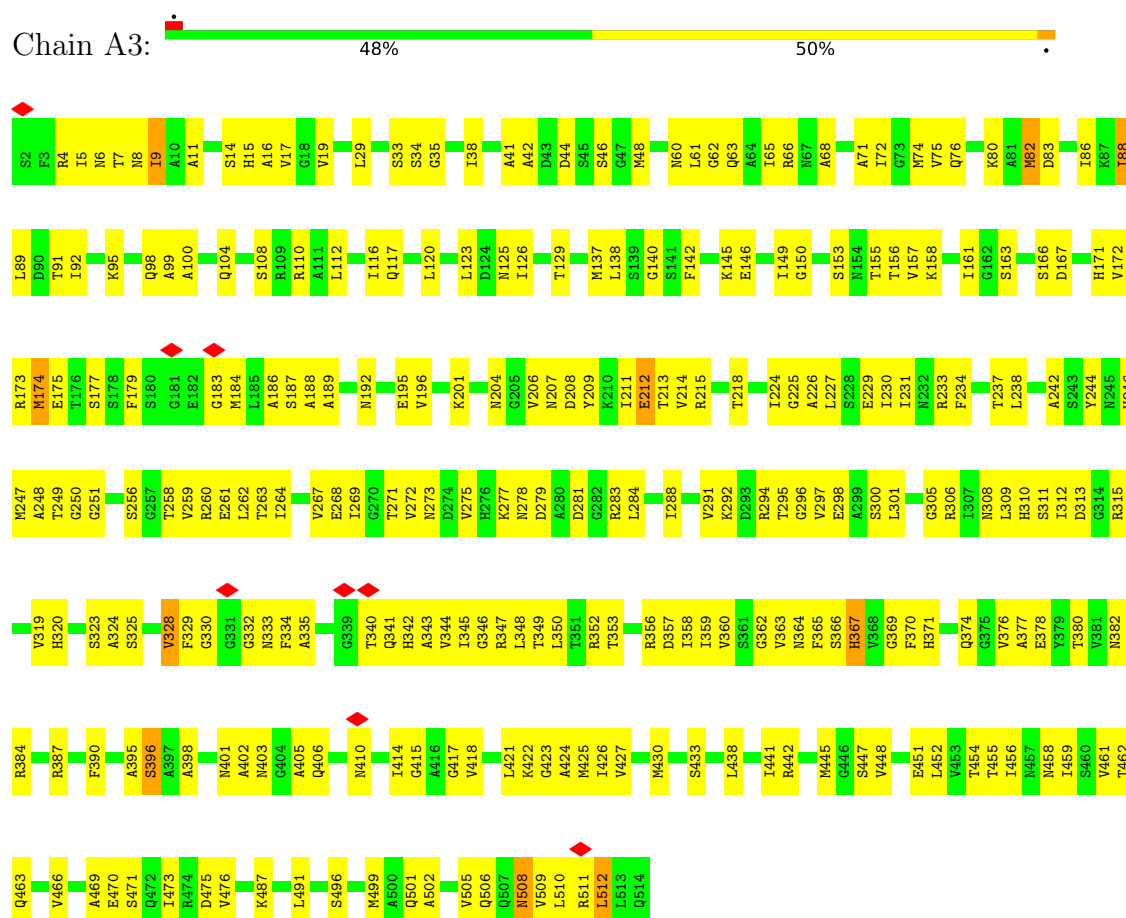
*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Residues	Atoms					AltConf
2	AW	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AX	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AX	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AX	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AX	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AX	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AX	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	
2	AX	1	Total	C	H	N	O	0
			32	9	16	2	5	



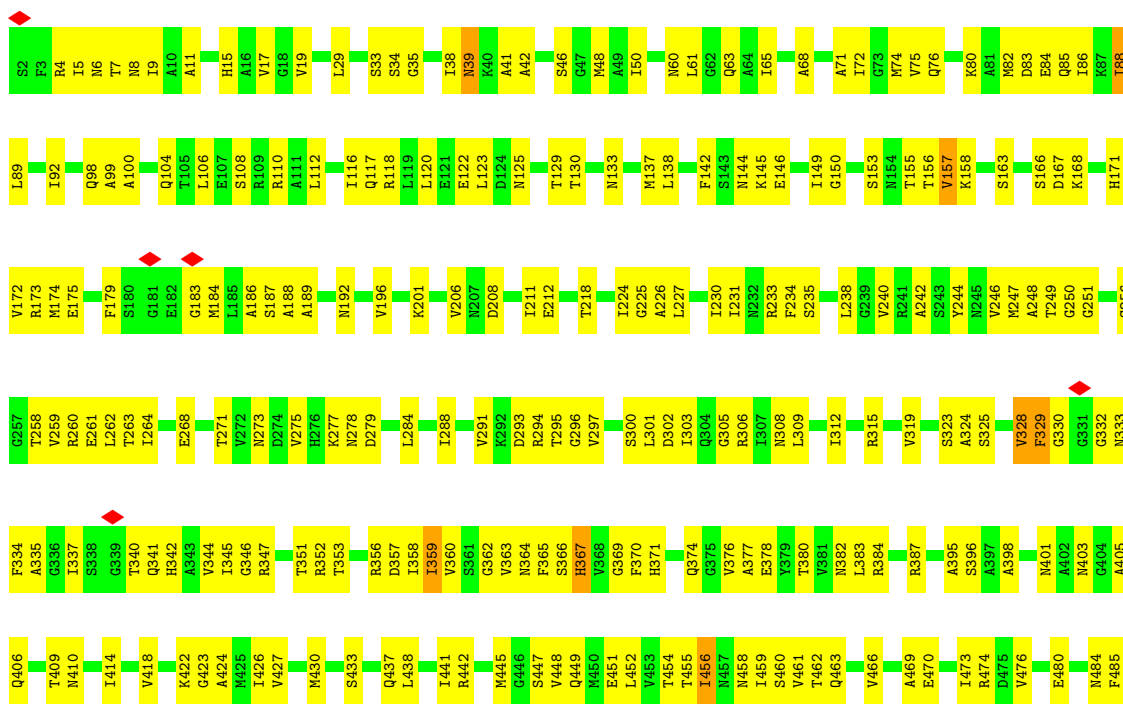


• Molecule 1: Flagellin



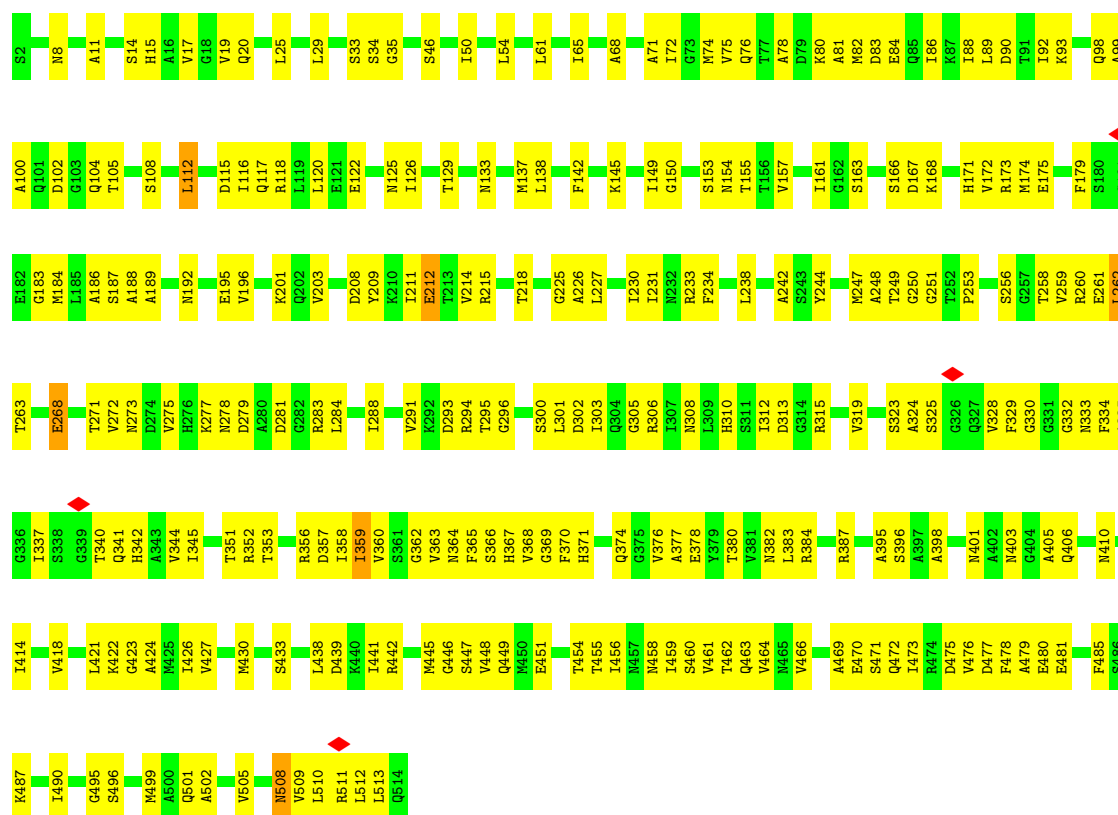
• Molecule 1: Flagellin



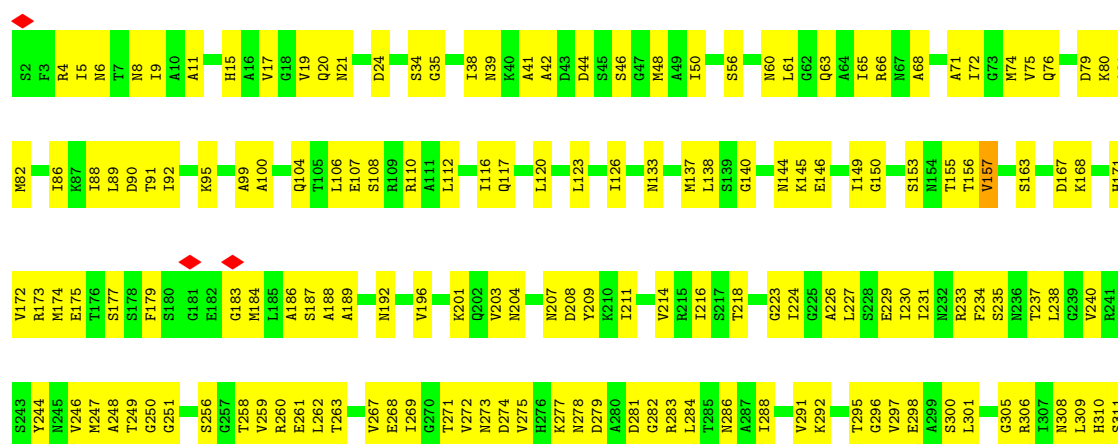


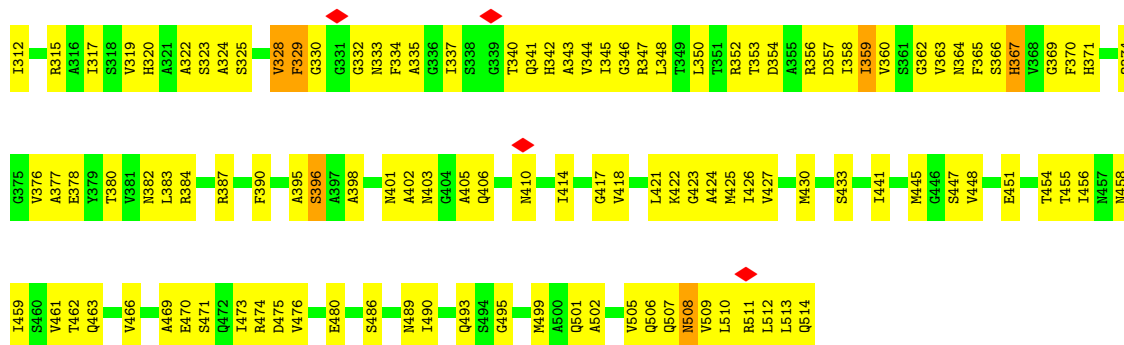


• Molecule 1: Flagellin

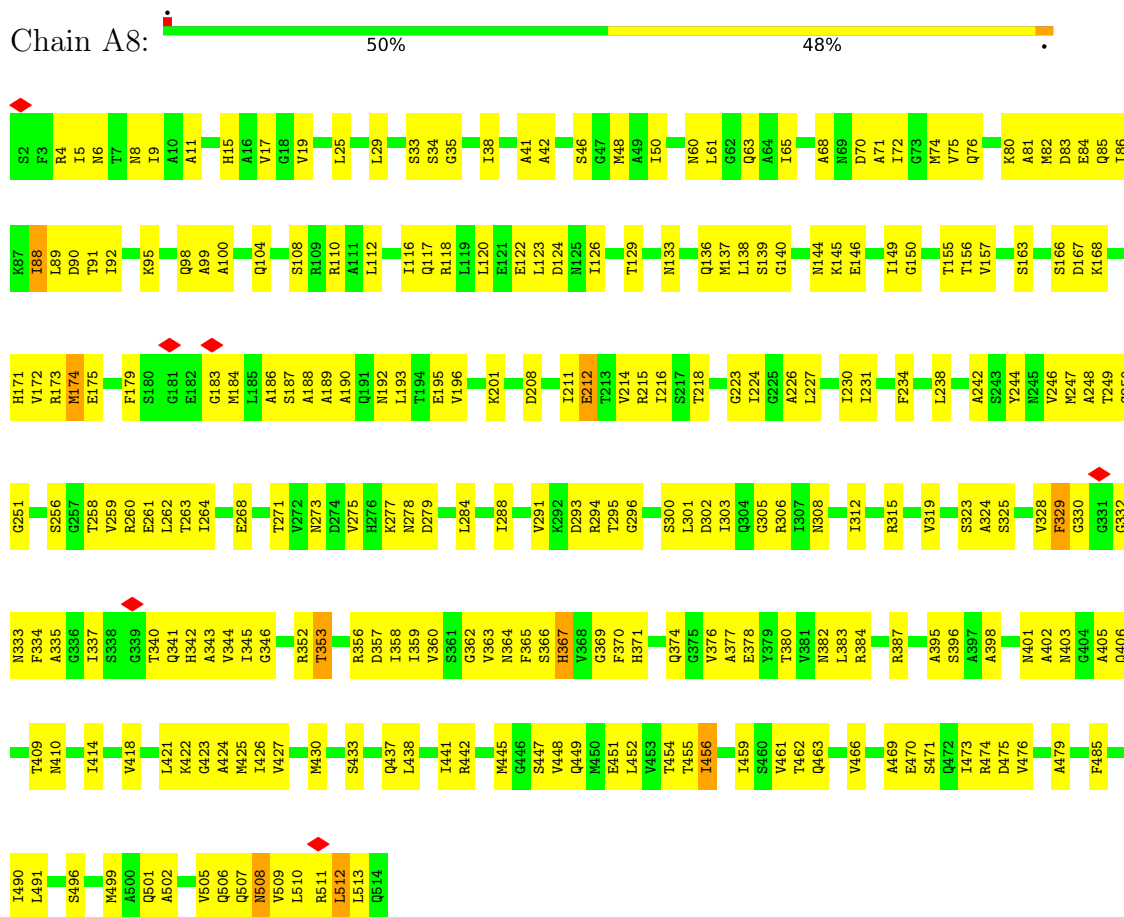


• Molecule 1: Flagellin

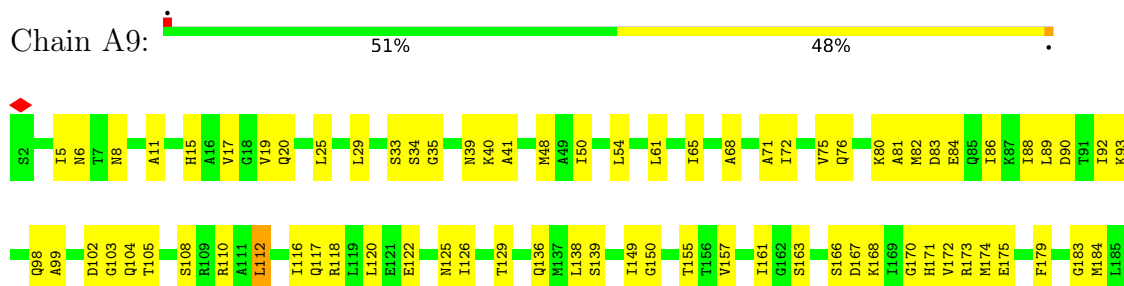




• Molecule 1: Flagellin



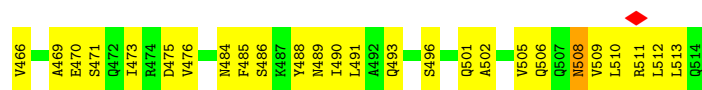
• Molecule 1: Flagellin



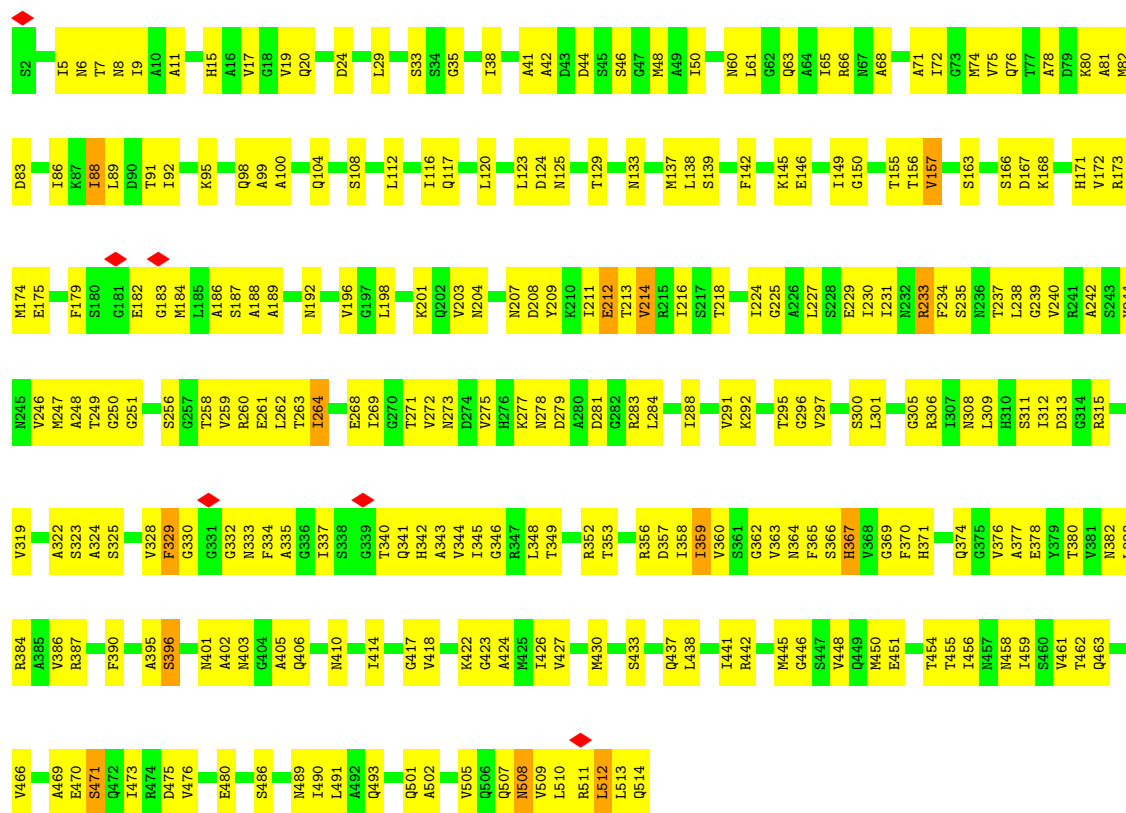




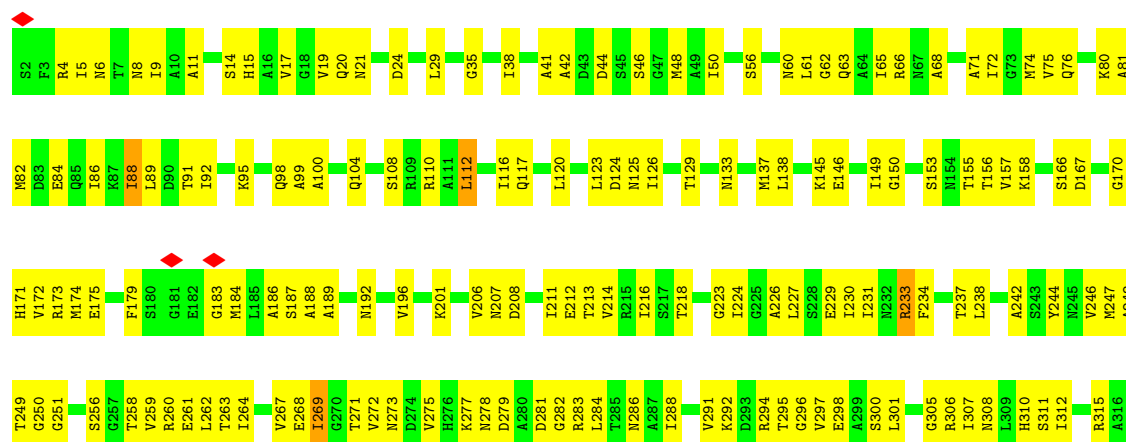




• Molecule 1: Flagellin

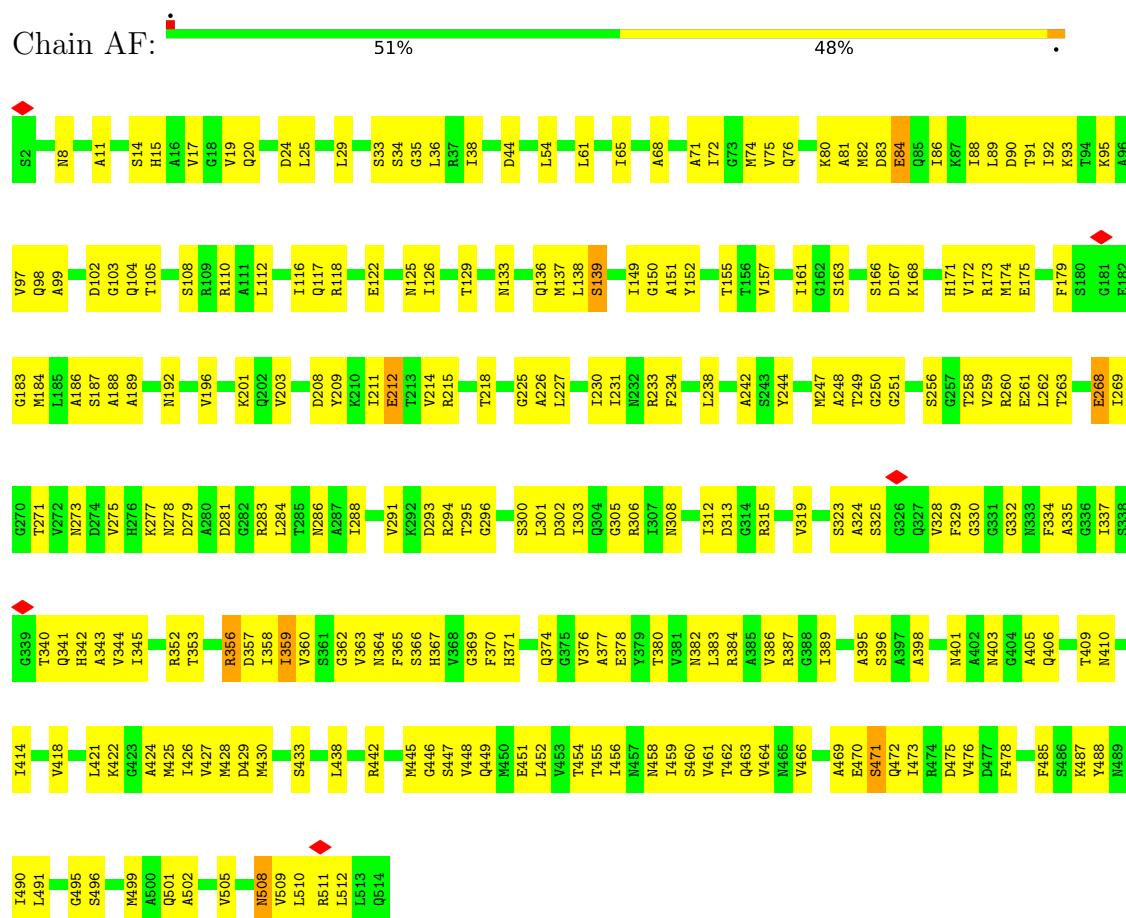


• Molecule 1: Flagellin

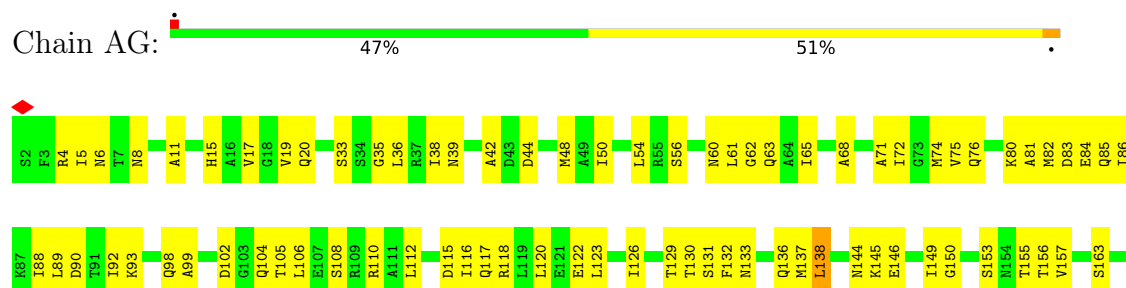




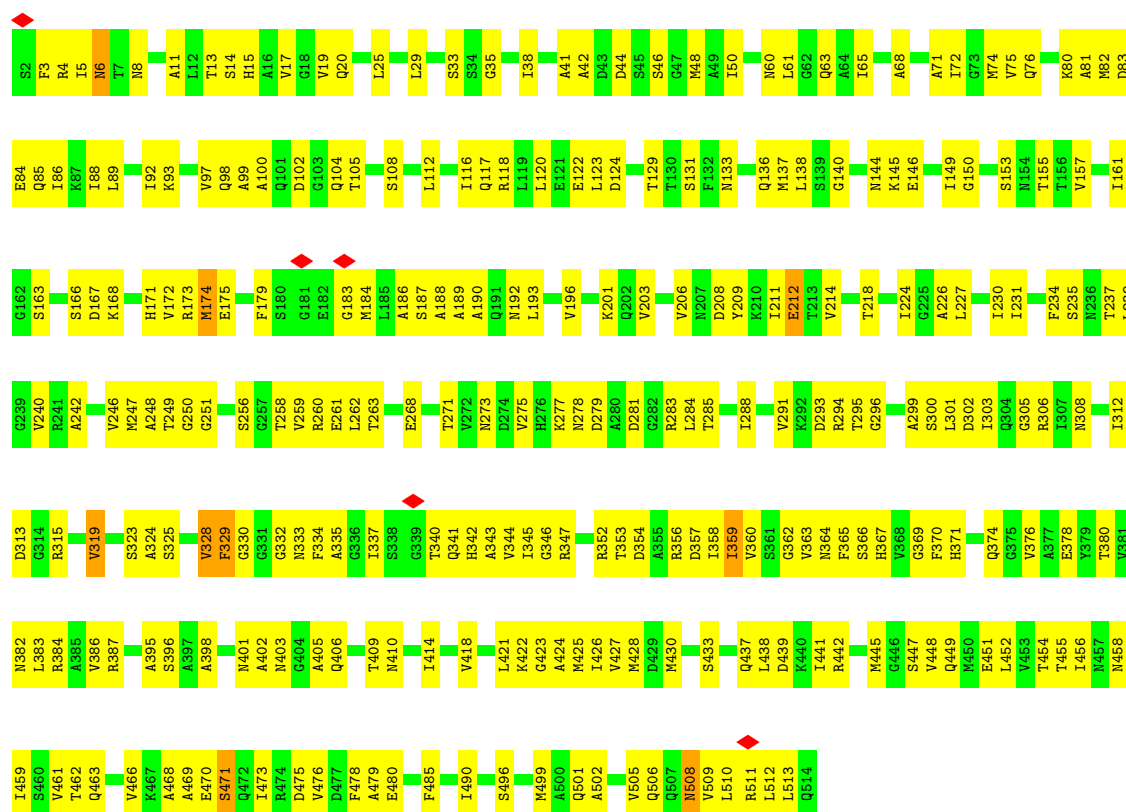
• Molecule 1: Flagellin



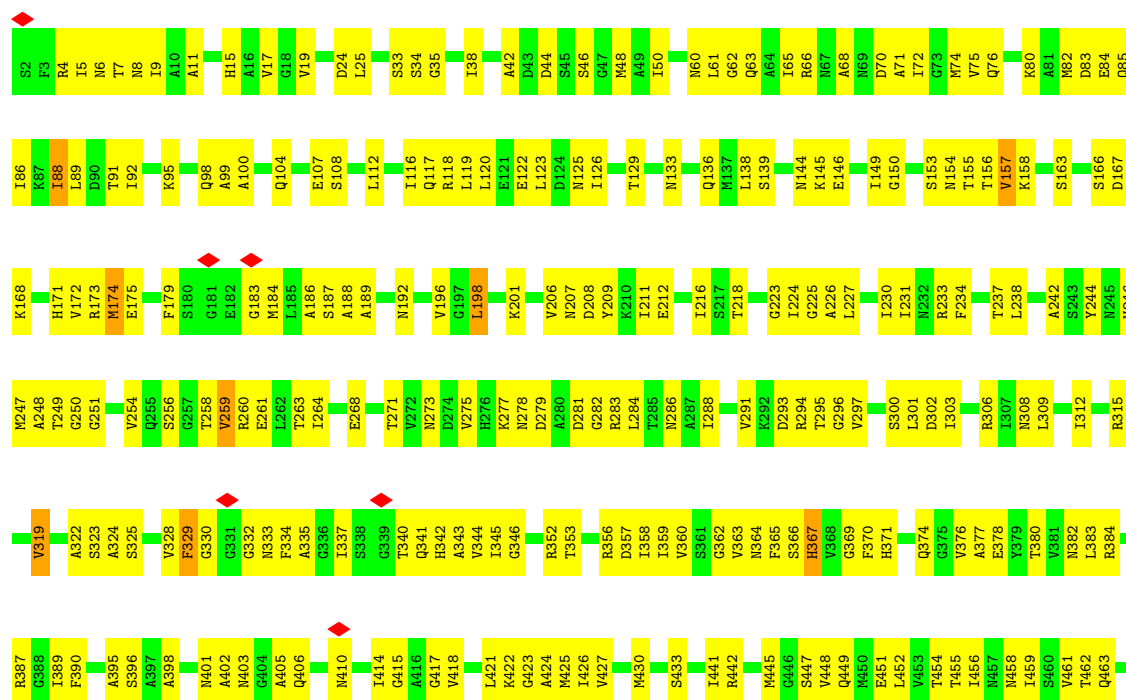
• Molecule 1: Flagellin

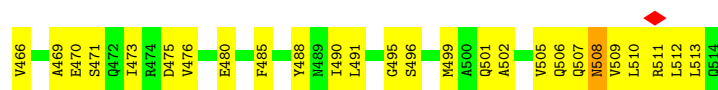




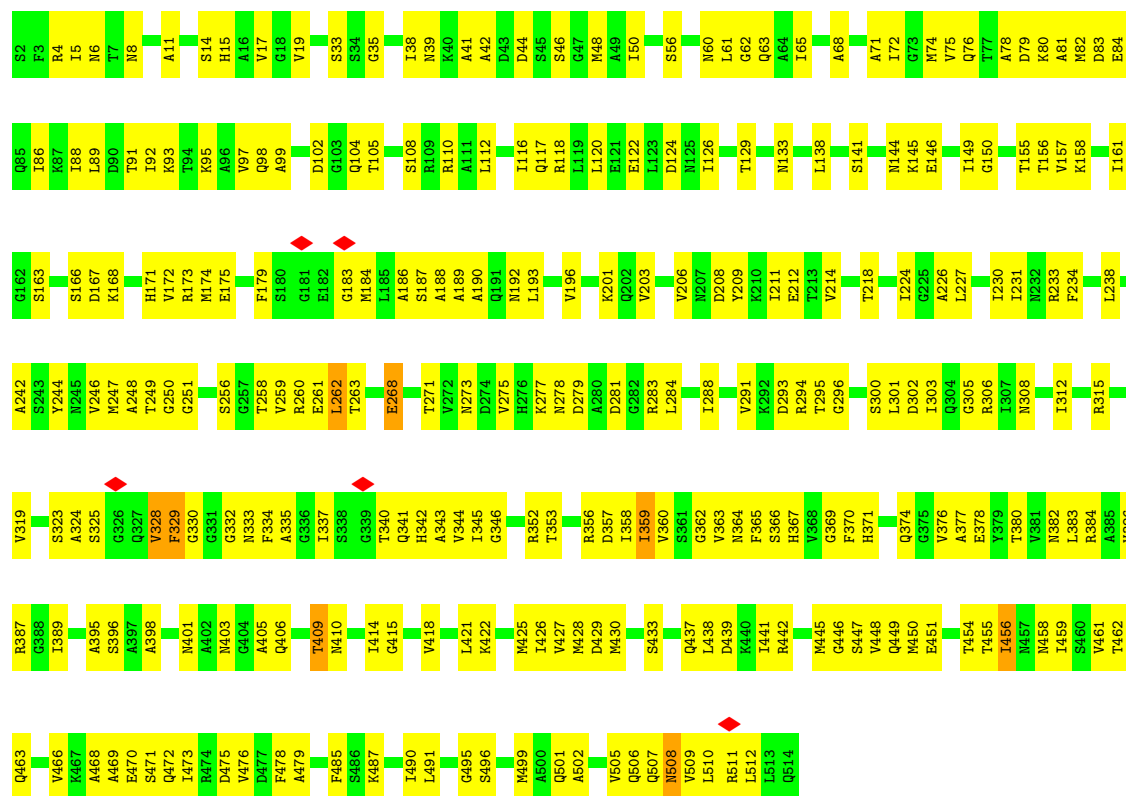


• Molecule 1: Flagellin

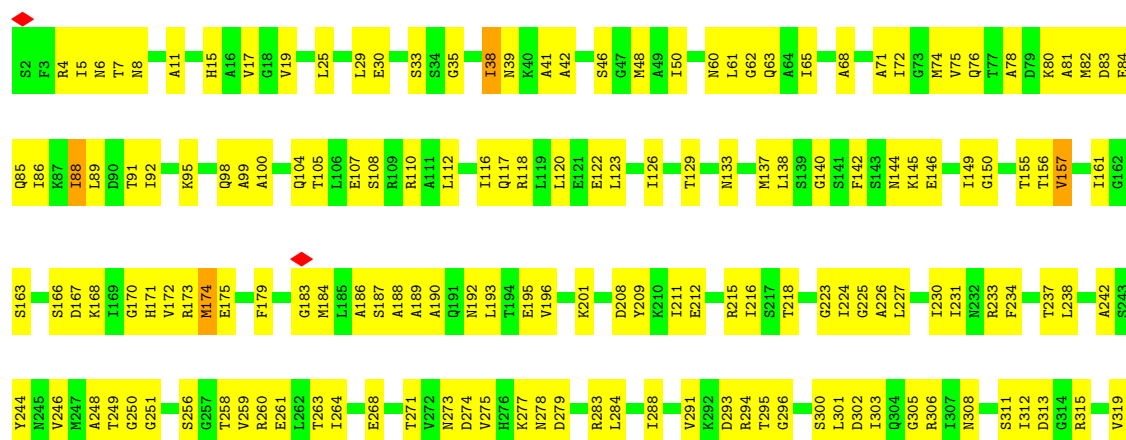


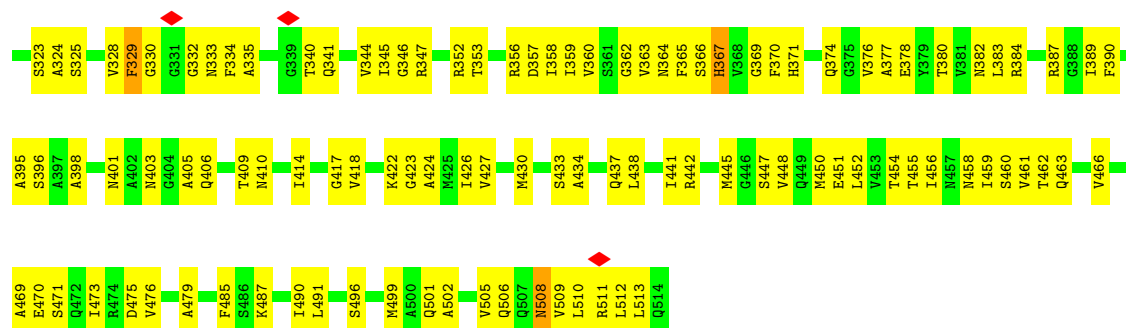


• Molecule 1: Flagellin

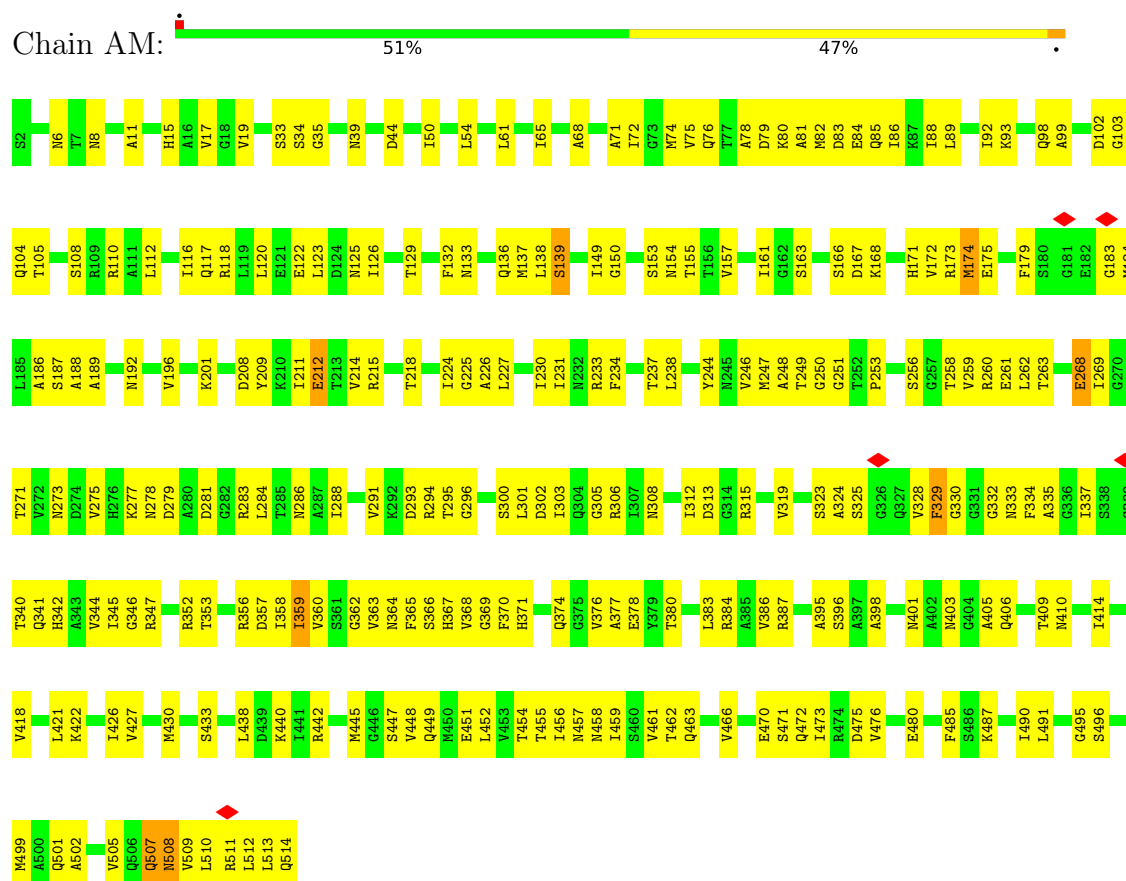


• Molecule 1: Flagellin

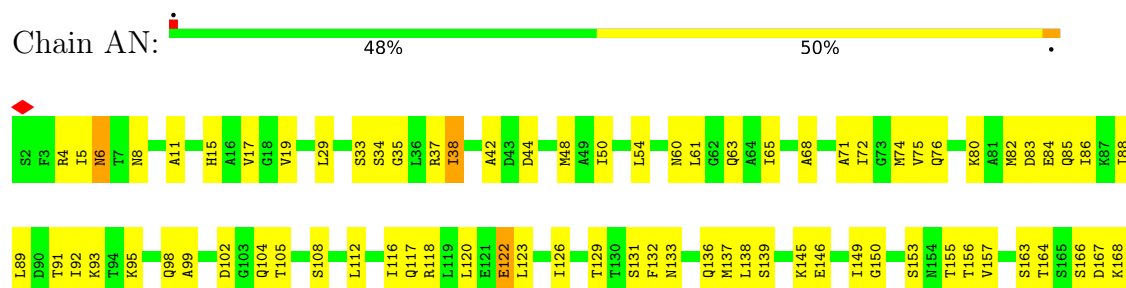


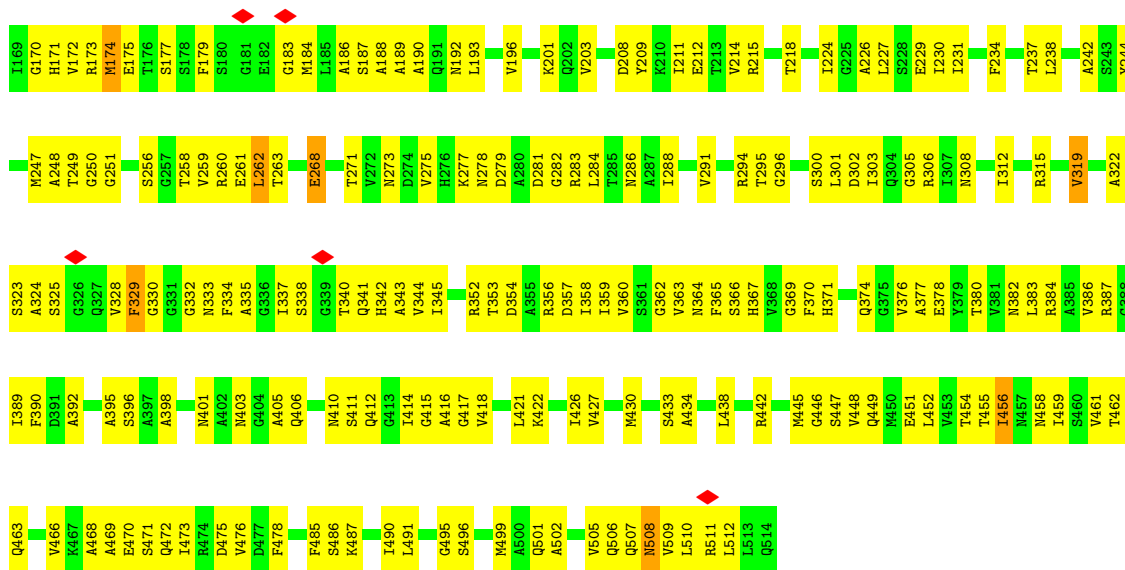


• Molecule 1: Flagellin

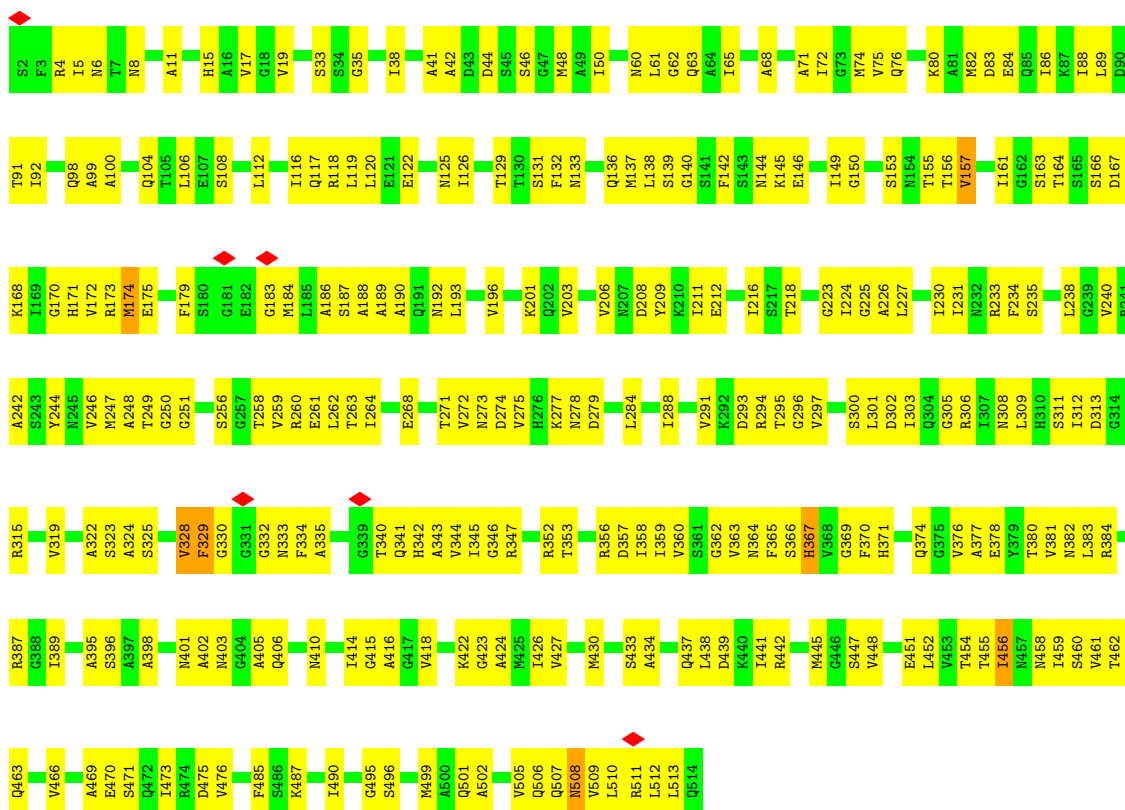


• Molecule 1: Flagellin





- Molecule 1: Flagellin

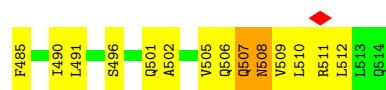


- Molecule 1: Flagellin

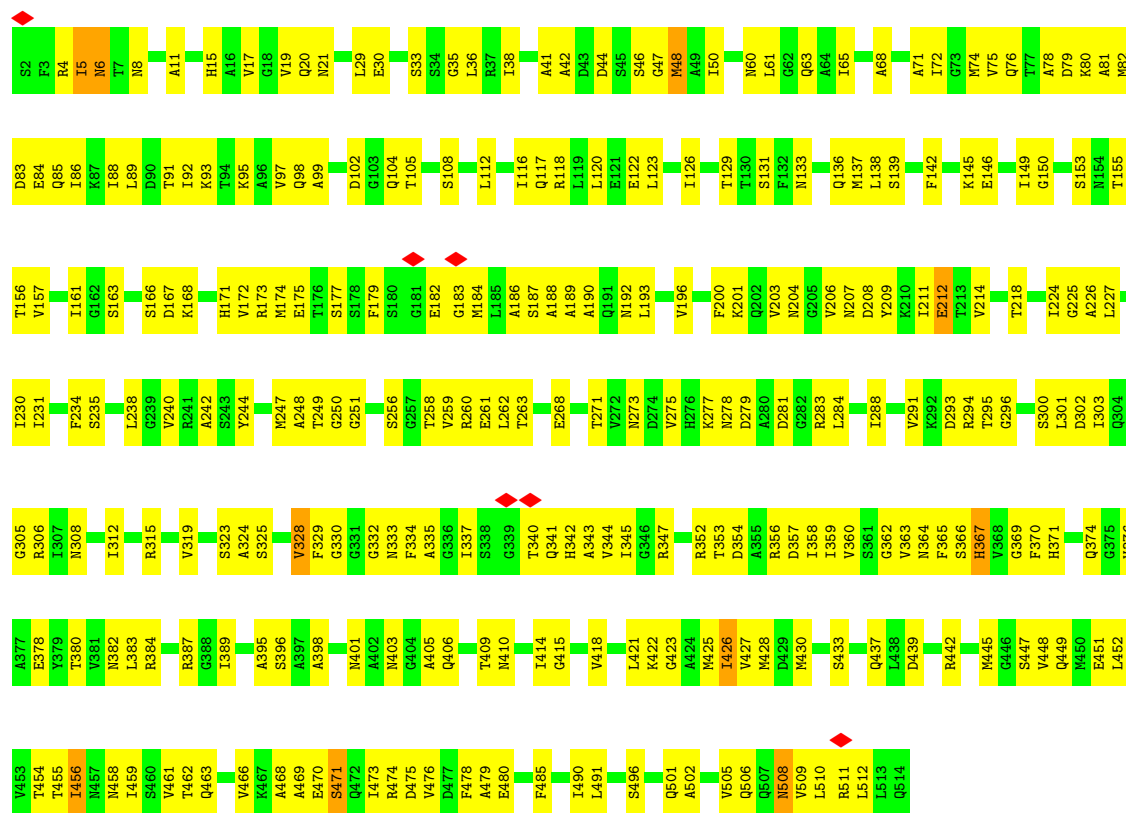




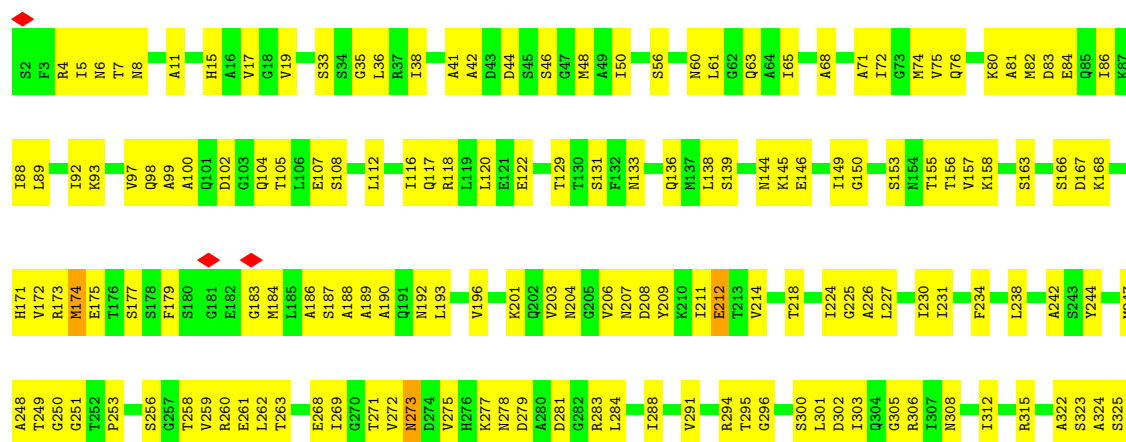




• Molecule 1: Flagellin

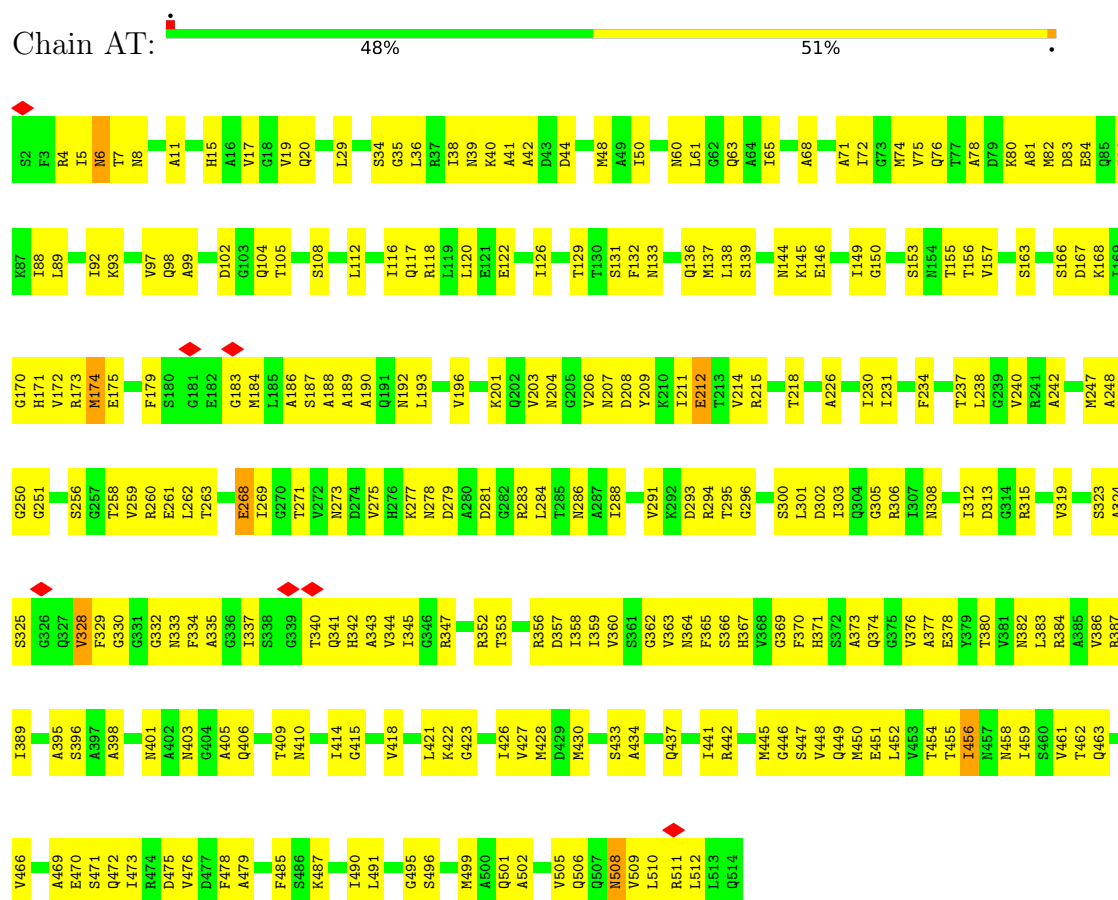


• Molecule 1: Flagellin

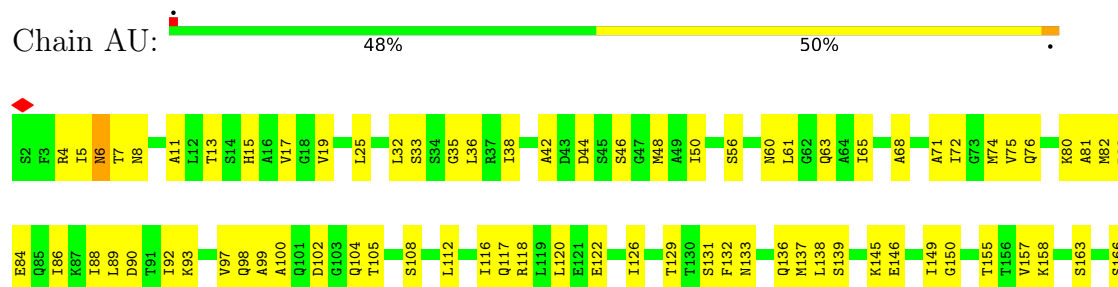




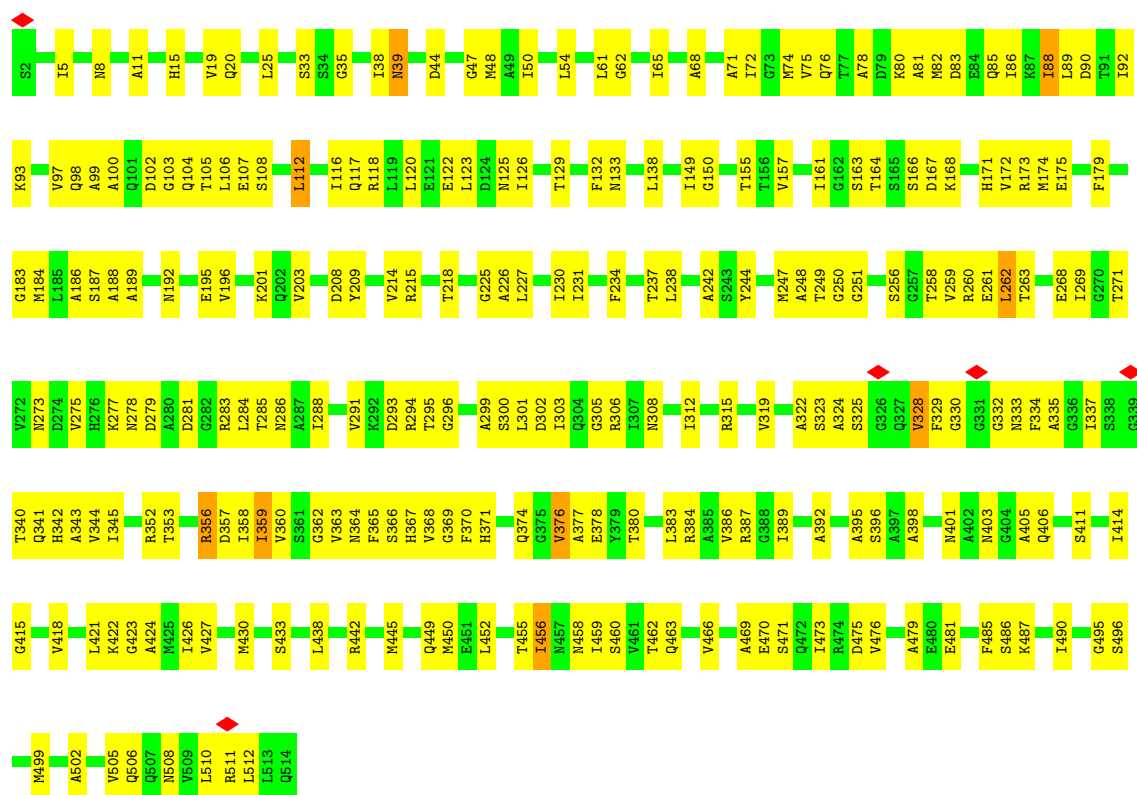
- Molecule 1: Flagellin



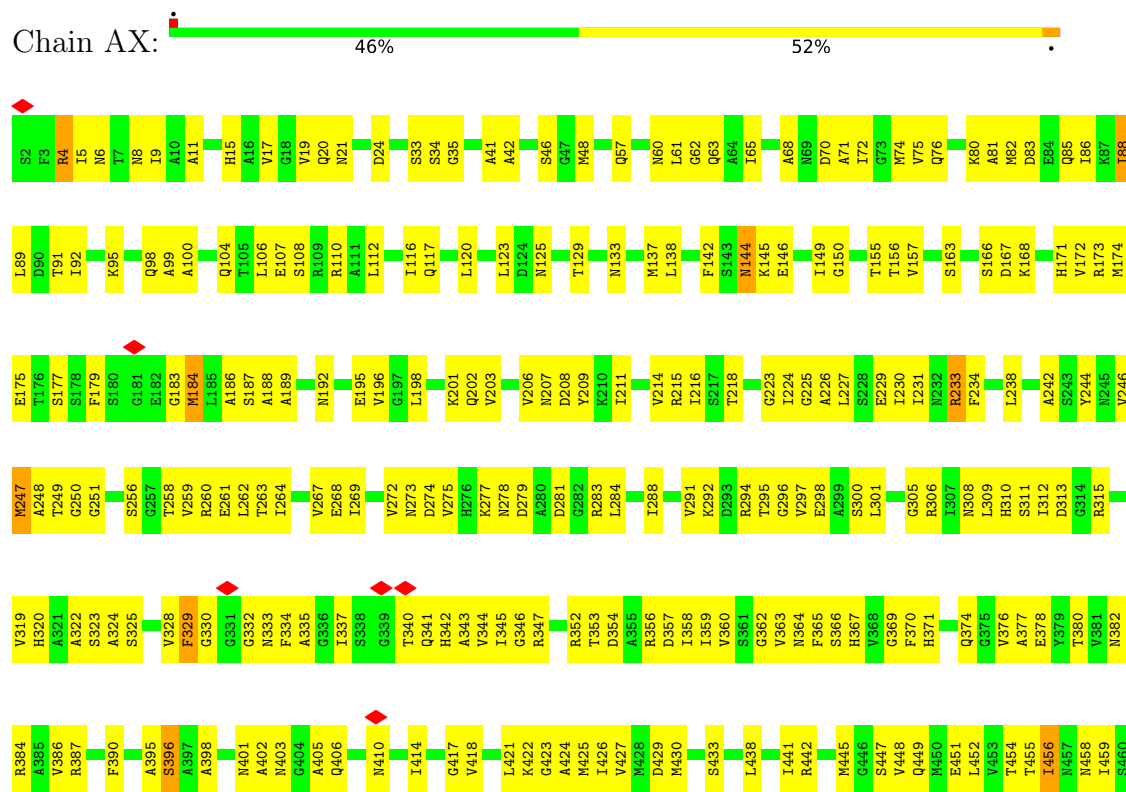
- Molecule 1: Flagellin







• Molecule 1: Flagellin





## 4 Experimental information

Property	Value	Source
EM reconstruction method	SINGLE PARTICLE	Depositor
Imposed symmetry	POINT, Not provided	
Number of particles used	60029	Depositor
Resolution determination method	FSC 0.143 CUT-OFF	Depositor
CTF correction method	NONE	Depositor
Microscope	TFS KRIOS	Depositor
Voltage (kV)	300	Depositor
Electron dose ( $e^-/\text{\AA}^2$ )	70	Depositor
Minimum defocus (nm)	1000	Depositor
Maximum defocus (nm)	2000	Depositor
Magnification	Not provided	
Image detector	GATAN K2 BASE (4k x 4k)	Depositor
Maximum map value	0.282	Depositor
Minimum map value	-0.147	Depositor
Average map value	0.004	Depositor
Map value standard deviation	0.019	Depositor
Recommended contour level	0.052	Depositor
Map size ( $\text{\AA}$ )	478.464, 478.464, 478.464	wwPDB
Map dimensions	448, 448, 448	wwPDB
Map angles ( $^\circ$ )	90.0, 90.0, 90.0	wwPDB
Pixel spacing ( $\text{\AA}$ )	1.068, 1.068, 1.068	Depositor

## 5 Model quality

### 5.1 Standard geometry

Bond lengths and bond angles in the following residue types are not validated in this section: P8E

The Z score for a bond length (or angle) is the number of standard deviations the observed value is removed from the expected value. A bond length (or angle) with  $|Z| > 5$  is considered an outlier worth inspection. RMSZ is the root-mean-square of all Z scores of the bond lengths (or angles).

Mol	Chain	Bond lengths		Bond angles	
		RMSZ	$\# Z  > 5$	RMSZ	$\# Z  > 5$
1	A1	0.14	0/3800	0.29	0/5130
1	A2	0.14	0/3800	0.26	0/5130
1	A3	0.14	0/3800	0.28	0/5130
1	A4	0.14	0/3800	0.28	0/5130
1	A5	0.14	0/3800	0.29	0/5130
1	A6	0.14	0/3800	0.28	0/5130
1	A7	0.13	0/3800	0.28	0/5130
1	A8	0.14	0/3800	0.29	0/5130
1	A9	0.14	0/3800	0.28	0/5130
1	AA	0.13	0/3800	0.26	0/5130
1	AB	0.13	0/3800	0.27	0/5130
1	AC	0.14	0/3800	0.29	0/5130
1	AD	0.13	0/3800	0.28	0/5130
1	AE	0.14	0/3800	0.27	0/5130
1	AF	0.14	0/3800	0.28	0/5130
1	AG	0.14	0/3800	0.28	0/5130
1	AH	0.15	0/3800	0.29	0/5130
1	AI	0.14	0/3800	0.30	0/5130
1	AJ	0.14	0/3800	0.29	0/5130
1	AK	0.14	0/3800	0.28	0/5130
1	AL	0.14	0/3800	0.29	0/5130
1	AM	0.14	0/3800	0.28	0/5130
1	AN	0.15	0/3800	0.29	0/5130
1	AO	0.14	0/3800	0.29	0/5130
1	AP	0.15	0/3800	0.28	0/5130
1	AQ	0.14	0/3800	0.29	0/5130
1	AR	0.14	0/3800	0.29	0/5130
1	AS	0.15	0/3800	0.29	0/5130
1	AT	0.15	0/3800	0.30	0/5130
1	AU	0.14	0/3800	0.28	0/5130
1	AV	0.14	0/3800	0.28	0/5130
1	AW	0.14	0/3800	0.28	0/5130



Mol	Chain	Bond lengths		Bond angles	
		RMSZ	# Z  >5	RMSZ	# Z  >5
1	AX	0.13	0/3800	0.28	0/5130
All	All	0.14	0/125400	0.28	0/169290

There are no bond length outliers.

There are no bond angle outliers.

There are no chirality outliers.

There are no planarity outliers.

## 5.2 Too-close contacts [i](#)

In the following table, the Non-H and H(model) columns list the number of non-hydrogen atoms and hydrogen atoms in the chain respectively. The H(added) column lists the number of hydrogen atoms added and optimized by MolProbity. The Clashes column lists the number of clashes within the asymmetric unit, whereas Symm-Clashes lists symmetry-related clashes.

Mol	Chain	Non-H	H(model)	H(added)	Clashes	Symm-Clashes
1	A1	3772	0	3733	381	0
1	A2	3772	0	3733	341	0
1	A3	3772	0	3733	345	0
1	A4	3772	0	3733	312	0
1	A5	3772	0	3733	360	0
1	A6	3772	0	3733	367	0
1	A7	3772	0	3733	381	0
1	A8	3772	0	3733	373	0
1	A9	3772	0	3733	365	0
1	AA	3772	0	3733	333	0
1	AB	3772	0	3733	323	0
1	AC	3772	0	3733	379	0
1	AD	3772	0	3733	361	0
1	AE	3772	0	3733	373	0
1	AF	3772	0	3733	369	0
1	AG	3772	0	3733	394	0
1	AH	3772	0	3733	401	0
1	AI	3772	0	3733	396	0
1	AJ	3772	0	3733	404	0
1	AK	3772	0	3733	405	0
1	AL	3772	0	3733	375	0
1	AM	3772	0	3733	370	0
1	AN	3772	0	3733	386	0
1	AO	3772	0	3733	387	0

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Non-H	H(model)	H(added)	Clashes	Symm-Clashes
1	AP	3772	0	3733	391	0
1	AQ	3772	0	3733	394	0
1	AR	3772	0	3733	408	0
1	AS	3772	0	3733	389	0
1	AT	3772	0	3733	412	0
1	AU	3772	0	3733	388	0
1	AV	3772	0	3733	326	0
1	AW	3772	0	3733	320	0
1	AX	3772	0	3733	367	0
2	A1	144	144	0	3	0
2	A2	144	144	0	3	0
2	A3	144	144	0	4	0
2	A4	144	144	0	4	0
2	A5	144	144	0	3	0
2	A6	144	144	0	3	0
2	A7	144	144	0	4	0
2	A8	144	144	0	3	0
2	A9	144	144	0	3	0
2	AA	144	144	0	3	0
2	AB	144	144	0	3	0
2	AC	144	144	0	4	0
2	AD	144	144	0	4	0
2	AE	144	144	0	4	0
2	AF	144	144	0	2	0
2	AG	144	144	0	2	0
2	AH	144	144	0	2	0
2	AI	144	144	0	2	0
2	AJ	144	144	0	4	0
2	AK	144	144	0	2	0
2	AL	144	144	0	4	0
2	AM	144	144	0	3	0
2	AN	144	144	0	3	0
2	AO	144	144	0	2	0
2	AP	144	144	0	3	0
2	AQ	144	144	0	3	0
2	AR	144	144	0	2	0
2	AS	144	144	0	2	0
2	AT	144	144	0	2	0
2	AU	144	144	0	3	0
2	AV	144	144	0	3	0
2	AW	144	144	0	3	0
2	AX	144	144	0	4	0

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Non-H	H(model)	H(added)	Clashes	Symm-Clashes
All	All	129228	4752	123189	10561	0

The all-atom clashscore is defined as the number of clashes found per 1000 atoms (including hydrogen atoms). The all-atom clashscore for this structure is 42.

All (10561) close contacts within the same asymmetric unit are listed below, sorted by their clash magnitude.

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A3:264:ILE:HG22	1:A3:319:VAL:HG23	1.22	1.17
1:AG:99:ALA:HB2	1:AG:112:LEU:HD22	1.27	1.16
1:AJ:68:ALA:HB3	1:AJ:456:ILE:HD11	1.25	1.15
1:AM:99:ALA:HB2	1:AM:112:LEU:HD22	1.28	1.15
1:AT:99:ALA:HB2	1:AT:112:LEU:HD23	1.23	1.13
1:AU:258:THR:HG22	1:AU:273:ASN:HA	1.30	1.13
1:A9:508:ASN:HA	1:A9:511:ARG:HG2	1.31	1.12
1:AN:68:ALA:HB3	1:AN:456:ILE:HD11	1.25	1.12
1:A1:99:ALA:HB2	1:A1:112:LEU:HD22	1.29	1.11
1:AB:99:ALA:HB2	1:AB:112:LEU:HD22	1.31	1.11
1:AG:68:ALA:HB3	1:AG:456:ILE:HD11	1.27	1.11
1:AH:99:ALA:HB2	1:AH:112:LEU:HD22	1.34	1.10
1:AA:99:ALA:HB2	1:AA:112:LEU:HD22	1.34	1.10
1:A2:99:ALA:HB2	1:A2:112:LEU:HD22	1.26	1.09
1:AF:99:ALA:HB2	1:AF:112:LEU:HD22	1.31	1.09
1:AK:68:ALA:HB3	1:AK:456:ILE:HD11	1.28	1.09
1:AM:68:ALA:HB3	1:AM:456:ILE:HD11	1.26	1.09
1:A1:479:ALA:HB1	1:AH:499:MET:HE1	1.30	1.09
1:AQ:99:ALA:HB2	1:AQ:112:LEU:HD22	1.24	1.09
1:A1:88:ILE:HD11	1:AQ:454:THR:HG21	1.34	1.08
1:AJ:92:ILE:HG23	1:AJ:116:ILE:HG12	1.31	1.08
1:AP:258:THR:HG22	1:AP:273:ASN:HA	1.29	1.08
1:AL:508:ASN:HA	1:AL:511:ARG:HG2	1.35	1.07
1:AS:508:ASN:HA	1:AS:511:ARG:HG2	1.32	1.07
1:A9:99:ALA:HB2	1:A9:112:LEU:HD22	1.35	1.07
1:AA:184:MET:HE1	1:AA:345:ILE:HG12	1.36	1.07
1:AJ:264:ILE:HG22	1:AJ:319:VAL:HB	1.37	1.07
1:AH:508:ASN:HA	1:AH:511:ARG:HG2	1.36	1.06
1:AN:99:ALA:HB2	1:AN:112:LEU:HD22	1.34	1.06
1:AD:508:ASN:HA	1:AD:511:ARG:HG2	1.37	1.06
1:AK:451:GLU:HG3	1:AN:122:GLU:HG3	1.37	1.06
1:AN:508:ASN:HA	1:AN:511:ARG:HG2	1.35	1.06
1:AQ:508:ASN:HA	1:AQ:511:ARG:HG2	1.35	1.06

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A6:99:ALA:HB2	1:A6:112:LEU:HD22	1.32	1.06
1:AO:92:ILE:HG23	1:AO:116:ILE:HG12	1.38	1.06
1:AU:508:ASN:HA	1:AU:511:ARG:HG2	1.32	1.06
1:A6:508:ASN:HA	1:A6:511:ARG:HG2	1.32	1.05
1:AE:511:ARG:HH12	1:AE:512:LEU:HD13	1.18	1.05
1:AV:99:ALA:HB2	1:AV:112:LEU:HD22	1.35	1.05
1:A5:508:ASN:HA	1:A5:511:ARG:HG2	1.35	1.05
1:AH:34:SER:HA	1:AI:17:VAL:HG11	1.37	1.05
1:AU:68:ALA:HB3	1:AU:456:ILE:HD11	1.35	1.05
1:A2:454:THR:HG21	1:AV:88:ILE:HD11	1.37	1.05
1:AW:99:ALA:HB2	1:AW:112:LEU:HD22	1.32	1.05
1:AW:258:THR:HG22	1:AW:273:ASN:HA	1.39	1.05
1:A4:99:ALA:HB2	1:A4:112:LEU:HD22	1.39	1.04
1:AB:258:THR:HG22	1:AB:273:ASN:HA	1.38	1.04
1:AQ:258:THR:HG22	1:AQ:273:ASN:HA	1.39	1.04
1:AA:68:ALA:HB3	1:AA:456:ILE:HD11	1.33	1.04
1:AM:258:THR:HG22	1:AM:273:ASN:HA	1.39	1.04
1:AR:508:ASN:HA	1:AR:511:ARG:HG2	1.34	1.04
1:AN:184:MET:HE1	1:AN:345:ILE:HG12	1.38	1.04
1:AG:258:THR:HG22	1:AG:273:ASN:HA	1.40	1.04
1:AI:184:MET:HE1	1:AI:345:ILE:HG12	1.36	1.04
1:AJ:508:ASN:HA	1:AJ:511:ARG:HG2	1.37	1.04
1:A7:508:ASN:HA	1:A7:511:ARG:HG2	1.40	1.03
1:AD:511:ARG:HH12	1:AD:512:LEU:HD13	1.23	1.03
1:AA:258:THR:HG22	1:AA:273:ASN:HA	1.39	1.03
1:AR:258:THR:HG22	1:AR:273:ASN:HA	1.41	1.03
1:AD:82:MET:HE1	1:AD:441:ILE:HG22	1.33	1.03
1:AI:258:THR:HG22	1:AI:273:ASN:HA	1.41	1.03
1:AK:211:ILE:HD11	1:AK:238:LEU:HD11	1.39	1.03
1:A3:508:ASN:HA	1:A3:511:ARG:HG2	1.38	1.03
1:A6:34:SER:HA	1:AT:17:VAL:HG11	1.40	1.03
1:AS:99:ALA:HB2	1:AS:112:LEU:HD22	1.39	1.03
1:AT:258:THR:HG22	1:AT:273:ASN:HA	1.40	1.03
1:AB:92:ILE:HG23	1:AB:116:ILE:HG12	1.39	1.02
1:AE:68:ALA:HB3	1:AE:456:ILE:HD11	1.41	1.02
1:AK:258:THR:HG22	1:AK:273:ASN:HA	1.40	1.02
1:AU:184:MET:HE1	1:AU:345:ILE:HG12	1.41	1.02
1:A8:508:ASN:HA	1:A8:511:ARG:HG2	1.38	1.02
1:AB:184:MET:HE1	1:AB:345:ILE:HG12	1.39	1.02
1:AN:92:ILE:HG23	1:AN:116:ILE:HG12	1.37	1.02
1:AX:508:ASN:HA	1:AX:511:ARG:HG2	1.39	1.02

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A3:511:ARG:HH12	1:A3:512:LEU:HD13	1.17	1.02
1:AC:88:ILE:HD11	1:AX:454:THR:HG21	1.42	1.02
1:AS:258:THR:HG22	1:AS:273:ASN:HA	1.41	1.02
1:AV:184:MET:HE1	1:AV:345:ILE:HG12	1.40	1.02
1:A9:184:MET:HE1	1:A9:345:ILE:HG12	1.41	1.02
1:AN:258:THR:HG22	1:AN:273:ASN:HA	1.41	1.02
1:AU:92:ILE:HG23	1:AU:116:ILE:HG12	1.39	1.02
1:AF:258:THR:HG22	1:AF:273:ASN:HA	1.40	1.01
1:AR:99:ALA:HB2	1:AR:112:LEU:HD22	1.37	1.01
1:AF:184:MET:HE1	1:AF:345:ILE:HG12	1.41	1.01
1:AH:258:THR:HG22	1:AH:273:ASN:HA	1.41	1.01
1:AT:508:ASN:HA	1:AT:511:ARG:HG2	1.37	1.01
1:AX:371:HIS:HB3	1:AX:374:GLN:HG3	1.43	1.01
1:AC:508:ASN:HA	1:AC:511:ARG:HG2	1.41	1.00
1:AG:508:ASN:HA	1:AG:511:ARG:HG2	1.41	1.00
1:AL:258:THR:HG22	1:AL:273:ASN:HA	1.44	1.00
1:AW:68:ALA:HB3	1:AW:456:ILE:HD11	1.38	1.00
1:AJ:258:THR:HG22	1:AJ:273:ASN:HA	1.43	1.00
1:AU:99:ALA:HB2	1:AU:112:LEU:HD22	1.43	1.00
1:AK:99:ALA:HB2	1:AK:112:LEU:HD22	1.42	1.00
1:AM:508:ASN:HA	1:AM:511:ARG:HG2	1.40	1.00
1:AO:258:THR:HG22	1:AO:273:ASN:HA	1.43	1.00
1:A2:371:HIS:HB3	1:A2:374:GLN:HG3	1.42	1.00
1:AE:99:ALA:HB2	1:AE:112:LEU:HD23	1.43	1.00
1:AJ:211:ILE:HD11	1:AJ:238:LEU:HD11	1.44	1.00
1:AK:184:MET:HE1	1:AK:345:ILE:HG12	1.41	0.99
1:AW:184:MET:HE1	1:AW:345:ILE:HG12	1.41	0.99
1:AX:99:ALA:HB2	1:AX:112:LEU:HD23	1.41	0.99
1:AM:184:MET:HE1	1:AM:345:ILE:HG12	1.42	0.99
1:AD:211:ILE:HD11	1:AD:238:LEU:HD11	1.40	0.99
1:AS:17:VAL:HG11	1:AT:34:SER:HA	1.44	0.99
1:AT:82:MET:HE1	1:AT:441:ILE:HG22	1.42	0.99
1:AL:509:VAL:HG12	1:AL:510:LEU:HD23	1.45	0.99
1:A1:371:HIS:HB3	1:A1:374:GLN:HG3	1.45	0.99
1:A9:371:HIS:HB3	1:A9:374:GLN:HG3	1.44	0.99
1:AF:92:ILE:HG23	1:AF:116:ILE:HG12	1.45	0.99
1:AF:508:ASN:HA	1:AF:511:ARG:HG2	1.41	0.98
1:A8:451:GLU:HG3	1:AS:122:GLU:HB2	1.43	0.98
1:AD:258:THR:HG22	1:AD:273:ASN:HA	1.45	0.98
1:AI:99:ALA:HB2	1:AI:112:LEU:HD22	1.41	0.98
1:A7:92:ILE:HG23	1:A7:116:ILE:HG12	1.44	0.98

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AD:371:HIS:HB3	1:AD:374:GLN:HG3	1.45	0.98
1:AE:258:THR:HG22	1:AE:273:ASN:HA	1.45	0.98
1:A5:258:THR:HG22	1:A5:273:ASN:HA	1.45	0.98
1:A9:122:GLU:HB2	1:AH:451:GLU:HG3	1.45	0.98
1:AN:340:THR:HG23	1:AN:341:GLN:HG2	1.45	0.98
1:AK:371:HIS:HB3	1:AK:374:GLN:HG3	1.46	0.98
1:AG:184:MET:HE1	1:AG:345:ILE:HG12	1.41	0.98
1:AO:508:ASN:HA	1:AO:511:ARG:HG2	1.42	0.98
1:AS:509:VAL:HG12	1:AS:510:LEU:HD23	1.44	0.98
1:AK:508:ASN:HA	1:AK:511:ARG:HG2	1.41	0.98
1:A2:92:ILE:HG23	1:A2:116:ILE:HG12	1.42	0.97
1:A3:112:LEU:O	1:A3:116:ILE:HD12	1.65	0.97
1:AP:508:ASN:HA	1:AP:511:ARG:HG2	1.43	0.97
1:A1:92:ILE:HG23	1:A1:116:ILE:HG12	1.42	0.97
1:AJ:445:MET:HE2	1:AJ:445:MET:HA	1.44	0.97
1:A2:184:MET:HE1	1:A2:345:ILE:HG12	1.41	0.97
1:A4:92:ILE:HG23	1:A4:116:ILE:HG23	1.46	0.97
1:A4:371:HIS:HB3	1:A4:374:GLN:HG3	1.44	0.97
1:A5:92:ILE:HG23	1:A5:116:ILE:HG12	1.45	0.97
1:A5:88:ILE:HD11	1:AD:454:THR:HG21	1.46	0.97
1:AC:258:THR:HG22	1:AC:273:ASN:HA	1.46	0.97
1:AQ:371:HIS:HB3	1:AQ:374:GLN:HG3	1.46	0.97
1:AR:509:VAL:HG12	1:AR:510:LEU:HD23	1.47	0.96
1:A3:454:THR:HG21	1:AL:88:ILE:HD11	1.46	0.96
1:AC:371:HIS:HB3	1:AC:374:GLN:HG3	1.48	0.96
1:AG:68:ALA:CB	1:AG:456:ILE:HD11	1.94	0.96
1:AN:371:HIS:HB3	1:AN:374:GLN:HG3	1.47	0.96
1:AW:371:HIS:HB3	1:AW:374:GLN:HG3	1.44	0.96
1:AE:371:HIS:HB3	1:AE:374:GLN:HG3	1.46	0.96
1:AK:92:ILE:HG23	1:AK:116:ILE:HG12	1.43	0.96
1:AX:144:ASN:O	1:AX:144:ASN:ND2	1.98	0.96
1:AH:371:HIS:HB3	1:AH:374:GLN:HG3	1.48	0.96
1:A4:75:VAL:HG13	1:A4:445:MET:HG2	1.48	0.96
1:AG:120:LEU:HD21	1:AG:383:LEU:HG	1.48	0.96
1:AK:251:GLY:H	1:AK:332:GLY:HA3	1.30	0.96
1:A5:99:ALA:HB2	1:A5:112:LEU:HD22	1.47	0.96
1:AO:74:MET:HE3	1:AO:137:MET:HE1	1.44	0.96
1:A3:371:HIS:HB3	1:A3:374:GLN:HG3	1.47	0.96
1:AO:264:ILE:HG22	1:AO:319:VAL:HB	1.48	0.96
1:A4:116:ILE:HD12	1:A4:418:VAL:HG21	1.47	0.95
1:AF:371:HIS:HB3	1:AF:374:GLN:HG3	1.47	0.95

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AQ:75:VAL:HG13	1:AQ:445:MET:HG3	1.48	0.95
1:A3:175:GLU:HG2	1:A3:378:GLU:HG2	1.46	0.95
1:A3:258:THR:HG22	1:A3:273:ASN:HA	1.47	0.95
1:A5:454:THR:HG21	1:AK:88:ILE:HD11	1.48	0.95
1:AR:92:ILE:HG23	1:AR:116:ILE:HG12	1.47	0.95
1:A7:184:MET:HE1	1:A7:345:ILE:HG12	1.46	0.95
1:AA:422:LYS:O	1:AA:426:ILE:HD12	1.65	0.95
1:AI:371:HIS:HB3	1:AI:374:GLN:HG3	1.49	0.95
1:AL:499:MET:HE1	1:AS:479:ALA:HB1	1.45	0.95
1:AQ:92:ILE:HG23	1:AQ:116:ILE:HG12	1.48	0.95
1:A7:258:THR:HG22	1:A7:273:ASN:HA	1.49	0.95
1:AI:509:VAL:HG13	1:AI:510:LEU:HD23	1.46	0.95
1:AS:251:GLY:H	1:AS:332:GLY:HA3	1.29	0.95
1:AV:422:LYS:O	1:AV:426:ILE:HD12	1.66	0.95
1:AO:175:GLU:HG2	1:AO:378:GLU:HG2	1.46	0.95
1:AK:454:THR:HG21	1:AN:88:ILE:HD11	1.48	0.95
1:A3:422:LYS:O	1:A3:426:ILE:HD12	1.64	0.95
1:A7:371:HIS:HB3	1:A7:374:GLN:HG3	1.48	0.95
1:AL:371:HIS:HB3	1:AL:374:GLN:HG3	1.47	0.95
1:AB:68:ALA:HB3	1:AB:456:ILE:HD11	1.47	0.95
1:AN:509:VAL:HG12	1:AN:510:LEU:HD23	1.49	0.95
1:A9:92:ILE:HG23	1:A9:116:ILE:HG12	1.49	0.94
1:AE:175:GLU:HG2	1:AE:378:GLU:HG2	1.49	0.94
1:AQ:184:MET:HE1	1:AQ:345:ILE:HG12	1.48	0.94
1:AS:175:GLU:HG2	1:AS:378:GLU:HG2	1.50	0.94
1:AJ:371:HIS:HB3	1:AJ:374:GLN:HG3	1.49	0.94
1:AM:371:HIS:HB3	1:AM:374:GLN:HG3	1.47	0.94
1:A3:211:ILE:HD11	1:A3:238:LEU:HD11	1.50	0.94
1:A9:88:ILE:HD11	1:AH:454:THR:HG21	1.49	0.94
1:AK:458:ASN:HD22	1:AN:126:ILE:HG12	1.29	0.94
1:AJ:422:LYS:O	1:AJ:426:ILE:HD12	1.67	0.94
1:AN:251:GLY:H	1:AN:332:GLY:HA3	1.31	0.94
1:A4:184:MET:HE1	1:A4:345:ILE:HG12	1.47	0.94
1:A7:340:THR:HG23	1:A7:341:GLN:HG2	1.50	0.94
1:AI:508:ASN:HA	1:AI:511:ARG:HG2	1.48	0.94
1:AU:120:LEU:HD21	1:AU:383:LEU:HG	1.49	0.94
1:AW:75:VAL:HG13	1:AW:445:MET:HG2	1.48	0.94
1:A1:175:GLU:HG2	1:A1:378:GLU:HG2	1.48	0.94
1:A6:353:THR:HG23	1:A6:433:SER:HB2	1.49	0.94
1:A8:68:ALA:HB3	1:A8:456:ILE:HD11	1.49	0.94
1:A9:251:GLY:H	1:A9:332:GLY:HA3	1.31	0.94

*Continued on next page...*



*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AC:92:ILE:HG23	1:AC:116:ILE:HG12	1.47	0.94
1:AH:251:GLY:H	1:AH:332:GLY:HA3	1.32	0.94
1:AL:175:GLU:HG2	1:AL:378:GLU:HG2	1.48	0.94
1:AW:422:LYS:O	1:AW:426:ILE:HD12	1.67	0.94
1:A7:175:GLU:HG2	1:A7:378:GLU:HG2	1.48	0.94
1:AA:74:MET:HB3	1:AA:137:MET:HE1	1.50	0.94
1:AP:175:GLU:HG2	1:AP:378:GLU:HG2	1.49	0.94
1:A1:508:ASN:HA	1:A1:511:ARG:HG2	1.50	0.94
1:A9:75:VAL:HG13	1:A9:445:MET:HG3	1.50	0.94
1:AI:175:GLU:HG2	1:AI:378:GLU:HG2	1.49	0.94
1:AJ:426:ILE:O	1:AJ:430:MET:HG3	1.68	0.94
1:A4:353:THR:HG23	1:A4:433:SER:HB2	1.50	0.93
1:AF:251:GLY:H	1:AF:332:GLY:HA3	1.30	0.93
1:AK:175:GLU:HG2	1:AK:378:GLU:HG2	1.50	0.93
1:AQ:34:SER:HA	1:AR:17:VAL:HG11	1.49	0.93
1:A6:175:GLU:HG2	1:A6:378:GLU:HG2	1.50	0.93
1:AF:175:GLU:HG2	1:AF:378:GLU:HG2	1.51	0.93
1:AF:211:ILE:HD11	1:AF:238:LEU:HD11	1.49	0.93
1:AC:175:GLU:HG2	1:AC:378:GLU:HG2	1.48	0.93
1:AU:251:GLY:H	1:AU:332:GLY:HA3	1.32	0.93
1:A8:92:ILE:HG23	1:A8:116:ILE:HG12	1.49	0.93
1:A9:175:GLU:HG2	1:A9:378:GLU:HG2	1.50	0.93
1:A6:371:HIS:HB3	1:A6:374:GLN:HG3	1.48	0.93
1:AD:92:ILE:HG23	1:AD:116:ILE:HG12	1.50	0.93
1:AL:422:LYS:O	1:AL:426:ILE:HD12	1.68	0.93
1:AS:371:HIS:HB3	1:AS:374:GLN:HG3	1.50	0.93
1:A2:120:LEU:HD21	1:A2:383:LEU:HG	1.51	0.93
1:A5:88:ILE:O	1:A5:92:ILE:HD12	1.66	0.93
1:A5:175:GLU:HG2	1:A5:378:GLU:HG2	1.49	0.93
1:A8:175:GLU:HG2	1:A8:378:GLU:HG2	1.49	0.93
1:AG:175:GLU:HG2	1:AG:378:GLU:HG2	1.49	0.93
1:AM:92:ILE:HG23	1:AM:116:ILE:HG12	1.48	0.93
1:AT:371:HIS:HB3	1:AT:374:GLN:HG3	1.48	0.93
1:A8:251:GLY:H	1:A8:332:GLY:HA3	1.34	0.93
1:AD:175:GLU:HG2	1:AD:378:GLU:HG2	1.49	0.93
1:AI:88:ILE:HD11	1:AO:454:THR:HG21	1.50	0.93
1:AN:175:GLU:HG2	1:AN:378:GLU:HG2	1.50	0.93
1:AQ:126:ILE:HG12	1:AR:458:ASN:HD22	1.33	0.93
1:A2:88:ILE:HD11	1:AM:454:THR:HG21	1.51	0.93
1:A1:251:GLY:H	1:A1:332:GLY:HA3	1.32	0.93
1:AM:353:THR:HG23	1:AM:433:SER:HB2	1.50	0.93

*Continued on next page...*



*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AT:509:VAL:HG12	1:AT:510:LEU:HD23	1.49	0.93
1:A2:251:GLY:H	1:A2:332:GLY:HA3	1.31	0.93
1:A6:454:THR:HG21	1:AW:88:ILE:HD11	1.50	0.93
1:A9:422:LYS:O	1:A9:426:ILE:HD12	1.68	0.93
1:AH:175:GLU:HG2	1:AH:378:GLU:HG2	1.51	0.93
1:AW:92:ILE:HG23	1:AW:116:ILE:HG12	1.48	0.93
1:AA:251:GLY:H	1:AA:332:GLY:HA3	1.34	0.92
1:AR:371:HIS:HB3	1:AR:374:GLN:HG3	1.50	0.92
1:AR:175:GLU:HG2	1:AR:378:GLU:HG2	1.49	0.92
1:AT:175:GLU:HG2	1:AT:378:GLU:HG2	1.50	0.92
1:AX:340:THR:HG23	1:AX:341:GLN:HG2	1.48	0.92
1:A5:422:LYS:O	1:A5:426:ILE:HD12	1.70	0.92
1:AC:99:ALA:HB2	1:AC:112:LEU:HD22	1.51	0.92
1:AH:509:VAL:HG12	1:AH:510:LEU:HD23	1.52	0.92
1:AW:251:GLY:H	1:AW:332:GLY:HA3	1.34	0.92
1:AM:68:ALA:CB	1:AM:456:ILE:HD11	1.99	0.92
1:AU:175:GLU:HG2	1:AU:378:GLU:HG2	1.50	0.92
1:AU:371:HIS:HB3	1:AU:374:GLN:HG3	1.51	0.92
1:AU:509:VAL:HG12	1:AU:510:LEU:HD23	1.49	0.92
1:AQ:353:THR:HG23	1:AQ:433:SER:HB2	1.50	0.92
1:AT:92:ILE:HG23	1:AT:116:ILE:HG12	1.50	0.92
1:A6:75:VAL:HG13	1:A6:445:MET:HG3	1.52	0.92
1:AD:240:VAL:HG22	1:AD:352:ARG:HD2	1.50	0.92
1:AM:175:GLU:HG2	1:AM:378:GLU:HG2	1.50	0.92
1:AV:75:VAL:HG13	1:AV:445:MET:HE3	1.51	0.92
1:A7:426:ILE:O	1:A7:430:MET:HG3	1.67	0.92
1:AB:353:THR:HG23	1:AB:433:SER:HB2	1.52	0.92
1:AF:353:THR:HG23	1:AF:433:SER:HB2	1.50	0.92
1:AG:251:GLY:H	1:AG:332:GLY:HA3	1.32	0.92
1:AG:371:HIS:HB3	1:AG:374:GLN:HG3	1.49	0.92
1:AM:251:GLY:H	1:AM:332:GLY:HA3	1.33	0.92
1:AI:251:GLY:H	1:AI:332:GLY:HA3	1.33	0.92
1:AL:75:VAL:HG13	1:AL:445:MET:HG3	1.48	0.92
1:AX:175:GLU:HG2	1:AX:378:GLU:HG2	1.48	0.92
1:A7:422:LYS:O	1:A7:426:ILE:HD12	1.70	0.92
1:A8:371:HIS:HB3	1:A8:374:GLN:HG3	1.52	0.92
1:A9:303:ILE:HA	1:AH:234:PHE:CZ	2.04	0.92
1:AW:175:GLU:HG2	1:AW:378:GLU:HG2	1.50	0.92
1:AX:258:THR:HG22	1:AX:273:ASN:HA	1.51	0.92
1:A2:75:VAL:HG13	1:A2:445:MET:HG2	1.50	0.91
1:A8:340:THR:HG23	1:A8:341:GLN:HG2	1.52	0.91

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AV:116:ILE:HD12	1:AV:418:VAL:HG21	1.52	0.91
1:AA:92:ILE:HG23	1:AA:116:ILE:HG12	1.53	0.91
1:AD:426:ILE:O	1:AD:430:MET:HG3	1.68	0.91
1:AF:340:THR:HG23	1:AF:341:GLN:HG2	1.53	0.91
1:AP:371:HIS:HB3	1:AP:374:GLN:HG3	1.51	0.91
1:AS:120:LEU:HD11	1:AS:383:LEU:HG	1.53	0.91
1:AP:251:GLY:H	1:AP:332:GLY:HA3	1.31	0.91
1:AR:251:GLY:H	1:AR:332:GLY:HA3	1.32	0.91
1:AT:422:LYS:O	1:AT:426:ILE:HD12	1.71	0.91
1:A6:251:GLY:H	1:A6:332:GLY:HA3	1.31	0.91
1:AG:451:GLU:HG3	1:AM:122:GLU:HB2	1.53	0.91
1:AP:88:ILE:O	1:AP:92:ILE:HD12	1.68	0.91
1:AU:340:THR:HG23	1:AU:341:GLN:HG2	1.49	0.91
1:A3:451:GLU:HA	1:AL:122:GLU:OE1	1.71	0.91
1:AA:75:VAL:HG13	1:AA:445:MET:HG2	1.50	0.91
1:AC:422:LYS:O	1:AC:426:ILE:HD12	1.70	0.91
1:A1:184:MET:HE1	1:A1:345:ILE:HG12	1.51	0.91
1:AA:371:HIS:HB3	1:AA:374:GLN:HG3	1.50	0.91
1:AH:88:ILE:HD11	1:AI:454:THR:HG21	1.52	0.91
1:AR:353:THR:HG23	1:AR:433:SER:HB2	1.53	0.91
1:AJ:175:GLU:HG2	1:AJ:378:GLU:HG2	1.51	0.91
1:AS:353:THR:HG23	1:AS:433:SER:HB2	1.52	0.91
1:A7:510:LEU:HD22	1:A7:514:GLN:HE21	1.33	0.91
1:AB:371:HIS:HB3	1:AB:374:GLN:HG3	1.52	0.91
1:AE:92:ILE:HG23	1:AE:116:ILE:HG12	1.50	0.91
1:AF:75:VAL:HG13	1:AF:445:MET:HG3	1.52	0.91
1:AR:122:GLU:OE1	1:AU:451:GLU:HA	1.70	0.91
1:A1:353:THR:HG23	1:A1:433:SER:HB2	1.53	0.90
1:A3:99:ALA:HB2	1:A3:112:LEU:HD23	1.53	0.90
1:AC:149:ILE:HD12	1:AC:455:THR:HG21	1.53	0.90
1:AE:422:LYS:O	1:AE:426:ILE:HD12	1.72	0.90
1:AQ:175:GLU:HG2	1:AQ:378:GLU:HG2	1.51	0.90
1:AQ:251:GLY:H	1:AQ:332:GLY:HA3	1.32	0.90
1:AQ:509:VAL:HG12	1:AQ:510:LEU:HD23	1.53	0.90
1:AW:120:LEU:HD21	1:AW:383:LEU:HG	1.49	0.90
1:A1:234:PHE:CZ	1:AB:303:ILE:HA	2.06	0.90
1:AL:251:GLY:H	1:AL:332:GLY:HA3	1.36	0.90
1:A2:175:GLU:HG2	1:A2:378:GLU:HG2	1.51	0.90
1:A4:175:GLU:HG2	1:A4:378:GLU:HG2	1.52	0.90
1:A4:251:GLY:H	1:A4:332:GLY:HA3	1.32	0.90
1:A7:60:ASN:HD21	1:AP:93:LYS:HG2	1.36	0.90

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A7:99:ALA:HB2	1:A7:112:LEU:HD23	1.52	0.90
1:A8:422:LYS:O	1:A8:426:ILE:HD12	1.71	0.90
1:AI:353:THR:HG23	1:AI:433:SER:HB2	1.54	0.90
1:AT:251:GLY:H	1:AT:332:GLY:HA3	1.33	0.90
1:AD:422:LYS:O	1:AD:426:ILE:HD12	1.70	0.90
1:AG:340:THR:HG23	1:AG:341:GLN:HG2	1.52	0.90
1:AV:353:THR:HG23	1:AV:433:SER:HB2	1.53	0.90
1:A2:353:THR:HG23	1:A2:433:SER:HB2	1.54	0.90
1:AX:149:ILE:HD12	1:AX:455:THR:HG21	1.53	0.90
1:AX:173:ARG:HH12	1:AX:378:GLU:HB3	1.36	0.90
1:AM:120:LEU:HD21	1:AM:383:LEU:HG	1.53	0.90
1:AC:251:GLY:H	1:AC:332:GLY:HA3	1.37	0.90
1:AO:251:GLY:H	1:AO:332:GLY:HA3	1.35	0.90
1:AP:353:THR:HG23	1:AP:433:SER:HB2	1.53	0.90
1:A4:88:ILE:O	1:A4:92:ILE:HD12	1.71	0.90
1:A4:340:THR:HG23	1:A4:341:GLN:HG2	1.53	0.90
1:AB:175:GLU:HG2	1:AB:378:GLU:HG2	1.51	0.90
1:AJ:259:VAL:HG22	1:AJ:328:VAL:HG21	1.54	0.90
1:AU:211:ILE:HD11	1:AU:238:LEU:HD11	1.54	0.90
1:A6:258:THR:HG23	1:A6:273:ASN:HA	1.52	0.90
1:AC:25:LEU:HD21	1:AX:505:VAL:HG21	1.52	0.90
1:AF:184:MET:HA	1:AF:192:ASN:HD21	1.36	0.90
1:AH:303:ILE:HA	1:AI:234:PHE:CZ	2.06	0.90
1:AS:340:THR:HG23	1:AS:341:GLN:HG2	1.54	0.90
1:A8:88:ILE:O	1:A8:92:ILE:HD12	1.72	0.89
1:AO:422:LYS:O	1:AO:426:ILE:HD12	1.71	0.89
1:A3:340:THR:HG23	1:A3:341:GLN:HG2	1.52	0.89
1:A6:74:MET:HB3	1:A6:137:MET:HE1	1.54	0.89
1:AA:175:GLU:HG2	1:AA:378:GLU:HG2	1.53	0.89
1:AB:88:ILE:O	1:AB:92:ILE:HD12	1.71	0.89
1:AJ:340:THR:HG23	1:AJ:341:GLN:HG2	1.53	0.89
1:A5:371:HIS:HB3	1:A5:374:GLN:HG3	1.54	0.89
1:A7:451:GLU:HA	1:AJ:122:GLU:OE1	1.71	0.89
1:AN:88:ILE:O	1:AN:92:ILE:HD12	1.71	0.89
1:A2:340:THR:HG23	1:A2:341:GLN:HG2	1.52	0.89
1:AD:251:GLY:H	1:AD:332:GLY:HA3	1.37	0.89
1:AI:386:VAL:HG23	1:AI:430:MET:HE1	1.51	0.89
1:AL:340:THR:HG23	1:AL:341:GLN:HG2	1.54	0.89
1:AH:340:THR:HG23	1:AH:341:GLN:HG2	1.52	0.89
1:A5:251:GLY:H	1:A5:332:GLY:HA3	1.36	0.89
1:A6:88:ILE:HD11	1:AT:454:THR:HG21	1.54	0.89

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A8:122:GLU:OE1	1:AE:451:GLU:HA	1.72	0.89
1:A9:340:THR:HG23	1:A9:341:GLN:HG2	1.54	0.89
1:A9:353:THR:HG23	1:A9:433:SER:HB2	1.55	0.89
1:AW:353:THR:HG23	1:AW:433:SER:HB2	1.54	0.89
1:AD:340:THR:HG23	1:AD:341:GLN:HG2	1.53	0.89
1:AH:68:ALA:HB3	1:AH:456:ILE:HD11	1.55	0.89
1:AH:353:THR:HG23	1:AH:433:SER:HB2	1.55	0.89
1:AJ:251:GLY:H	1:AJ:332:GLY:HA3	1.38	0.89
1:AL:451:GLU:HA	1:AP:122:GLU:OE1	1.73	0.89
1:AR:88:ILE:O	1:AR:92:ILE:HD12	1.71	0.89
1:AS:454:THR:HG21	1:AT:88:ILE:HD11	1.53	0.89
1:AA:353:THR:HG23	1:AA:433:SER:HB2	1.54	0.89
1:AC:122:GLU:OE1	1:AX:451:GLU:HA	1.72	0.89
1:AO:302:ASP:HB3	1:AO:308:ASN:HD21	1.37	0.89
1:A6:340:THR:HG23	1:A6:341:GLN:HG2	1.53	0.89
1:AE:340:THR:HG23	1:AE:341:GLN:HG2	1.54	0.89
1:AQ:340:THR:HG23	1:AQ:341:GLN:HG2	1.53	0.88
1:A3:173:ARG:HH12	1:A3:378:GLU:HB3	1.38	0.88
1:A4:68:ALA:HB3	1:A4:456:ILE:HD11	1.55	0.88
1:A4:258:THR:HG23	1:A4:273:ASN:HA	1.54	0.88
1:AA:426:ILE:O	1:AA:430:MET:HG3	1.72	0.88
1:AT:340:THR:HG23	1:AT:341:GLN:HG2	1.55	0.88
1:AD:88:ILE:O	1:AD:92:ILE:HD12	1.73	0.88
1:AH:116:ILE:HD12	1:AH:418:VAL:HG21	1.55	0.88
1:AP:149:ILE:HD12	1:AP:455:THR:HG21	1.53	0.88
1:AV:251:GLY:H	1:AV:332:GLY:HA3	1.35	0.88
1:A2:258:THR:HG23	1:A2:273:ASN:HA	1.54	0.88
1:A5:122:GLU:HG3	1:AD:451:GLU:HG3	1.53	0.88
1:A6:234:PHE:CZ	1:AW:303:ILE:HA	2.08	0.88
1:AH:75:VAL:HG13	1:AH:445:MET:HG2	1.53	0.88
1:AM:75:VAL:HG13	1:AM:445:MET:HG3	1.52	0.88
1:AV:340:THR:HG23	1:AV:341:GLN:HG2	1.54	0.88
1:AK:340:THR:HG23	1:AK:341:GLN:HG2	1.56	0.88
1:AL:505:VAL:HG21	1:AP:25:LEU:HD21	1.55	0.88
1:AU:189:ALA:HA	1:AU:192:ASN:OD1	1.72	0.88
1:A1:340:THR:HG23	1:A1:341:GLN:HG2	1.53	0.88
1:AC:264:ILE:HG22	1:AC:319:VAL:HG23	1.56	0.88
1:AE:251:GLY:H	1:AE:332:GLY:HA3	1.37	0.88
1:AM:340:THR:HG23	1:AM:341:GLN:HG2	1.53	0.88
1:AV:68:ALA:HB3	1:AV:456:ILE:HD11	1.55	0.88
1:AW:340:THR:HG23	1:AW:341:GLN:HG2	1.54	0.88

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A9:184:MET:HA	1:A9:192:ASN:HD21	1.38	0.88
1:AG:353:THR:HG23	1:AG:433:SER:HB2	1.55	0.88
1:A5:38:ILE:HD12	1:A5:474:ARG:HA	1.56	0.88
1:AJ:370:PHE:HA	1:AJ:376:VAL:HG11	1.56	0.88
1:AK:88:ILE:O	1:AK:92:ILE:HD12	1.74	0.88
1:A2:426:ILE:O	1:A2:430:MET:HG3	1.72	0.88
1:A9:258:THR:HG23	1:A9:273:ASN:HA	1.53	0.88
1:A6:68:ALA:HB3	1:A6:456:ILE:HD11	1.55	0.87
1:A6:92:ILE:HG23	1:A6:116:ILE:HG12	1.55	0.87
1:AA:340:THR:HG23	1:AA:341:GLN:HG2	1.56	0.87
1:AH:184:MET:HA	1:AH:192:ASN:HD21	1.38	0.87
1:AR:88:ILE:HD11	1:AU:454:THR:HG21	1.56	0.87
1:AK:353:THR:HG23	1:AK:433:SER:HB2	1.56	0.87
1:AV:258:THR:HG23	1:AV:273:ASN:HA	1.54	0.87
1:A6:211:ILE:HD11	1:A6:238:LEU:HD21	1.55	0.87
1:AV:175:GLU:HG2	1:AV:378:GLU:HG2	1.53	0.87
1:A6:451:GLU:HA	1:AW:122:GLU:OE1	1.73	0.87
1:AH:88:ILE:O	1:AH:92:ILE:HD12	1.74	0.87
1:AJ:88:ILE:O	1:AJ:92:ILE:HD12	1.74	0.87
1:AN:353:THR:HG23	1:AN:433:SER:HB2	1.57	0.87
1:AW:184:MET:HA	1:AW:192:ASN:HD21	1.39	0.87
1:A4:423:GLY:O	1:A4:427:VAL:HG23	1.74	0.87
1:A6:184:MET:HE1	1:A6:345:ILE:HG12	1.53	0.87
1:A7:68:ALA:HB3	1:A7:456:ILE:HD11	1.55	0.87
1:AA:184:MET:HA	1:AA:192:ASN:HD21	1.39	0.87
1:A3:505:VAL:HG21	1:AL:25:LEU:HD21	1.57	0.87
1:A6:496:SER:HA	1:A6:499:MET:HE3	1.57	0.87
1:AA:103:GLY:CA	1:AN:74:MET:HE1	2.04	0.87
1:AC:340:THR:HG23	1:AC:341:GLN:HG2	1.55	0.87
1:AR:340:THR:HG23	1:AR:341:GLN:HG2	1.54	0.87
1:AC:184:MET:HE1	1:AC:345:ILE:HG12	1.57	0.87
1:AW:88:ILE:O	1:AW:92:ILE:HD12	1.73	0.87
1:A5:353:THR:HG23	1:A5:433:SER:HB2	1.57	0.87
1:A9:88:ILE:O	1:A9:92:ILE:HD12	1.75	0.87
1:A9:302:ASP:HB3	1:A9:308:ASN:HD21	1.40	0.87
1:AF:88:ILE:O	1:AF:92:ILE:HD12	1.74	0.87
1:AL:88:ILE:O	1:AL:92:ILE:HD12	1.75	0.87
1:AM:234:PHE:O	1:AM:238:LEU:HD12	1.74	0.87
1:AH:68:ALA:CB	1:AH:456:ILE:HD11	2.04	0.86
1:A1:509:VAL:HG12	1:A1:510:LEU:HD23	1.55	0.86
1:A2:184:MET:HA	1:A2:192:ASN:HD21	1.38	0.86

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A3:251:GLY:H	1:A3:332:GLY:HA3	1.40	0.86
1:AQ:88:ILE:O	1:AQ:92:ILE:HD12	1.75	0.86
1:AG:88:ILE:O	1:AG:92:ILE:HD12	1.75	0.86
1:AO:99:ALA:HB2	1:AO:112:LEU:HD23	1.57	0.86
1:AU:353:THR:HG23	1:AU:433:SER:HB2	1.57	0.86
1:AC:88:ILE:O	1:AC:92:ILE:HD12	1.74	0.86
1:AC:451:GLU:HG3	1:AO:122:GLU:HB2	1.54	0.86
1:AF:68:ALA:HB3	1:AF:456:ILE:HD11	1.55	0.86
1:AX:88:ILE:O	1:AX:92:ILE:HD12	1.73	0.86
1:A1:234:PHE:O	1:A1:238:LEU:HD12	1.75	0.86
1:A4:234:PHE:O	1:A4:238:LEU:HD12	1.75	0.86
1:AB:340:THR:HG23	1:AB:341:GLN:HG2	1.56	0.86
1:AF:422:LYS:O	1:AF:426:ILE:HD12	1.76	0.86
1:AJ:179:PHE:HD1	1:AJ:184:MET:HE3	1.40	0.86
1:AM:88:ILE:O	1:AM:92:ILE:HD12	1.74	0.86
1:AO:88:ILE:O	1:AO:92:ILE:HD12	1.74	0.86
1:A6:88:ILE:O	1:A6:92:ILE:HD12	1.75	0.86
1:AA:88:ILE:O	1:AA:92:ILE:HD12	1.76	0.86
1:A7:88:ILE:O	1:A7:92:ILE:HD12	1.75	0.86
1:AA:68:ALA:CB	1:AA:456:ILE:HD11	2.06	0.86
1:AG:88:ILE:HD11	1:AP:454:THR:HG21	1.56	0.86
1:AI:25:LEU:HD21	1:AO:505:VAL:HG21	1.56	0.85
1:AT:88:ILE:O	1:AT:92:ILE:HD12	1.76	0.85
1:AG:509:VAL:HG12	1:AG:510:LEU:HD23	1.58	0.85
1:AI:499:MET:HE1	1:AQ:479:ALA:HB1	1.58	0.85
1:AO:371:HIS:HB3	1:AO:374:GLN:HG3	1.58	0.85
1:AS:88:ILE:O	1:AS:92:ILE:HD12	1.76	0.85
1:A2:422:LYS:O	1:A2:426:ILE:HD12	1.76	0.85
1:AB:234:PHE:O	1:AB:238:LEU:HD12	1.76	0.85
1:AI:88:ILE:O	1:AI:92:ILE:HD12	1.76	0.85
1:A1:258:THR:HG23	1:A1:273:ASN:HA	1.55	0.85
1:A3:6:ASN:HB2	1:AS:475:ASP:OD1	1.77	0.85
1:A4:122:GLU:OE1	1:AF:451:GLU:HA	1.75	0.85
1:AP:499:MET:HE1	1:AT:479:ALA:HB1	1.56	0.85
1:AS:234:PHE:CZ	1:AT:303:ILE:HA	2.10	0.85
1:AT:99:ALA:CB	1:AT:112:LEU:HD23	2.07	0.85
1:A4:103:GLY:HA2	1:AT:74:MET:HE1	1.56	0.85
1:A8:258:THR:HG23	1:A8:273:ASN:HA	1.58	0.85
1:A8:302:ASP:HB3	1:A8:308:ASN:HD21	1.42	0.85
1:AO:120:LEU:HD11	1:AO:166:SER:HB2	1.58	0.85
1:A1:68:ALA:HB3	1:A1:456:ILE:HD11	1.57	0.85

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AV:88:ILE:O	1:AV:92:ILE:HD12	1.75	0.85
1:A8:353:THR:HG23	1:A8:433:SER:HB2	1.57	0.85
1:AL:264:ILE:HG22	1:AL:319:VAL:HB	1.59	0.85
1:AV:234:PHE:O	1:AV:238:LEU:HD12	1.77	0.85
1:AO:211:ILE:HD11	1:AO:238:LEU:HD11	1.55	0.85
1:AO:353:THR:HG23	1:AO:433:SER:HB2	1.59	0.85
1:AV:184:MET:HA	1:AV:192:ASN:HD21	1.40	0.85
1:A3:353:THR:HG23	1:A3:433:SER:HB2	1.58	0.85
1:A7:353:THR:HG23	1:A7:433:SER:HB2	1.59	0.85
1:AG:426:ILE:O	1:AG:430:MET:HG3	1.77	0.85
1:AO:74:MET:HE3	1:AO:137:MET:CE	2.06	0.85
1:AV:92:ILE:HG23	1:AV:116:ILE:HG23	1.56	0.85
1:AV:167:ASP:HA	1:AV:384:ARG:HB2	1.59	0.85
1:AE:353:THR:HG23	1:AE:433:SER:HB2	1.59	0.84
1:A8:179:PHE:HD1	1:A8:184:MET:HE3	1.41	0.84
1:A8:454:THR:HG21	1:AS:88:ILE:HD11	1.57	0.84
1:A8:455:THR:O	1:A8:459:ILE:HG23	1.78	0.84
1:AQ:455:THR:O	1:AQ:459:ILE:HG23	1.77	0.84
1:A1:88:ILE:O	1:A1:92:ILE:HD12	1.77	0.84
1:A7:173:ARG:HH12	1:A7:378:GLU:HB3	1.41	0.84
1:A7:211:ILE:HD11	1:A7:238:LEU:HD11	1.59	0.84
1:AA:103:GLY:HA2	1:AN:74:MET:HE1	1.59	0.84
1:AB:184:MET:HA	1:AB:192:ASN:HD21	1.40	0.84
1:AF:426:ILE:O	1:AF:430:MET:HG3	1.76	0.84
1:AN:234:PHE:O	1:AN:238:LEU:HD12	1.76	0.84
1:A7:251:GLY:H	1:A7:332:GLY:HA3	1.40	0.84
1:AG:92:ILE:HG23	1:AG:116:ILE:HG23	1.58	0.84
1:A5:340:THR:HG23	1:A5:341:GLN:HG2	1.57	0.84
1:AD:510:LEU:HD12	1:AO:490:ILE:HG23	1.60	0.84
1:AI:455:THR:O	1:AI:459:ILE:HG23	1.77	0.84
1:AO:340:THR:HG23	1:AO:341:GLN:HG2	1.58	0.84
1:AV:426:ILE:O	1:AV:430:MET:HG3	1.76	0.84
1:A5:17:VAL:HG21	1:AK:33:SER:HB2	1.60	0.84
1:AE:60:ASN:HD21	1:AK:93:LYS:HG2	1.43	0.84
1:AJ:353:THR:HG23	1:AJ:433:SER:HB2	1.58	0.84
1:A3:88:ILE:O	1:A3:92:ILE:HD12	1.78	0.84
1:AJ:224:ILE:HD13	1:AJ:345:ILE:O	1.78	0.84
1:AL:454:THR:HG21	1:AP:88:ILE:HD11	1.57	0.84
1:AB:234:PHE:HB3	1:AB:238:LEU:HD11	1.60	0.83
1:AU:259:VAL:HG22	1:AU:328:VAL:HG21	1.60	0.83
1:AX:370:PHE:HA	1:AX:376:VAL:HG11	1.58	0.83

*Continued on next page...*



*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A4:184:MET:HA	1:A4:192:ASN:HD21	1.43	0.83
1:AE:88:ILE:O	1:AE:92:ILE:HD12	1.78	0.83
1:AJ:17:VAL:HG21	1:AU:33:SER:HB2	1.60	0.83
1:AX:422:LYS:O	1:AX:426:ILE:HD12	1.77	0.83
1:AU:475:ASP:OD1	1:AX:6:ASN:HB2	1.78	0.83
1:A1:133:ASN:ND2	1:AQ:50:ILE:HD11	1.93	0.83
1:AQ:68:ALA:HB3	1:AQ:456:ILE:HD11	1.60	0.83
1:AU:88:ILE:O	1:AU:92:ILE:HD12	1.77	0.83
1:AU:455:THR:O	1:AU:459:ILE:HG23	1.78	0.83
1:AI:303:ILE:HD12	1:AO:234:PHE:CE1	2.14	0.83
1:AM:167:ASP:HA	1:AM:384:ARG:HB2	1.60	0.83
1:A6:234:PHE:O	1:A6:238:LEU:HD12	1.78	0.83
1:A7:6:ASN:HB2	1:AP:475:ASP:OD1	1.77	0.83
1:AJ:184:MET:HA	1:AJ:192:ASN:HD21	1.44	0.83
1:AO:173:ARG:HH12	1:AO:378:GLU:HB3	1.43	0.83
1:AS:189:ALA:HA	1:AS:192:ASN:OD1	1.79	0.83
1:AW:234:PHE:HB3	1:AW:238:LEU:CD1	2.09	0.83
1:A8:6:ASN:HB2	1:AN:475:ASP:OD1	1.77	0.83
1:AE:370:PHE:HA	1:AE:376:VAL:HG11	1.59	0.83
1:AO:149:ILE:HD12	1:AO:455:THR:HG21	1.61	0.83
1:AQ:234:PHE:O	1:AQ:238:LEU:HD12	1.78	0.83
1:A7:4:ARG:HH22	1:AP:472:GLN:HG2	1.42	0.83
1:A3:184:MET:HA	1:A3:192:ASN:HD21	1.43	0.83
1:A4:455:THR:O	1:A4:459:ILE:HG23	1.79	0.83
1:A6:25:LEU:HD21	1:AT:505:VAL:HG21	1.59	0.83
1:AD:352:ARG:HH12	1:AD:356:ARG:HB3	1.44	0.83
1:AP:426:ILE:O	1:AP:430:MET:HG3	1.78	0.83
1:AE:6:ASN:HB2	1:AK:475:ASP:OD1	1.79	0.83
1:AI:340:THR:HG23	1:AI:341:GLN:HG2	1.59	0.83
1:AR:455:THR:O	1:AR:459:ILE:HG23	1.78	0.83
1:A2:167:ASP:HA	1:A2:384:ARG:HB2	1.61	0.82
1:AC:353:THR:HG23	1:AC:433:SER:HB2	1.61	0.82
1:AT:455:THR:O	1:AT:459:ILE:HG23	1.79	0.82
1:A5:426:ILE:O	1:A5:430:MET:HG3	1.79	0.82
1:AS:455:THR:O	1:AS:459:ILE:HG23	1.78	0.82
1:AN:426:ILE:O	1:AN:430:MET:HG3	1.77	0.82
1:A4:234:PHE:HB3	1:A4:238:LEU:HD11	1.61	0.82
1:A8:17:VAL:HG21	1:AS:33:SER:HB2	1.61	0.82
1:A8:74:MET:HB3	1:A8:137:MET:HE1	1.61	0.82
1:AC:370:PHE:HA	1:AC:376:VAL:HG11	1.61	0.82
1:AE:224:ILE:HD13	1:AE:345:ILE:O	1.80	0.82

*Continued on next page...*



*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AH:211:ILE:HD11	1:AH:238:LEU:HD11	1.61	0.82
1:AX:251:GLY:H	1:AX:332:GLY:HA3	1.41	0.82
1:AX:263:THR:HG22	1:AX:268:GLU:HA	1.62	0.82
1:A2:88:ILE:O	1:A2:92:ILE:HD12	1.78	0.82
1:A3:68:ALA:HB3	1:A3:456:ILE:HD11	1.62	0.82
1:A6:303:ILE:HA	1:AT:234:PHE:CZ	2.13	0.82
1:AI:189:ALA:HA	1:AI:192:ASN:OD1	1.78	0.82
1:AP:179:PHE:HD1	1:AP:184:MET:HE3	1.45	0.82
1:AX:74:MET:HE3	1:AX:137:MET:HE1	1.59	0.82
1:AX:353:THR:HG23	1:AX:433:SER:HB2	1.61	0.82
1:A1:93:LYS:HG2	1:AI:60:ASN:HD21	1.43	0.82
1:A7:454:THR:HG21	1:AJ:88:ILE:HD11	1.59	0.82
1:AP:173:ARG:HH12	1:AP:378:GLU:HB3	1.44	0.82
1:A2:68:ALA:HB3	1:A2:456:ILE:HD11	1.62	0.82
1:A7:455:THR:O	1:A7:459:ILE:HG23	1.79	0.82
1:AC:33:SER:HB2	1:AX:17:VAL:HG21	1.61	0.82
1:AE:455:THR:O	1:AE:459:ILE:HG23	1.79	0.82
1:AL:353:THR:HG23	1:AL:433:SER:HB2	1.60	0.82
1:AM:184:MET:HA	1:AM:192:ASN:HD21	1.42	0.82
1:AP:68:ALA:HB3	1:AP:456:ILE:HD11	1.62	0.82
1:AP:259:VAL:HG22	1:AP:328:VAL:HG21	1.61	0.82
1:AJ:511:ARG:HH12	1:AJ:512:LEU:HD12	1.43	0.82
1:AN:189:ALA:HA	1:AN:192:ASN:OD1	1.79	0.82
1:AU:426:ILE:O	1:AU:430:MET:HG3	1.80	0.82
1:AN:455:THR:O	1:AN:459:ILE:HG23	1.80	0.82
1:AT:353:THR:HG23	1:AT:433:SER:HB2	1.59	0.82
1:A6:234:PHE:HB3	1:A6:238:LEU:HD11	1.62	0.82
1:AD:68:ALA:HB3	1:AD:456:ILE:HD11	1.59	0.82
1:AE:184:MET:HA	1:AE:192:ASN:HD21	1.45	0.82
1:AX:445:MET:HE2	1:AX:445:MET:HA	1.62	0.82
1:A9:68:ALA:HB3	1:A9:456:ILE:HD11	1.61	0.81
1:A3:46:SER:HB2	1:AT:112:LEU:CD1	2.10	0.81
1:AC:445:MET:HE2	1:AC:445:MET:HA	1.62	0.81
1:AF:25:LEU:HD21	1:AN:505:VAL:HG21	1.62	0.81
1:AP:184:MET:HA	1:AP:192:ASN:HD21	1.45	0.81
1:AX:184:MET:HA	1:AX:192:ASN:HD21	1.44	0.81
1:A9:120:LEU:HD21	1:A9:383:LEU:HG	1.61	0.81
1:AA:249:THR:HG22	1:AA:403:ASN:HD21	1.46	0.81
1:AE:264:ILE:HG22	1:AE:319:VAL:HG23	1.61	0.81
1:AM:103:GLY:HA3	1:AU:74:MET:HE1	1.62	0.81
1:AS:92:ILE:HG23	1:AS:116:ILE:HG23	1.61	0.81

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AS:234:PHE:O	1:AS:238:LEU:HD12	1.79	0.81
1:AW:426:ILE:O	1:AW:430:MET:HG3	1.80	0.81
1:A3:89:LEU:HA	1:A3:92:ILE:CD1	2.11	0.81
1:A6:383:LEU:HA	1:A6:430:MET:HE2	1.61	0.81
1:AB:455:THR:O	1:AB:459:ILE:HG23	1.81	0.81
1:AC:458:ASN:HD22	1:AO:126:ILE:HG12	1.45	0.81
1:AK:426:ILE:O	1:AK:430:MET:HG3	1.80	0.81
1:AV:325:SER:HA	1:AV:330:GLY:HA3	1.61	0.81
1:AX:68:ALA:HB3	1:AX:456:ILE:HD11	1.62	0.81
1:A4:167:ASP:HA	1:A4:384:ARG:HB2	1.62	0.81
1:A6:184:MET:HA	1:A6:192:ASN:HD21	1.46	0.81
1:A9:426:ILE:O	1:A9:430:MET:HG3	1.80	0.81
1:AC:17:VAL:HG21	1:AO:33:SER:HB2	1.63	0.81
1:AF:410:ASN:HD21	1:AF:414:ILE:HG22	1.46	0.81
1:A8:99:ALA:HB2	1:A8:112:LEU:HD23	1.63	0.81
1:AG:189:ALA:HA	1:AG:192:ASN:OD1	1.81	0.81
1:AI:33:SER:HB2	1:AO:17:VAL:HG21	1.63	0.81
1:AN:149:ILE:HD11	1:AN:157:VAL:HG23	1.63	0.81
1:AX:184:MET:HE1	1:AX:345:ILE:HG12	1.63	0.81
1:A5:249:THR:HG22	1:A5:403:ASN:HD21	1.45	0.81
1:AJ:455:THR:O	1:AJ:459:ILE:HG23	1.79	0.81
1:AV:455:THR:O	1:AV:459:ILE:HG23	1.80	0.81
1:A8:234:PHE:O	1:A8:238:LEU:HD12	1.79	0.81
1:AK:189:ALA:HA	1:AK:192:ASN:OD1	1.81	0.81
1:A1:25:LEU:HD21	1:AQ:505:VAL:HG21	1.63	0.81
1:AG:445:MET:HE2	1:AG:445:MET:HA	1.63	0.81
1:AK:451:GLU:CG	1:AN:122:GLU:HG3	2.10	0.81
1:AM:509:VAL:HG12	1:AM:510:LEU:HD23	1.62	0.81
1:A2:455:THR:O	1:A2:459:ILE:HG23	1.81	0.80
1:A8:224:ILE:HG13	1:A8:244:TYR:HB2	1.62	0.80
1:AM:366:SER:HB2	1:AM:371:HIS:HB2	1.62	0.80
1:AQ:366:SER:HB2	1:AQ:371:HIS:HB2	1.63	0.80
1:AW:167:ASP:HA	1:AW:384:ARG:HB2	1.62	0.80
1:A4:88:ILE:HD11	1:AF:454:THR:HG21	1.64	0.80
1:A5:99:ALA:HA	1:A5:104:GLN:OE1	1.79	0.80
1:A5:211:ILE:HD11	1:A5:238:LEU:HD11	1.64	0.80
1:AJ:451:GLU:HG3	1:AU:122:GLU:HB2	1.62	0.80
1:AL:184:MET:HA	1:AL:192:ASN:HD21	1.46	0.80
1:AM:398:ALA:HB2	1:AM:426:ILE:HD11	1.63	0.80
1:AM:475:ASP:OD1	1:AU:6:ASN:HB2	1.82	0.80
1:AR:33:SER:HB2	1:AU:17:VAL:HG21	1.63	0.80

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A1:75:VAL:HG13	1:A1:445:MET:HE3	1.62	0.80
1:A4:33:SER:HB2	1:AF:17:VAL:HG21	1.63	0.80
1:AG:422:LYS:O	1:AG:426:ILE:HD13	1.80	0.80
1:AH:422:LYS:O	1:AH:426:ILE:HD12	1.81	0.80
1:AP:340:THR:HG23	1:AP:341:GLN:HG2	1.63	0.80
1:AQ:25:LEU:HD21	1:AR:505:VAL:HG21	1.63	0.80
1:AR:445:MET:HE2	1:AR:445:MET:HA	1.63	0.80
1:A8:88:ILE:HD11	1:AE:454:THR:HG21	1.62	0.80
1:AS:149:ILE:HD11	1:AS:157:VAL:HG23	1.62	0.80
1:A2:512:LEU:HD23	1:AV:496:SER:HB2	1.63	0.80
1:AQ:6:ASN:HB2	1:AV:475:ASP:OD1	1.81	0.80
1:AB:167:ASP:HA	1:AB:384:ARG:HB2	1.63	0.80
1:AE:445:MET:HA	1:AE:445:MET:HE2	1.62	0.80
1:AM:426:ILE:O	1:AM:430:MET:HG3	1.81	0.80
1:AD:173:ARG:HH12	1:AD:378:GLU:HB3	1.44	0.80
1:AO:132:PHE:HB3	1:AO:137:MET:HE2	1.63	0.80
1:A1:455:THR:O	1:A1:459:ILE:HG23	1.81	0.80
1:A8:445:MET:HE2	1:A8:445:MET:HA	1.63	0.80
1:AA:234:PHE:HB3	1:AA:238:LEU:CD1	2.12	0.80
1:AC:184:MET:HA	1:AC:192:ASN:HD21	1.46	0.80
1:AE:149:ILE:HD11	1:AE:157:VAL:HG23	1.64	0.80
1:AE:279:ASP:HB3	1:AE:301:LEU:HD11	1.63	0.80
1:AF:455:THR:O	1:AF:459:ILE:HG23	1.81	0.80
1:AK:68:ALA:CB	1:AK:456:ILE:HD11	2.11	0.80
1:AL:74:MET:HE3	1:AL:137:MET:HE1	1.63	0.80
1:AC:211:ILE:HD11	1:AC:238:LEU:HD11	1.64	0.80
1:AE:206:VAL:HG13	1:AE:207:ASN:OD1	1.82	0.80
1:AU:74:MET:HG2	1:AU:137:MET:HE1	1.64	0.80
1:AA:99:ALA:HA	1:AA:104:GLN:OE1	1.82	0.79
1:AL:161:ILE:HG23	1:AL:445:MET:HE1	1.64	0.79
1:AO:189:ALA:HA	1:AO:192:ASN:OD1	1.81	0.79
1:A2:133:ASN:ND2	1:AM:50:ILE:HD11	1.97	0.79
1:A2:511:ARG:HH12	1:A2:512:LEU:HD13	1.46	0.79
1:A8:33:SER:HB2	1:AE:17:VAL:HG21	1.64	0.79
1:AO:383:LEU:HA	1:AO:430:MET:CE	2.12	0.79
1:AQ:211:ILE:HD11	1:AQ:238:LEU:HD21	1.61	0.79
1:AT:445:MET:HE2	1:AT:445:MET:HA	1.64	0.79
1:AA:116:ILE:HD13	1:AA:418:VAL:HG21	1.64	0.79
1:AH:325:SER:HA	1:AH:330:GLY:HA3	1.65	0.79
1:AK:455:THR:O	1:AK:459:ILE:HG23	1.81	0.79
1:AN:167:ASP:HA	1:AN:384:ARG:HB2	1.63	0.79

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AQ:234:PHE:HB3	1:AQ:238:LEU:HD11	1.64	0.79
1:AT:312:ILE:HD12	1:AT:312:ILE:H	1.48	0.79
1:A7:249:THR:HG22	1:A7:403:ASN:HD21	1.47	0.79
1:AB:472:GLN:HA	1:AH:4:ARG:HE	1.46	0.79
1:AD:184:MET:HA	1:AD:192:ASN:HD21	1.45	0.79
1:AD:279:ASP:HB3	1:AD:301:LEU:HD11	1.63	0.79
1:AF:122:GLU:HB2	1:AN:451:GLU:HG3	1.65	0.79
1:AR:302:ASP:HB3	1:AR:308:ASN:HD21	1.48	0.79
1:A6:475:ASP:OD1	1:AP:6:ASN:HB2	1.81	0.79
1:AH:383:LEU:HA	1:AH:430:MET:HE2	1.64	0.79
1:AW:249:THR:HG22	1:AW:403:ASN:HD21	1.46	0.79
1:AG:475:ASP:OD1	1:AJ:6:ASN:HB2	1.82	0.79
1:AH:383:LEU:HA	1:AH:430:MET:CE	2.11	0.79
1:AJ:263:THR:HG22	1:AJ:268:GLU:HA	1.64	0.79
1:AJ:505:VAL:HG21	1:AU:25:LEU:HD21	1.64	0.79
1:AS:325:SER:HA	1:AS:330:GLY:HA3	1.64	0.79
1:AT:184:MET:HE1	1:AT:345:ILE:HG12	1.64	0.79
1:AU:445:MET:HE2	1:AU:445:MET:HA	1.65	0.79
1:AU:511:ARG:HH12	1:AU:512:LEU:HD12	1.47	0.79
1:A1:305:GLY:HA3	1:AQ:212:GLU:CD	2.08	0.79
1:A4:99:ALA:HA	1:A4:104:GLN:OE1	1.82	0.79
1:A7:38:ILE:HD12	1:A7:474:ARG:HA	1.63	0.79
1:A8:511:ARG:HH12	1:A8:512:LEU:HD12	1.46	0.79
1:AE:117:GLN:HE21	1:AE:387:ARG:HD2	1.46	0.79
1:AJ:68:ALA:CB	1:AJ:456:ILE:HD11	2.10	0.79
1:AM:325:SER:HA	1:AM:330:GLY:HA3	1.64	0.79
1:AU:206:VAL:HG13	1:AU:207:ASN:OD1	1.83	0.79
1:A2:34:SER:HA	1:AM:17:VAL:HG11	1.64	0.79
1:AD:353:THR:HG23	1:AD:433:SER:HB2	1.65	0.79
1:AK:302:ASP:HB3	1:AK:308:ASN:HD21	1.48	0.79
1:AO:249:THR:HG22	1:AO:403:ASN:HD21	1.47	0.79
1:AO:499:MET:HE1	1:AR:479:ALA:HB1	1.64	0.79
1:AV:20:GLN:HA	1:AV:23:ARG:NH1	1.98	0.79
1:AJ:206:VAL:HG13	1:AJ:207:ASN:OD1	1.82	0.79
1:AL:511:ARG:HH12	1:AL:512:LEU:HD12	1.46	0.79
1:AN:445:MET:HE2	1:AN:445:MET:HA	1.64	0.79
1:A1:234:PHE:HB3	1:A1:238:LEU:HD11	1.63	0.79
1:A5:122:GLU:HG3	1:AD:451:GLU:CG	2.12	0.79
1:A6:149:ILE:HD12	1:A6:455:THR:HG21	1.64	0.79
1:AE:508:ASN:HA	1:AE:511:ARG:HG2	1.65	0.79
1:AP:249:THR:HG22	1:AP:403:ASN:HD21	1.48	0.79

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A2:512:LEU:HD23	1:AV:496:SER:CB	2.13	0.78
1:A7:263:THR:HG22	1:A7:268:GLU:HA	1.65	0.78
1:AA:173:ARG:HD3	1:AA:357:ASP:HA	1.62	0.78
1:AE:173:ARG:HH12	1:AE:378:GLU:HB3	1.47	0.78
1:A5:179:PHE:HD1	1:A5:184:MET:HE3	1.46	0.78
1:A7:279:ASP:HB3	1:A7:301:LEU:HD11	1.66	0.78
1:AB:251:GLY:H	1:AB:332:GLY:HA3	1.48	0.78
1:AL:224:ILE:HD13	1:AL:345:ILE:O	1.83	0.78
1:AP:224:ILE:HD13	1:AP:345:ILE:O	1.83	0.78
1:A3:279:ASP:HB3	1:A3:301:LEU:HD11	1.64	0.78
1:A7:99:ALA:HA	1:A7:104:GLN:OE1	1.83	0.78
1:A7:262:LEU:O	1:A7:269:ILE:HG22	1.83	0.78
1:AD:179:PHE:HD1	1:AD:184:MET:HE3	1.48	0.78
1:AG:149:ILE:HD11	1:AG:157:VAL:HG23	1.63	0.78
1:AH:173:ARG:HH12	1:AH:378:GLU:HB3	1.48	0.78
1:AJ:99:ALA:HA	1:AJ:104:GLN:OE1	1.84	0.78
1:A6:122:GLU:HG3	1:AT:451:GLU:HG2	1.65	0.78
1:A8:126:ILE:HG12	1:AE:458:ASN:HD22	1.49	0.78
1:AI:496:SER:HB2	1:AO:512:LEU:HD23	1.66	0.78
1:AK:17:VAL:HG11	1:AN:34:SER:HA	1.64	0.78
1:AK:117:GLN:HE22	1:AK:387:ARG:HD2	1.49	0.78
1:AK:167:ASP:HA	1:AK:384:ARG:HB2	1.65	0.78
1:AL:99:ALA:HA	1:AL:104:GLN:OE1	1.83	0.78
1:A5:173:ARG:HD3	1:A5:357:ASP:HA	1.65	0.78
1:A8:249:THR:HG22	1:A8:403:ASN:HD21	1.49	0.78
1:A9:325:SER:HA	1:A9:330:GLY:HA3	1.65	0.78
1:AC:263:THR:HG22	1:AC:268:GLU:HA	1.65	0.78
1:AE:149:ILE:HD12	1:AE:455:THR:HG21	1.65	0.78
1:AF:167:ASP:HA	1:AF:384:ARG:HB2	1.66	0.78
1:AF:472:GLN:HA	1:AS:4:ARG:NH1	1.98	0.78
1:AK:445:MET:HE2	1:AK:445:MET:HA	1.64	0.78
1:AQ:122:GLU:HG3	1:AR:451:GLU:HG2	1.65	0.78
1:AX:206:VAL:HG13	1:AX:207:ASN:OD1	1.84	0.78
1:AN:211:ILE:HD11	1:AN:238:LEU:HD21	1.63	0.78
1:AP:116:ILE:HD12	1:AP:418:VAL:HG21	1.64	0.78
1:AQ:99:ALA:CB	1:AQ:112:LEU:HD22	2.11	0.78
1:AV:234:PHE:HB3	1:AV:238:LEU:HD11	1.65	0.78
1:AV:249:THR:HG22	1:AV:403:ASN:HD21	1.48	0.78
1:AX:279:ASP:HB3	1:AX:301:LEU:HD11	1.66	0.78
1:A4:99:ALA:HB2	1:A4:112:LEU:CD2	2.13	0.78
1:AQ:173:ARG:HH12	1:AQ:378:GLU:HB3	1.49	0.78

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AR:189:ALA:HA	1:AR:192:ASN:OD1	1.83	0.78
1:AT:206:VAL:HG13	1:AT:207:ASN:OD1	1.82	0.78
1:A4:472:GLN:HA	1:AT:4:ARG:NH1	1.99	0.78
1:A7:74:MET:HB3	1:A7:137:MET:HE1	1.65	0.78
1:A9:167:ASP:HA	1:A9:384:ARG:HB2	1.65	0.78
1:AD:263:THR:HG22	1:AD:268:GLU:HA	1.65	0.78
1:AJ:249:THR:HG22	1:AJ:403:ASN:HD21	1.48	0.78
1:AL:249:THR:HG22	1:AL:403:ASN:HD21	1.49	0.78
1:AM:103:GLY:CA	1:AU:74:MET:HE1	2.13	0.78
1:AU:249:THR:HG22	1:AU:403:ASN:HD21	1.49	0.78
1:AX:149:ILE:HD11	1:AX:157:VAL:HG23	1.65	0.78
1:A9:99:ALA:HA	1:A9:104:GLN:OE1	1.84	0.78
1:AE:426:ILE:O	1:AE:430:MET:HG3	1.83	0.78
1:AR:366:SER:HB2	1:AR:371:HIS:HB2	1.66	0.78
1:AS:445:MET:HA	1:AS:445:MET:HE2	1.65	0.78
1:A6:398:ALA:HB2	1:A6:426:ILE:HD11	1.65	0.78
1:A8:167:ASP:HA	1:A8:384:ARG:HB2	1.66	0.78
1:AC:173:ARG:HH12	1:AC:378:GLU:HB3	1.46	0.78
1:AD:319:VAL:HG12	1:AD:342:HIS:CE1	2.19	0.78
1:AI:510:LEU:HD12	1:AQ:490:ILE:HG23	1.64	0.78
1:AJ:293:ASP:OD2	1:AX:110:ARG:HD3	1.84	0.78
1:A6:184:MET:HE1	1:A6:345:ILE:CG1	2.13	0.77
1:A8:184:MET:HA	1:A8:192:ASN:HD21	1.48	0.77
1:AG:4:ARG:HG2	1:AW:475:ASP:HB3	1.66	0.77
1:AG:174:MET:HE1	1:AG:398:ALA:HB2	1.65	0.77
1:AG:325:SER:HA	1:AG:330:GLY:HA3	1.65	0.77
1:AK:99:ALA:HA	1:AK:104:GLN:OE1	1.84	0.77
1:AN:249:THR:HG22	1:AN:403:ASN:HD21	1.49	0.77
1:AO:184:MET:HE1	1:AO:345:ILE:HG12	1.66	0.77
1:AT:234:PHE:HB3	1:AT:238:LEU:CD1	2.15	0.77
1:A2:149:ILE:HD11	1:A2:157:VAL:HG23	1.66	0.77
1:A6:366:SER:HB2	1:A6:371:HIS:HB2	1.64	0.77
1:AC:224:ILE:HD13	1:AC:345:ILE:O	1.84	0.77
1:AK:97:VAL:HG22	1:AK:428:MET:HE2	1.66	0.77
1:A7:174:MET:HE1	1:A7:398:ALA:HB2	1.66	0.77
1:A8:211:ILE:HD11	1:A8:238:LEU:HD21	1.65	0.77
1:AE:511:ARG:NH1	1:AE:512:LEU:HD13	1.96	0.77
1:AX:99:ALA:HA	1:AX:104:GLN:OE1	1.84	0.77
1:A3:110:ARG:HD3	1:A8:293:ASP:OD2	1.84	0.77
1:AC:99:ALA:HA	1:AC:104:GLN:OE1	1.84	0.77
1:AK:249:THR:HG22	1:AK:403:ASN:HD21	1.48	0.77

*Continued on next page...*



*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AN:184:MET:HE1	1:AN:345:ILE:CG1	2.14	0.77
1:AP:250:GLY:O	1:AP:306:ARG:HD2	1.85	0.77
1:AP:302:ASP:HB3	1:AP:308:ASN:HD21	1.46	0.77
1:AQ:305:GLY:HA3	1:AR:212:GLU:CD	2.09	0.77
1:AS:451:GLU:CG	1:AT:122:GLU:HG3	2.15	0.77
1:A5:445:MET:HE2	1:A5:445:MET:HA	1.65	0.77
1:A6:305:GLY:HA3	1:AT:212:GLU:CD	2.10	0.77
1:A7:224:ILE:HD11	1:A7:246:VAL:CG2	2.14	0.77
1:AI:68:ALA:HB3	1:AI:456:ILE:HD11	1.66	0.77
1:AI:325:SER:HA	1:AI:330:GLY:HA3	1.66	0.77
1:AN:173:ARG:HD3	1:AN:357:ASP:HA	1.65	0.77
1:AS:99:ALA:HA	1:AS:104:GLN:OE1	1.85	0.77
1:AU:149:ILE:HD12	1:AU:455:THR:HG21	1.67	0.77
1:AV:371:HIS:HB3	1:AV:374:GLN:HG3	1.67	0.77
1:A2:122:GLU:HG3	1:AM:451:GLU:CG	2.14	0.77
1:A5:480:GLU:HB2	1:AE:15:HIS:CE1	2.18	0.77
1:A7:505:VAL:HG21	1:AJ:25:LEU:HD21	1.65	0.77
1:AW:325:SER:HA	1:AW:330:GLY:HA3	1.65	0.77
1:A8:234:PHE:HB3	1:A8:238:LEU:HD11	1.66	0.77
1:A9:305:GLY:HA3	1:AH:212:GLU:CD	2.10	0.77
1:AH:305:GLY:HA3	1:AI:212:GLU:CD	2.09	0.77
1:AK:458:ASN:ND2	1:AN:126:ILE:HG12	2.00	0.77
1:AQ:126:ILE:HG12	1:AR:458:ASN:ND2	2.00	0.77
1:A8:211:ILE:HD12	1:A8:234:PHE:HD2	1.49	0.77
1:A9:454:THR:HG21	1:AA:88:ILE:HD11	1.67	0.77
1:AG:89:LEU:HA	1:AG:92:ILE:CD1	2.15	0.77
1:A3:511:ARG:NH1	1:A3:512:LEU:HD13	1.96	0.77
1:A5:174:MET:HE1	1:A5:398:ALA:HB2	1.65	0.77
1:A6:455:THR:O	1:A6:459:ILE:HG12	1.85	0.77
1:AH:99:ALA:HA	1:AH:104:GLN:OE1	1.85	0.77
1:AH:366:SER:HB2	1:AH:371:HIS:HB2	1.65	0.77
1:AI:122:GLU:HG3	1:AO:451:GLU:HG2	1.67	0.77
1:AK:82:MET:HE1	1:AK:441:ILE:HG22	1.67	0.77
1:AN:325:SER:HA	1:AN:330:GLY:HA3	1.66	0.77
1:AN:366:SER:HB2	1:AN:371:HIS:HB2	1.66	0.77
1:AR:423:GLY:O	1:AR:427:VAL:HG23	1.85	0.77
1:AX:74:MET:HB3	1:AX:137:MET:HE1	1.66	0.77
1:A7:184:MET:HA	1:A7:192:ASN:HD21	1.49	0.77
1:AB:120:LEU:HD21	1:AB:383:LEU:HG	1.67	0.77
1:AG:173:ARG:HD3	1:AG:357:ASP:HA	1.66	0.77
1:AL:68:ALA:HB3	1:AL:456:ILE:HD11	1.65	0.77

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AS:249:THR:HG22	1:AS:403:ASN:HD21	1.49	0.77
1:AU:89:LEU:HA	1:AU:92:ILE:CD1	2.15	0.77
1:A4:249:THR:HG22	1:A4:403:ASN:HD21	1.50	0.76
1:AD:264:ILE:HG23	1:AD:319:VAL:HG23	1.66	0.76
1:AE:99:ALA:HA	1:AE:104:GLN:OE1	1.85	0.76
1:AG:122:GLU:HG3	1:AP:451:GLU:CG	2.15	0.76
1:AG:366:SER:HB2	1:AG:371:HIS:HB2	1.65	0.76
1:AL:426:ILE:O	1:AL:430:MET:HG3	1.84	0.76
1:AR:78:ALA:HB2	1:AR:137:MET:CE	2.15	0.76
1:A3:17:VAL:HG21	1:AL:33:SER:HB2	1.67	0.76
1:A5:149:ILE:HD11	1:A5:157:VAL:HG23	1.68	0.76
1:A9:93:LYS:HG2	1:AK:60:ASN:HD21	1.49	0.76
1:AK:325:SER:HA	1:AK:330:GLY:HA3	1.67	0.76
1:AL:173:ARG:HD3	1:AL:357:ASP:HA	1.66	0.76
1:A4:303:ILE:HA	1:AF:234:PHE:CZ	2.20	0.76
1:A9:505:VAL:HG21	1:AA:25:LEU:HD21	1.67	0.76
1:AG:173:ARG:HH12	1:AG:378:GLU:HB3	1.50	0.76
1:AI:366:SER:HB2	1:AI:371:HIS:HB2	1.65	0.76
1:AQ:203:VAL:HG21	1:AQ:209:TYR:HD1	1.49	0.76
1:AS:167:ASP:HA	1:AS:384:ARG:HB2	1.67	0.76
1:AW:117:GLN:HE22	1:AW:387:ARG:HD2	1.49	0.76
1:A5:184:MET:HA	1:A5:192:ASN:HD21	1.49	0.76
1:A5:293:ASP:OD2	1:AE:110:ARG:HD3	1.85	0.76
1:A8:99:ALA:HA	1:A8:104:GLN:OE1	1.84	0.76
1:A8:173:ARG:HH12	1:A8:378:GLU:HB3	1.51	0.76
1:AB:74:MET:HB3	1:AB:137:MET:HE1	1.67	0.76
1:AD:99:ALA:HA	1:AD:104:GLN:OE1	1.83	0.76
1:AK:173:ARG:HH12	1:AK:378:GLU:HB3	1.48	0.76
1:AL:179:PHE:HD1	1:AL:184:MET:HE3	1.49	0.76
1:AO:99:ALA:HA	1:AO:104:GLN:OE1	1.85	0.76
1:AR:224:ILE:HG13	1:AR:244:TYR:HB2	1.67	0.76
1:A1:325:SER:HA	1:A1:330:GLY:HA3	1.67	0.76
1:A2:249:THR:HG22	1:A2:403:ASN:HD21	1.49	0.76
1:A3:319:VAL:HG12	1:A3:342:HIS:CE1	2.20	0.76
1:AC:249:THR:HG22	1:AC:403:ASN:HD21	1.49	0.76
1:AP:206:VAL:HG13	1:AP:207:ASN:OD1	1.85	0.76
1:AQ:184:MET:HA	1:AQ:192:ASN:HD21	1.50	0.76
1:A1:386:VAL:HG22	1:A1:427:VAL:HG22	1.68	0.76
1:A3:99:ALA:HA	1:A3:104:GLN:OE1	1.85	0.76
1:A4:325:SER:HA	1:A4:330:GLY:HA3	1.67	0.76
1:A6:505:VAL:HG21	1:AW:25:LEU:HD21	1.68	0.76

*Continued on next page...*



*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AJ:89:LEU:HA	1:AJ:92:ILE:CD1	2.16	0.76
1:AL:89:LEU:HA	1:AL:92:ILE:CD1	2.15	0.76
1:A3:262:LEU:O	1:A3:269:ILE:HG22	1.85	0.76
1:A6:234:PHE:HB3	1:A6:238:LEU:CD1	2.15	0.76
1:AG:60:ASN:HD21	1:AW:93:LYS:HG2	1.49	0.76
1:AM:249:THR:HG22	1:AM:403:ASN:HD21	1.51	0.76
1:AQ:496:SER:HB2	1:AR:512:LEU:HD23	1.68	0.76
1:AV:99:ALA:HB2	1:AV:112:LEU:CD2	2.14	0.76
1:A1:110:ARG:HD3	1:AV:293:ASP:OD2	1.86	0.76
1:A5:89:LEU:HA	1:A5:92:ILE:HD13	1.66	0.76
1:AE:89:LEU:HA	1:AE:92:ILE:CD1	2.15	0.76
1:AI:496:SER:CB	1:AO:512:LEU:HD23	2.16	0.76
1:AM:83:ASP:HB2	1:AM:442:ARG:NH2	2.01	0.76
1:AM:173:ARG:HH12	1:AM:378:GLU:HB3	1.50	0.76
1:AS:212:GLU:CD	1:AT:305:GLY:HA3	2.11	0.76
1:AW:99:ALA:HA	1:AW:104:GLN:OE1	1.86	0.76
1:AX:426:ILE:O	1:AX:430:MET:HG3	1.85	0.76
1:A6:212:GLU:CD	1:AW:305:GLY:HA3	2.11	0.76
1:AB:82:MET:HE1	1:AB:445:MET:SD	2.25	0.76
1:AM:455:THR:O	1:AM:459:ILE:HG23	1.85	0.76
1:AS:89:LEU:HA	1:AS:92:ILE:CD1	2.16	0.76
1:AS:149:ILE:HD12	1:AS:455:THR:HG21	1.66	0.76
1:AU:99:ALA:HA	1:AU:104:GLN:OE1	1.86	0.76
1:A2:25:LEU:CD2	1:AM:505:VAL:HG21	2.16	0.76
1:A2:366:SER:HB2	1:A2:371:HIS:HB2	1.68	0.76
1:A7:149:ILE:HD11	1:A7:157:VAL:HG23	1.68	0.76
1:AI:302:ASP:HB3	1:AI:308:ASN:HD21	1.51	0.76
1:AL:149:ILE:HD11	1:AL:157:VAL:HG23	1.67	0.76
1:AQ:167:ASP:HA	1:AQ:384:ARG:HB2	1.68	0.76
1:A1:25:LEU:CD2	1:AQ:505:VAL:HG21	2.16	0.75
1:A2:89:LEU:HA	1:A2:92:ILE:CD1	2.14	0.75
1:A4:89:LEU:HA	1:A4:92:ILE:CD1	2.16	0.75
1:A8:212:GLU:CD	1:AS:305:GLY:HA3	2.09	0.75
1:AF:366:SER:HB2	1:AF:371:HIS:HB2	1.65	0.75
1:AG:212:GLU:CD	1:AM:305:GLY:HA3	2.11	0.75
1:AH:122:GLU:HG3	1:AI:451:GLU:CG	2.15	0.75
1:AH:249:THR:HG22	1:AH:403:ASN:HD21	1.51	0.75
1:AJ:458:ASN:HD22	1:AU:126:ILE:HG12	1.51	0.75
1:AK:511:ARG:HH12	1:AK:512:LEU:HD12	1.51	0.75
1:AQ:122:GLU:HG3	1:AR:451:GLU:CG	2.15	0.75
1:AU:173:ARG:HH12	1:AU:378:GLU:HB3	1.51	0.75

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A2:25:LEU:HD21	1:AM:505:VAL:HG21	1.68	0.75
1:A2:74:MET:HB3	1:A2:137:MET:HE1	1.68	0.75
1:AE:263:THR:HG22	1:AE:268:GLU:HA	1.68	0.75
1:AG:455:THR:O	1:AG:459:ILE:HG23	1.85	0.75
1:AJ:499:MET:HE1	1:AP:479:ALA:HB1	1.66	0.75
1:AT:89:LEU:HA	1:AT:92:ILE:CD1	2.16	0.75
1:AV:173:ARG:HD3	1:AV:357:ASP:HA	1.67	0.75
1:A6:325:SER:HA	1:A6:330:GLY:HA3	1.66	0.75
1:AB:475:ASP:HB3	1:AH:4:ARG:HG2	1.67	0.75
1:AM:93:LYS:HG2	1:AU:60:ASN:HD21	1.51	0.75
1:AP:366:SER:HB2	1:AP:371:HIS:HB2	1.66	0.75
1:AU:149:ILE:HD11	1:AU:157:VAL:HG23	1.68	0.75
1:AU:501:GLN:O	1:AU:505:VAL:HG13	1.86	0.75
1:AX:455:THR:O	1:AX:459:ILE:HG12	1.85	0.75
1:A9:25:LEU:HD21	1:AH:505:VAL:HG21	1.68	0.75
1:AO:302:ASP:HB3	1:AO:308:ASN:ND2	2.01	0.75
1:AQ:88:ILE:HD11	1:AR:454:THR:HG21	1.69	0.75
1:AQ:325:SER:HA	1:AQ:330:GLY:HA3	1.67	0.75
1:AS:366:SER:HB2	1:AS:371:HIS:HB2	1.67	0.75
1:AS:501:GLN:O	1:AS:505:VAL:HG13	1.87	0.75
1:AW:302:ASP:HB3	1:AW:308:ASN:HD21	1.52	0.75
1:A1:184:MET:HE1	1:A1:345:ILE:CG1	2.16	0.75
1:A6:99:ALA:HA	1:A6:104:GLN:OE1	1.86	0.75
1:AH:234:PHE:HB3	1:AH:238:LEU:CD1	2.16	0.75
1:AJ:149:ILE:HD11	1:AJ:157:VAL:HG23	1.68	0.75
1:AO:83:ASP:HB2	1:AO:442:ARG:NH2	2.02	0.75
1:A3:117:GLN:HE21	1:A3:387:ARG:HD2	1.51	0.75
1:A3:512:LEU:HD23	1:AL:496:SER:OG	1.87	0.75
1:A5:496:SER:OG	1:AD:512:LEU:HD23	1.87	0.75
1:A6:122:GLU:HG3	1:AT:451:GLU:CG	2.16	0.75
1:A6:126:ILE:HG12	1:AT:458:ASN:HD22	1.52	0.75
1:AG:122:GLU:HG3	1:AP:451:GLU:HG2	1.69	0.75
1:AP:89:LEU:HA	1:AP:92:ILE:HD13	1.68	0.75
1:AX:120:LEU:HD11	1:AX:383:LEU:HG	1.67	0.75
1:AF:149:ILE:HD11	1:AF:157:VAL:HG23	1.68	0.75
1:A1:99:ALA:HB2	1:A1:112:LEU:CD2	2.13	0.75
1:A2:149:ILE:HD12	1:A2:455:THR:HG21	1.69	0.75
1:A5:173:ARG:HH12	1:A5:378:GLU:HB3	1.51	0.75
1:A7:511:ARG:NH1	1:A7:512:LEU:HG	2.02	0.75
1:A8:501:GLN:O	1:A8:505:VAL:HG13	1.87	0.75
1:A9:505:VAL:HG21	1:AA:25:LEU:CD2	2.17	0.75

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AA:167:ASP:HA	1:AA:384:ARG:HB2	1.68	0.75
1:AC:512:LEU:HD23	1:AO:496:SER:HB2	1.69	0.75
1:AJ:173:ARG:HD3	1:AJ:357:ASP:HA	1.68	0.75
1:AQ:83:ASP:HB2	1:AQ:442:ARG:NH2	2.01	0.75
1:AR:99:ALA:HB2	1:AR:112:LEU:CD2	2.17	0.75
1:AX:264:ILE:HG22	1:AX:319:VAL:HB	1.68	0.75
1:A1:88:ILE:CD1	1:AQ:454:THR:HG21	2.14	0.75
1:A9:233:ARG:HG2	1:A9:234:PHE:CD2	2.22	0.75
1:AA:89:LEU:HA	1:AA:92:ILE:CD1	2.17	0.75
1:AC:184:MET:HE1	1:AC:345:ILE:CG1	2.17	0.75
1:AF:173:ARG:HH12	1:AF:378:GLU:HB3	1.52	0.75
1:AH:82:MET:HE1	1:AH:441:ILE:HG22	1.68	0.75
1:AL:4:ARG:NH1	1:AT:472:GLN:HA	2.02	0.75
1:AU:184:MET:HE1	1:AU:345:ILE:CG1	2.15	0.75
1:AX:249:THR:HG22	1:AX:403:ASN:HD21	1.52	0.75
1:A1:173:ARG:HH12	1:A1:378:GLU:HB3	1.52	0.74
1:A2:212:GLU:CD	1:AV:305:GLY:HA3	2.11	0.74
1:A9:17:VAL:HG21	1:AA:33:SER:HB2	1.69	0.74
1:AG:167:ASP:HA	1:AG:384:ARG:HB2	1.69	0.74
1:AK:173:ARG:HD3	1:AK:357:ASP:HA	1.68	0.74
1:AP:99:ALA:HA	1:AP:104:GLN:OE1	1.87	0.74
1:AR:99:ALA:HA	1:AR:104:GLN:OE1	1.87	0.74
1:A1:17:VAL:HG21	1:AB:33:SER:HB2	1.69	0.74
1:A3:264:ILE:HG22	1:A3:319:VAL:CG2	2.10	0.74
1:A6:505:VAL:HG21	1:AW:25:LEU:CD2	2.18	0.74
1:A7:173:ARG:HD3	1:A7:357:ASP:HA	1.68	0.74
1:A9:110:ARG:HD3	1:AB:293:ASP:OD2	1.86	0.74
1:AA:120:LEU:HD21	1:AA:383:LEU:HG	1.69	0.74
1:AC:224:ILE:HD11	1:AC:246:VAL:CG2	2.17	0.74
1:AI:501:GLN:O	1:AI:505:VAL:HG13	1.88	0.74
1:AK:366:SER:HB2	1:AK:371:HIS:HB2	1.66	0.74
1:AK:501:GLN:O	1:AK:505:VAL:HG13	1.87	0.74
1:A5:451:GLU:CG	1:AK:122:GLU:HG3	2.17	0.74
1:A9:234:PHE:HB3	1:A9:238:LEU:CD1	2.17	0.74
1:AA:455:THR:O	1:AA:459:ILE:HG23	1.87	0.74
1:AB:366:SER:HB2	1:AB:371:HIS:HB2	1.68	0.74
1:AF:34:SER:HA	1:AN:17:VAL:HG11	1.68	0.74
1:AL:458:ASN:HD22	1:AP:126:ILE:HG12	1.51	0.74
1:AO:325:SER:HA	1:AO:330:GLY:HA3	1.67	0.74
1:AS:173:ARG:HD3	1:AS:357:ASP:HA	1.69	0.74
1:A1:212:GLU:CD	1:AB:305:GLY:HA3	2.11	0.74

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A2:122:GLU:HG3	1:AM:451:GLU:HG3	1.70	0.74
1:A3:263:THR:HG22	1:A3:268:GLU:HA	1.69	0.74
1:A4:25:LEU:CD2	1:AF:505:VAL:HG21	2.18	0.74
1:A7:184:MET:HE1	1:A7:345:ILE:CG1	2.17	0.74
1:AD:501:GLN:O	1:AD:505:VAL:HG13	1.88	0.74
1:AF:25:LEU:CD2	1:AN:505:VAL:HG21	2.17	0.74
1:AF:325:SER:HA	1:AF:330:GLY:HA3	1.68	0.74
1:AT:78:ALA:HB2	1:AT:137:MET:HE3	1.68	0.74
1:A2:451:GLU:HG3	1:AV:122:GLU:HB2	1.68	0.74
1:AC:167:ASP:HA	1:AC:384:ARG:HB2	1.70	0.74
1:AF:249:THR:HG22	1:AF:403:ASN:HD21	1.52	0.74
1:AK:89:LEU:HA	1:AK:92:ILE:CD1	2.17	0.74
1:AK:149:ILE:HD11	1:AK:157:VAL:HG23	1.68	0.74
1:AU:366:SER:HB2	1:AU:371:HIS:HB2	1.69	0.74
1:AV:89:LEU:HA	1:AV:92:ILE:CD1	2.17	0.74
1:AW:459:ILE:HA	1:AW:462:THR:CG2	2.18	0.74
1:A1:89:LEU:HA	1:A1:92:ILE:CD1	2.17	0.74
1:AA:184:MET:HE1	1:AA:345:ILE:CG1	2.16	0.74
1:AB:234:PHE:HB3	1:AB:238:LEU:CD1	2.17	0.74
1:AD:249:THR:HG22	1:AD:403:ASN:HD21	1.52	0.74
1:AD:455:THR:O	1:AD:459:ILE:HG23	1.86	0.74
1:AI:122:GLU:HG3	1:AO:451:GLU:CG	2.17	0.74
1:AJ:302:ASP:HB3	1:AJ:308:ASN:HD21	1.53	0.74
1:AS:251:GLY:N	1:AS:332:GLY:HA3	2.03	0.74
1:A3:348:LEU:HD21	1:A3:350:LEU:HD21	1.68	0.74
1:A9:212:GLU:CD	1:AA:305:GLY:HA3	2.13	0.74
1:AB:99:ALA:HB2	1:AB:112:LEU:CD2	2.14	0.74
1:AE:173:ARG:HD3	1:AE:357:ASP:HA	1.69	0.74
1:AE:501:GLN:O	1:AE:505:VAL:HG12	1.88	0.74
1:AF:251:GLY:N	1:AF:332:GLY:HA3	2.03	0.74
1:AH:293:ASP:OD2	1:AK:110:ARG:HD3	1.88	0.74
1:AM:510:LEU:HD12	1:AW:490:ILE:HG22	1.69	0.74
1:AR:426:ILE:O	1:AR:430:MET:HG3	1.87	0.74
1:AX:106:LEU:HD12	1:AX:107:GLU:N	2.01	0.74
1:A2:234:PHE:CZ	1:AV:303:ILE:HA	2.22	0.74
1:A3:226:ALA:O	1:A3:230:ILE:HG23	1.88	0.74
1:A4:305:GLY:HA3	1:AF:212:GLU:CD	2.13	0.74
1:A4:325:SER:CA	1:A4:330:GLY:HA3	2.18	0.74
1:A9:451:GLU:O	1:A9:455:THR:HG22	1.87	0.74
1:AB:249:THR:HG22	1:AB:403:ASN:HD21	1.53	0.74
1:AG:305:GLY:HA3	1:AP:212:GLU:CD	2.13	0.74

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AK:83:ASP:HB2	1:AK:442:ARG:NH2	2.02	0.74
1:AO:226:ALA:O	1:AO:230:ILE:HG23	1.87	0.74
1:AV:99:ALA:CB	1:AV:112:LEU:HD22	2.18	0.74
1:A1:179:PHE:HD1	1:A1:184:MET:HE3	1.53	0.74
1:A1:487:LYS:HE2	1:AH:6:ASN:O	1.87	0.74
1:A2:98:GLN:HG2	1:A2:112:LEU:HD21	1.70	0.74
1:A3:211:ILE:CD1	1:A3:238:LEU:HD11	2.17	0.74
1:A6:167:ASP:HA	1:A6:384:ARG:HB2	1.70	0.74
1:AD:6:ASN:HB2	1:AI:475:ASP:OD1	1.88	0.74
1:AP:501:GLN:O	1:AP:505:VAL:HG13	1.88	0.74
1:AS:461:VAL:HG11	1:AT:80:LYS:HB3	1.70	0.74
1:AU:302:ASP:HB3	1:AU:308:ASN:HD21	1.52	0.74
1:AW:325:SER:CA	1:AW:330:GLY:HA3	2.18	0.74
1:A2:234:PHE:HB3	1:A2:238:LEU:CD1	2.18	0.74
1:A9:366:SER:HB2	1:A9:371:HIS:HB2	1.68	0.74
1:AD:224:ILE:HD11	1:AD:246:VAL:CG2	2.17	0.74
1:AF:496:SER:OG	1:AN:512:LEU:HD23	1.88	0.74
1:AR:83:ASP:HB2	1:AR:442:ARG:NH2	2.03	0.74
1:AT:116:ILE:HD12	1:AT:418:VAL:HG21	1.69	0.74
1:A5:149:ILE:HD12	1:A5:455:THR:HG21	1.70	0.73
1:AC:25:LEU:CD2	1:AX:505:VAL:HG21	2.17	0.73
1:AF:83:ASP:HB2	1:AF:442:ARG:NH2	2.03	0.73
1:AH:184:MET:HE1	1:AH:345:ILE:HG12	1.70	0.73
1:AS:116:ILE:HD12	1:AS:418:VAL:HG21	1.69	0.73
1:AW:366:SER:HB2	1:AW:371:HIS:HB2	1.69	0.73
1:A5:451:GLU:HG2	1:AK:122:GLU:HG3	1.70	0.73
1:A7:38:ILE:CD1	1:A7:474:ARG:HA	2.17	0.73
1:A9:249:THR:HG22	1:A9:403:ASN:HD21	1.51	0.73
1:AD:146:GLU:HG2	1:AI:421:LEU:HD21	1.70	0.73
1:AI:499:MET:CE	1:AQ:479:ALA:HB1	2.18	0.73
1:AN:224:ILE:HG13	1:AN:244:TYR:HB2	1.71	0.73
1:AO:263:THR:HG22	1:AO:268:GLU:HA	1.70	0.73
1:AP:203:VAL:HG21	1:AP:209:TYR:HD1	1.53	0.73
1:AQ:234:PHE:HB3	1:AQ:238:LEU:CD1	2.17	0.73
1:AT:68:ALA:HB3	1:AT:456:ILE:HD11	1.70	0.73
1:AT:82:MET:CE	1:AT:441:ILE:HG22	2.15	0.73
1:AU:386:VAL:HG22	1:AU:427:VAL:HG22	1.68	0.73
1:AX:167:ASP:HA	1:AX:384:ARG:HB2	1.70	0.73
1:A4:173:ARG:HD3	1:A4:357:ASP:HA	1.70	0.73
1:A5:501:GLN:O	1:A5:505:VAL:HG13	1.88	0.73
1:A7:89:LEU:HA	1:A7:92:ILE:CD1	2.18	0.73

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A9:508:ASN:CA	1:A9:511:ARG:HG2	2.16	0.73
1:AA:325:SER:HA	1:AA:330:GLY:HA3	1.69	0.73
1:AT:366:SER:HB2	1:AT:371:HIS:HB2	1.68	0.73
1:A1:83:ASP:HB2	1:A1:442:ARG:NH2	2.03	0.73
1:A1:184:MET:HA	1:A1:192:ASN:HD21	1.52	0.73
1:A2:303:ILE:HA	1:AM:234:PHE:CZ	2.23	0.73
1:A6:173:ARG:HH12	1:A6:378:GLU:HB3	1.54	0.73
1:AD:99:ALA:HB2	1:AD:112:LEU:HD22	1.69	0.73
1:AF:99:ALA:HB2	1:AF:112:LEU:CD2	2.14	0.73
1:AF:325:SER:CA	1:AF:330:GLY:HA3	2.19	0.73
1:AO:366:SER:HB2	1:AO:371:HIS:HB2	1.70	0.73
1:AP:325:SER:HA	1:AP:330:GLY:HA3	1.68	0.73
1:AX:506:GLN:O	1:AX:509:VAL:HG12	1.88	0.73
1:A2:325:SER:CA	1:A2:330:GLY:HA3	2.18	0.73
1:A4:426:ILE:O	1:A4:430:MET:HG3	1.87	0.73
1:A9:302:ASP:HB3	1:A9:308:ASN:ND2	2.04	0.73
1:A9:455:THR:O	1:A9:459:ILE:HG23	1.88	0.73
1:AD:149:ILE:HD11	1:AD:157:VAL:HG23	1.70	0.73
1:AF:302:ASP:HB3	1:AF:308:ASN:HD21	1.53	0.73
1:AI:173:ARG:HH12	1:AI:378:GLU:HB3	1.52	0.73
1:AN:99:ALA:HA	1:AN:104:GLN:OE1	1.89	0.73
1:AR:249:THR:HG22	1:AR:403:ASN:HD21	1.52	0.73
1:AU:68:ALA:HB3	1:AU:456:ILE:CD1	2.16	0.73
1:AW:226:ALA:O	1:AW:230:ILE:HG23	1.88	0.73
1:A1:383:LEU:HA	1:A1:430:MET:HE2	1.71	0.73
1:AF:99:ALA:HA	1:AF:104:GLN:OE1	1.87	0.73
1:AP:251:GLY:N	1:AP:332:GLY:HA3	2.04	0.73
1:AQ:157:VAL:HG11	1:AQ:452:LEU:HD21	1.70	0.73
1:AT:383:LEU:HA	1:AT:430:MET:HE3	1.69	0.73
1:AW:173:ARG:HD3	1:AW:357:ASP:HA	1.71	0.73
1:A5:305:GLY:HA3	1:AD:212:GLU:CD	2.14	0.73
1:A8:303:ILE:HG13	1:AE:234:PHE:CE2	2.24	0.73
1:A8:496:SER:OG	1:AE:512:LEU:HD23	1.88	0.73
1:AE:249:THR:HG22	1:AE:403:ASN:HD21	1.53	0.73
1:AG:92:ILE:CG2	1:AG:116:ILE:HG23	2.18	0.73
1:AG:512:LEU:HD23	1:AM:496:SER:OG	1.89	0.73
1:AI:173:ARG:HD3	1:AI:357:ASP:HA	1.70	0.73
1:AN:173:ARG:HH12	1:AN:378:GLU:HB3	1.54	0.73
1:AP:173:ARG:HD3	1:AP:357:ASP:HA	1.70	0.73
1:AT:325:SER:HA	1:AT:330:GLY:HA3	1.70	0.73
1:AX:184:MET:HE1	1:AX:345:ILE:CG1	2.18	0.73

*Continued on next page...*



*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AX:511:ARG:NH1	1:AX:512:LEU:HG	2.03	0.73
1:A1:249:THR:HG22	1:A1:403:ASN:HD21	1.51	0.73
1:A9:25:LEU:CD2	1:AH:505:VAL:HG21	2.19	0.73
1:AA:70:ASP:O	1:AA:74:MET:HG3	1.88	0.73
1:AA:366:SER:HB2	1:AA:371:HIS:HB2	1.68	0.73
1:AC:303:ILE:HA	1:AX:234:PHE:CE2	2.24	0.73
1:AO:150:GLY:HA3	1:AO:155:THR:HB	1.71	0.73
1:AP:83:ASP:HB2	1:AP:442:ARG:NH2	2.04	0.73
1:AQ:89:LEU:HA	1:AQ:92:ILE:CD1	2.18	0.73
1:AQ:325:SER:CA	1:AQ:330:GLY:HA3	2.19	0.73
1:AS:511:ARG:HH12	1:AS:512:LEU:HD12	1.53	0.73
1:AU:203:VAL:HG21	1:AU:209:TYR:HD2	1.51	0.73
1:AV:291:VAL:HG23	1:AV:295:THR:CG2	2.18	0.73
1:A3:184:MET:HE1	1:A3:345:ILE:HD11	1.70	0.73
1:A6:249:THR:HG22	1:A6:403:ASN:HD21	1.54	0.73
1:A8:116:ILE:HD12	1:A8:418:VAL:HG21	1.70	0.73
1:AJ:469:ALA:O	1:AJ:473:ILE:HG22	1.89	0.73
1:AL:149:ILE:HD12	1:AL:455:THR:HG21	1.70	0.73
1:AP:279:ASP:HB3	1:AP:301:LEU:HD11	1.70	0.73
1:AR:68:ALA:HB3	1:AR:456:ILE:HD11	1.70	0.73
1:AR:173:ARG:HD3	1:AR:357:ASP:HA	1.69	0.73
1:AU:173:ARG:HD3	1:AU:357:ASP:HA	1.69	0.73
1:A1:454:THR:HG21	1:AB:88:ILE:HD11	1.71	0.73
1:A1:512:LEU:HD23	1:AB:496:SER:OG	1.89	0.73
1:A5:5:ILE:HD13	1:AI:490:ILE:HG21	1.70	0.73
1:A9:512:LEU:HD23	1:AA:496:SER:OG	1.88	0.73
1:AF:89:LEU:HA	1:AF:92:ILE:CD1	2.19	0.73
1:AH:122:GLU:HG3	1:AI:451:GLU:HG2	1.69	0.73
1:AH:179:PHE:HD1	1:AH:184:MET:HE3	1.54	0.73
1:AI:25:LEU:CD2	1:AO:505:VAL:HG21	2.19	0.73
1:AN:325:SER:CA	1:AN:330:GLY:HA3	2.19	0.73
1:AO:4:ARG:NH1	1:AQ:472:GLN:HA	2.04	0.73
1:AS:83:ASP:HB2	1:AS:442:ARG:NH2	2.04	0.73
1:AU:83:ASP:HB2	1:AU:442:ARG:NH2	2.04	0.73
1:AW:89:LEU:HA	1:AW:92:ILE:CD1	2.19	0.73
1:AX:89:LEU:HA	1:AX:92:ILE:CD1	2.19	0.73
1:A1:251:GLY:N	1:A1:332:GLY:HA3	2.04	0.72
1:A1:325:SER:CA	1:A1:330:GLY:HA3	2.19	0.72
1:A2:50:ILE:HD11	1:AV:133:ASN:ND2	2.03	0.72
1:A6:325:SER:CA	1:A6:330:GLY:HA3	2.19	0.72
1:A7:499:MET:HE1	1:AL:479:ALA:HB1	1.69	0.72

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A9:88:ILE:HG22	1:A9:92:ILE:HD11	1.71	0.72
1:AC:226:ALA:O	1:AC:230:ILE:HG23	1.88	0.72
1:AD:259:VAL:HG22	1:AD:324:ALA:HB1	1.70	0.72
1:AE:74:MET:HE3	1:AE:137:MET:HE1	1.71	0.72
1:AL:173:ARG:CD	1:AL:357:ASP:HA	2.19	0.72
1:AS:173:ARG:HH12	1:AS:378:GLU:HB3	1.54	0.72
1:AT:167:ASP:HA	1:AT:384:ARG:HB2	1.71	0.72
1:A5:366:SER:HB2	1:A5:371:HIS:HB2	1.70	0.72
1:A6:126:ILE:HG12	1:AT:458:ASN:ND2	2.04	0.72
1:A6:251:GLY:N	1:A6:332:GLY:HA3	2.04	0.72
1:A9:173:ARG:HD3	1:A9:357:ASP:HA	1.69	0.72
1:AC:89:LEU:HA	1:AC:92:ILE:CD1	2.18	0.72
1:AC:259:VAL:HG22	1:AC:324:ALA:HB1	1.69	0.72
1:AJ:495:GLY:O	1:AJ:499:MET:HG3	1.89	0.72
1:AK:461:VAL:HG11	1:AN:80:LYS:HB3	1.71	0.72
1:AN:149:ILE:HD12	1:AN:455:THR:HG21	1.70	0.72
1:AQ:249:THR:HG22	1:AQ:403:ASN:HD21	1.54	0.72
1:AQ:251:GLY:N	1:AQ:332:GLY:HA3	2.04	0.72
1:AR:211:ILE:HD11	1:AR:238:LEU:HD11	1.70	0.72
1:A4:226:ALA:O	1:A4:230:ILE:HG23	1.89	0.72
1:A5:38:ILE:CD1	1:A5:474:ARG:HA	2.19	0.72
1:A5:83:ASP:HB2	1:A5:442:ARG:NH2	2.04	0.72
1:A5:461:VAL:HG11	1:AK:80:LYS:HB3	1.71	0.72
1:A7:117:GLN:HE21	1:A7:387:ARG:HD2	1.52	0.72
1:AA:396:SER:HA	1:AA:401:ASN:HD22	1.54	0.72
1:AE:211:ILE:HD11	1:AE:238:LEU:HD11	1.71	0.72
1:AJ:226:ALA:O	1:AJ:230:ILE:HG23	1.89	0.72
1:AO:89:LEU:HA	1:AO:92:ILE:CD1	2.17	0.72
1:AQ:203:VAL:HG21	1:AQ:209:TYR:CD1	2.24	0.72
1:AR:173:ARG:HH12	1:AR:378:GLU:HB3	1.52	0.72
1:AS:263:THR:HG22	1:AS:268:GLU:HA	1.71	0.72
1:AT:83:ASP:HB2	1:AT:442:ARG:NH2	2.04	0.72
1:A4:92:ILE:CG2	1:A4:116:ILE:HG23	2.20	0.72
1:A4:481:GLU:OE2	1:A4:481:GLU:HA	1.89	0.72
1:A5:150:GLY:HA3	1:A5:155:THR:HB	1.69	0.72
1:A7:454:THR:HB	1:AJ:122:GLU:OE2	1.88	0.72
1:AA:226:ALA:O	1:AA:230:ILE:HG23	1.89	0.72
1:AB:226:ALA:O	1:AB:230:ILE:HG23	1.88	0.72
1:AC:150:GLY:HA3	1:AC:155:THR:HB	1.71	0.72
1:AG:33:SER:HB2	1:AP:17:VAL:HG21	1.70	0.72
1:AH:302:ASP:HB3	1:AH:308:ASN:HD21	1.53	0.72

*Continued on next page...*



*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AK:251:GLY:N	1:AK:332:GLY:HA3	2.04	0.72
1:AR:80:LYS:HB3	1:AU:461:VAL:HG11	1.71	0.72
1:AR:120:LEU:HD21	1:AR:383:LEU:HG	1.71	0.72
1:AR:206:VAL:HG13	1:AR:207:ASN:OD1	1.89	0.72
1:AS:179:PHE:HA	1:AS:184:MET:SD	2.28	0.72
1:AU:116:ILE:HD12	1:AU:418:VAL:HG21	1.71	0.72
1:AX:226:ALA:O	1:AX:230:ILE:HG23	1.90	0.72
1:A1:366:SER:HB2	1:A1:371:HIS:HB2	1.71	0.72
1:A3:249:THR:HG22	1:A3:403:ASN:HD21	1.53	0.72
1:A7:146:GLU:HG2	1:AP:421:LEU:HD21	1.70	0.72
1:A9:251:GLY:N	1:A9:332:GLY:HA3	2.05	0.72
1:A9:325:SER:CA	1:A9:330:GLY:HA3	2.18	0.72
1:AC:68:ALA:HB3	1:AC:456:ILE:HD11	1.71	0.72
1:AH:496:SER:OG	1:AI:512:LEU:HD23	1.89	0.72
1:AP:455:THR:O	1:AP:459:ILE:HG23	1.90	0.72
1:AQ:25:LEU:CD2	1:AR:505:VAL:HG21	2.19	0.72
1:AR:38:ILE:HD11	1:AR:44:ASP:HB3	1.70	0.72
1:A1:203:VAL:HG21	1:A1:209:TYR:HD2	1.55	0.72
1:A2:99:ALA:HA	1:A2:104:GLN:OE1	1.88	0.72
1:A4:25:LEU:HD21	1:AF:505:VAL:HG21	1.71	0.72
1:AJ:224:ILE:HD11	1:AJ:246:VAL:CG2	2.20	0.72
1:AL:173:ARG:HH12	1:AL:378:GLU:HB3	1.55	0.72
1:AL:224:ILE:HD11	1:AL:246:VAL:CG2	2.19	0.72
1:AU:469:ALA:O	1:AU:473:ILE:HG22	1.89	0.72
1:AV:325:SER:CA	1:AV:330:GLY:HA3	2.19	0.72
1:A1:496:SER:OG	1:AQ:512:LEU:HD23	1.89	0.72
1:A4:496:SER:OG	1:AF:512:LEU:HD23	1.90	0.72
1:A6:496:SER:OG	1:AT:512:LEU:HD23	1.89	0.72
1:A7:9:ILE:HD11	1:AP:468:ALA:HA	1.71	0.72
1:A8:122:GLU:OE2	1:AE:454:THR:HB	1.89	0.72
1:A9:496:SER:OG	1:AH:512:LEU:HD23	1.89	0.72
1:AC:83:ASP:HB2	1:AC:442:ARG:NH2	2.05	0.72
1:AI:325:SER:CA	1:AI:330:GLY:HA3	2.20	0.72
1:AJ:260:ARG:O	1:AJ:261:GLU:HG3	1.89	0.72
1:AL:454:THR:HB	1:AP:122:GLU:OE2	1.90	0.72
1:A1:167:ASP:HA	1:A1:384:ARG:HB2	1.70	0.72
1:A2:99:ALA:CB	1:A2:112:LEU:HD22	2.13	0.72
1:A4:112:LEU:O	1:A4:116:ILE:HG13	1.89	0.72
1:A8:173:ARG:HD3	1:A8:357:ASP:HA	1.70	0.72
1:AB:173:ARG:HD3	1:AB:357:ASP:HA	1.70	0.72
1:AG:130:THR:HB	1:AG:138:LEU:HD12	1.72	0.72

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AI:83:ASP:HB2	1:AI:442:ARG:NH2	2.04	0.72
1:AN:68:ALA:HB3	1:AN:456:ILE:CD1	2.13	0.72
1:AN:68:ALA:CB	1:AN:456:ILE:HD11	2.14	0.72
1:AU:421:LEU:HD21	1:AX:146:GLU:HG2	1.72	0.72
1:A5:303:ILE:HG13	1:AD:234:PHE:CD2	2.25	0.72
1:AA:325:SER:CA	1:AA:330:GLY:HA3	2.20	0.72
1:AB:99:ALA:CB	1:AB:112:LEU:HD22	2.16	0.72
1:AC:501:GLN:O	1:AC:505:VAL:HG13	1.89	0.72
1:AG:279:ASP:HB3	1:AG:301:LEU:HD11	1.70	0.72
1:AJ:173:ARG:HH12	1:AJ:378:GLU:HB3	1.53	0.72
1:AL:83:ASP:HB2	1:AL:442:ARG:NH2	2.05	0.72
1:AN:83:ASP:HB2	1:AN:442:ARG:NH2	2.05	0.72
1:AN:99:ALA:CB	1:AN:112:LEU:HD22	2.18	0.72
1:AN:173:ARG:CD	1:AN:357:ASP:HA	2.18	0.72
1:AP:511:ARG:NH1	1:AP:512:LEU:HG	2.05	0.72
1:AR:469:ALA:O	1:AR:473:ILE:HG22	1.90	0.72
1:AV:99:ALA:HA	1:AV:104:GLN:OE1	1.89	0.72
1:A4:98:GLN:HG2	1:A4:112:LEU:HD21	1.72	0.72
1:A5:469:ALA:O	1:A5:473:ILE:HG22	1.90	0.72
1:A6:25:LEU:CD2	1:AT:505:VAL:HG21	2.18	0.72
1:A8:226:ALA:O	1:A8:230:ILE:HG23	1.90	0.72
1:A9:103:GLY:HA2	1:AK:74:MET:CE	2.20	0.72
1:AO:224:ILE:HD11	1:AO:246:VAL:CG2	2.20	0.72
1:AP:495:GLY:O	1:AP:499:MET:HG3	1.89	0.72
1:AX:144:ASN:HD22	1:AX:144:ASN:C	1.97	0.72
1:A2:251:GLY:N	1:A2:332:GLY:HA3	2.04	0.71
1:A6:203:VAL:HG21	1:A6:209:TYR:HD1	1.54	0.71
1:A8:83:ASP:HB2	1:A8:442:ARG:NH2	2.05	0.71
1:AC:264:ILE:HG22	1:AC:319:VAL:CG2	2.19	0.71
1:AC:469:ALA:O	1:AC:473:ILE:HG22	1.90	0.71
1:AD:89:LEU:HA	1:AD:92:ILE:CD1	2.19	0.71
1:AG:249:THR:HG22	1:AG:403:ASN:HD21	1.54	0.71
1:AL:302:ASP:HB3	1:AL:308:ASN:HD21	1.54	0.71
1:AQ:80:LYS:HB3	1:AR:461:VAL:HG11	1.72	0.71
1:AS:206:VAL:HG13	1:AS:207:ASN:OD1	1.89	0.71
1:AU:325:SER:HA	1:AU:330:GLY:HA3	1.70	0.71
1:A1:99:ALA:CB	1:A1:112:LEU:HD22	2.14	0.71
1:A2:305:GLY:HA3	1:AM:212:GLU:CD	2.14	0.71
1:A2:312:ILE:H	1:A2:312:ILE:HD12	1.55	0.71
1:A7:506:GLN:O	1:A7:509:VAL:HG12	1.90	0.71
1:A8:89:LEU:HA	1:A8:92:ILE:CD1	2.19	0.71

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AD:150:GLY:HA3	1:AD:155:THR:HB	1.71	0.71
1:AD:182:GLU:HG2	1:AD:183:GLY:N	2.05	0.71
1:AG:469:ALA:O	1:AG:473:ILE:HG22	1.90	0.71
1:AH:325:SER:CA	1:AH:330:GLY:HA3	2.19	0.71
1:AJ:83:ASP:HB2	1:AJ:442:ARG:NH2	2.05	0.71
1:AK:325:SER:CA	1:AK:330:GLY:HA3	2.19	0.71
1:AL:508:ASN:CA	1:AL:511:ARG:HG2	2.18	0.71
1:AM:74:MET:HB3	1:AM:137:MET:HE1	1.72	0.71
1:AO:469:ALA:O	1:AO:473:ILE:HG22	1.90	0.71
1:AT:173:ARG:HH12	1:AT:378:GLU:HB3	1.55	0.71
1:AT:325:SER:CA	1:AT:330:GLY:HA3	2.20	0.71
1:A5:325:SER:HA	1:A5:330:GLY:HA3	1.72	0.71
1:A6:226:ALA:O	1:A6:230:ILE:HG23	1.90	0.71
1:AC:80:LYS:HB3	1:AX:461:VAL:HG11	1.71	0.71
1:AH:83:ASP:HB2	1:AH:442:ARG:NH2	2.06	0.71
1:AI:99:ALA:HA	1:AI:104:GLN:OE1	1.90	0.71
1:AN:98:GLN:HG2	1:AN:112:LEU:HD21	1.72	0.71
1:AQ:173:ARG:HD3	1:AQ:357:ASP:HA	1.72	0.71
1:AR:173:ARG:CD	1:AR:357:ASP:HA	2.20	0.71
1:AU:251:GLY:N	1:AU:332:GLY:HA3	2.05	0.71
1:AX:224:ILE:HD11	1:AX:246:VAL:CG2	2.20	0.71
1:A2:496:SER:OG	1:AM:512:LEU:HD23	1.90	0.71
1:A3:212:GLU:CD	1:AL:305:GLY:HA3	2.15	0.71
1:A4:234:PHE:HB3	1:A4:238:LEU:CD1	2.19	0.71
1:A5:224:ILE:HD11	1:A5:246:VAL:CG2	2.20	0.71
1:A6:83:ASP:HB2	1:A6:442:ARG:NH2	2.05	0.71
1:A8:302:ASP:HB3	1:A8:308:ASN:ND2	2.05	0.71
1:AB:82:MET:O	1:AB:86:ILE:HG13	1.91	0.71
1:AE:262:LEU:O	1:AE:269:ILE:HG22	1.89	0.71
1:AG:173:ARG:CD	1:AG:357:ASP:HA	2.20	0.71
1:AL:167:ASP:HA	1:AL:384:ARG:HB2	1.71	0.71
1:AM:173:ARG:HD3	1:AM:357:ASP:HA	1.72	0.71
1:AM:396:SER:HA	1:AM:401:ASN:HD22	1.55	0.71
1:AO:68:ALA:HB3	1:AO:456:ILE:HD11	1.73	0.71
1:AP:256:SER:HA	1:AP:275:VAL:O	1.91	0.71
1:AQ:133:ASN:ND2	1:AR:50:ILE:HD11	2.05	0.71
1:AS:277:LYS:HG2	1:AS:278:ASN:ND2	2.06	0.71
1:AC:84:GLU:OE1	1:AC:84:GLU:HA	1.90	0.71
1:AF:80:LYS:HB3	1:AN:461:VAL:HG11	1.73	0.71
1:AK:224:ILE:HG13	1:AK:244:TYR:HB2	1.72	0.71
1:AL:469:ALA:O	1:AL:473:ILE:HG22	1.90	0.71

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AM:251:GLY:N	1:AM:332:GLY:HA3	2.06	0.71
1:AN:99:ALA:HB2	1:AN:112:LEU:CD2	2.16	0.71
1:AP:325:SER:CA	1:AP:330:GLY:HA3	2.20	0.71
1:AQ:8:ASN:HB3	1:AQ:11:ALA:HB3	1.73	0.71
1:AT:189:ALA:HA	1:AT:192:ASN:OD1	1.90	0.71
1:AU:224:ILE:HG13	1:AU:244:TYR:HB2	1.73	0.71
1:AV:234:PHE:HB3	1:AV:238:LEU:CD1	2.21	0.71
1:A1:92:ILE:CG2	1:A1:116:ILE:HG12	2.20	0.71
1:A1:117:GLN:HE22	1:A1:387:ARG:HD2	1.56	0.71
1:A1:481:GLU:OE1	1:A1:481:GLU:HA	1.90	0.71
1:A5:173:ARG:CD	1:A5:357:ASP:HA	2.20	0.71
1:A5:264:ILE:HG22	1:A5:319:VAL:HB	1.71	0.71
1:A6:398:ALA:CB	1:A6:426:ILE:HD11	2.19	0.71
1:A6:512:LEU:HD23	1:AW:496:SER:OG	1.90	0.71
1:A8:451:GLU:CG	1:AS:122:GLU:HB2	2.20	0.71
1:AC:461:VAL:HG11	1:AO:80:LYS:HB3	1.72	0.71
1:AF:88:ILE:HG22	1:AF:92:ILE:HD11	1.72	0.71
1:AH:173:ARG:HD3	1:AH:357:ASP:HA	1.72	0.71
1:AI:89:LEU:HA	1:AI:92:ILE:CD1	2.20	0.71
1:AN:302:ASP:HB3	1:AN:308:ASN:HD21	1.55	0.71
1:AR:325:SER:CA	1:AR:330:GLY:HA3	2.21	0.71
1:AS:325:SER:CA	1:AS:330:GLY:HA3	2.20	0.71
1:AS:451:GLU:HG2	1:AT:122:GLU:HG3	1.72	0.71
1:A1:303:ILE:HD12	1:AQ:234:PHE:CE2	2.25	0.71
1:A2:325:SER:HA	1:A2:330:GLY:HA3	1.70	0.71
1:A5:511:ARG:HH12	1:A5:512:LEU:CD1	2.04	0.71
1:A8:469:ALA:O	1:A8:473:ILE:HG22	1.90	0.71
1:AD:366:SER:HB2	1:AD:371:HIS:HB2	1.72	0.71
1:AI:226:ALA:O	1:AI:230:ILE:HG23	1.91	0.71
1:AU:226:ALA:O	1:AU:230:ILE:HG23	1.91	0.71
1:A3:366:SER:HB2	1:A3:371:HIS:HB2	1.70	0.71
1:A8:234:PHE:HB3	1:A8:238:LEU:CD1	2.20	0.71
1:AA:83:ASP:HB2	1:AA:442:ARG:NH2	2.06	0.71
1:AD:511:ARG:NH1	1:AD:512:LEU:HD13	2.02	0.71
1:AM:325:SER:CA	1:AM:330:GLY:HA3	2.20	0.71
1:AP:226:ALA:O	1:AP:230:ILE:HG23	1.90	0.71
1:A4:117:GLN:HE22	1:A4:387:ARG:HD2	1.56	0.71
1:A4:251:GLY:N	1:A4:332:GLY:HA3	2.05	0.71
1:A6:93:LYS:HE2	1:AP:60:ASN:ND2	2.05	0.71
1:A6:396:SER:HA	1:A6:401:ASN:HD22	1.55	0.71
1:AH:167:ASP:HA	1:AH:384:ARG:HB2	1.71	0.71

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AK:173:ARG:CD	1:AK:357:ASP:HA	2.20	0.71
1:AN:234:PHE:HB3	1:AN:238:LEU:HD11	1.72	0.71
1:AS:226:ALA:O	1:AS:230:ILE:HG23	1.91	0.71
1:AT:234:PHE:O	1:AT:238:LEU:HD12	1.91	0.71
1:AU:312:ILE:H	1:AU:312:ILE:HD12	1.54	0.71
1:AV:82:MET:O	1:AV:86:ILE:HG13	1.90	0.71
1:A4:366:SER:HB2	1:A4:371:HIS:HB2	1.70	0.71
1:A5:60:ASN:HD21	1:AH:93:LYS:HE2	1.56	0.71
1:AE:4:ARG:NH1	1:AK:472:GLN:HA	2.06	0.71
1:AE:226:ALA:O	1:AE:230:ILE:HG23	1.91	0.71
1:AF:99:ALA:CB	1:AF:112:LEU:HD22	2.15	0.71
1:AJ:150:GLY:HA3	1:AJ:155:THR:HB	1.73	0.71
1:AO:173:ARG:HD3	1:AO:357:ASP:HA	1.71	0.71
1:AT:179:PHE:HD1	1:AT:184:MET:HE3	1.56	0.71
1:A1:120:LEU:HD21	1:A1:383:LEU:HG	1.71	0.70
1:A1:234:PHE:HB3	1:A1:238:LEU:CD1	2.20	0.70
1:A4:99:ALA:CB	1:A4:112:LEU:HD22	2.19	0.70
1:A9:226:ALA:O	1:A9:230:ILE:HG23	1.91	0.70
1:AC:146:GLU:OE1	1:AC:156:THR:HG21	1.91	0.70
1:AG:80:LYS:HB3	1:AP:461:VAL:HG11	1.73	0.70
1:AI:249:THR:HG22	1:AI:403:ASN:HD21	1.55	0.70
1:AJ:491:LEU:HD11	1:AX:6:ASN:OD1	1.90	0.70
1:AO:325:SER:CA	1:AO:330:GLY:HA3	2.21	0.70
1:AQ:4:ARG:NH1	1:AV:472:GLN:HA	2.06	0.70
1:AQ:184:MET:O	1:AQ:184:MET:HE3	1.90	0.70
1:AR:251:GLY:N	1:AR:332:GLY:HA3	2.05	0.70
1:AT:173:ARG:HD3	1:AT:357:ASP:HA	1.73	0.70
1:AU:468:ALA:HA	1:AX:9:ILE:HD11	1.73	0.70
1:AV:291:VAL:O	1:AV:295:THR:HG23	1.91	0.70
1:AX:366:SER:HB2	1:AX:371:HIS:HB2	1.72	0.70
1:A2:17:VAL:HG21	1:AV:33:SER:HB2	1.71	0.70
1:A6:80:LYS:HB3	1:AT:461:VAL:HG11	1.73	0.70
1:A7:370:PHE:HA	1:A7:376:VAL:HG11	1.73	0.70
1:A7:505:VAL:HG21	1:AJ:25:LEU:CD2	2.21	0.70
1:A8:325:SER:HA	1:A8:330:GLY:HA3	1.72	0.70
1:AD:291:VAL:HG23	1:AD:295:THR:CG2	2.21	0.70
1:AF:173:ARG:HD3	1:AF:357:ASP:HA	1.73	0.70
1:AG:256:SER:HA	1:AG:275:VAL:O	1.91	0.70
1:AI:256:SER:HA	1:AI:275:VAL:O	1.91	0.70
1:AI:469:ALA:O	1:AI:473:ILE:HG22	1.90	0.70
1:AX:149:ILE:HD11	1:AX:157:VAL:CG2	2.21	0.70

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A5:277:LYS:HG2	1:A5:278:ASN:ND2	2.05	0.70
1:A8:366:SER:HB2	1:A8:371:HIS:HB2	1.70	0.70
1:A8:461:VAL:HG11	1:AS:80:LYS:HB3	1.74	0.70
1:AB:291:VAL:HG23	1:AB:295:THR:CG2	2.22	0.70
1:AD:260:ARG:O	1:AD:261:GLU:HG3	1.91	0.70
1:AE:116:ILE:HD13	1:AE:418:VAL:HG21	1.71	0.70
1:AG:468:ALA:HA	1:AJ:9:ILE:HD11	1.73	0.70
1:AU:93:LYS:HE2	1:AX:60:ASN:HD21	1.55	0.70
1:AX:203:VAL:HG21	1:AX:209:TYR:HD2	1.54	0.70
1:A1:302:ASP:HB3	1:A1:308:ASN:HD21	1.56	0.70
1:A7:469:ALA:O	1:A7:473:ILE:HG22	1.90	0.70
1:AD:98:GLN:HG2	1:AD:112:LEU:HD21	1.74	0.70
1:AI:80:LYS:HB3	1:AO:461:VAL:HG11	1.74	0.70
1:AI:224:ILE:HD11	1:AI:246:VAL:CG2	2.22	0.70
1:AK:149:ILE:HD11	1:AK:157:VAL:CG2	2.21	0.70
1:AM:149:ILE:HD11	1:AM:157:VAL:HG23	1.72	0.70
1:AM:366:SER:CB	1:AM:371:HIS:HB2	2.22	0.70
1:AQ:226:ALA:O	1:AQ:230:ILE:HG23	1.91	0.70
1:AU:328:VAL:HG23	1:AU:329:PHE:CE1	2.27	0.70
1:AV:19:VAL:O	1:AV:23:ARG:HG3	1.91	0.70
1:AX:469:ALA:O	1:AX:473:ILE:HG22	1.90	0.70
1:A3:505:VAL:HG21	1:AL:25:LEU:CD2	2.21	0.70
1:A4:291:VAL:HG23	1:A4:295:THR:CG2	2.21	0.70
1:AF:291:VAL:HG23	1:AF:295:THR:CG2	2.21	0.70
1:AH:226:ALA:O	1:AH:230:ILE:HG23	1.91	0.70
1:AH:396:SER:HA	1:AH:401:ASN:HD22	1.57	0.70
1:AJ:461:VAL:HG11	1:AU:80:LYS:HB3	1.73	0.70
1:AJ:506:GLN:O	1:AJ:509:VAL:HG12	1.91	0.70
1:AM:89:LEU:HA	1:AM:92:ILE:CD1	2.22	0.70
1:AN:88:ILE:HG22	1:AN:92:ILE:HD11	1.73	0.70
1:AN:495:GLY:O	1:AN:499:MET:HG3	1.90	0.70
1:AO:251:GLY:N	1:AO:332:GLY:HA3	2.07	0.70
1:AO:495:GLY:O	1:AO:499:MET:HG3	1.91	0.70
1:AP:167:ASP:HA	1:AP:384:ARG:HB2	1.71	0.70
1:AP:173:ARG:CD	1:AP:357:ASP:HA	2.21	0.70
1:AS:383:LEU:HA	1:AS:430:MET:CE	2.22	0.70
1:AT:249:THR:HG22	1:AT:403:ASN:HD21	1.55	0.70
1:AU:325:SER:CA	1:AU:330:GLY:HA3	2.21	0.70
1:AW:251:GLY:N	1:AW:332:GLY:HA3	2.05	0.70
1:AW:383:LEU:HA	1:AW:430:MET:CE	2.22	0.70
1:A2:184:MET:HE1	1:A2:345:ILE:CG1	2.21	0.70

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AG:325:SER:CA	1:AG:330:GLY:HA3	2.22	0.70
1:AH:469:ALA:O	1:AH:473:ILE:HG22	1.91	0.70
1:AP:328:VAL:HG23	1:AP:329:PHE:CE1	2.26	0.70
1:AR:122:GLU:OE2	1:AU:454:THR:HB	1.91	0.70
1:AR:325:SER:HA	1:AR:330:GLY:HA3	1.71	0.70
1:A1:80:LYS:HB3	1:AQ:461:VAL:HG11	1.74	0.70
1:A2:92:ILE:CG2	1:A2:116:ILE:HG12	2.19	0.70
1:A2:173:ARG:HD3	1:A2:357:ASP:HA	1.72	0.70
1:A3:195:GLU:OE1	1:A3:215:ARG:HG2	1.92	0.70
1:A4:312:ILE:H	1:A4:312:ILE:HD12	1.55	0.70
1:A6:89:LEU:HA	1:A6:92:ILE:CD1	2.21	0.70
1:AG:116:ILE:CD1	1:AG:418:VAL:HG21	2.21	0.70
1:AG:251:GLY:N	1:AG:332:GLY:HA3	2.06	0.70
1:AI:251:GLY:N	1:AI:332:GLY:HA3	2.06	0.70
1:AK:256:SER:HA	1:AK:275:VAL:O	1.92	0.70
1:AK:422:LYS:O	1:AK:426:ILE:HD13	1.92	0.70
1:AL:279:ASP:HB3	1:AL:301:LEU:HD11	1.74	0.70
1:AU:173:ARG:CD	1:AU:357:ASP:HA	2.22	0.70
1:A3:224:ILE:HD11	1:A3:246:VAL:CG2	2.21	0.70
1:A6:294:ARG:NH2	1:AP:206:VAL:HG11	2.06	0.70
1:A6:366:SER:CB	1:A6:371:HIS:HB2	2.21	0.70
1:A8:80:LYS:HB3	1:AE:461:VAL:HG11	1.74	0.70
1:A8:426:ILE:O	1:A8:430:MET:HG3	1.92	0.70
1:A9:89:LEU:HA	1:A9:92:ILE:CD1	2.21	0.70
1:AE:9:ILE:HD11	1:AK:468:ALA:HA	1.72	0.70
1:AI:302:ASP:HB3	1:AI:308:ASN:ND2	2.06	0.70
1:AL:186:ALA:CB	1:AL:334:PHE:HB2	2.22	0.70
1:AN:89:LEU:HA	1:AN:92:ILE:CD1	2.21	0.70
1:AN:251:GLY:N	1:AN:332:GLY:HA3	2.05	0.70
1:AR:186:ALA:CB	1:AR:334:PHE:HB2	2.22	0.70
1:AT:251:GLY:N	1:AT:332:GLY:HA3	2.05	0.70
1:A2:505:VAL:HG21	1:AV:25:LEU:CD2	2.21	0.70
1:A6:291:VAL:O	1:A6:295:THR:HG23	1.92	0.70
1:A9:501:GLN:HG3	1:AA:485:PHE:CE2	2.26	0.70
1:AG:99:ALA:CB	1:AG:112:LEU:HD22	2.15	0.70
1:A1:226:ALA:O	1:A1:230:ILE:HG23	1.92	0.70
1:A7:6:ASN:O	1:AL:487:LYS:HE3	1.92	0.70
1:AA:74:MET:HB3	1:AA:137:MET:CE	2.21	0.70
1:AJ:173:ARG:CD	1:AJ:357:ASP:HA	2.21	0.70
1:AK:469:ALA:O	1:AK:473:ILE:HG22	1.90	0.70
1:AL:505:VAL:HG21	1:AP:25:LEU:CD2	2.21	0.70

*Continued on next page...*



*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AO:184:MET:HE1	1:AO:345:ILE:CG1	2.22	0.70
1:AR:256:SER:HA	1:AR:275:VAL:O	1.92	0.70
1:A7:150:GLY:HA3	1:A7:155:THR:HB	1.73	0.69
1:A8:150:GLY:HA3	1:A8:155:THR:HB	1.72	0.69
1:A9:396:SER:HA	1:A9:401:ASN:HD22	1.56	0.69
1:AC:366:SER:HB2	1:AC:371:HIS:HB2	1.74	0.69
1:AE:179:PHE:HD1	1:AE:184:MET:HE3	1.56	0.69
1:AF:93:LYS:HG2	1:AS:60:ASN:HD21	1.57	0.69
1:AG:179:PHE:HZ	1:AG:344:VAL:HG13	1.55	0.69
1:AI:173:ARG:CD	1:AI:357:ASP:HA	2.21	0.69
1:AJ:458:ASN:ND2	1:AU:126:ILE:HG12	2.06	0.69
1:AN:117:GLN:NE2	1:AN:387:ARG:HD2	2.07	0.69
1:AO:74:MET:CE	1:AO:137:MET:HE1	2.20	0.69
1:AO:396:SER:HA	1:AO:401:ASN:HD22	1.57	0.69
1:AS:186:ALA:CB	1:AS:334:PHE:HB2	2.21	0.69
1:AT:184:MET:HE1	1:AT:345:ILE:CG1	2.22	0.69
1:AX:259:VAL:HG22	1:AX:324:ALA:HB1	1.73	0.69
1:A2:173:ARG:HH12	1:A2:378:GLU:HB3	1.57	0.69
1:A4:122:GLU:OE2	1:AF:454:THR:HB	1.91	0.69
1:AD:186:ALA:CB	1:AD:334:PHE:HB2	2.22	0.69
1:AE:173:ARG:CD	1:AE:357:ASP:HA	2.21	0.69
1:AF:88:ILE:HD11	1:AN:454:THR:HG21	1.73	0.69
1:AG:149:ILE:HD12	1:AG:455:THR:HG21	1.74	0.69
1:AK:302:ASP:HB3	1:AK:308:ASN:ND2	2.07	0.69
1:AM:88:ILE:HG22	1:AM:92:ILE:HD11	1.73	0.69
1:AN:469:ALA:O	1:AN:473:ILE:HG22	1.92	0.69
1:AQ:256:SER:HA	1:AQ:275:VAL:O	1.93	0.69
1:AT:226:ALA:O	1:AT:230:ILE:HG23	1.92	0.69
1:AU:117:GLN:HE21	1:AU:387:ARG:HD2	1.56	0.69
1:AV:98:GLN:HG2	1:AV:112:LEU:HD21	1.72	0.69
1:AW:396:SER:HA	1:AW:401:ASN:HD22	1.57	0.69
1:A7:451:GLU:HG3	1:AJ:122:GLU:HG3	1.75	0.69
1:AA:173:ARG:CD	1:AA:357:ASP:HA	2.22	0.69
1:AC:149:ILE:HD11	1:AC:157:VAL:HG23	1.75	0.69
1:AD:352:ARG:HH22	1:AD:356:ARG:HH21	1.39	0.69
1:AG:461:VAL:HG11	1:AM:80:LYS:HB3	1.74	0.69
1:AP:422:LYS:O	1:AP:426:ILE:HG12	1.93	0.69
1:AQ:74:MET:HB3	1:AQ:137:MET:HE1	1.73	0.69
1:A1:291:VAL:HG23	1:A1:295:THR:CG2	2.23	0.69
1:A2:508:ASN:HA	1:A2:511:ARG:HG2	1.72	0.69
1:A4:291:VAL:O	1:A4:295:THR:HG23	1.93	0.69

*Continued on next page...*



*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A4:490:ILE:CG2	1:A6:510:LEU:HD12	2.23	0.69
1:A5:251:GLY:N	1:A5:332:GLY:HA3	2.07	0.69
1:A5:279:ASP:HB3	1:A5:301:LEU:HD11	1.74	0.69
1:A6:256:SER:HA	1:A6:275:VAL:O	1.92	0.69
1:A7:224:ILE:HD13	1:A7:345:ILE:O	1.92	0.69
1:A9:82:MET:HE1	1:A9:445:MET:HE3	1.73	0.69
1:A9:122:GLU:HB2	1:AH:451:GLU:CG	2.22	0.69
1:AB:89:LEU:HA	1:AB:92:ILE:CD1	2.21	0.69
1:AF:15:HIS:O	1:AF:19:VAL:HG12	1.92	0.69
1:AK:226:ALA:O	1:AK:230:ILE:HG23	1.93	0.69
1:AN:396:SER:HA	1:AN:401:ASN:HD22	1.58	0.69
1:AO:186:ALA:CB	1:AO:334:PHE:HB2	2.22	0.69
1:AP:120:LEU:HD21	1:AP:166:SER:CB	2.22	0.69
1:AP:396:SER:HA	1:AP:401:ASN:HD22	1.57	0.69
1:AQ:98:GLN:HG2	1:AQ:112:LEU:HD21	1.74	0.69
1:AQ:291:VAL:O	1:AQ:295:THR:HG23	1.92	0.69
1:AS:173:ARG:CD	1:AS:357:ASP:HA	2.21	0.69
1:AV:277:LYS:HG2	1:AV:278:ASN:ND2	2.07	0.69
1:A1:485:PHE:CE2	1:AQ:501:GLN:HG3	2.27	0.69
1:A2:15:HIS:O	1:A2:19:VAL:HG12	1.92	0.69
1:A4:184:MET:HE1	1:A4:345:ILE:CG1	2.20	0.69
1:A5:325:SER:CA	1:A5:330:GLY:HA3	2.22	0.69
1:A6:277:LYS:HG2	1:A6:278:ASN:ND2	2.07	0.69
1:A9:277:LYS:HG2	1:A9:278:ASN:ND2	2.08	0.69
1:A9:383:LEU:HA	1:A9:430:MET:CE	2.22	0.69
1:AB:325:SER:CA	1:AB:330:GLY:HA3	2.22	0.69
1:AB:383:LEU:HA	1:AB:430:MET:CE	2.22	0.69
1:AE:469:ALA:O	1:AE:473:ILE:HG22	1.91	0.69
1:AI:150:GLY:HA3	1:AI:155:THR:HB	1.74	0.69
1:AI:167:ASP:HA	1:AI:384:ARG:HB2	1.74	0.69
1:AJ:216:ILE:HD13	1:AJ:223:GLY:HA2	1.74	0.69
1:AJ:234:PHE:CD2	1:AU:303:ILE:HD12	2.27	0.69
1:AK:186:ALA:CB	1:AK:334:PHE:HB2	2.22	0.69
1:AM:99:ALA:HA	1:AM:104:GLN:OE1	1.92	0.69
1:AP:98:GLN:HG2	1:AP:112:LEU:HD21	1.73	0.69
1:AQ:277:LYS:HG2	1:AQ:278:ASN:ND2	2.08	0.69
1:AS:422:LYS:O	1:AS:426:ILE:HG12	1.92	0.69
1:AS:496:SER:HA	1:AS:499:MET:HE3	1.75	0.69
1:AT:234:PHE:HB3	1:AT:238:LEU:HD11	1.72	0.69
1:A2:78:ALA:O	1:A2:82:MET:HG3	1.93	0.69
1:A3:461:VAL:HG11	1:AL:80:LYS:HB3	1.75	0.69

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A4:256:SER:HA	1:A4:275:VAL:O	1.93	0.69
1:A5:68:ALA:HB3	1:A5:456:ILE:HD11	1.74	0.69
1:A6:173:ARG:HD3	1:A6:357:ASP:HA	1.75	0.69
1:A7:259:VAL:HG22	1:A7:324:ALA:HB1	1.74	0.69
1:A9:291:VAL:HG23	1:A9:295:THR:CG2	2.23	0.69
1:AC:291:VAL:HG23	1:AC:295:THR:HG21	1.74	0.69
1:AD:352:ARG:NH1	1:AD:356:ARG:HB3	2.06	0.69
1:AF:366:SER:CB	1:AF:371:HIS:HB2	2.23	0.69
1:AG:277:LYS:HG2	1:AG:278:ASN:ND2	2.07	0.69
1:AL:263:THR:HG22	1:AL:268:GLU:HA	1.73	0.69
1:AP:302:ASP:HB3	1:AP:308:ASN:ND2	2.07	0.69
1:AT:495:GLY:O	1:AT:499:MET:HE3	1.93	0.69
1:AU:256:SER:HA	1:AU:275:VAL:O	1.93	0.69
1:A2:396:SER:HA	1:A2:401:ASN:HD22	1.57	0.69
1:A2:485:PHE:CE2	1:AM:501:GLN:HG3	2.28	0.69
1:A4:82:MET:O	1:A4:86:ILE:HG13	1.93	0.69
1:A6:93:LYS:HE2	1:AP:60:ASN:HD21	1.55	0.69
1:A8:25:LEU:HD21	1:AE:505:VAL:HG21	1.74	0.69
1:A9:150:GLY:HA3	1:A9:155:THR:HB	1.75	0.69
1:A9:256:SER:HA	1:A9:275:VAL:O	1.93	0.69
1:AD:99:ALA:HB2	1:AD:112:LEU:CD2	2.23	0.69
1:AE:186:ALA:CB	1:AE:334:PHE:HB2	2.23	0.69
1:AM:277:LYS:HG2	1:AM:278:ASN:ND2	2.07	0.69
1:AO:167:ASP:HA	1:AO:384:ARG:HB2	1.74	0.69
1:AP:186:ALA:CB	1:AP:334:PHE:HB2	2.23	0.69
1:AQ:469:ALA:O	1:AQ:473:ILE:HG22	1.93	0.69
1:AS:149:ILE:HD11	1:AS:157:VAL:CG2	2.21	0.69
1:AT:82:MET:O	1:AT:86:ILE:HG13	1.93	0.69
1:AV:226:ALA:O	1:AV:230:ILE:HG23	1.92	0.69
1:AX:65:ILE:HG12	1:AX:459:ILE:HD12	1.74	0.69
1:A1:149:ILE:HD12	1:A1:455:THR:HG21	1.75	0.69
1:A3:6:ASN:OD1	1:A8:491:LEU:HD11	1.93	0.69
1:A3:224:ILE:HD11	1:A3:246:VAL:HG22	1.74	0.69
1:A3:259:VAL:HG22	1:A3:324:ALA:HB1	1.75	0.69
1:A3:469:ALA:O	1:A3:473:ILE:HG22	1.91	0.69
1:A4:112:LEU:HD11	1:AS:46:SER:OG	1.92	0.69
1:A5:9:ILE:HD11	1:AH:468:ALA:HA	1.73	0.69
1:A6:108:SER:O	1:A6:112:LEU:HD12	1.93	0.69
1:A6:469:ALA:O	1:A6:473:ILE:HG22	1.92	0.69
1:A7:366:SER:HB2	1:A7:371:HIS:HB2	1.72	0.69
1:A8:129:THR:HG21	1:AE:155:THR:HG23	1.75	0.69

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A8:186:ALA:CB	1:A8:334:PHE:HB2	2.23	0.69
1:A8:303:ILE:HA	1:AE:234:PHE:CE2	2.28	0.69
1:AA:82:MET:O	1:AA:86:ILE:HG13	1.92	0.69
1:AA:93:LYS:HE2	1:AN:60:ASN:HD21	1.58	0.69
1:AA:93:LYS:HE2	1:AN:60:ASN:ND2	2.08	0.69
1:AB:93:LYS:HE2	1:AH:60:ASN:ND2	2.08	0.69
1:AB:422:LYS:O	1:AB:426:ILE:HD12	1.92	0.69
1:AC:84:GLU:OE2	1:AX:454:THR:HG23	1.93	0.69
1:AC:99:ALA:HB2	1:AC:112:LEU:CD2	2.21	0.69
1:AH:80:LYS:HB3	1:AI:461:VAL:HG11	1.74	0.69
1:AH:161:ILE:HG12	1:AH:445:MET:HE2	1.74	0.69
1:AI:179:PHE:HZ	1:AI:344:VAL:HG13	1.58	0.69
1:AK:396:SER:HA	1:AK:401:ASN:HD22	1.56	0.69
1:AL:461:VAL:HG11	1:AP:80:LYS:HB3	1.74	0.69
1:AM:108:SER:O	1:AM:112:LEU:HD12	1.91	0.69
1:AO:88:ILE:HG22	1:AO:92:ILE:HD11	1.75	0.69
1:AS:116:ILE:CD1	1:AS:418:VAL:HG21	2.22	0.69
1:AT:396:SER:HA	1:AT:401:ASN:HD22	1.58	0.69
1:AT:469:ALA:O	1:AT:473:ILE:HG22	1.92	0.69
1:AX:291:VAL:HG23	1:AX:295:THR:CG2	2.22	0.69
1:A1:279:ASP:HB3	1:A1:301:LEU:HD11	1.75	0.69
1:A5:88:ILE:HG22	1:A5:92:ILE:HD11	1.75	0.69
1:A9:34:SER:HA	1:AH:17:VAL:HG11	1.73	0.69
1:A9:80:LYS:HB3	1:AH:461:VAL:HG11	1.75	0.69
1:A9:174:MET:HE1	1:A9:398:ALA:HB2	1.75	0.69
1:AC:186:ALA:CB	1:AC:334:PHE:HB2	2.23	0.69
1:AD:211:ILE:CD1	1:AD:238:LEU:HD11	2.22	0.69
1:AE:366:SER:HB2	1:AE:371:HIS:HB2	1.72	0.69
1:AF:184:MET:HE1	1:AF:345:ILE:CG1	2.21	0.69
1:AJ:146:GLU:OE2	1:AJ:156:THR:HG21	1.93	0.69
1:AT:256:SER:HA	1:AT:275:VAL:O	1.92	0.69
1:AX:186:ALA:CB	1:AX:334:PHE:HB2	2.23	0.69
1:A1:78:ALA:HB3	1:A1:445:MET:HE1	1.75	0.69
1:A3:92:ILE:HG23	1:A3:116:ILE:HG23	1.74	0.69
1:A3:506:GLN:O	1:A3:509:VAL:HG12	1.93	0.69
1:AC:9:ILE:HD11	1:AR:468:ALA:HA	1.74	0.69
1:AD:256:SER:HA	1:AD:275:VAL:O	1.93	0.69
1:AE:264:ILE:HG22	1:AE:319:VAL:CG2	2.23	0.69
1:AG:226:ALA:O	1:AG:230:ILE:HG23	1.93	0.69
1:AL:458:ASN:ND2	1:AP:126:ILE:HG12	2.07	0.69
1:AM:184:MET:HE1	1:AM:345:ILE:CG1	2.21	0.69

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AN:256:SER:HA	1:AN:275:VAL:O	1.93	0.69
1:AS:234:PHE:HB3	1:AS:238:LEU:HD11	1.75	0.69
1:AV:92:ILE:CG2	1:AV:116:ILE:HG23	2.22	0.69
1:AW:256:SER:HA	1:AW:275:VAL:O	1.93	0.69
1:AW:469:ALA:O	1:AW:473:ILE:HG22	1.93	0.69
1:A1:82:MET:O	1:A1:86:ILE:HG13	1.93	0.68
1:A2:291:VAL:HG23	1:A2:295:THR:CG2	2.23	0.68
1:A5:186:ALA:CB	1:A5:334:PHE:HB2	2.22	0.68
1:A5:506:GLN:O	1:A5:509:VAL:HG12	1.94	0.68
1:A8:88:ILE:HG22	1:A8:92:ILE:HD11	1.76	0.68
1:AB:97:VAL:HG22	1:AB:428:MET:SD	2.33	0.68
1:AB:277:LYS:HG2	1:AB:278:ASN:ND2	2.08	0.68
1:AC:126:ILE:HG12	1:AX:458:ASN:HD22	1.58	0.68
1:AC:234:PHE:CE2	1:AO:303:ILE:HD12	2.27	0.68
1:AG:366:SER:CB	1:AG:371:HIS:HB2	2.23	0.68
1:AH:166:SER:O	1:AH:383:LEU:HB3	1.93	0.68
1:AI:116:ILE:HD12	1:AI:418:VAL:HG21	1.75	0.68
1:AI:184:MET:HE1	1:AI:345:ILE:CG1	2.18	0.68
1:AI:279:ASP:HB3	1:AI:301:LEU:HD11	1.73	0.68
1:AK:150:GLY:HA3	1:AK:155:THR:HB	1.75	0.68
1:AO:173:ARG:CD	1:AO:357:ASP:HA	2.22	0.68
1:AQ:366:SER:CB	1:AQ:371:HIS:HB2	2.23	0.68
1:AR:167:ASP:HA	1:AR:384:ARG:HB2	1.74	0.68
1:AS:68:ALA:HB3	1:AS:456:ILE:HD11	1.74	0.68
1:AU:171:HIS:CD2	1:AU:382:ASN:HB3	2.28	0.68
1:AV:256:SER:HA	1:AV:275:VAL:O	1.93	0.68
1:A1:461:VAL:HG11	1:AB:80:LYS:HB3	1.75	0.68
1:A8:260:ARG:NH1	1:A8:323:SER:HB2	2.09	0.68
1:AA:490:ILE:CG2	1:AF:510:LEU:HD12	2.23	0.68
1:AE:167:ASP:HA	1:AE:384:ARG:HB2	1.75	0.68
1:AG:83:ASP:HB2	1:AG:442:ARG:NH2	2.07	0.68
1:AJ:186:ALA:CB	1:AJ:334:PHE:HB2	2.23	0.68
1:AJ:256:SER:HA	1:AJ:275:VAL:O	1.94	0.68
1:AK:203:VAL:HG21	1:AK:209:TYR:HD2	1.58	0.68
1:AN:186:ALA:CB	1:AN:334:PHE:HB2	2.24	0.68
1:AN:366:SER:CB	1:AN:371:HIS:HB2	2.23	0.68
1:AT:291:VAL:O	1:AT:295:THR:HG23	1.93	0.68
1:A1:277:LYS:HG2	1:A1:278:ASN:ND2	2.08	0.68
1:A2:15:HIS:HA	1:A2:499:MET:CE	2.24	0.68
1:A5:263:THR:HG22	1:A5:268:GLU:HA	1.75	0.68
1:A5:410:ASN:HD21	1:A5:414:ILE:HG22	1.57	0.68

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A6:211:ILE:HD12	1:A6:234:PHE:HD1	1.58	0.68
1:A8:173:ARG:CD	1:A8:357:ASP:HA	2.22	0.68
1:AB:291:VAL:O	1:AB:295:THR:HG23	1.94	0.68
1:AH:366:SER:CB	1:AH:371:HIS:HB2	2.23	0.68
1:A2:226:ALA:O	1:A2:230:ILE:HG23	1.92	0.68
1:A3:173:ARG:CD	1:A3:357:ASP:HA	2.24	0.68
1:A6:509:VAL:HG12	1:A6:510:LEU:HD23	1.76	0.68
1:A7:120:LEU:HD11	1:A7:383:LEU:HG	1.76	0.68
1:A9:83:ASP:HB2	1:A9:442:ARG:NH2	2.08	0.68
1:A9:173:ARG:CD	1:A9:357:ASP:HA	2.23	0.68
1:AA:251:GLY:N	1:AA:332:GLY:HA3	2.06	0.68
1:AD:149:ILE:HD12	1:AD:455:THR:HG21	1.75	0.68
1:AE:68:ALA:HB3	1:AE:456:ILE:CD1	2.20	0.68
1:AG:93:LYS:HE2	1:AJ:60:ASN:HD21	1.58	0.68
1:AG:99:ALA:HA	1:AG:104:GLN:OE1	1.94	0.68
1:AH:82:MET:O	1:AH:86:ILE:HG13	1.94	0.68
1:AI:366:SER:CB	1:AI:371:HIS:HB2	2.24	0.68
1:AJ:445:MET:HA	1:AJ:445:MET:CE	2.21	0.68
1:AM:291:VAL:O	1:AM:295:THR:HG23	1.93	0.68
1:AN:226:ALA:O	1:AN:230:ILE:HG23	1.93	0.68
1:AR:226:ALA:O	1:AR:230:ILE:HG23	1.92	0.68
1:AT:277:LYS:HG2	1:AT:278:ASN:ND2	2.09	0.68
1:AU:150:GLY:HA3	1:AU:155:THR:HB	1.76	0.68
1:A1:312:ILE:H	1:A1:312:ILE:HD12	1.58	0.68
1:A3:291:VAL:HG23	1:A3:295:THR:HG21	1.76	0.68
1:A8:146:GLU:HG2	1:AN:421:LEU:HD21	1.74	0.68
1:AB:99:ALA:HA	1:AB:104:GLN:OE1	1.93	0.68
1:AB:302:ASP:HB3	1:AB:308:ASN:HD21	1.57	0.68
1:AF:256:SER:HA	1:AF:275:VAL:O	1.93	0.68
1:AJ:291:VAL:HG23	1:AJ:295:THR:CG2	2.23	0.68
1:AM:173:ARG:CD	1:AM:357:ASP:HA	2.24	0.68
1:AO:179:PHE:HD1	1:AO:184:MET:HE3	1.59	0.68
1:AT:81:ALA:HB3	1:AT:138:LEU:HD11	1.75	0.68
1:AU:263:THR:HG22	1:AU:268:GLU:HA	1.76	0.68
1:A2:256:SER:HA	1:A2:275:VAL:O	1.93	0.68
1:A2:458:ASN:HD22	1:AV:126:ILE:HG12	1.59	0.68
1:A3:186:ALA:CB	1:A3:334:PHE:HB2	2.23	0.68
1:A3:458:ASN:HD22	1:AL:126:ILE:HG12	1.59	0.68
1:A5:80:LYS:HB3	1:AD:461:VAL:HG11	1.76	0.68
1:A7:512:LEU:HD13	1:AJ:496:SER:OG	1.94	0.68
1:A8:234:PHE:CE2	1:AS:303:ILE:HD12	2.28	0.68

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A8:291:VAL:HG23	1:A8:295:THR:CG2	2.23	0.68
1:AB:396:SER:HA	1:AB:401:ASN:HD22	1.59	0.68
1:AE:262:LEU:HD11	1:AE:319:VAL:CG2	2.24	0.68
1:AG:396:SER:HA	1:AG:401:ASN:HD22	1.59	0.68
1:AH:256:SER:HA	1:AH:275:VAL:O	1.93	0.68
1:AH:277:LYS:HG2	1:AH:278:ASN:ND2	2.09	0.68
1:AK:279:ASP:HB3	1:AK:301:LEU:HD11	1.75	0.68
1:AL:184:MET:HE1	1:AL:345:ILE:HG12	1.76	0.68
1:AL:260:ARG:NH1	1:AL:323:SER:HB2	2.08	0.68
1:AM:82:MET:O	1:AM:86:ILE:HG13	1.94	0.68
1:AQ:82:MET:O	1:AQ:86:ILE:HG13	1.94	0.68
1:AS:186:ALA:HB3	1:AS:334:PHE:HB2	1.76	0.68
1:AS:469:ALA:O	1:AS:473:ILE:HG22	1.92	0.68
1:A2:277:LYS:HG2	1:A2:278:ASN:ND2	2.09	0.68
1:A3:173:ARG:HD3	1:A3:357:ASP:HA	1.74	0.68
1:A3:247:MET:HE3	1:A3:402:ALA:CB	2.23	0.68
1:A6:501:GLN:HG3	1:AW:485:PHE:CE2	2.29	0.68
1:A8:179:PHE:CD1	1:A8:184:MET:HE3	2.28	0.68
1:AA:291:VAL:O	1:AA:295:THR:HG23	1.94	0.68
1:AC:303:ILE:HG13	1:AX:234:PHE:CE2	2.28	0.68
1:AF:234:PHE:O	1:AF:238:LEU:HD12	1.93	0.68
1:AK:116:ILE:HD12	1:AK:418:VAL:HG21	1.74	0.68
1:AN:312:ILE:H	1:AN:312:ILE:HD12	1.57	0.68
1:AR:303:ILE:HD12	1:AU:234:PHE:CE2	2.29	0.68
1:AU:82:MET:O	1:AU:86:ILE:HG13	1.93	0.68
1:AU:508:ASN:CA	1:AU:511:ARG:HG2	2.17	0.68
1:AV:173:ARG:CD	1:AV:357:ASP:HA	2.23	0.68
1:AW:82:MET:HE2	1:AW:438:LEU:HD22	1.75	0.68
1:AW:83:ASP:HB2	1:AW:442:ARG:NH2	2.09	0.68
1:A4:277:LYS:HG2	1:A4:278:ASN:ND2	2.09	0.68
1:A6:17:VAL:HG21	1:AW:33:SER:HB2	1.74	0.68
1:A7:173:ARG:CD	1:A7:357:ASP:HA	2.24	0.68
1:A7:186:ALA:CB	1:A7:334:PHE:HB2	2.23	0.68
1:AA:302:ASP:HB3	1:AA:308:ASN:HD21	1.59	0.68
1:AB:248:ALA:HA	1:AB:334:PHE:CE2	2.29	0.68
1:AD:82:MET:O	1:AD:86:ILE:HG13	1.94	0.68
1:AF:203:VAL:HG21	1:AF:209:TYR:CD1	2.28	0.68
1:AG:186:ALA:CB	1:AG:334:PHE:HB2	2.24	0.68
1:AH:291:VAL:HG23	1:AH:295:THR:CG2	2.24	0.68
1:AP:149:ILE:HD11	1:AP:157:VAL:HG23	1.74	0.68
1:AR:99:ALA:CB	1:AR:112:LEU:HD22	2.21	0.68

*Continued on next page...*



*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AS:366:SER:CB	1:AS:371:HIS:HB2	2.24	0.68
1:AV:383:LEU:HA	1:AV:430:MET:CE	2.23	0.68
1:AW:291:VAL:HG23	1:AW:295:THR:CG2	2.23	0.68
1:A3:256:SER:HA	1:A3:275:VAL:O	1.94	0.68
1:A5:98:GLN:HG2	1:A5:112:LEU:HD21	1.76	0.68
1:A7:4:ARG:NH2	1:AP:472:GLN:HG2	2.09	0.68
1:A9:173:ARG:HH12	1:A9:378:GLU:HB3	1.59	0.68
1:AD:9:ILE:HD11	1:AI:468:ALA:HA	1.74	0.68
1:AE:264:ILE:HD11	1:AE:295:THR:HG21	1.74	0.68
1:AG:501:GLN:O	1:AG:505:VAL:HG13	1.94	0.68
1:AJ:370:PHE:HA	1:AJ:376:VAL:CG1	2.23	0.68
1:AJ:451:GLU:HG2	1:AU:122:GLU:HG3	1.75	0.68
1:AM:302:ASP:HB3	1:AM:308:ASN:HD21	1.59	0.68
1:AO:224:ILE:HD11	1:AO:246:VAL:HG22	1.75	0.68
1:AP:88:ILE:HG22	1:AP:92:ILE:HD11	1.75	0.68
1:A1:422:LYS:O	1:A1:426:ILE:HG13	1.93	0.68
1:A1:496:SER:CB	1:AQ:512:LEU:HD23	2.24	0.68
1:A3:370:PHE:HA	1:A3:376:VAL:HG11	1.75	0.68
1:A5:60:ASN:ND2	1:AH:93:LYS:HE2	2.09	0.68
1:A5:260:ARG:NH1	1:A5:323:SER:HB2	2.09	0.68
1:A5:291:VAL:HG23	1:A5:295:THR:CG2	2.24	0.68
1:A8:325:SER:CA	1:A8:330:GLY:HA3	2.24	0.68
1:AA:277:LYS:HG2	1:AA:278:ASN:ND2	2.10	0.68
1:AB:184:MET:HE1	1:AB:345:ILE:CG1	2.20	0.68
1:AC:173:ARG:HD3	1:AC:357:ASP:HA	1.74	0.68
1:AF:312:ILE:HD12	1:AF:312:ILE:H	1.57	0.68
1:AH:251:GLY:N	1:AH:332:GLY:HA3	2.05	0.68
1:AH:426:ILE:HD12	1:AH:426:ILE:H	1.59	0.68
1:AI:249:THR:HG21	1:AI:406:GLN:OE1	1.94	0.68
1:AJ:423:GLY:HA2	1:AJ:426:ILE:HD13	1.75	0.68
1:AJ:490:ILE:HG23	1:AX:510:LEU:HD12	1.75	0.68
1:AN:302:ASP:HB3	1:AN:308:ASN:ND2	2.09	0.68
1:AS:179:PHE:HZ	1:AS:344:VAL:HG13	1.59	0.68
1:AS:203:VAL:HG21	1:AS:209:TYR:HD2	1.58	0.68
1:AS:256:SER:HA	1:AS:275:VAL:O	1.93	0.68
1:AX:65:ILE:CG1	1:AX:459:ILE:HD12	2.23	0.68
1:AX:173:ARG:HD3	1:AX:357:ASP:HA	1.75	0.68
1:AX:249:THR:HG21	1:AX:406:GLN:OE1	1.94	0.68
1:A3:46:SER:CB	1:AT:112:LEU:HD11	2.24	0.67
1:A4:80:LYS:HB3	1:AF:461:VAL:HG11	1.76	0.67
1:A8:171:HIS:CE1	1:A8:382:ASN:HB3	2.29	0.67

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AE:224:ILE:HD11	1:AE:246:VAL:CG2	2.23	0.67
1:AH:112:LEU:O	1:AH:116:ILE:HG13	1.94	0.67
1:AR:366:SER:CB	1:AR:371:HIS:HB2	2.23	0.67
1:AU:93:LYS:HE2	1:AX:60:ASN:ND2	2.09	0.67
1:A4:179:PHE:HD1	1:A4:184:MET:HE3	1.60	0.67
1:A9:184:MET:HE1	1:A9:345:ILE:CG1	2.21	0.67
1:AC:173:ARG:CD	1:AC:357:ASP:HA	2.24	0.67
1:AF:36:LEU:HD21	1:AS:6:ASN:ND2	2.10	0.67
1:AG:149:ILE:HD11	1:AG:157:VAL:CG2	2.23	0.67
1:AL:325:SER:HA	1:AL:330:GLY:HA3	1.74	0.67
1:AO:410:ASN:HD21	1:AO:414:ILE:HG22	1.59	0.67
1:AR:370:PHE:HA	1:AR:376:VAL:HG11	1.76	0.67
1:AT:173:ARG:CD	1:AT:357:ASP:HA	2.25	0.67
1:A1:98:GLN:HG2	1:A1:112:LEU:HD21	1.76	0.67
1:A2:93:LYS:HE2	1:AR:60:ASN:ND2	2.08	0.67
1:A6:461:VAL:HG11	1:AW:80:LYS:HB3	1.76	0.67
1:A8:256:SER:HA	1:A8:275:VAL:O	1.94	0.67
1:A9:366:SER:CB	1:A9:371:HIS:HB2	2.24	0.67
1:AB:325:SER:HA	1:AB:330:GLY:HA3	1.75	0.67
1:AB:469:ALA:O	1:AB:473:ILE:HG22	1.94	0.67
1:AC:325:SER:CA	1:AC:330:GLY:HA3	2.25	0.67
1:AC:325:SER:HA	1:AC:330:GLY:HA3	1.74	0.67
1:AD:325:SER:HA	1:AD:330:GLY:HA3	1.76	0.67
1:AH:496:SER:CB	1:AI:512:LEU:HD23	2.24	0.67
1:AL:277:LYS:HG2	1:AL:278:ASN:ND2	2.08	0.67
1:AP:233:ARG:HG2	1:AP:234:PHE:CD2	2.29	0.67
1:AS:508:ASN:CA	1:AS:511:ARG:HG2	2.17	0.67
1:AU:396:SER:HA	1:AU:401:ASN:HD22	1.60	0.67
1:A7:461:VAL:HG11	1:AJ:80:LYS:HB3	1.75	0.67
1:AA:179:PHE:HZ	1:AA:344:VAL:HG13	1.58	0.67
1:AA:291:VAL:HG23	1:AA:295:THR:CG2	2.25	0.67
1:AE:82:MET:O	1:AE:86:ILE:HG13	1.94	0.67
1:AE:256:SER:HA	1:AE:275:VAL:O	1.95	0.67
1:AF:226:ALA:O	1:AF:230:ILE:HG23	1.94	0.67
1:AJ:328:VAL:HG23	1:AJ:329:PHE:CE1	2.29	0.67
1:AO:82:MET:O	1:AO:86:ILE:HG13	1.95	0.67
1:AR:89:LEU:HA	1:AR:92:ILE:CD1	2.23	0.67
1:AU:192:ASN:HA	1:AU:367:HIS:ND1	2.09	0.67
1:AV:78:ALA:O	1:AV:82:MET:HG3	1.93	0.67
1:AV:396:SER:HA	1:AV:401:ASN:HD22	1.60	0.67
1:AW:82:MET:O	1:AW:86:ILE:HG13	1.95	0.67

*Continued on next page...*



*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AX:82:MET:O	1:AX:86:ILE:HG13	1.95	0.67
1:A5:256:SER:HA	1:A5:275:VAL:O	1.95	0.67
1:A5:396:SER:HA	1:A5:401:ASN:HD22	1.60	0.67
1:A9:461:VAL:HG11	1:AA:80:LYS:HB3	1.77	0.67
1:AC:60:ASN:ND2	1:AR:93:LYS:HE2	2.10	0.67
1:AC:82:MET:O	1:AC:86:ILE:HG13	1.95	0.67
1:AD:173:ARG:HD3	1:AD:357:ASP:HA	1.75	0.67
1:AI:396:SER:HA	1:AI:401:ASN:HD22	1.59	0.67
1:AJ:325:SER:CA	1:AJ:330:GLY:HA3	2.24	0.67
1:AK:386:VAL:HG22	1:AK:427:VAL:HG22	1.75	0.67
1:AN:150:GLY:HA3	1:AN:155:THR:HB	1.76	0.67
1:AQ:496:SER:CB	1:AR:512:LEU:HD23	2.25	0.67
1:AR:150:GLY:HA3	1:AR:155:THR:HB	1.77	0.67
1:AW:82:MET:HE3	1:AW:164:THR:HG21	1.76	0.67
1:AW:277:LYS:HG2	1:AW:278:ASN:ND2	2.08	0.67
1:A1:74:MET:HB3	1:A1:137:MET:HE1	1.75	0.67
1:A2:82:MET:O	1:A2:86:ILE:HG13	1.95	0.67
1:A3:167:ASP:HA	1:A3:384:ARG:HB2	1.77	0.67
1:A4:74:MET:HB3	1:A4:137:MET:HE1	1.76	0.67
1:A9:475:ASP:HB2	1:AK:4:ARG:HD3	1.77	0.67
1:AG:93:LYS:HE2	1:AJ:60:ASN:ND2	2.10	0.67
1:AG:104:GLN:HB3	1:AG:108:SER:OG	1.95	0.67
1:AI:82:MET:O	1:AI:86:ILE:HG13	1.95	0.67
1:AM:98:GLN:HG2	1:AM:112:LEU:HD21	1.76	0.67
1:AN:508:ASN:CA	1:AN:511:ARG:HG2	2.20	0.67
1:AO:201:LYS:HB2	1:AO:359:ILE:HG13	1.77	0.67
1:AR:98:GLN:HG2	1:AR:112:LEU:HD21	1.76	0.67
1:A2:291:VAL:O	1:A2:295:THR:HG23	1.94	0.67
1:A5:88:ILE:CD1	1:AD:454:THR:HG21	2.23	0.67
1:A5:455:THR:O	1:A5:459:ILE:HG23	1.94	0.67
1:A7:396:SER:HA	1:A7:401:ASN:HD22	1.60	0.67
1:A8:68:ALA:HB3	1:A8:456:ILE:CD1	2.23	0.67
1:A8:251:GLY:N	1:A8:332:GLY:HA3	2.06	0.67
1:A8:410:ASN:HD21	1:A8:414:ILE:HG22	1.60	0.67
1:A9:186:ALA:CB	1:A9:334:PHE:HB2	2.24	0.67
1:AB:291:VAL:HG23	1:AB:295:THR:HG21	1.76	0.67
1:AD:82:MET:CE	1:AD:441:ILE:HG22	2.17	0.67
1:AD:224:ILE:HD11	1:AD:246:VAL:HG22	1.76	0.67
1:AE:423:GLY:HA2	1:AE:426:ILE:CD1	2.24	0.67
1:AF:149:ILE:HD12	1:AF:455:THR:HG21	1.75	0.67
1:AF:291:VAL:O	1:AF:295:THR:HG23	1.95	0.67

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AG:184:MET:HE1	1:AG:345:ILE:CG1	2.23	0.67
1:AJ:260:ARG:NH1	1:AJ:323:SER:HB2	2.09	0.67
1:AJ:291:VAL:HG23	1:AJ:295:THR:HG21	1.76	0.67
1:AK:291:VAL:O	1:AK:295:THR:HG23	1.95	0.67
1:AO:256:SER:HA	1:AO:275:VAL:O	1.95	0.67
1:AP:82:MET:O	1:AP:86:ILE:HG13	1.94	0.67
1:AQ:184:MET:HE1	1:AQ:345:ILE:CG1	2.24	0.67
1:AR:302:ASP:HB3	1:AR:308:ASN:ND2	2.09	0.67
1:AU:302:ASP:HB3	1:AU:308:ASN:ND2	2.10	0.67
1:A1:291:VAL:O	1:A1:295:THR:HG23	1.95	0.67
1:A1:396:SER:HA	1:A1:401:ASN:HD22	1.59	0.67
1:A3:348:LEU:HD21	1:A3:350:LEU:CD2	2.25	0.67
1:A3:458:ASN:ND2	1:AL:126:ILE:HG12	2.10	0.67
1:A6:508:ASN:CA	1:A6:511:ARG:HG2	2.17	0.67
1:A7:256:SER:HA	1:A7:275:VAL:O	1.94	0.67
1:A9:108:SER:O	1:A9:112:LEU:HD12	1.94	0.67
1:AC:291:VAL:HG23	1:AC:295:THR:CG2	2.24	0.67
1:AD:149:ILE:HD11	1:AD:157:VAL:CG2	2.25	0.67
1:AD:247:MET:HE3	1:AD:402:ALA:CB	2.25	0.67
1:AF:116:ILE:HD13	1:AF:418:VAL:HG21	1.77	0.67
1:AK:366:SER:CB	1:AK:371:HIS:HB2	2.25	0.67
1:AL:325:SER:CA	1:AL:330:GLY:HA3	2.25	0.67
1:AP:366:SER:CB	1:AP:371:HIS:HB2	2.24	0.67
1:AS:35:GLY:O	1:AS:476:VAL:HG12	1.93	0.67
1:AT:104:GLN:HB3	1:AT:108:SER:OG	1.95	0.67
1:AV:291:VAL:HG23	1:AV:295:THR:HG21	1.75	0.67
1:AW:366:SER:CB	1:AW:371:HIS:HB2	2.25	0.67
1:A2:117:GLN:NE2	1:A2:387:ARG:HD2	2.08	0.67
1:A3:146:GLU:HG2	1:AS:421:LEU:HD21	1.76	0.67
1:A4:396:SER:HA	1:A4:401:ASN:HD22	1.59	0.67
1:A4:485:PHE:CE2	1:AF:501:GLN:HG3	2.30	0.67
1:A7:167:ASP:HA	1:A7:384:ARG:HB2	1.76	0.67
1:A7:510:LEU:HD12	1:AL:490:ILE:HG23	1.76	0.67
1:AC:383:LEU:HA	1:AC:430:MET:CE	2.24	0.67
1:AD:173:ARG:CD	1:AD:357:ASP:HA	2.25	0.67
1:AE:249:THR:HG21	1:AE:406:GLN:OE1	1.94	0.67
1:AE:251:GLY:N	1:AE:332:GLY:HA3	2.09	0.67
1:AE:260:ARG:NH1	1:AE:323:SER:HB2	2.09	0.67
1:AF:469:ALA:O	1:AF:473:ILE:HG22	1.94	0.67
1:AM:256:SER:HA	1:AM:275:VAL:O	1.95	0.67
1:AP:179:PHE:CD1	1:AP:184:MET:HE3	2.29	0.67

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AR:186:ALA:HB3	1:AR:334:PHE:HB2	1.77	0.67
1:AT:99:ALA:HA	1:AT:104:GLN:OE1	1.94	0.67
1:AU:35:GLY:O	1:AU:476:VAL:HG12	1.95	0.67
1:AV:504:ALA:O	1:AV:507:GLN:HG3	1.95	0.67
1:A3:89:LEU:HA	1:A3:92:ILE:HD12	1.77	0.67
1:A4:88:ILE:HG22	1:A4:92:ILE:HD11	1.76	0.67
1:A5:167:ASP:HA	1:A5:384:ARG:HB2	1.75	0.67
1:A6:81:ALA:HB3	1:A6:138:LEU:HD11	1.76	0.67
1:A7:17:VAL:HG21	1:AJ:33:SER:HB2	1.77	0.67
1:A7:68:ALA:HB3	1:A7:456:ILE:CD1	2.25	0.67
1:A9:120:LEU:HD21	1:A9:383:LEU:CG	2.24	0.67
1:AG:4:ARG:HG2	1:AW:475:ASP:CB	2.23	0.67
1:AH:291:VAL:HG23	1:AH:295:THR:HG21	1.77	0.67
1:AH:495:GLY:O	1:AH:499:MET:HG3	1.95	0.67
1:AJ:259:VAL:CG2	1:AJ:328:VAL:HG21	2.25	0.67
1:AL:82:MET:O	1:AL:86:ILE:HG13	1.95	0.67
1:AV:173:ARG:HH12	1:AV:378:GLU:HB3	1.59	0.67
1:AV:179:PHE:HZ	1:AV:344:VAL:HG13	1.60	0.67
1:AW:173:ARG:CD	1:AW:357:ASP:HA	2.24	0.67
1:AX:224:ILE:HD11	1:AX:246:VAL:HG22	1.75	0.67
1:AX:256:SER:HA	1:AX:275:VAL:O	1.95	0.67
1:A7:445:MET:HA	1:A7:445:MET:HE2	1.76	0.66
1:A9:116:ILE:HD12	1:A9:418:VAL:HG21	1.76	0.66
1:AB:116:ILE:HD12	1:AB:418:VAL:HG21	1.77	0.66
1:AB:256:SER:HA	1:AB:275:VAL:O	1.95	0.66
1:AF:68:ALA:HB3	1:AF:456:ILE:CD1	2.25	0.66
1:AG:82:MET:O	1:AG:86:ILE:HG13	1.95	0.66
1:AG:247:MET:HE1	1:AJ:144:ASN:ND2	2.11	0.66
1:AJ:505:VAL:HG21	1:AU:25:LEU:CD2	2.23	0.66
1:AK:88:ILE:HG22	1:AK:92:ILE:HD11	1.77	0.66
1:AK:98:GLN:HG2	1:AK:112:LEU:HD21	1.75	0.66
1:AQ:60:ASN:ND2	1:AV:93:LYS:HE2	2.09	0.66
1:AW:88:ILE:HG22	1:AW:92:ILE:HD11	1.75	0.66
1:A2:461:VAL:HG11	1:AV:80:LYS:HB3	1.77	0.66
1:A2:496:SER:CB	1:AM:512:LEU:HD23	2.25	0.66
1:A6:423:GLY:O	1:A6:427:VAL:HG23	1.95	0.66
1:AB:83:ASP:HB2	1:AB:442:ARG:NH2	2.10	0.66
1:AB:173:ARG:CD	1:AB:357:ASP:HA	2.24	0.66
1:AB:179:PHE:HZ	1:AB:344:VAL:HG13	1.60	0.66
1:AC:256:SER:HA	1:AC:275:VAL:O	1.94	0.66
1:AE:99:ALA:CB	1:AE:112:LEU:HD23	2.23	0.66

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AI:186:ALA:CB	1:AI:334:PHE:HB2	2.25	0.66
1:AL:256:SER:HA	1:AL:275:VAL:O	1.95	0.66
1:AO:260:ARG:NH1	1:AO:323:SER:HB2	2.09	0.66
1:AQ:150:GLY:HA3	1:AQ:155:THR:HB	1.77	0.66
1:AX:173:ARG:CD	1:AX:357:ASP:HA	2.26	0.66
1:A1:173:ARG:HD3	1:A1:357:ASP:HA	1.75	0.66
1:A3:445:MET:HE2	1:A3:445:MET:HA	1.77	0.66
1:A5:224:ILE:HD11	1:A5:246:VAL:HG22	1.76	0.66
1:A7:88:ILE:HG22	1:A7:92:ILE:HD11	1.76	0.66
1:AA:103:GLY:HA3	1:AN:74:MET:HE1	1.76	0.66
1:AE:149:ILE:HD11	1:AE:157:VAL:CG2	2.24	0.66
1:AF:98:GLN:HG2	1:AF:112:LEU:HD21	1.75	0.66
1:AG:303:ILE:HA	1:AP:234:PHE:CZ	2.30	0.66
1:AG:495:GLY:O	1:AG:499:MET:HG3	1.96	0.66
1:AI:209:TYR:HE2	1:AI:237:THR:HG22	1.58	0.66
1:AI:386:VAL:HG23	1:AI:430:MET:CE	2.22	0.66
1:AJ:366:SER:HB2	1:AJ:371:HIS:HB2	1.76	0.66
1:AL:251:GLY:N	1:AL:332:GLY:HA3	2.08	0.66
1:AL:366:SER:HB2	1:AL:371:HIS:HB2	1.75	0.66
1:AR:303:ILE:HD12	1:AU:234:PHE:CD2	2.31	0.66
1:AT:120:LEU:HD11	1:AT:166:SER:HB2	1.76	0.66
1:AU:179:PHE:HZ	1:AU:344:VAL:HG13	1.60	0.66
1:AW:291:VAL:O	1:AW:295:THR:HG23	1.94	0.66
1:AW:365:PHE:HZ	1:AW:371:HIS:HD1	1.43	0.66
1:A1:149:ILE:HD11	1:A1:157:VAL:HG23	1.76	0.66
1:A1:256:SER:HA	1:A1:275:VAL:O	1.95	0.66
1:A3:291:VAL:HG23	1:A3:295:THR:CG2	2.25	0.66
1:A6:82:MET:O	1:A6:86:ILE:HG13	1.95	0.66
1:A7:251:GLY:N	1:A7:332:GLY:HA3	2.10	0.66
1:A8:4:ARG:NH1	1:AN:472:GLN:HA	2.11	0.66
1:A9:469:ALA:O	1:A9:473:ILE:HG22	1.94	0.66
1:A9:496:SER:CB	1:AH:512:LEU:HD23	2.25	0.66
1:AB:475:ASP:CB	1:AH:4:ARG:HG2	2.25	0.66
1:AK:82:MET:O	1:AK:86:ILE:HG13	1.95	0.66
1:AN:82:MET:O	1:AN:86:ILE:HG13	1.95	0.66
1:AP:506:GLN:O	1:AP:509:VAL:HG12	1.95	0.66
1:AU:366:SER:CB	1:AU:371:HIS:HB2	2.26	0.66
1:AW:15:HIS:O	1:AW:19:VAL:HG12	1.96	0.66
1:A2:80:LYS:HB3	1:AM:461:VAL:HG11	1.78	0.66
1:A3:260:ARG:NH1	1:A3:323:SER:HB2	2.09	0.66
1:A4:173:ARG:CD	1:A4:357:ASP:HA	2.26	0.66

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A5:395:ALA:HB2	1:A5:414:ILE:HG23	1.78	0.66
1:A9:82:MET:O	1:A9:86:ILE:HG13	1.96	0.66
1:AA:249:THR:HG22	1:AA:403:ASN:ND2	2.11	0.66
1:AD:224:ILE:HD13	1:AD:345:ILE:O	1.95	0.66
1:AH:302:ASP:HB3	1:AH:308:ASN:ND2	2.10	0.66
1:AJ:99:ALA:HB2	1:AJ:112:LEU:HD23	1.77	0.66
1:AL:291:VAL:HG23	1:AL:295:THR:CG2	2.26	0.66
1:AN:89:LEU:HA	1:AN:92:ILE:HD13	1.77	0.66
1:AN:224:ILE:HD13	1:AN:345:ILE:O	1.96	0.66
1:AP:99:ALA:HB2	1:AP:112:LEU:CD2	2.26	0.66
1:AS:224:ILE:HG13	1:AS:244:TYR:HB2	1.77	0.66
1:AU:186:ALA:CB	1:AU:334:PHE:HB2	2.26	0.66
1:AU:277:LYS:HG2	1:AU:278:ASN:ND2	2.11	0.66
1:AU:279:ASP:HB3	1:AU:301:LEU:HD11	1.78	0.66
1:AU:291:VAL:HG23	1:AU:295:THR:CG2	2.25	0.66
1:AW:184:MET:HE1	1:AW:345:ILE:CG1	2.21	0.66
1:A3:292:LYS:HD3	1:A3:298:GLU:HA	1.78	0.66
1:A4:262:LEU:HD12	1:A4:263:THR:N	2.10	0.66
1:A6:116:ILE:HD12	1:A6:418:VAL:HG21	1.78	0.66
1:A8:291:VAL:O	1:A8:295:THR:HG23	1.96	0.66
1:AB:504:ALA:O	1:AB:507:GLN:HG3	1.96	0.66
1:AC:260:ARG:NH1	1:AC:323:SER:HB2	2.11	0.66
1:AD:88:ILE:HG22	1:AD:92:ILE:HD11	1.77	0.66
1:AF:74:MET:HB3	1:AF:137:MET:HE1	1.76	0.66
1:AG:512:LEU:HD23	1:AM:496:SER:CB	2.26	0.66
1:AL:144:ASN:ND2	1:AT:247:MET:HE1	2.10	0.66
1:AO:117:GLN:NE2	1:AO:387:ARG:HD2	2.11	0.66
1:AP:370:PHE:HA	1:AP:376:VAL:HG11	1.77	0.66
1:AR:179:PHE:HA	1:AR:184:MET:SD	2.35	0.66
1:AS:89:LEU:HD23	1:AS:92:ILE:HD13	1.78	0.66
1:AS:260:ARG:NH1	1:AS:323:SER:HB2	2.10	0.66
1:AW:116:ILE:HD12	1:AW:418:VAL:HG21	1.77	0.66
1:AW:186:ALA:CB	1:AW:334:PHE:HB2	2.25	0.66
1:A2:173:ARG:CD	1:A2:357:ASP:HA	2.26	0.66
1:A2:179:PHE:HZ	1:A2:344:VAL:HG13	1.61	0.66
1:A2:490:ILE:HG22	1:AQ:510:LEU:HD12	1.76	0.66
1:A3:249:THR:HG21	1:A3:406:GLN:OE1	1.95	0.66
1:A7:325:SER:HA	1:A7:330:GLY:HA3	1.77	0.66
1:AC:302:ASP:HB3	1:AC:308:ASN:HD21	1.61	0.66
1:AD:249:THR:HG21	1:AD:406:GLN:OE1	1.96	0.66
1:AR:78:ALA:HB2	1:AR:137:MET:HE3	1.78	0.66

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AR:211:ILE:HD12	1:AR:234:PHE:HD1	1.61	0.66
1:AT:383:LEU:HA	1:AT:430:MET:CE	2.26	0.66
1:AX:259:VAL:HB	1:AX:272:VAL:HG22	1.76	0.66
1:A1:469:ALA:O	1:A1:473:ILE:HG22	1.94	0.66
1:A3:92:ILE:CG2	1:A3:116:ILE:HG23	2.26	0.66
1:A4:83:ASP:HB2	1:A4:442:ARG:NH2	2.11	0.66
1:A5:249:THR:HG22	1:A5:403:ASN:ND2	2.11	0.66
1:A9:312:ILE:H	1:A9:312:ILE:HD12	1.59	0.66
1:AC:249:THR:HG21	1:AC:406:GLN:OE1	1.96	0.66
1:AC:251:GLY:N	1:AC:332:GLY:HA3	2.09	0.66
1:AH:184:MET:HE1	1:AH:345:ILE:CG1	2.26	0.66
1:AN:291:VAL:HG23	1:AN:295:THR:CG2	2.26	0.66
1:A1:365:PHE:HZ	1:A1:371:HIS:HD1	1.42	0.66
1:A2:149:ILE:HD11	1:A2:157:VAL:CG2	2.26	0.66
1:A2:472:GLN:HA	1:AR:4:ARG:NH1	2.10	0.66
1:AA:224:ILE:HD13	1:AA:345:ILE:O	1.95	0.66
1:AB:88:ILE:HG22	1:AB:92:ILE:HD11	1.78	0.66
1:AB:93:LYS:HG2	1:AH:60:ASN:HD21	1.60	0.66
1:AB:481:GLU:OE2	1:AB:481:GLU:HA	1.96	0.66
1:AD:291:VAL:HG23	1:AD:295:THR:HG21	1.78	0.66
1:AH:92:ILE:HD11	1:AH:119:LEU:HB3	1.78	0.66
1:AI:88:ILE:HG22	1:AI:92:ILE:HD11	1.77	0.66
1:AI:445:MET:HE2	1:AI:445:MET:HA	1.78	0.66
1:AL:99:ALA:HB2	1:AL:112:LEU:CD2	2.26	0.66
1:AP:92:ILE:HD12	1:AP:92:ILE:H	1.61	0.66
1:AP:263:THR:HG22	1:AP:268:GLU:HA	1.77	0.66
1:AT:157:VAL:HG11	1:AT:452:LEU:HD21	1.78	0.66
1:AT:186:ALA:CB	1:AT:334:PHE:HB2	2.26	0.66
1:AU:167:ASP:HA	1:AU:384:ARG:HB2	1.77	0.66
1:AV:184:MET:HE1	1:AV:345:ILE:CG1	2.20	0.66
1:AV:251:GLY:N	1:AV:332:GLY:HA3	2.07	0.66
1:A1:133:ASN:HD21	1:AQ:50:ILE:HD11	1.60	0.66
1:A1:366:SER:CB	1:A1:371:HIS:HB2	2.26	0.66
1:A2:366:SER:CB	1:A2:371:HIS:HB2	2.25	0.66
1:A4:15:HIS:O	1:A4:19:VAL:HG12	1.95	0.66
1:A5:82:MET:O	1:A5:86:ILE:HG13	1.96	0.66
1:A6:68:ALA:HB3	1:A6:456:ILE:CD1	2.26	0.66
1:A6:472:GLN:HA	1:AP:4:ARG:HE	1.61	0.66
1:A7:144:ASN:ND2	1:AP:247:MET:HE1	2.11	0.66
1:A7:325:SER:CA	1:A7:330:GLY:HA3	2.26	0.66
1:A9:179:PHE:HZ	1:A9:344:VAL:HG13	1.61	0.66

*Continued on next page...*



*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AB:15:HIS:O	1:AB:19:VAL:HG12	1.96	0.66
1:AF:92:ILE:CG2	1:AF:116:ILE:HG12	2.24	0.66
1:AK:291:VAL:HG23	1:AK:295:THR:CG2	2.26	0.66
1:AL:110:ARG:NH1	1:AL:110:ARG:HB2	2.11	0.66
1:AL:423:GLY:HA2	1:AL:426:ILE:HD13	1.78	0.66
1:AO:149:ILE:HD11	1:AO:157:VAL:HG23	1.78	0.66
1:AR:8:ASN:HB3	1:AR:11:ALA:HB3	1.78	0.66
1:AT:120:LEU:CD1	1:AT:383:LEU:HG	2.25	0.66
1:AV:174:MET:HE1	1:AV:398:ALA:HB2	1.76	0.66
1:AW:108:SER:O	1:AW:112:LEU:HD12	1.96	0.66
1:AW:455:THR:O	1:AW:459:ILE:HG23	1.96	0.66
1:AX:117:GLN:HE21	1:AX:387:ARG:HD2	1.61	0.66
1:A3:251:GLY:N	1:A3:332:GLY:HA3	2.11	0.65
1:A3:325:SER:CA	1:A3:330:GLY:HA3	2.26	0.65
1:A4:366:SER:CB	1:A4:371:HIS:HB2	2.25	0.65
1:A4:496:SER:CB	1:AF:512:LEU:HD23	2.25	0.65
1:AA:490:ILE:HG22	1:AF:510:LEU:HD12	1.75	0.65
1:AD:251:GLY:N	1:AD:332:GLY:HA3	2.10	0.65
1:AD:260:ARG:NH1	1:AD:323:SER:HB2	2.11	0.65
1:AF:82:MET:O	1:AF:86:ILE:HG13	1.96	0.65
1:AF:186:ALA:CB	1:AF:334:PHE:HB2	2.25	0.65
1:AJ:5:ILE:HD13	1:AP:490:ILE:HG21	1.79	0.65
1:AL:161:ILE:CG2	1:AL:445:MET:HE1	2.25	0.65
1:AL:370:PHE:HA	1:AL:376:VAL:HG11	1.77	0.65
1:AL:499:MET:CE	1:AS:479:ALA:HB1	2.25	0.65
1:AN:203:VAL:HG21	1:AN:209:TYR:CD2	2.31	0.65
1:AQ:291:VAL:HG23	1:AQ:295:THR:CG2	2.25	0.65
1:AS:82:MET:O	1:AS:86:ILE:HG13	1.96	0.65
1:AS:302:ASP:HB3	1:AS:308:ASN:HD21	1.61	0.65
1:AV:175:GLU:OE2	1:AV:358:ILE:HB	1.96	0.65
1:A2:469:ALA:O	1:A2:473:ILE:HG22	1.96	0.65
1:AA:108:SER:O	1:AA:112:LEU:HD12	1.95	0.65
1:AE:120:LEU:HD22	1:AE:387:ARG:HD3	1.77	0.65
1:AE:325:SER:CA	1:AE:330:GLY:HA3	2.26	0.65
1:AL:260:ARG:O	1:AL:261:GLU:HG2	1.96	0.65
1:AN:149:ILE:HD11	1:AN:157:VAL:CG2	2.27	0.65
1:AO:60:ASN:ND2	1:AQ:93:LYS:HE2	2.11	0.65
1:AP:445:MET:HA	1:AP:445:MET:HE2	1.78	0.65
1:A1:126:ILE:HG12	1:AQ:458:ASN:HD22	1.60	0.65
1:A6:263:THR:HG22	1:A6:268:GLU:HA	1.78	0.65
1:AA:15:HIS:O	1:AA:19:VAL:HG12	1.96	0.65

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AH:82:MET:HE1	1:AH:441:ILE:CG2	2.26	0.65
1:AK:451:GLU:HG3	1:AN:122:GLU:CG	2.21	0.65
1:AL:201:LYS:HB2	1:AL:359:ILE:CD1	2.26	0.65
1:AN:491:LEU:HD11	1:AS:6:ASN:OD1	1.96	0.65
1:AO:445:MET:HE2	1:AO:445:MET:HA	1.79	0.65
1:AV:15:HIS:O	1:AV:19:VAL:HG12	1.96	0.65
1:A2:161:ILE:HG12	1:A2:445:MET:HE2	1.79	0.65
1:A4:422:LYS:O	1:A4:426:ILE:HD12	1.96	0.65
1:A5:291:VAL:O	1:A5:295:THR:HG23	1.97	0.65
1:AC:139:SER:OG	1:AU:233:ARG:HG3	1.96	0.65
1:AC:501:GLN:HG3	1:AO:485:PHE:CE2	2.31	0.65
1:AF:173:ARG:CD	1:AF:357:ASP:HA	2.25	0.65
1:AJ:179:PHE:CD1	1:AJ:184:MET:HE3	2.28	0.65
1:AJ:251:GLY:N	1:AJ:332:GLY:HA3	2.09	0.65
1:AK:201:LYS:HB2	1:AK:359:ILE:CD1	2.26	0.65
1:AM:224:ILE:HD13	1:AM:345:ILE:O	1.97	0.65
1:AM:472:GLN:HA	1:AU:4:ARG:NH1	2.10	0.65
1:AN:8:ASN:HB3	1:AN:11:ALA:HB3	1.77	0.65
1:AN:71:ALA:O	1:AN:75:VAL:HG23	1.96	0.65
1:AO:277:LYS:HG2	1:AO:278:ASN:ND2	2.10	0.65
1:AU:260:ARG:NH1	1:AU:323:SER:HB2	2.11	0.65
1:A3:263:THR:CG2	1:A3:268:GLU:HG3	2.26	0.65
1:A5:149:ILE:HD11	1:A5:157:VAL:CG2	2.27	0.65
1:A5:485:PHE:CE2	1:AD:501:GLN:HG3	2.32	0.65
1:A6:120:LEU:HD11	1:A6:383:LEU:HG	1.78	0.65
1:AC:88:ILE:HG22	1:AC:92:ILE:HD11	1.78	0.65
1:AC:225:GLY:HA2	1:AC:244:TYR:CD2	2.31	0.65
1:AE:291:VAL:HG23	1:AE:295:THR:HG21	1.78	0.65
1:AG:88:ILE:HG22	1:AG:92:ILE:HD11	1.77	0.65
1:AJ:5:ILE:HD13	1:AP:490:ILE:CG2	2.27	0.65
1:AL:426:ILE:HD12	1:AL:426:ILE:H	1.61	0.65
1:AN:277:LYS:HG2	1:AN:278:ASN:ND2	2.11	0.65
1:AS:291:VAL:HG23	1:AS:295:THR:CG2	2.27	0.65
1:AV:88:ILE:HG22	1:AV:92:ILE:HD11	1.78	0.65
1:AW:68:ALA:HB3	1:AW:456:ILE:CD1	2.22	0.65
1:AW:120:LEU:HD21	1:AW:383:LEU:CG	2.24	0.65
1:AX:251:GLY:N	1:AX:332:GLY:HA3	2.12	0.65
1:AX:325:SER:CA	1:AX:330:GLY:HA3	2.27	0.65
1:A2:93:LYS:HE2	1:AR:60:ASN:HD21	1.61	0.65
1:A4:490:ILE:HG22	1:A6:510:LEU:HD12	1.79	0.65
1:A5:260:ARG:O	1:A5:261:GLU:HG2	1.96	0.65

*Continued on next page...*



*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AA:256:SER:HA	1:AA:275:VAL:O	1.97	0.65
1:AA:283:ARG:HH12	1:AN:380:THR:HB	1.61	0.65
1:AB:93:LYS:HE2	1:AH:60:ASN:HD21	1.62	0.65
1:AE:262:LEU:HD11	1:AE:319:VAL:HG22	1.76	0.65
1:AE:291:VAL:O	1:AE:295:THR:HG23	1.96	0.65
1:AG:206:VAL:HG11	1:AW:294:ARG:NH2	2.11	0.65
1:AH:337:ILE:HG22	1:AH:342:HIS:CD2	2.32	0.65
1:AI:81:ALA:HB3	1:AI:138:LEU:HD11	1.79	0.65
1:AI:291:VAL:O	1:AI:295:THR:HG23	1.97	0.65
1:AJ:291:VAL:O	1:AJ:295:THR:HG23	1.96	0.65
1:AJ:451:GLU:CG	1:AU:122:GLU:HG3	2.27	0.65
1:AL:184:MET:HE1	1:AL:345:ILE:CG1	2.27	0.65
1:AN:291:VAL:O	1:AN:295:THR:HG23	1.97	0.65
1:AO:116:ILE:HD12	1:AO:418:VAL:HG21	1.77	0.65
1:AU:291:VAL:O	1:AU:295:THR:HG23	1.97	0.65
1:AV:249:THR:HG22	1:AV:403:ASN:ND2	2.12	0.65
1:AX:370:PHE:HA	1:AX:376:VAL:CG1	2.27	0.65
1:A2:83:ASP:HB2	1:A2:442:ARG:NH2	2.11	0.65
1:A2:186:ALA:CB	1:A2:334:PHE:HB2	2.27	0.65
1:A2:505:VAL:HG21	1:AV:25:LEU:HD21	1.77	0.65
1:A3:383:LEU:HA	1:A3:430:MET:CE	2.27	0.65
1:A6:186:ALA:CB	1:A6:334:PHE:HB2	2.27	0.65
1:A7:60:ASN:ND2	1:AP:93:LYS:HG2	2.10	0.65
1:A7:82:MET:O	1:A7:86:ILE:HG13	1.97	0.65
1:A8:451:GLU:HG3	1:AS:122:GLU:CB	2.23	0.65
1:AA:82:MET:HE2	1:AA:438:LEU:HD22	1.78	0.65
1:AA:174:MET:HE1	1:AA:398:ALA:HB2	1.77	0.65
1:AB:175:GLU:OE2	1:AB:358:ILE:HB	1.95	0.65
1:AC:370:PHE:HA	1:AC:376:VAL:CG1	2.27	0.65
1:AC:423:GLY:HA2	1:AC:426:ILE:CD1	2.27	0.65
1:AD:179:PHE:CD1	1:AD:184:MET:HE3	2.31	0.65
1:AF:179:PHE:HZ	1:AF:344:VAL:HG13	1.62	0.65
1:AG:126:ILE:HG12	1:AP:458:ASN:HD22	1.61	0.65
1:AK:174:MET:HE3	1:AK:398:ALA:HA	1.79	0.65
1:AM:186:ALA:CB	1:AM:334:PHE:HB2	2.27	0.65
1:AM:495:GLY:O	1:AM:499:MET:HG3	1.97	0.65
1:AR:291:VAL:O	1:AR:295:THR:HG23	1.96	0.65
1:AW:458:ASN:O	1:AW:462:THR:HG22	1.95	0.65
1:A6:203:VAL:HG21	1:A6:209:TYR:CD1	2.31	0.65
1:A6:475:ASP:CB	1:AP:4:ARG:HG2	2.27	0.65
1:A8:277:LYS:HG2	1:A8:278:ASN:ND2	2.11	0.65

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AB:360:VAL:HG23	1:AB:365:PHE:CD1	2.32	0.65
1:AE:513:LEU:CD1	1:AK:479:ALA:HA	2.27	0.65
1:AF:247:MET:HE1	1:AS:144:ASN:HD21	1.61	0.65
1:AF:396:SER:HA	1:AF:401:ASN:HD22	1.62	0.65
1:AG:472:GLN:HA	1:AJ:4:ARG:NH1	2.11	0.65
1:AH:173:ARG:CD	1:AH:357:ASP:HA	2.26	0.65
1:AO:291:VAL:HG23	1:AO:295:THR:CG2	2.27	0.65
1:AP:260:ARG:NH1	1:AP:323:SER:HB2	2.11	0.65
1:AR:277:LYS:HG2	1:AR:278:ASN:ND2	2.12	0.65
1:AR:383:LEU:HA	1:AR:430:MET:CE	2.26	0.65
1:AT:293:ASP:OD1	1:AT:294:ARG:HG3	1.95	0.65
1:AT:366:SER:CB	1:AT:371:HIS:HB2	2.26	0.65
1:AU:249:THR:HG22	1:AU:403:ASN:ND2	2.12	0.65
1:AX:396:SER:HA	1:AX:401:ASN:HD22	1.62	0.65
1:A1:186:ALA:CB	1:A1:334:PHE:HB2	2.27	0.65
1:A3:89:LEU:HD23	1:A3:92:ILE:HD13	1.77	0.65
1:A4:383:LEU:HA	1:A4:430:MET:HE2	1.79	0.65
1:A7:234:PHE:CD2	1:AJ:303:ILE:HD12	2.32	0.65
1:A9:291:VAL:O	1:A9:295:THR:HG23	1.97	0.65
1:AA:469:ALA:O	1:AA:473:ILE:HG22	1.96	0.65
1:AC:277:LYS:HG2	1:AC:278:ASN:ND2	2.11	0.65
1:AE:171:HIS:CD2	1:AE:382:ASN:HB3	2.32	0.65
1:AJ:325:SER:HA	1:AJ:330:GLY:HA3	1.78	0.65
1:AP:291:VAL:O	1:AP:295:THR:HG23	1.97	0.65
1:AQ:437:GLN:CD	1:AV:286:ASN:HD21	2.05	0.65
1:AR:179:PHE:HZ	1:AR:344:VAL:HG13	1.60	0.65
1:AS:370:PHE:HA	1:AS:376:VAL:HG11	1.79	0.65
1:AT:447:SER:HA	1:AT:450:MET:HE2	1.79	0.65
1:AX:260:ARG:NH1	1:AX:323:SER:HB2	2.12	0.65
1:A3:291:VAL:O	1:A3:295:THR:HG23	1.97	0.65
1:A3:455:THR:O	1:A3:459:ILE:HG12	1.96	0.65
1:A6:496:SER:CB	1:AT:512:LEU:HD23	2.27	0.65
1:AA:179:PHE:HD1	1:AA:184:MET:HE2	1.62	0.65
1:AB:250:GLY:O	1:AB:306:ARG:HD2	1.97	0.65
1:AE:291:VAL:HG23	1:AE:295:THR:CG2	2.26	0.65
1:AG:224:ILE:HD13	1:AG:345:ILE:O	1.97	0.65
1:AH:108:SER:O	1:AH:112:LEU:HD12	1.96	0.65
1:AI:370:PHE:HA	1:AI:376:VAL:HG11	1.78	0.65
1:AJ:15:HIS:CE1	1:AP:480:GLU:HB2	2.32	0.65
1:AL:149:ILE:HD11	1:AL:157:VAL:CG2	2.26	0.65
1:AM:215:ARG:NH1	1:AM:215:ARG:HB2	2.11	0.65

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AN:249:THR:HG22	1:AN:403:ASN:ND2	2.12	0.65
1:AP:224:ILE:HD11	1:AP:246:VAL:CG2	2.26	0.65
1:AR:174:MET:HE1	1:AR:398:ALA:HB2	1.77	0.65
1:AS:248:ALA:HA	1:AS:334:PHE:CZ	2.32	0.65
1:A2:279:ASP:HB3	1:A2:301:LEU:HD11	1.79	0.64
1:A4:103:GLY:CA	1:AT:74:MET:HE1	2.24	0.64
1:A6:179:PHE:HZ	1:A6:344:VAL:HG13	1.61	0.64
1:A8:25:LEU:CD2	1:AE:505:VAL:HG21	2.27	0.64
1:A9:103:GLY:HA2	1:AK:74:MET:HE1	1.79	0.64
1:A9:291:VAL:HG23	1:A9:295:THR:HG21	1.79	0.64
1:AE:370:PHE:HA	1:AE:376:VAL:CG1	2.26	0.64
1:AF:211:ILE:HD11	1:AF:238:LEU:CD1	2.25	0.64
1:AI:277:LYS:HG2	1:AI:278:ASN:ND2	2.11	0.64
1:AL:186:ALA:HB3	1:AL:334:PHE:HB2	1.79	0.64
1:AL:291:VAL:HG23	1:AL:295:THR:HG21	1.80	0.64
1:AM:120:LEU:HD21	1:AM:383:LEU:CG	2.26	0.64
1:AN:250:GLY:O	1:AN:306:ARG:HD2	1.98	0.64
1:AO:370:PHE:HA	1:AO:376:VAL:HG11	1.79	0.64
1:AP:469:ALA:O	1:AP:473:ILE:HG22	1.96	0.64
1:AW:248:ALA:HA	1:AW:334:PHE:CZ	2.32	0.64
1:A3:501:GLN:HG3	1:AL:485:PHE:CE2	2.32	0.64
1:A4:186:ALA:CB	1:A4:334:PHE:HB2	2.27	0.64
1:A4:429:ASP:OD1	1:AT:153:SER:HB3	1.97	0.64
1:A6:475:ASP:HB3	1:AP:4:ARG:HG2	1.79	0.64
1:A7:259:VAL:HB	1:A7:272:VAL:HG22	1.79	0.64
1:AD:167:ASP:HA	1:AD:384:ARG:HB2	1.78	0.64
1:AI:192:ASN:HA	1:AI:367:HIS:ND1	2.12	0.64
1:AL:99:ALA:HB2	1:AL:112:LEU:HD23	1.79	0.64
1:AL:291:VAL:O	1:AL:295:THR:HG23	1.97	0.64
1:AN:337:ILE:HG22	1:AN:342:HIS:CD2	2.32	0.64
1:AO:249:THR:HG22	1:AO:403:ASN:ND2	2.12	0.64
1:AP:259:VAL:CG2	1:AP:328:VAL:HG21	2.27	0.64
1:AQ:303:ILE:HD12	1:AR:234:PHE:CE1	2.32	0.64
1:A2:454:THR:HG21	1:AV:88:ILE:CD1	2.21	0.64
1:A7:291:VAL:HG23	1:A7:295:THR:HG21	1.79	0.64
1:A7:342:HIS:CE1	1:A7:344:VAL:HG23	2.33	0.64
1:AG:291:VAL:O	1:AG:295:THR:HG23	1.96	0.64
1:AH:120:LEU:HD21	1:AH:383:LEU:HG	1.77	0.64
1:AI:422:LYS:O	1:AI:426:ILE:HD13	1.97	0.64
1:AL:501:GLN:HG3	1:AP:485:PHE:CE2	2.33	0.64
1:AM:248:ALA:HA	1:AM:334:PHE:CZ	2.32	0.64

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AO:291:VAL:O	1:AO:295:THR:HG23	1.97	0.64
1:AQ:485:PHE:CE2	1:AR:501:GLN:HG3	2.32	0.64
1:AR:126:ILE:HG23	1:AU:458:ASN:HD21	1.63	0.64
1:AR:291:VAL:HG23	1:AR:295:THR:CG2	2.27	0.64
1:AS:501:GLN:HG3	1:AT:485:PHE:CE2	2.31	0.64
1:AW:423:GLY:O	1:AW:427:VAL:HG23	1.97	0.64
1:A1:398:ALA:CB	1:A1:426:ILE:HD11	2.27	0.64
1:A1:454:THR:HB	1:AB:122:GLU:OE2	1.97	0.64
1:A7:260:ARG:NH1	1:A7:323:SER:HB2	2.12	0.64
1:A8:279:ASP:HB3	1:A8:301:LEU:HD11	1.80	0.64
1:A9:512:LEU:HD23	1:AA:496:SER:CB	2.27	0.64
1:AA:175:GLU:OE2	1:AA:358:ILE:HB	1.97	0.64
1:AC:88:ILE:CD1	1:AX:454:THR:HG21	2.22	0.64
1:AE:292:LYS:HD3	1:AE:298:GLU:HA	1.79	0.64
1:AG:186:ALA:HB3	1:AG:334:PHE:HB2	1.80	0.64
1:AH:179:PHE:CD1	1:AH:184:MET:HE3	2.33	0.64
1:AH:186:ALA:CB	1:AH:334:PHE:HB2	2.27	0.64
1:AJ:277:LYS:HG2	1:AJ:278:ASN:ND2	2.11	0.64
1:AK:179:PHE:HZ	1:AK:344:VAL:HG13	1.62	0.64
1:AK:186:ALA:HB3	1:AK:334:PHE:HB2	1.78	0.64
1:AK:277:LYS:HG2	1:AK:278:ASN:ND2	2.12	0.64
1:AL:179:PHE:CD1	1:AL:184:MET:HE3	2.31	0.64
1:AP:248:ALA:HA	1:AP:334:PHE:CZ	2.33	0.64
1:AS:458:ASN:HD21	1:AT:126:ILE:HG23	1.63	0.64
1:AV:423:GLY:HA2	1:AV:426:ILE:HD13	1.79	0.64
1:AX:117:GLN:NE2	1:AX:387:ARG:HD2	2.13	0.64
1:A1:458:ASN:HD21	1:AB:126:ILE:HG23	1.62	0.64
1:A3:259:VAL:CG1	1:A3:262:LEU:HB2	2.28	0.64
1:A6:305:GLY:HA3	1:AT:212:GLU:OE2	1.97	0.64
1:A7:249:THR:HG21	1:A7:406:GLN:OE1	1.97	0.64
1:AB:366:SER:CB	1:AB:371:HIS:HB2	2.27	0.64
1:AC:179:PHE:HZ	1:AC:344:VAL:HG13	1.63	0.64
1:AJ:249:THR:HG21	1:AJ:406:GLN:OE1	1.97	0.64
1:AL:249:THR:HG21	1:AL:406:GLN:OE1	1.98	0.64
1:AR:82:MET:O	1:AR:86:ILE:HG13	1.98	0.64
1:AS:291:VAL:O	1:AS:295:THR:HG23	1.97	0.64
1:AU:74:MET:HG2	1:AU:137:MET:CE	2.26	0.64
1:AX:88:ILE:HG22	1:AX:92:ILE:HD11	1.79	0.64
1:A5:92:ILE:HD12	1:A5:92:ILE:H	1.62	0.64
1:A7:291:VAL:HG23	1:A7:295:THR:CG2	2.27	0.64
1:A7:501:GLN:HG3	1:AJ:485:PHE:CE2	2.31	0.64

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A8:8:ASN:HB3	1:A8:11:ALA:HB3	1.79	0.64
1:AB:263:THR:HG22	1:AB:268:GLU:HA	1.79	0.64
1:AJ:149:ILE:HD12	1:AJ:455:THR:HG21	1.80	0.64
1:AO:260:ARG:O	1:AO:261:GLU:HG2	1.96	0.64
1:AP:277:LYS:HG2	1:AP:278:ASN:ND2	2.12	0.64
1:AX:263:THR:CG2	1:AX:268:GLU:HG3	2.28	0.64
1:A3:82:MET:O	1:A3:86:ILE:HG13	1.97	0.64
1:A4:248:ALA:HA	1:A4:334:PHE:CZ	2.33	0.64
1:A5:366:SER:CB	1:A5:371:HIS:HB2	2.27	0.64
1:A6:512:LEU:HD23	1:AW:496:SER:CB	2.26	0.64
1:AB:81:ALA:HB3	1:AB:138:LEU:HD11	1.80	0.64
1:AC:410:ASN:HD21	1:AC:414:ILE:HG22	1.62	0.64
1:AD:184:MET:HE1	1:AD:345:ILE:CG1	2.28	0.64
1:AG:74:MET:HB3	1:AG:137:MET:HE1	1.78	0.64
1:AH:248:ALA:HA	1:AH:334:PHE:CE2	2.33	0.64
1:AK:263:THR:HG22	1:AK:268:GLU:HA	1.78	0.64
1:AL:395:ALA:HB2	1:AL:414:ILE:HG23	1.80	0.64
1:AO:186:ALA:HB3	1:AO:334:PHE:HB2	1.80	0.64
1:AP:249:THR:HG22	1:AP:403:ASN:ND2	2.13	0.64
1:AQ:173:ARG:CD	1:AQ:357:ASP:HA	2.26	0.64
1:AR:71:ALA:O	1:AR:75:VAL:HG23	1.98	0.64
1:AT:88:ILE:HG22	1:AT:92:ILE:HD11	1.78	0.64
1:AX:259:VAL:CG1	1:AX:262:LEU:HB2	2.27	0.64
1:A1:203:VAL:HG21	1:A1:209:TYR:CD2	2.33	0.64
1:A3:48:MET:SD	1:AS:442:ARG:HD3	2.38	0.64
1:A4:89:LEU:HD23	1:A4:92:ILE:HD13	1.79	0.64
1:A4:248:ALA:HA	1:A4:334:PHE:CE2	2.32	0.64
1:A6:34:SER:HA	1:AT:17:VAL:CG1	2.23	0.64
1:A8:249:THR:HG22	1:A8:403:ASN:ND2	2.13	0.64
1:AA:233:ARG:HH11	1:AA:233:ARG:HB3	1.63	0.64
1:AC:291:VAL:O	1:AC:295:THR:HG23	1.97	0.64
1:AE:260:ARG:O	1:AE:261:GLU:HG2	1.97	0.64
1:AH:303:ILE:HA	1:AI:234:PHE:CE2	2.32	0.64
1:AI:131:SER:HB3	1:AI:136:GLN:NE2	2.13	0.64
1:AI:291:VAL:HG23	1:AI:295:THR:CG2	2.28	0.64
1:AM:179:PHE:HZ	1:AM:344:VAL:HG13	1.62	0.64
1:AS:451:GLU:HG3	1:AT:122:GLU:HG3	1.79	0.64
1:AT:370:PHE:HA	1:AT:376:VAL:HG11	1.80	0.64
1:AU:186:ALA:HB3	1:AU:334:PHE:HB2	1.80	0.64
1:AU:187:SER:HB3	1:AU:335:ALA:CB	2.27	0.64
1:AW:312:ILE:HD12	1:AW:312:ILE:H	1.62	0.64

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A1:175:GLU:OE2	1:A1:358:ILE:HB	1.97	0.64
1:A5:179:PHE:HZ	1:A5:344:VAL:HG13	1.63	0.64
1:A7:348:LEU:HD21	1:A7:350:LEU:HD21	1.79	0.64
1:A9:81:ALA:HB3	1:A9:138:LEU:HD11	1.79	0.64
1:AH:81:ALA:HB3	1:AH:138:LEU:HD11	1.79	0.64
1:AK:192:ASN:HA	1:AK:367:HIS:ND1	2.13	0.64
1:AM:93:LYS:HE2	1:AU:60:ASN:ND2	2.13	0.64
1:AM:249:THR:HG22	1:AM:403:ASN:ND2	2.13	0.64
1:AQ:60:ASN:HD21	1:AV:93:LYS:HE2	1.62	0.64
1:AQ:186:ALA:CB	1:AQ:334:PHE:HB2	2.28	0.64
1:AR:396:SER:HA	1:AR:401:ASN:HD22	1.62	0.64
1:AS:89:LEU:HA	1:AS:92:ILE:HD12	1.78	0.64
1:AS:279:ASP:HB3	1:AS:301:LEU:HD11	1.77	0.64
1:A1:150:GLY:HA3	1:A1:155:THR:HB	1.80	0.64
1:A2:175:GLU:OE2	1:A2:358:ILE:HB	1.98	0.64
1:A3:366:SER:CB	1:A3:371:HIS:HB2	2.28	0.64
1:A6:173:ARG:CD	1:A6:357:ASP:HA	2.28	0.64
1:A6:291:VAL:HG23	1:A6:295:THR:CG2	2.26	0.64
1:A7:117:GLN:NE2	1:A7:387:ARG:HD2	2.13	0.64
1:AB:251:GLY:N	1:AB:332:GLY:HA3	2.13	0.64
1:AG:17:VAL:HG11	1:AM:34:SER:HA	1.78	0.64
1:AG:60:ASN:ND2	1:AW:93:LYS:HE2	2.13	0.64
1:AG:250:GLY:O	1:AG:306:ARG:HD2	1.98	0.64
1:AG:291:VAL:HG23	1:AG:295:THR:CG2	2.27	0.64
1:AK:260:ARG:NH1	1:AK:323:SER:HB2	2.13	0.64
1:AM:161:ILE:HG23	1:AM:445:MET:HE1	1.78	0.64
1:AM:383:LEU:HA	1:AM:430:MET:CE	2.27	0.64
1:AN:187:SER:HB3	1:AN:335:ALA:CB	2.28	0.64
1:AP:186:ALA:HB3	1:AP:334:PHE:HB2	1.80	0.64
1:AS:92:ILE:CG2	1:AS:116:ILE:HG23	2.27	0.64
1:AU:260:ARG:O	1:AU:261:GLU:HG2	1.98	0.64
1:AW:179:PHE:HZ	1:AW:344:VAL:HG13	1.63	0.64
1:A1:93:LYS:HE2	1:AI:60:ASN:ND2	2.12	0.63
1:A2:89:LEU:HD23	1:A2:92:ILE:HD13	1.80	0.63
1:A3:98:GLN:HG2	1:A3:112:LEU:HD21	1.80	0.63
1:A3:396:SER:HA	1:A3:401:ASN:HD22	1.63	0.63
1:A5:99:ALA:HB2	1:A5:112:LEU:CD2	2.25	0.63
1:A8:126:ILE:HG12	1:AE:458:ASN:ND2	2.13	0.63
1:A8:366:SER:CB	1:A8:371:HIS:HB2	2.28	0.63
1:AC:263:THR:CG2	1:AC:268:GLU:HG3	2.28	0.63
1:AD:6:ASN:O	1:AO:487:LYS:HE3	1.98	0.63

*Continued on next page...*



*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AD:204:ASN:HD21	1:AD:207:ASN:HB2	1.62	0.63
1:AD:325:SER:CA	1:AD:330:GLY:HA3	2.28	0.63
1:AE:184:MET:HE1	1:AE:345:ILE:CG1	2.28	0.63
1:AF:302:ASP:HB3	1:AF:308:ASN:ND2	2.13	0.63
1:AG:192:ASN:HA	1:AG:367:HIS:ND1	2.13	0.63
1:AH:71:ALA:O	1:AH:75:VAL:HG23	1.99	0.63
1:AH:455:THR:O	1:AH:459:ILE:HG23	1.98	0.63
1:AJ:261:GLU:OE2	1:AJ:322:ALA:HB2	1.98	0.63
1:AK:8:ASN:HB3	1:AK:11:ALA:HB3	1.79	0.63
1:AQ:99:ALA:HB2	1:AQ:112:LEU:CD2	2.14	0.63
1:AQ:396:SER:HA	1:AQ:401:ASN:HD22	1.64	0.63
1:AR:508:ASN:CA	1:AR:511:ARG:HG2	2.20	0.63
1:AS:192:ASN:HA	1:AS:367:HIS:ND1	2.13	0.63
1:AU:360:VAL:HG23	1:AU:365:PHE:CD1	2.34	0.63
1:A4:126:ILE:HG23	1:AF:458:ASN:HD21	1.63	0.63
1:A4:173:ARG:HH12	1:A4:378:GLU:HB3	1.62	0.63
1:A4:508:ASN:HA	1:A4:511:ARG:HG2	1.80	0.63
1:A8:46:SER:OG	1:AF:112:LEU:HD11	1.98	0.63
1:A9:175:GLU:OE2	1:A9:358:ILE:HB	1.97	0.63
1:A9:186:ALA:HB3	1:A9:334:PHE:HB2	1.80	0.63
1:AC:396:SER:HA	1:AC:401:ASN:HD22	1.62	0.63
1:AD:124:ASP:OD2	1:AD:166:SER:HB3	1.99	0.63
1:AD:396:SER:HA	1:AD:401:ASN:HD22	1.62	0.63
1:AF:149:ILE:HD11	1:AF:157:VAL:CG2	2.27	0.63
1:AF:291:VAL:HG23	1:AF:295:THR:HG21	1.80	0.63
1:AG:129:THR:HG21	1:AP:155:THR:HG23	1.78	0.63
1:AH:250:GLY:O	1:AH:306:ARG:HD2	1.98	0.63
1:AL:249:THR:HG22	1:AL:403:ASN:ND2	2.13	0.63
1:AQ:380:THR:HB	1:AV:283:ARG:HH12	1.63	0.63
1:AR:249:THR:HG22	1:AR:403:ASN:ND2	2.13	0.63
1:AS:249:THR:HG22	1:AS:403:ASN:ND2	2.13	0.63
1:AW:98:GLN:HG2	1:AW:112:LEU:HD21	1.79	0.63
1:AW:302:ASP:HB3	1:AW:308:ASN:ND2	2.13	0.63
1:AX:325:SER:HA	1:AX:330:GLY:HA3	1.78	0.63
1:AX:489:ASN:O	1:AX:493:GLN:HG2	1.96	0.63
1:A4:184:MET:O	1:A4:189:ALA:HB2	1.98	0.63
1:A5:226:ALA:O	1:A5:230:ILE:HG23	1.98	0.63
1:A6:46:SER:O	1:A6:50:ILE:HG22	1.98	0.63
1:A6:88:ILE:HG22	1:A6:92:ILE:HD11	1.81	0.63
1:A6:150:GLY:HA3	1:A6:155:THR:HB	1.80	0.63
1:A7:291:VAL:O	1:A7:295:THR:HG23	1.99	0.63

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A8:82:MET:O	1:A8:86:ILE:HG13	1.98	0.63
1:A8:250:GLY:O	1:A8:306:ARG:HD2	1.98	0.63
1:A8:423:GLY:HA2	1:A8:426:ILE:CD1	2.29	0.63
1:A9:122:GLU:CB	1:AH:451:GLU:HG3	2.25	0.63
1:AA:366:SER:CB	1:AA:371:HIS:HB2	2.28	0.63
1:AH:249:THR:HG22	1:AH:403:ASN:ND2	2.14	0.63
1:AI:179:PHE:HD1	1:AI:184:MET:HE2	1.63	0.63
1:AI:260:ARG:O	1:AI:261:GLU:HG2	1.98	0.63
1:AJ:82:MET:O	1:AJ:86:ILE:HG13	1.98	0.63
1:AJ:117:GLN:HE22	1:AJ:387:ARG:HD2	1.63	0.63
1:AK:506:GLN:O	1:AK:509:VAL:HG12	1.99	0.63
1:AM:174:MET:HE1	1:AM:398:ALA:HB2	1.79	0.63
1:AO:380:THR:HB	1:AQ:283:ARG:NH1	2.14	0.63
1:AQ:34:SER:HA	1:AR:17:VAL:CG1	2.27	0.63
1:AR:157:VAL:HG11	1:AR:452:LEU:HD21	1.80	0.63
1:AS:88:ILE:HD11	1:AS:122:GLU:OE1	1.99	0.63
1:AT:250:GLY:O	1:AT:306:ARG:HD2	1.99	0.63
1:AU:259:VAL:CG2	1:AU:328:VAL:HG21	2.28	0.63
1:AV:89:LEU:HD23	1:AV:92:ILE:HD13	1.80	0.63
1:AV:469:ALA:O	1:AV:473:ILE:HG22	1.99	0.63
1:AW:81:ALA:HB3	1:AW:138:LEU:HD11	1.80	0.63
1:AW:249:THR:HG22	1:AW:403:ASN:ND2	2.11	0.63
1:A1:472:GLN:HA	1:AI:4:ARG:NH1	2.12	0.63
1:A2:248:ALA:HA	1:A2:334:PHE:CE2	2.33	0.63
1:A3:383:LEU:HA	1:A3:430:MET:HE2	1.81	0.63
1:A5:186:ALA:HB3	1:A5:334:PHE:HB2	1.80	0.63
1:A5:501:GLN:HG3	1:AK:485:PHE:CE2	2.33	0.63
1:A6:75:VAL:HG13	1:A6:445:MET:CG	2.28	0.63
1:A6:115:ASP:OD1	1:AT:450:MET:HE1	1.98	0.63
1:A8:60:ASN:OD1	1:AN:93:LYS:HE2	1.98	0.63
1:A9:510:LEU:HD12	1:AB:490:ILE:CG2	2.28	0.63
1:AE:150:GLY:HA3	1:AE:155:THR:HB	1.81	0.63
1:AF:175:GLU:OE2	1:AF:358:ILE:HB	1.97	0.63
1:AG:150:GLY:HA3	1:AG:155:THR:HB	1.81	0.63
1:AI:263:THR:HG22	1:AI:268:GLU:HA	1.79	0.63
1:AM:161:ILE:CG2	1:AM:445:MET:HE1	2.28	0.63
1:AM:291:VAL:HG23	1:AM:295:THR:CG2	2.27	0.63
1:AN:186:ALA:HB3	1:AN:334:PHE:HB2	1.80	0.63
1:AP:150:GLY:HA3	1:AP:155:THR:HB	1.80	0.63
1:AQ:60:ASN:HD21	1:AV:93:LYS:HG2	1.64	0.63
1:AR:46:SER:OG	1:AV:112:LEU:HD11	1.99	0.63

*Continued on next page...*



*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AV:83:ASP:HB2	1:AV:442:ARG:NH2	2.13	0.63
1:AW:173:ARG:HH12	1:AW:378:GLU:HB3	1.64	0.63
1:AW:360:VAL:HG23	1:AW:365:PHE:CD1	2.33	0.63
1:AX:179:PHE:HZ	1:AX:344:VAL:HG13	1.63	0.63
1:A1:249:THR:HG22	1:A1:403:ASN:ND2	2.13	0.63
1:A1:490:ILE:HG22	1:AH:510:LEU:HD12	1.79	0.63
1:A2:116:ILE:HD13	1:A2:418:VAL:HG21	1.80	0.63
1:A2:383:LEU:HA	1:A2:430:MET:CE	2.29	0.63
1:A4:249:THR:HG22	1:A4:403:ASN:ND2	2.13	0.63
1:A4:360:VAL:HG23	1:A4:365:PHE:CD1	2.33	0.63
1:A5:5:ILE:HD13	1:AI:490:ILE:CG2	2.28	0.63
1:A7:149:ILE:HD12	1:A7:455:THR:HG21	1.81	0.63
1:A7:224:ILE:HD11	1:A7:246:VAL:HG22	1.79	0.63
1:A7:423:GLY:HA2	1:A7:426:ILE:CD1	2.29	0.63
1:A9:263:THR:HG22	1:A9:268:GLU:HA	1.79	0.63
1:A9:509:VAL:HG12	1:A9:510:LEU:HD23	1.81	0.63
1:AA:495:GLY:O	1:AA:499:MET:HG3	1.98	0.63
1:AG:260:ARG:O	1:AG:261:GLU:HG2	1.98	0.63
1:AG:458:ASN:HD21	1:AM:126:ILE:HG23	1.63	0.63
1:AH:452:LEU:O	1:AH:456:ILE:HG12	1.97	0.63
1:AK:38:ILE:HD11	1:AK:44:ASP:HB3	1.81	0.63
1:AP:291:VAL:HG23	1:AP:295:THR:CG2	2.28	0.63
1:AQ:116:ILE:HD12	1:AQ:418:VAL:HG21	1.80	0.63
1:AQ:179:PHE:HZ	1:AQ:344:VAL:HG13	1.64	0.63
1:AT:302:ASP:HB3	1:AT:308:ASN:HD21	1.63	0.63
1:AV:426:ILE:HD12	1:AV:426:ILE:H	1.62	0.63
1:AW:234:PHE:O	1:AW:238:LEU:HD12	1.98	0.63
1:AX:262:LEU:O	1:AX:269:ILE:HG22	1.99	0.63
1:A1:360:VAL:HG23	1:A1:365:PHE:CD1	2.34	0.63
1:A4:157:VAL:HG11	1:A4:452:LEU:HD21	1.80	0.63
1:A4:283:ARG:HH12	1:AT:380:THR:HB	1.64	0.63
1:A5:370:PHE:HA	1:A5:376:VAL:HG11	1.81	0.63
1:A8:370:PHE:HA	1:A8:376:VAL:HG11	1.81	0.63
1:A9:249:THR:HG22	1:A9:403:ASN:ND2	2.13	0.63
1:AD:186:ALA:HB3	1:AD:334:PHE:HB2	1.81	0.63
1:AE:92:ILE:CG2	1:AE:116:ILE:HG12	2.27	0.63
1:AF:93:LYS:HE2	1:AS:60:ASN:ND2	2.13	0.63
1:AF:249:THR:HG22	1:AF:403:ASN:ND2	2.14	0.63
1:AH:68:ALA:HB1	1:AH:456:ILE:HD11	1.81	0.63
1:AQ:248:ALA:HA	1:AQ:334:PHE:CE2	2.33	0.63
1:AT:8:ASN:HB3	1:AT:11:ALA:HB3	1.80	0.63

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A1:104:GLN:HB3	1:A1:108:SER:OG	1.98	0.63
1:A1:173:ARG:CD	1:A1:357:ASP:HA	2.28	0.63
1:A1:263:THR:HG22	1:A1:268:GLU:HA	1.80	0.63
1:A2:89:LEU:HA	1:A2:92:ILE:HD12	1.79	0.63
1:A2:263:THR:HG22	1:A2:268:GLU:HA	1.79	0.63
1:A6:249:THR:HG22	1:A6:403:ASN:ND2	2.13	0.63
1:A8:260:ARG:O	1:A8:261:GLU:HG2	1.98	0.63
1:A8:395:ALA:HB2	1:A8:414:ILE:HG23	1.81	0.63
1:AB:260:ARG:O	1:AB:261:GLU:HG2	1.99	0.63
1:AD:179:PHE:HZ	1:AD:344:VAL:HG13	1.64	0.63
1:AD:423:GLY:HA2	1:AD:426:ILE:CD1	2.28	0.63
1:AH:201:LYS:HB2	1:AH:359:ILE:CD1	2.29	0.63
1:AL:120:LEU:HD21	1:AL:166:SER:CB	2.29	0.63
1:AM:99:ALA:CB	1:AM:112:LEU:HD22	2.17	0.63
1:AP:201:LYS:HB2	1:AP:359:ILE:CD1	2.28	0.63
1:AS:263:THR:CG2	1:AS:268:GLU:HG3	2.28	0.63
1:AT:248:ALA:HA	1:AT:334:PHE:CZ	2.34	0.63
1:AW:201:LYS:HB2	1:AW:359:ILE:CD1	2.29	0.63
1:AW:248:ALA:HA	1:AW:334:PHE:CE2	2.34	0.63
1:AW:423:GLY:HA2	1:AW:426:ILE:HD13	1.80	0.63
1:A4:263:THR:HG22	1:A4:268:GLU:HA	1.79	0.63
1:A6:248:ALA:HA	1:A6:334:PHE:CE2	2.33	0.63
1:A9:234:PHE:CE1	1:AA:303:ILE:HA	2.33	0.63
1:AG:248:ALA:HA	1:AG:334:PHE:CE2	2.33	0.63
1:AG:383:LEU:HA	1:AG:430:MET:CE	2.29	0.63
1:AJ:71:ALA:O	1:AJ:75:VAL:HG23	1.99	0.63
1:AK:249:THR:HG21	1:AK:406:GLN:OE1	1.99	0.63
1:AK:260:ARG:O	1:AK:261:GLU:HG2	1.98	0.63
1:AL:248:ALA:HA	1:AL:334:PHE:CZ	2.34	0.63
1:AR:260:ARG:NH1	1:AR:323:SER:HB2	2.14	0.63
1:AS:234:PHE:HB3	1:AS:238:LEU:CD1	2.28	0.63
1:AT:179:PHE:CD1	1:AT:184:MET:HE3	2.34	0.63
1:A1:247:MET:HE1	1:AI:144:ASN:HD21	1.64	0.63
1:A2:249:THR:HG22	1:A2:403:ASN:ND2	2.13	0.63
1:A5:179:PHE:CD1	1:A5:184:MET:HE3	2.32	0.63
1:A5:291:VAL:HG23	1:A5:295:THR:HG21	1.81	0.63
1:A6:360:VAL:HG23	1:A6:365:PHE:CD1	2.33	0.63
1:A9:68:ALA:HB3	1:A9:456:ILE:CD1	2.29	0.63
1:AA:508:ASN:HA	1:AA:511:ARG:HG2	1.79	0.63
1:AB:249:THR:HG22	1:AB:403:ASN:ND2	2.14	0.63
1:AC:154:ASN:H	1:AR:425:MET:HE3	1.63	0.63

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AE:186:ALA:HB3	1:AE:334:PHE:HB2	1.81	0.63
1:AG:82:MET:HE2	1:AG:138:LEU:HD21	1.81	0.63
1:AG:201:LYS:HB2	1:AG:359:ILE:CD1	2.29	0.63
1:AH:68:ALA:HB3	1:AH:456:ILE:CD1	2.28	0.63
1:AK:71:ALA:O	1:AK:75:VAL:HG23	1.99	0.63
1:AK:184:MET:HE1	1:AK:345:ILE:CG1	2.22	0.63
1:AQ:383:LEU:HA	1:AQ:430:MET:CE	2.29	0.63
1:AS:38:ILE:HD11	1:AS:44:ASP:HB3	1.81	0.63
1:AT:495:GLY:C	1:AT:499:MET:HE3	2.24	0.63
1:AU:8:ASN:HB3	1:AU:11:ALA:HB3	1.80	0.63
1:AV:112:LEU:O	1:AV:116:ILE:HG13	1.99	0.63
1:AV:186:ALA:CB	1:AV:334:PHE:HB2	2.29	0.63
1:AW:89:LEU:HD23	1:AW:92:ILE:HD13	1.81	0.63
1:A2:150:GLY:HA3	1:A2:155:THR:HB	1.81	0.62
1:A2:303:ILE:HA	1:AM:234:PHE:CE1	2.34	0.62
1:A2:511:ARG:HG3	1:A2:512:LEU:N	2.14	0.62
1:A6:303:ILE:HA	1:AT:234:PHE:CE2	2.33	0.62
1:A7:89:LEU:HD23	1:A7:92:ILE:HD13	1.80	0.62
1:A8:146:GLU:OE1	1:A8:156:THR:HG21	1.99	0.62
1:AA:260:ARG:O	1:AA:261:GLU:HG2	1.98	0.62
1:AE:117:GLN:NE2	1:AE:387:ARG:HD2	2.14	0.62
1:AG:89:LEU:HD23	1:AG:92:ILE:HD13	1.81	0.62
1:AG:370:PHE:HA	1:AG:376:VAL:HG11	1.80	0.62
1:AI:8:ASN:HB3	1:AI:11:ALA:HB3	1.80	0.62
1:AI:120:LEU:HD21	1:AI:166:SER:OG	1.99	0.62
1:AK:249:THR:HG22	1:AK:403:ASN:ND2	2.12	0.62
1:AK:454:THR:HB	1:AN:122:GLU:OE1	1.99	0.62
1:AO:395:ALA:HB2	1:AO:414:ILE:HG23	1.81	0.62
1:AP:260:ARG:O	1:AP:261:GLU:HG2	1.98	0.62
1:AQ:248:ALA:HA	1:AQ:334:PHE:CZ	2.34	0.62
1:AR:192:ASN:HA	1:AR:367:HIS:ND1	2.14	0.62
1:AV:179:PHE:HD1	1:AV:184:MET:HE2	1.64	0.62
1:A2:50:ILE:HD11	1:AV:133:ASN:CG	2.25	0.62
1:A4:89:LEU:HA	1:A4:92:ILE:HD13	1.79	0.62
1:A4:179:PHE:CD1	1:A4:184:MET:HE3	2.34	0.62
1:A5:247:MET:HE3	1:A5:308:ASN:HB3	1.81	0.62
1:A7:230:ILE:HG13	1:A7:231:ILE:N	2.14	0.62
1:A9:249:THR:HG21	1:A9:406:GLN:OE1	2.00	0.62
1:A9:360:VAL:HG23	1:A9:365:PHE:CD1	2.34	0.62
1:AA:248:ALA:HA	1:AA:334:PHE:CZ	2.34	0.62
1:AB:98:GLN:HG2	1:AB:112:LEU:HD21	1.79	0.62

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AB:117:GLN:NE2	1:AB:387:ARG:HD2	2.14	0.62
1:AB:173:ARG:HH12	1:AB:378:GLU:HB3	1.64	0.62
1:AC:489:ASN:O	1:AC:493:GLN:HG2	1.99	0.62
1:AF:277:LYS:HG2	1:AF:278:ASN:ND2	2.14	0.62
1:AF:383:LEU:HA	1:AF:430:MET:HE2	1.81	0.62
1:AI:248:ALA:HA	1:AI:334:PHE:CZ	2.34	0.62
1:AI:260:ARG:NH1	1:AI:323:SER:HB2	2.15	0.62
1:AJ:396:SER:HA	1:AJ:401:ASN:HD22	1.64	0.62
1:AK:174:MET:HE1	1:AK:398:ALA:HB2	1.80	0.62
1:AM:81:ALA:HB3	1:AM:138:LEU:HD11	1.80	0.62
1:AP:8:ASN:HB3	1:AP:11:ALA:HB3	1.79	0.62
1:AP:184:MET:HE1	1:AP:345:ILE:CG1	2.30	0.62
1:AQ:157:VAL:HG11	1:AQ:452:LEU:CD2	2.29	0.62
1:AQ:260:ARG:O	1:AQ:261:GLU:HG2	1.99	0.62
1:AV:71:ALA:O	1:AV:75:VAL:HG23	1.99	0.62
1:AX:186:ALA:HB3	1:AX:334:PHE:HB2	1.81	0.62
1:AX:192:ASN:HA	1:AX:367:HIS:ND1	2.14	0.62
1:A1:68:ALA:HB3	1:A1:456:ILE:CD1	2.28	0.62
1:A1:260:ARG:O	1:A1:261:GLU:HG2	1.99	0.62
1:A3:325:SER:HA	1:A3:330:GLY:HA3	1.81	0.62
1:A4:175:GLU:OE2	1:A4:358:ILE:HB	1.98	0.62
1:A7:81:ALA:HB3	1:A7:138:LEU:HD11	1.81	0.62
1:A7:186:ALA:HB3	1:A7:334:PHE:HB2	1.80	0.62
1:A8:184:MET:HE1	1:A8:345:ILE:CG1	2.29	0.62
1:A9:248:ALA:HA	1:A9:334:PHE:CZ	2.34	0.62
1:AA:263:THR:HG22	1:AA:268:GLU:HA	1.80	0.62
1:AF:248:ALA:HA	1:AF:334:PHE:CE2	2.34	0.62
1:AH:8:ASN:HB3	1:AH:11:ALA:HB3	1.80	0.62
1:AH:485:PHE:CE2	1:AI:501:GLN:HG3	2.35	0.62
1:AJ:167:ASP:HA	1:AJ:384:ARG:HB2	1.81	0.62
1:AL:383:LEU:HA	1:AL:430:MET:CE	2.29	0.62
1:AU:88:ILE:HD11	1:AU:122:GLU:OE1	1.98	0.62
1:A1:249:THR:HG21	1:A1:406:GLN:OE1	1.99	0.62
1:A5:4:ARG:NH1	1:AH:472:GLN:HA	2.14	0.62
1:A9:328:VAL:HG12	1:A9:329:PHE:HD1	1.65	0.62
1:A9:510:LEU:HD12	1:AB:490:ILE:HG23	1.81	0.62
1:AB:186:ALA:CB	1:AB:334:PHE:HB2	2.29	0.62
1:AC:146:GLU:HG3	1:AR:421:LEU:HD21	1.82	0.62
1:AG:98:GLN:HG2	1:AG:112:LEU:HD21	1.82	0.62
1:AH:248:ALA:HA	1:AH:334:PHE:CZ	2.34	0.62
1:AH:260:ARG:O	1:AH:261:GLU:HG2	1.99	0.62

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AI:250:GLY:O	1:AI:306:ARG:HD2	1.98	0.62
1:AJ:179:PHE:HZ	1:AJ:344:VAL:HG13	1.64	0.62
1:AK:155:THR:HG23	1:AN:129:THR:HG21	1.80	0.62
1:AK:386:VAL:HG23	1:AK:430:MET:HE1	1.81	0.62
1:AL:171:HIS:CD2	1:AT:286:ASN:HD22	2.17	0.62
1:AN:260:ARG:NH1	1:AN:323:SER:HB2	2.15	0.62
1:AO:179:PHE:HZ	1:AO:344:VAL:HG13	1.64	0.62
1:AO:366:SER:CB	1:AO:371:HIS:HB2	2.29	0.62
1:AP:104:GLN:HB3	1:AP:108:SER:OG	1.99	0.62
1:AQ:250:GLY:O	1:AQ:306:ARG:HD2	1.98	0.62
1:AS:249:THR:HG21	1:AS:406:GLN:OE1	1.99	0.62
1:AS:396:SER:HA	1:AS:401:ASN:HD22	1.64	0.62
1:AT:260:ARG:O	1:AT:261:GLU:HG2	1.99	0.62
1:AU:370:PHE:HA	1:AU:376:VAL:HG11	1.81	0.62
1:AV:248:ALA:HA	1:AV:334:PHE:CE2	2.35	0.62
1:AX:456:ILE:HD13	1:AX:459:ILE:HD11	1.82	0.62
1:A1:179:PHE:CD1	1:A1:184:MET:HE3	2.34	0.62
1:A8:186:ALA:HB3	1:A8:334:PHE:HB2	1.81	0.62
1:A8:248:ALA:HA	1:A8:334:PHE:CE2	2.35	0.62
1:A9:149:ILE:HD13	1:A9:157:VAL:CG1	2.30	0.62
1:AA:186:ALA:CB	1:AA:334:PHE:HB2	2.30	0.62
1:AB:179:PHE:HD1	1:AB:184:MET:HE2	1.64	0.62
1:AB:249:THR:HG23	1:AB:405:ALA:HB3	1.81	0.62
1:AD:201:LYS:HB2	1:AD:359:ILE:CD1	2.29	0.62
1:AE:248:ALA:HA	1:AE:334:PHE:CZ	2.34	0.62
1:AF:293:ASP:OD2	1:AF:294:ARG:HG3	1.99	0.62
1:AH:370:PHE:HA	1:AH:376:VAL:HG11	1.81	0.62
1:AI:201:LYS:HB2	1:AI:359:ILE:CD1	2.29	0.62
1:AL:89:LEU:HA	1:AL:92:ILE:HD12	1.81	0.62
1:AM:184:MET:O	1:AM:189:ALA:HB2	1.99	0.62
1:AM:234:PHE:HB3	1:AM:238:LEU:HD11	1.81	0.62
1:AM:260:ARG:O	1:AM:261:GLU:HG2	1.99	0.62
1:AM:398:ALA:CB	1:AM:426:ILE:HD11	2.29	0.62
1:AQ:279:ASP:HB3	1:AQ:301:LEU:HD11	1.80	0.62
1:AR:201:LYS:HB2	1:AR:359:ILE:CD1	2.30	0.62
1:AR:248:ALA:HA	1:AR:334:PHE:CZ	2.34	0.62
1:AV:279:ASP:HB3	1:AV:301:LEU:HD11	1.81	0.62
1:AX:249:THR:HG22	1:AX:403:ASN:ND2	2.15	0.62
1:AX:366:SER:CB	1:AX:371:HIS:HB2	2.30	0.62
1:A3:157:VAL:HG11	1:A3:452:LEU:HD21	1.81	0.62
1:A5:511:ARG:HH12	1:A5:512:LEU:HD13	1.65	0.62

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A8:81:ALA:HB3	1:A8:138:LEU:HD11	1.82	0.62
1:A9:370:PHE:HA	1:A9:376:VAL:HG11	1.80	0.62
1:AA:82:MET:HE3	1:AA:164:THR:HG21	1.81	0.62
1:AD:78:ALA:O	1:AD:82:MET:HG3	1.99	0.62
1:AD:261:GLU:OE2	1:AD:322:ALA:HB2	1.99	0.62
1:AE:60:ASN:HD21	1:AK:93:LYS:CG	2.12	0.62
1:AE:89:LEU:HA	1:AE:92:ILE:HD12	1.81	0.62
1:AE:263:THR:CG2	1:AE:268:GLU:HG3	2.30	0.62
1:AL:5:ILE:CD1	1:AL:506:GLN:HG2	2.29	0.62
1:AM:360:VAL:HG23	1:AM:365:PHE:CD1	2.34	0.62
1:AN:104:GLN:HB3	1:AN:108:SER:OG	2.00	0.62
1:AO:455:THR:O	1:AO:459:ILE:HG23	1.99	0.62
1:AQ:380:THR:HB	1:AV:283:ARG:NH1	2.15	0.62
1:AR:126:ILE:HG12	1:AU:458:ASN:HD22	1.65	0.62
1:AR:187:SER:HB3	1:AR:335:ALA:CB	2.30	0.62
1:AX:116:ILE:CD1	1:AX:418:VAL:HG21	2.29	0.62
1:AX:247:MET:HE3	1:AX:402:ALA:CB	2.29	0.62
1:A1:33:SER:HB2	1:AQ:17:VAL:HG21	1.81	0.62
1:A1:248:ALA:HA	1:A1:334:PHE:CE2	2.34	0.62
1:A1:291:VAL:HG23	1:A1:295:THR:HG21	1.81	0.62
1:A2:81:ALA:HB3	1:A2:138:LEU:HD11	1.82	0.62
1:A3:99:ALA:HB2	1:A3:112:LEU:CD2	2.27	0.62
1:A3:248:ALA:HA	1:A3:334:PHE:CE2	2.34	0.62
1:A3:380:THR:HB	1:AS:283:ARG:HH12	1.65	0.62
1:A5:511:ARG:NH1	1:A5:512:LEU:HD13	2.13	0.62
1:A6:249:THR:HG21	1:A6:406:GLN:OE1	1.99	0.62
1:AA:283:ARG:NH1	1:AN:380:THR:HB	2.15	0.62
1:AB:283:ARG:HH12	1:AH:380:THR:HB	1.64	0.62
1:AC:186:ALA:HB3	1:AC:334:PHE:HB2	1.82	0.62
1:AD:291:VAL:O	1:AD:295:THR:HG23	1.99	0.62
1:AE:174:MET:HE1	1:AE:398:ALA:HB2	1.81	0.62
1:AF:496:SER:CB	1:AN:512:LEU:HD23	2.27	0.62
1:AH:291:VAL:O	1:AH:295:THR:HG23	1.99	0.62
1:AI:186:ALA:HB3	1:AI:334:PHE:HB2	1.81	0.62
1:AK:386:VAL:HG23	1:AK:430:MET:CE	2.30	0.62
1:AL:88:ILE:HG22	1:AL:92:ILE:HD11	1.80	0.62
1:AL:302:ASP:HB3	1:AL:308:ASN:ND2	2.14	0.62
1:AN:248:ALA:HA	1:AN:334:PHE:CZ	2.35	0.62
1:AN:263:THR:HG22	1:AN:268:GLU:HA	1.80	0.62
1:AT:120:LEU:HD11	1:AT:383:LEU:HG	1.82	0.62
1:AT:187:SER:HB3	1:AT:335:ALA:CB	2.30	0.62

*Continued on next page...*



*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AU:192:ASN:HA	1:AU:367:HIS:CE1	2.34	0.62
1:A1:302:ASP:HB3	1:A1:308:ASN:ND2	2.13	0.62
1:A1:511:ARG:HG3	1:A1:512:LEU:N	2.14	0.62
1:A3:120:LEU:HD21	1:A3:166:SER:CB	2.29	0.62
1:A3:150:GLY:HA3	1:A3:155:THR:HB	1.82	0.62
1:A3:260:ARG:O	1:A3:261:GLU:HG2	1.98	0.62
1:A7:100:ALA:HB2	1:A7:424:ALA:HB1	1.80	0.62
1:A7:366:SER:CB	1:A7:371:HIS:HB2	2.29	0.62
1:AA:247:MET:HE3	1:AA:308:ASN:HB3	1.81	0.62
1:AB:233:ARG:HB3	1:AB:233:ARG:HH11	1.64	0.62
1:AC:199:ASN:HB2	1:AC:210:LYS:HD2	1.80	0.62
1:AJ:76:GLN:O	1:AJ:80:LYS:HG2	1.99	0.62
1:AL:230:ILE:HG13	1:AL:231:ILE:N	2.15	0.62
1:AL:410:ASN:HD21	1:AL:414:ILE:HG22	1.63	0.62
1:AO:380:THR:HB	1:AQ:283:ARG:HH12	1.65	0.62
1:AP:97:VAL:HG22	1:AP:428:MET:SD	2.40	0.62
1:AR:116:ILE:HD12	1:AR:418:VAL:HG21	1.82	0.62
1:AT:71:ALA:O	1:AT:75:VAL:HG23	1.99	0.62
1:AW:260:ARG:O	1:AW:261:GLU:HG2	1.99	0.62
1:AX:423:GLY:HA2	1:AX:426:ILE:HD12	1.82	0.62
1:A1:88:ILE:HD11	1:AQ:454:THR:CG2	2.22	0.62
1:A1:116:ILE:HD13	1:A1:418:VAL:HG21	1.82	0.62
1:A2:174:MET:HE2	1:A2:398:ALA:HA	1.81	0.62
1:A5:76:GLN:O	1:A5:80:LYS:HG2	1.99	0.62
1:A5:250:GLY:O	1:A5:306:ARG:HD2	1.99	0.62
1:A6:211:ILE:CD1	1:A6:238:LEU:HD21	2.29	0.62
1:A7:260:ARG:O	1:A7:261:GLU:HG2	1.99	0.62
1:A8:99:ALA:HB2	1:A8:112:LEU:CD2	2.29	0.62
1:AA:173:ARG:HH12	1:AA:378:GLU:HB3	1.65	0.62
1:AB:294:ARG:NH2	1:AH:206:VAL:HG11	2.14	0.62
1:AE:46:SER:OG	1:AN:112:LEU:HD11	2.00	0.62
1:AE:71:ALA:O	1:AE:75:VAL:HG23	2.00	0.62
1:AF:248:ALA:HA	1:AF:334:PHE:CZ	2.35	0.62
1:AJ:155:THR:HG23	1:AU:129:THR:HG21	1.81	0.62
1:AJ:249:THR:HG22	1:AJ:403:ASN:ND2	2.14	0.62
1:AK:248:ALA:HA	1:AK:334:PHE:CZ	2.35	0.62
1:AL:150:GLY:HA3	1:AL:155:THR:HB	1.82	0.62
1:AM:175:GLU:OE2	1:AM:358:ILE:HB	1.99	0.62
1:AN:370:PHE:HA	1:AN:376:VAL:HG11	1.82	0.62
1:AP:82:MET:HG3	1:AP:138:LEU:CD2	2.29	0.62
1:AQ:249:THR:HG21	1:AQ:406:GLN:OE1	1.99	0.62

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AR:112:LEU:HD11	1:AX:46:SER:OG	2.00	0.62
1:AT:186:ALA:HB3	1:AT:334:PHE:HB2	1.82	0.62
1:AV:203:VAL:HG21	1:AV:209:TYR:CD2	2.35	0.62
1:AX:150:GLY:HA3	1:AX:155:THR:HB	1.82	0.62
1:A2:68:ALA:HB3	1:A2:456:ILE:CD1	2.30	0.62
1:A5:187:SER:HB3	1:A5:335:ALA:CB	2.30	0.62
1:A5:383:LEU:HA	1:A5:430:MET:CE	2.30	0.62
1:A6:353:THR:HG23	1:A6:433:SER:CB	2.28	0.62
1:A8:71:ALA:O	1:A8:75:VAL:HG23	2.00	0.62
1:A8:485:PHE:CE2	1:AE:501:GLN:HG3	2.35	0.62
1:AA:88:ILE:HG22	1:AA:92:ILE:HD11	1.81	0.62
1:AF:150:GLY:HA3	1:AF:155:THR:HB	1.82	0.62
1:AG:211:ILE:HD12	1:AG:234:PHE:HD2	1.65	0.62
1:AG:212:GLU:OE2	1:AM:305:GLY:HA3	2.00	0.62
1:AG:249:THR:HG22	1:AG:403:ASN:ND2	2.15	0.62
1:AH:249:THR:HG21	1:AH:406:GLN:OE1	1.99	0.62
1:AH:360:VAL:HG23	1:AH:365:PHE:CD1	2.34	0.62
1:AJ:99:ALA:HB2	1:AJ:112:LEU:CD2	2.30	0.62
1:AJ:174:MET:HE1	1:AJ:398:ALA:HB2	1.80	0.62
1:AJ:279:ASP:HB3	1:AJ:301:LEU:HD11	1.81	0.62
1:AK:179:PHE:HD1	1:AK:184:MET:HE2	1.64	0.62
1:AN:260:ARG:O	1:AN:261:GLU:HG2	1.99	0.62
1:AO:360:VAL:HG23	1:AO:365:PHE:CD1	2.35	0.62
1:AP:184:MET:HE1	1:AP:345:ILE:HG12	1.82	0.62
1:AQ:249:THR:HG22	1:AQ:403:ASN:ND2	2.15	0.62
1:AS:211:ILE:HD11	1:AS:238:LEU:HD11	1.81	0.62
1:AT:260:ARG:NH1	1:AT:323:SER:HB2	2.15	0.62
1:AT:291:VAL:HG23	1:AT:295:THR:CG2	2.29	0.62
1:AU:89:LEU:HA	1:AU:92:ILE:HD12	1.80	0.62
1:AU:179:PHE:CZ	1:AU:344:VAL:HG13	2.35	0.62
1:AV:248:ALA:HA	1:AV:334:PHE:CZ	2.34	0.62
1:AX:260:ARG:O	1:AX:261:GLU:HG2	1.99	0.62
1:AX:508:ASN:CA	1:AX:511:ARG:HG2	2.23	0.62
1:A2:184:MET:O	1:A2:189:ALA:HB2	1.99	0.61
1:A2:249:THR:HG21	1:A2:406:GLN:OE1	1.99	0.61
1:A3:382:ASN:ND2	1:AS:281:ASP:HB2	2.15	0.61
1:A5:71:ALA:O	1:A5:75:VAL:HG23	2.00	0.61
1:A6:108:SER:HB3	1:AL:50:ILE:HD11	1.82	0.61
1:A6:175:GLU:OE2	1:A6:358:ILE:HB	1.99	0.61
1:A9:224:ILE:CD1	1:A9:244:TYR:HB2	2.30	0.61
1:AB:5:ILE:HG12	1:AB:510:LEU:HD11	1.82	0.61

*Continued on next page...*



*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AC:46:SER:OG	1:AQ:112:LEU:HD11	1.99	0.61
1:AC:426:ILE:O	1:AC:430:MET:HG3	2.00	0.61
1:AD:264:ILE:CG2	1:AD:319:VAL:HG23	2.29	0.61
1:AE:81:ALA:HB3	1:AE:138:LEU:HD11	1.82	0.61
1:AH:186:ALA:HB3	1:AH:334:PHE:HB2	1.82	0.61
1:AM:263:THR:HG22	1:AM:268:GLU:HA	1.82	0.61
1:AO:132:PHE:HB3	1:AO:137:MET:CE	2.29	0.61
1:AP:71:ALA:O	1:AP:75:VAL:HG23	2.00	0.61
1:AP:510:LEU:HD12	1:AT:490:ILE:CG2	2.30	0.61
1:AT:508:ASN:CA	1:AT:511:ARG:HG2	2.22	0.61
1:AW:184:MET:O	1:AW:189:ALA:HB2	2.00	0.61
1:AX:264:ILE:HD11	1:AX:295:THR:HG21	1.82	0.61
1:A2:291:VAL:HG23	1:A2:295:THR:HG21	1.80	0.61
1:A2:360:VAL:HG23	1:A2:365:PHE:CD1	2.35	0.61
1:A6:383:LEU:HA	1:A6:430:MET:CE	2.29	0.61
1:A9:104:GLN:HB3	1:A9:108:SER:OG	1.99	0.61
1:AA:184:MET:O	1:AA:189:ALA:HB2	2.00	0.61
1:AA:312:ILE:H	1:AA:312:ILE:HD12	1.65	0.61
1:AE:325:SER:HA	1:AE:330:GLY:HA3	1.81	0.61
1:AO:48:MET:SD	1:AQ:442:ARG:HD3	2.40	0.61
1:AO:249:THR:HG21	1:AO:406:GLN:OE1	2.00	0.61
1:AU:249:THR:HG21	1:AU:406:GLN:OE1	2.00	0.61
1:AU:250:GLY:O	1:AU:306:ARG:HD2	2.00	0.61
1:AV:89:LEU:HA	1:AV:92:ILE:HD12	1.81	0.61
1:AW:508:ASN:HA	1:AW:511:ARG:HG2	1.82	0.61
1:AX:99:ALA:CB	1:AX:112:LEU:HD23	2.25	0.61
1:AX:264:ILE:HG22	1:AX:319:VAL:CB	2.29	0.61
1:A1:179:PHE:HZ	1:A1:344:VAL:HG13	1.64	0.61
1:A4:260:ARG:O	1:A4:261:GLU:HG2	2.00	0.61
1:A5:451:GLU:HG3	1:AK:122:GLU:HB2	1.82	0.61
1:A7:46:SER:OG	1:AG:112:LEU:HD11	2.00	0.61
1:A7:60:ASN:HD21	1:AP:93:LYS:CG	2.08	0.61
1:A9:149:ILE:HD13	1:A9:157:VAL:HG12	1.81	0.61
1:AA:248:ALA:HA	1:AA:334:PHE:CE2	2.35	0.61
1:AB:112:LEU:HD11	1:AI:46:SER:OG	1.99	0.61
1:AD:68:ALA:HB3	1:AD:456:ILE:CD1	2.30	0.61
1:AD:366:SER:CB	1:AD:371:HIS:HB2	2.31	0.61
1:AF:249:THR:HG21	1:AF:406:GLN:OE1	2.00	0.61
1:AG:319:VAL:HG12	1:AG:342:HIS:CD2	2.35	0.61
1:AH:508:ASN:CA	1:AH:511:ARG:HG2	2.20	0.61
1:AJ:360:VAL:HG23	1:AJ:365:PHE:CD1	2.35	0.61

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AM:149:ILE:HD12	1:AM:455:THR:HG21	1.83	0.61
1:AO:89:LEU:HA	1:AO:92:ILE:HD13	1.81	0.61
1:AO:291:VAL:HG23	1:AO:295:THR:HG21	1.83	0.61
1:AO:423:GLY:HA2	1:AO:426:ILE:CD1	2.30	0.61
1:AO:507:GLN:HB2	1:AR:490:ILE:HD11	1.82	0.61
1:AP:131:SER:HB3	1:AP:136:GLN:OE1	2.00	0.61
1:AQ:370:PHE:HA	1:AQ:376:VAL:HG11	1.81	0.61
1:AS:248:ALA:HA	1:AS:334:PHE:CE2	2.35	0.61
1:AT:248:ALA:HA	1:AT:334:PHE:CE2	2.35	0.61
1:AX:61:LEU:O	1:AX:65:ILE:HG13	2.01	0.61
1:A1:89:LEU:HA	1:A1:92:ILE:HD12	1.80	0.61
1:A2:88:ILE:HG22	1:A2:92:ILE:HD11	1.83	0.61
1:A2:108:SER:O	1:A2:112:LEU:HD12	1.99	0.61
1:A3:46:SER:HB2	1:AT:112:LEU:HD11	1.83	0.61
1:A6:149:ILE:HD11	1:A6:157:VAL:HG23	1.82	0.61
1:A6:248:ALA:HA	1:A6:334:PHE:CZ	2.36	0.61
1:A8:380:THR:HB	1:AN:283:ARG:HH12	1.65	0.61
1:AB:150:GLY:HA3	1:AB:155:THR:HB	1.83	0.61
1:AB:508:ASN:HA	1:AB:511:ARG:HG2	1.81	0.61
1:AG:260:ARG:NH1	1:AG:323:SER:HB2	2.14	0.61
1:AI:71:ALA:O	1:AI:75:VAL:HG23	2.00	0.61
1:AK:328:VAL:HG12	1:AK:329:PHE:HD1	1.66	0.61
1:AK:370:PHE:HA	1:AK:376:VAL:HG11	1.82	0.61
1:AL:396:SER:HA	1:AL:401:ASN:HD22	1.65	0.61
1:AM:230:ILE:HG13	1:AM:231:ILE:N	2.16	0.61
1:AO:60:ASN:HD21	1:AQ:93:LYS:HE2	1.65	0.61
1:AT:201:LYS:HB2	1:AT:359:ILE:CD1	2.31	0.61
1:AT:249:THR:HG22	1:AT:403:ASN:ND2	2.15	0.61
1:AW:161:ILE:HG12	1:AW:445:MET:HE2	1.82	0.61
1:AW:362:GLY:O	1:AW:365:PHE:HB3	2.01	0.61
1:AW:459:ILE:HA	1:AW:462:THR:HG22	1.81	0.61
1:A1:248:ALA:HA	1:A1:334:PHE:CZ	2.35	0.61
1:A3:88:ILE:HG22	1:A3:92:ILE:HD11	1.81	0.61
1:A3:155:THR:HG23	1:AL:129:THR:HG21	1.81	0.61
1:A3:264:ILE:HD11	1:A3:295:THR:HG21	1.81	0.61
1:A4:360:VAL:HG23	1:A4:365:PHE:HD1	1.66	0.61
1:A5:117:GLN:NE2	1:A5:387:ARG:HD2	2.15	0.61
1:A5:184:MET:HE1	1:A5:345:ILE:CG1	2.30	0.61
1:A6:458:ASN:HD21	1:AW:126:ILE:HG23	1.66	0.61
1:A9:260:ARG:O	1:A9:261:GLU:HG2	2.00	0.61
1:A9:454:THR:HB	1:AA:122:GLU:OE2	2.00	0.61

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AA:104:GLN:HB3	1:AA:108:SER:OG	2.00	0.61
1:AB:283:ARG:NH1	1:AH:380:THR:HB	2.16	0.61
1:AC:312:ILE:H	1:AC:312:ILE:HD12	1.66	0.61
1:AC:506:GLN:O	1:AC:509:VAL:HG12	2.00	0.61
1:AD:192:ASN:HA	1:AD:367:HIS:ND1	2.16	0.61
1:AE:60:ASN:ND2	1:AK:93:LYS:HG2	2.15	0.61
1:AF:260:ARG:O	1:AF:261:GLU:HG2	1.99	0.61
1:AH:116:ILE:CD1	1:AH:418:VAL:HG21	2.28	0.61
1:AI:249:THR:HG22	1:AI:403:ASN:ND2	2.15	0.61
1:AM:71:ALA:O	1:AM:75:VAL:HG23	2.00	0.61
1:AM:105:THR:HG21	1:AU:133:ASN:O	2.00	0.61
1:AM:186:ALA:HB3	1:AM:334:PHE:HB2	1.83	0.61
1:AN:38:ILE:CG2	1:AN:48:MET:HE3	2.29	0.61
1:AQ:38:ILE:HD11	1:AQ:44:ASP:HB3	1.83	0.61
1:AR:250:GLY:O	1:AR:306:ARG:HD2	2.01	0.61
1:AR:260:ARG:O	1:AR:261:GLU:HG2	1.98	0.61
1:AT:157:VAL:HG11	1:AT:452:LEU:CD2	2.31	0.61
1:AU:328:VAL:HG23	1:AU:329:PHE:CD1	2.36	0.61
1:AU:410:ASN:HD21	1:AU:414:ILE:HG22	1.66	0.61
1:AW:175:GLU:OE2	1:AW:358:ILE:HB	1.98	0.61
1:A1:75:VAL:HG11	1:A1:449:GLN:HB2	1.82	0.61
1:A8:187:SER:HB3	1:A8:335:ALA:CB	2.31	0.61
1:AC:137:MET:HB2	1:AC:138:LEU:HD12	1.83	0.61
1:AD:117:GLN:NE2	1:AD:387:ARG:HD2	2.15	0.61
1:AF:184:MET:O	1:AF:189:ALA:HB2	2.00	0.61
1:AF:234:PHE:HB3	1:AF:238:LEU:CD1	2.30	0.61
1:AJ:89:LEU:HA	1:AJ:92:ILE:HD13	1.82	0.61
1:AJ:312:ILE:H	1:AJ:312:ILE:HD12	1.66	0.61
1:AK:76:GLN:O	1:AK:80:LYS:HG2	2.01	0.61
1:AK:104:GLN:HB3	1:AK:108:SER:OG	2.01	0.61
1:AK:501:GLN:HG3	1:AN:485:PHE:CE2	2.35	0.61
1:AM:249:THR:HG21	1:AM:406:GLN:OE1	2.00	0.61
1:AN:214:VAL:HG11	1:AN:227:LEU:HB2	1.82	0.61
1:AO:99:ALA:HB2	1:AO:112:LEU:CD2	2.27	0.61
1:AQ:75:VAL:HG13	1:AQ:445:MET:CG	2.27	0.61
1:AQ:175:GLU:OE2	1:AQ:358:ILE:HB	2.00	0.61
1:AQ:211:ILE:HD11	1:AQ:238:LEU:HD11	1.81	0.61
1:AQ:312:ILE:HD12	1:AQ:312:ILE:H	1.65	0.61
1:AW:481:GLU:HA	1:AW:481:GLU:OE2	1.99	0.61
1:A2:248:ALA:HA	1:A2:334:PHE:CZ	2.35	0.61
1:A6:15:HIS:O	1:A6:19:VAL:HG12	2.01	0.61

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A6:250:GLY:O	1:A6:306:ARG:HD2	2.00	0.61
1:A6:260:ARG:O	1:A6:261:GLU:HG2	2.00	0.61
1:A8:380:THR:HB	1:AN:283:ARG:NH1	2.16	0.61
1:A9:184:MET:O	1:A9:189:ALA:HB2	2.00	0.61
1:A9:248:ALA:HA	1:A9:334:PHE:CE2	2.35	0.61
1:AA:89:LEU:HD23	1:AA:92:ILE:HD13	1.83	0.61
1:AA:281:ASP:HB2	1:AN:382:ASN:ND2	2.16	0.61
1:AB:211:ILE:HD13	1:AB:234:PHE:HD2	1.66	0.61
1:AC:126:ILE:HG12	1:AX:458:ASN:ND2	2.15	0.61
1:AC:249:THR:HG22	1:AC:403:ASN:ND2	2.14	0.61
1:AE:15:HIS:O	1:AE:19:VAL:HG12	2.01	0.61
1:AF:250:GLY:O	1:AF:306:ARG:HD2	2.00	0.61
1:AF:360:VAL:HG23	1:AF:365:PHE:CD1	2.35	0.61
1:AG:187:SER:HB3	1:AG:335:ALA:CB	2.31	0.61
1:AH:184:MET:O	1:AH:189:ALA:HB2	1.99	0.61
1:AJ:454:THR:HG21	1:AU:88:ILE:HD11	1.82	0.61
1:AM:302:ASP:HB3	1:AM:308:ASN:ND2	2.16	0.61
1:AP:248:ALA:HA	1:AP:334:PHE:CE2	2.36	0.61
1:AP:258:THR:HG22	1:AP:273:ASN:CA	2.20	0.61
1:AQ:263:THR:HG22	1:AQ:268:GLU:HA	1.82	0.61
1:AW:186:ALA:HB3	1:AW:334:PHE:HB2	1.82	0.61
1:A1:283:ARG:HH12	1:AI:380:THR:HB	1.66	0.61
1:A3:117:GLN:NE2	1:A3:387:ARG:HD2	2.15	0.61
1:A3:249:THR:HG22	1:A3:403:ASN:ND2	2.16	0.61
1:A4:81:ALA:HB3	1:A4:138:LEU:HD11	1.83	0.61
1:A4:283:ARG:NH1	1:AT:380:THR:HB	2.16	0.61
1:A4:302:ASP:HB3	1:A4:308:ASN:HD21	1.66	0.61
1:A5:248:ALA:HA	1:A5:334:PHE:CZ	2.36	0.61
1:A8:76:GLN:O	1:A8:80:LYS:HG2	2.00	0.61
1:A8:179:PHE:HZ	1:A8:344:VAL:HG13	1.66	0.61
1:AC:423:GLY:HA2	1:AC:426:ILE:HD13	1.83	0.61
1:AD:201:LYS:HB2	1:AD:359:ILE:HD11	1.81	0.61
1:AD:360:VAL:HG23	1:AD:365:PHE:CD1	2.35	0.61
1:AF:186:ALA:HB3	1:AF:334:PHE:HB2	1.83	0.61
1:AG:249:THR:HG21	1:AG:406:GLN:OE1	2.00	0.61
1:AH:104:GLN:HB3	1:AH:108:SER:OG	2.00	0.61
1:AI:149:ILE:HD13	1:AI:157:VAL:CG1	2.31	0.61
1:AI:421:LEU:HD11	1:AI:425:MET:HE2	1.81	0.61
1:AJ:186:ALA:HB3	1:AJ:334:PHE:HB2	1.82	0.61
1:AJ:263:THR:CG2	1:AJ:268:GLU:HG3	2.30	0.61
1:AN:279:ASP:HB3	1:AN:301:LEU:HD11	1.81	0.61

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AN:410:ASN:HD21	1:AN:414:ILE:HG22	1.64	0.61
1:AP:68:ALA:HB3	1:AP:456:ILE:CD1	2.30	0.61
1:AT:201:LYS:HA	1:AT:208:ASP:HB2	1.82	0.61
1:AU:478:PHE:CE2	1:AX:5:ILE:HG21	2.36	0.61
1:AV:68:ALA:O	1:AV:72:ILE:HG13	2.00	0.61
1:AV:260:ARG:O	1:AV:261:GLU:HG2	2.00	0.61
1:AW:250:GLY:O	1:AW:306:ARG:HD2	2.01	0.61
1:A2:122:GLU:HG3	1:AM:451:GLU:HG2	1.82	0.61
1:A4:150:GLY:HA3	1:A4:155:THR:HB	1.83	0.61
1:A6:328:VAL:HG12	1:A6:329:PHE:HD1	1.64	0.61
1:A7:107:GLU:HA	1:A7:110:ARG:HD3	1.81	0.61
1:A7:292:LYS:HD3	1:A7:298:GLU:HA	1.83	0.61
1:A7:362:GLY:O	1:A7:365:PHE:HB3	2.00	0.61
1:A8:382:ASN:ND2	1:AN:281:ASP:HB2	2.16	0.61
1:A8:396:SER:HA	1:A8:401:ASN:HD22	1.66	0.61
1:A8:508:ASN:CA	1:A8:511:ARG:HG2	2.22	0.61
1:AC:116:ILE:HD12	1:AC:418:VAL:HG21	1.82	0.61
1:AC:260:ARG:O	1:AC:261:GLU:HG2	1.98	0.61
1:AE:153:SER:HB2	1:AK:429:ASP:OD1	2.01	0.61
1:AG:131:SER:HB3	1:AG:136:GLN:OE1	2.01	0.61
1:AH:293:ASP:OD1	1:AH:294:ARG:HG3	2.00	0.61
1:AS:117:GLN:NE2	1:AS:387:ARG:HD2	2.16	0.61
1:AS:187:SER:HB3	1:AS:335:ALA:CB	2.30	0.61
1:AS:312:ILE:H	1:AS:312:ILE:HD12	1.65	0.61
1:AS:352:ARG:HD3	1:AS:354:ASP:OD2	2.01	0.61
1:AV:150:GLY:HA3	1:AV:155:THR:HB	1.83	0.61
1:AX:81:ALA:HB3	1:AX:138:LEU:HD11	1.82	0.61
1:AX:312:ILE:H	1:AX:312:ILE:HD12	1.65	0.61
1:A1:89:LEU:HD23	1:A1:92:ILE:HD13	1.83	0.61
1:A6:65:ILE:CG1	1:A6:459:ILE:HD12	2.31	0.61
1:A6:234:PHE:CE2	1:AW:303:ILE:HD12	2.36	0.61
1:A7:410:ASN:HD21	1:A7:414:ILE:HG22	1.65	0.61
1:A8:212:GLU:OE2	1:AS:305:GLY:HA3	2.00	0.61
1:A8:263:THR:HG22	1:A8:268:GLU:HA	1.81	0.61
1:A9:82:MET:HE1	1:A9:445:MET:CE	2.31	0.61
1:A9:283:ARG:NH1	1:AK:380:THR:HB	2.16	0.61
1:AA:92:ILE:CG2	1:AA:116:ILE:HG12	2.28	0.61
1:AB:89:LEU:HA	1:AB:92:ILE:HD13	1.82	0.61
1:AB:248:ALA:HA	1:AB:334:PHE:CZ	2.36	0.61
1:AC:250:GLY:O	1:AC:306:ARG:HD2	2.01	0.61
1:AE:360:VAL:HG23	1:AE:365:PHE:CD1	2.35	0.61

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AF:284:LEU:O	1:AF:288:ILE:HG12	2.01	0.61
1:AG:89:LEU:HA	1:AG:92:ILE:HD13	1.82	0.61
1:AG:395:ALA:HB2	1:AG:414:ILE:HG23	1.82	0.61
1:AN:192:ASN:HA	1:AN:367:HIS:ND1	2.15	0.61
1:AN:234:PHE:HB3	1:AN:238:LEU:CD1	2.30	0.61
1:AO:248:ALA:HA	1:AO:334:PHE:CZ	2.36	0.61
1:AP:249:THR:HG21	1:AP:406:GLN:OE1	1.99	0.61
1:AP:508:ASN:CA	1:AP:511:ARG:HG2	2.25	0.61
1:AQ:471:SER:HB2	1:AQ:475:ASP:OD1	2.00	0.61
1:AR:81:ALA:HB3	1:AR:138:LEU:HD11	1.82	0.61
1:AU:71:ALA:O	1:AU:75:VAL:HG23	2.01	0.61
1:AX:100:ALA:HB2	1:AX:424:ALA:HB1	1.82	0.61
1:A2:512:LEU:HD23	1:AV:496:SER:OG	2.01	0.60
1:A3:4:ARG:NH1	1:AS:472:GLN:HA	2.15	0.60
1:A3:209:TYR:HE2	1:A3:237:THR:HG22	1.66	0.60
1:A9:179:PHE:HD1	1:A9:184:MET:HE2	1.66	0.60
1:AD:423:GLY:HA2	1:AD:426:ILE:HD13	1.82	0.60
1:AF:203:VAL:HG21	1:AF:209:TYR:HD1	1.65	0.60
1:AF:442:ARG:HD3	1:AS:48:MET:SD	2.41	0.60
1:AH:88:ILE:CD1	1:AI:454:THR:HG21	2.28	0.60
1:AH:260:ARG:NH1	1:AH:323:SER:HB2	2.16	0.60
1:AI:175:GLU:OE2	1:AI:358:ILE:HB	2.01	0.60
1:AL:248:ALA:HA	1:AL:334:PHE:CE2	2.36	0.60
1:AL:312:ILE:HD12	1:AL:312:ILE:H	1.65	0.60
1:AO:192:ASN:HA	1:AO:367:HIS:ND1	2.15	0.60
1:AO:383:LEU:HA	1:AO:430:MET:HE2	1.83	0.60
1:AV:184:MET:O	1:AV:189:ALA:HB2	2.01	0.60
1:A1:85:GLN:HE21	1:A1:138:LEU:HD23	1.65	0.60
1:A1:305:GLY:HA3	1:AQ:212:GLU:OE2	2.00	0.60
1:A1:508:ASN:CA	1:A1:511:ARG:HG2	2.28	0.60
1:A2:93:LYS:HG2	1:AR:60:ASN:HD21	1.66	0.60
1:A3:187:SER:HB3	1:A3:335:ALA:CB	2.31	0.60
1:A3:380:THR:HB	1:AS:283:ARG:NH1	2.16	0.60
1:A4:294:ARG:HH11	1:A4:294:ARG:HG3	1.67	0.60
1:A5:458:ASN:HD22	1:AK:126:ILE:HG12	1.66	0.60
1:A6:122:GLU:HB2	1:AT:451:GLU:HG3	1.83	0.60
1:A6:370:PHE:HA	1:A6:376:VAL:HG11	1.82	0.60
1:A6:454:THR:HB	1:AW:122:GLU:OE2	2.02	0.60
1:A8:249:THR:HG21	1:A8:406:GLN:OE1	2.01	0.60
1:A9:89:LEU:HD23	1:A9:92:ILE:HD13	1.83	0.60
1:AA:78:ALA:O	1:AA:82:MET:HG3	2.01	0.60

*Continued on next page...*



*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AA:233:ARG:HB3	1:AA:233:ARG:NH1	2.16	0.60
1:AC:187:SER:HB3	1:AC:335:ALA:CB	2.31	0.60
1:AC:508:ASN:CA	1:AC:511:ARG:HG2	2.25	0.60
1:AE:60:ASN:ND2	1:AK:93:LYS:HE2	2.15	0.60
1:AE:259:VAL:HG11	1:AE:262:LEU:HD22	1.82	0.60
1:AE:263:THR:HG22	1:AE:268:GLU:HG3	1.84	0.60
1:AH:4:ARG:HH11	1:AH:4:ARG:HG3	1.65	0.60
1:AH:122:GLU:HG3	1:AI:451:GLU:HG3	1.83	0.60
1:AH:201:LYS:HB2	1:AH:359:ILE:HD11	1.83	0.60
1:AK:175:GLU:HG2	1:AK:378:GLU:CG	2.29	0.60
1:AN:249:THR:HG21	1:AN:406:GLN:OE1	2.00	0.60
1:AO:131:SER:HB3	1:AO:136:GLN:OE1	2.02	0.60
1:AP:224:ILE:HG13	1:AP:244:TYR:HB2	1.84	0.60
1:AP:312:ILE:H	1:AP:312:ILE:HD12	1.65	0.60
1:AR:312:ILE:H	1:AR:312:ILE:HD12	1.66	0.60
1:AT:41:ALA:N	1:AT:48:MET:HE1	2.16	0.60
1:AV:81:ALA:HB3	1:AV:138:LEU:HD11	1.82	0.60
1:AV:263:THR:HG22	1:AV:268:GLU:HA	1.83	0.60
1:A3:186:ALA:HB3	1:A3:334:PHE:HB2	1.83	0.60
1:A3:259:VAL:HB	1:A3:272:VAL:HG22	1.82	0.60
1:A3:263:THR:HG22	1:A3:268:GLU:HG3	1.82	0.60
1:A4:362:GLY:O	1:A4:365:PHE:HB3	2.01	0.60
1:A5:305:GLY:HA3	1:AD:212:GLU:OE2	2.01	0.60
1:A5:312:ILE:H	1:A5:312:ILE:HD12	1.66	0.60
1:A5:454:THR:HG21	1:AK:88:ILE:CD1	2.28	0.60
1:A6:186:ALA:HB3	1:A6:334:PHE:HB2	1.83	0.60
1:A8:360:VAL:HG23	1:A8:365:PHE:CD1	2.36	0.60
1:A8:506:GLN:O	1:A8:509:VAL:HG12	2.01	0.60
1:AA:337:ILE:HG22	1:AA:342:HIS:CG	2.36	0.60
1:AB:105:THR:HG21	1:AH:133:ASN:O	2.01	0.60
1:AB:166:SER:O	1:AB:383:LEU:HB3	2.00	0.60
1:AF:89:LEU:HA	1:AF:92:ILE:HD13	1.83	0.60
1:AF:126:ILE:HG23	1:AN:458:ASN:HD21	1.65	0.60
1:AG:8:ASN:HB3	1:AG:11:ALA:HB3	1.82	0.60
1:AK:149:ILE:HD12	1:AK:455:THR:HG21	1.82	0.60
1:AL:71:ALA:O	1:AL:75:VAL:HG23	2.01	0.60
1:AL:76:GLN:O	1:AL:80:LYS:HG2	2.01	0.60
1:AL:89:LEU:HD23	1:AL:92:ILE:HD13	1.83	0.60
1:AN:179:PHE:HZ	1:AN:344:VAL:HG13	1.65	0.60
1:AO:5:ILE:CD1	1:AO:506:GLN:HG2	2.31	0.60
1:AO:250:GLY:O	1:AO:306:ARG:HD2	2.01	0.60

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AP:179:PHE:HZ	1:AP:344:VAL:HG13	1.65	0.60
1:AQ:41:ALA:N	1:AQ:48:MET:HE1	2.16	0.60
1:AR:35:GLY:O	1:AR:476:VAL:HG12	2.01	0.60
1:AR:279:ASP:HB3	1:AR:301:LEU:HD11	1.83	0.60
1:AS:175:GLU:HG2	1:AS:378:GLU:CG	2.30	0.60
1:AV:371:HIS:CB	1:AV:374:GLN:HG3	2.31	0.60
1:AV:508:ASN:HA	1:AV:511:ARG:HG2	1.81	0.60
1:AW:78:ALA:O	1:AW:82:MET:HG3	2.02	0.60
1:AW:279:ASP:HB3	1:AW:301:LEU:HD11	1.83	0.60
1:A6:454:THR:HG21	1:AW:88:ILE:CD1	2.29	0.60
1:A7:50:ILE:HD11	1:AG:108:SER:HB3	1.82	0.60
1:A7:61:LEU:HB3	1:A7:463:GLN:HB2	1.82	0.60
1:A7:192:ASN:HA	1:A7:367:HIS:ND1	2.16	0.60
1:A7:277:LYS:HB2	2:A7:609:P8E:O1B	2.01	0.60
1:AD:508:ASN:CA	1:AD:511:ARG:HG2	2.24	0.60
1:AE:216:ILE:HD13	1:AE:223:GLY:HA2	1.81	0.60
1:AI:209:TYR:CE2	1:AI:237:THR:HG22	2.36	0.60
1:AI:303:ILE:O	1:AO:234:PHE:HE1	1.84	0.60
1:AJ:302:ASP:HB3	1:AJ:308:ASN:ND2	2.16	0.60
1:AJ:366:SER:CB	1:AJ:371:HIS:HB2	2.32	0.60
1:AK:360:VAL:HG23	1:AK:365:PHE:CD1	2.36	0.60
1:AL:201:LYS:HB2	1:AL:359:ILE:HD11	1.82	0.60
1:AL:263:THR:CG2	1:AL:268:GLU:HG3	2.31	0.60
1:AL:380:THR:HB	1:AT:283:ARG:NH1	2.17	0.60
1:AM:81:ALA:CB	1:AM:138:LEU:HD11	2.31	0.60
1:AM:337:ILE:HG22	1:AM:342:HIS:CG	2.37	0.60
1:AO:179:PHE:CZ	1:AO:344:VAL:HG13	2.36	0.60
1:AQ:99:ALA:HA	1:AQ:104:GLN:OE1	2.01	0.60
1:AQ:260:ARG:NH1	1:AQ:323:SER:HB2	2.17	0.60
1:AQ:508:ASN:CA	1:AQ:511:ARG:HG2	2.20	0.60
1:AS:362:GLY:O	1:AS:365:PHE:HB3	2.01	0.60
1:AV:78:ALA:HB3	1:AV:445:MET:HE1	1.82	0.60
1:AX:445:MET:HE2	1:AX:445:MET:CA	2.32	0.60
1:A1:41:ALA:HA	1:A1:48:MET:CE	2.31	0.60
1:A2:302:ASP:HB3	1:A2:308:ASN:HD21	1.67	0.60
1:A3:120:LEU:HD21	1:A3:166:SER:HB2	1.82	0.60
1:A4:68:ALA:HB3	1:A4:456:ILE:CD1	2.31	0.60
1:A9:93:LYS:HE2	1:AK:60:ASN:ND2	2.15	0.60
1:AB:68:ALA:O	1:AB:72:ILE:HG13	2.01	0.60
1:AD:249:THR:HG22	1:AD:403:ASN:ND2	2.15	0.60
1:AE:366:SER:CB	1:AE:371:HIS:HB2	2.31	0.60

*Continued on next page...*



*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AK:312:ILE:H	1:AK:312:ILE:HD12	1.65	0.60
1:AM:386:VAL:HG22	1:AM:427:VAL:HG22	1.84	0.60
1:AN:189:ALA:HB3	1:AN:343:ALA:HB3	1.83	0.60
1:AO:279:ASP:HB3	1:AO:301:LEU:HD11	1.82	0.60
1:AR:203:VAL:HG11	1:AR:238:LEU:HD22	1.82	0.60
1:AU:104:GLN:HB3	1:AU:108:SER:OG	2.01	0.60
1:AU:248:ALA:HA	1:AU:334:PHE:CZ	2.37	0.60
1:AU:360:VAL:HG23	1:AU:365:PHE:HD1	1.67	0.60
1:A1:234:PHE:CE2	1:AB:303:ILE:HA	2.36	0.60
1:A2:71:ALA:O	1:A2:75:VAL:HG23	2.01	0.60
1:A3:100:ALA:HB2	1:A3:424:ALA:HB1	1.83	0.60
1:A3:247:MET:HE3	1:A3:402:ALA:HB2	1.84	0.60
1:A4:263:THR:CG2	1:A4:268:GLU:HG3	2.32	0.60
1:A4:370:PHE:HA	1:A4:376:VAL:HG11	1.83	0.60
1:A5:423:GLY:HA2	1:A5:426:ILE:HD13	1.82	0.60
1:A6:105:THR:HG21	1:AP:133:ASN:O	2.01	0.60
1:A6:458:ASN:HD22	1:AW:126:ILE:HG12	1.67	0.60
1:A7:187:SER:HB3	1:A7:335:ALA:CB	2.31	0.60
1:A7:352:ARG:HD3	1:A7:354:ASP:OD2	2.01	0.60
1:A7:360:VAL:HG23	1:A7:365:PHE:CD1	2.37	0.60
1:AA:71:ALA:O	1:AA:75:VAL:HG23	2.02	0.60
1:AA:249:THR:HG23	1:AA:405:ALA:HB3	1.83	0.60
1:AC:6:ASN:HD22	1:AR:36:LEU:HD23	1.64	0.60
1:AC:166:SER:O	1:AC:383:LEU:HB3	2.02	0.60
1:AC:248:ALA:HA	1:AC:334:PHE:CE2	2.36	0.60
1:AE:179:PHE:CD1	1:AE:184:MET:HE3	2.36	0.60
1:AF:279:ASP:HB3	1:AF:301:LEU:HD11	1.82	0.60
1:AG:175:GLU:OE2	1:AG:358:ILE:HB	2.00	0.60
1:AH:81:ALA:CB	1:AH:138:LEU:HD11	2.30	0.60
1:AJ:187:SER:HB3	1:AJ:335:ALA:CB	2.32	0.60
1:AK:89:LEU:HA	1:AK:92:ILE:HD13	1.81	0.60
1:AM:35:GLY:O	1:AM:476:VAL:HG12	2.02	0.60
1:AN:248:ALA:HA	1:AN:334:PHE:CE2	2.37	0.60
1:AO:68:ALA:O	1:AO:72:ILE:HG13	2.02	0.60
1:AP:360:VAL:HG23	1:AP:365:PHE:CD1	2.36	0.60
1:AT:150:GLY:HA3	1:AT:155:THR:HB	1.84	0.60
1:AW:68:ALA:O	1:AW:72:ILE:HG13	2.00	0.60
1:AX:248:ALA:HA	1:AX:334:PHE:CZ	2.37	0.60
1:AX:262:LEU:HD23	1:AX:269:ILE:HG21	1.83	0.60
1:A2:186:ALA:HB3	1:A2:334:PHE:HB2	1.84	0.60
1:A4:103:GLY:HA2	1:AT:74:MET:CE	2.31	0.60

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A6:312:ILE:H	1:A6:312:ILE:HD12	1.66	0.60
1:A7:360:VAL:HG23	1:A7:365:PHE:HD1	1.66	0.60
1:A7:510:LEU:HD12	1:AL:490:ILE:CG2	2.30	0.60
1:A8:248:ALA:HA	1:A8:334:PHE:CZ	2.36	0.60
1:A9:283:ARG:HH12	1:AK:380:THR:HB	1.67	0.60
1:AB:383:LEU:HA	1:AB:430:MET:HE2	1.84	0.60
1:AC:511:ARG:HH12	1:AC:512:LEU:CD1	2.15	0.60
1:AD:469:ALA:O	1:AD:473:ILE:HG22	2.02	0.60
1:AE:100:ALA:HB2	1:AE:424:ALA:HB1	1.83	0.60
1:AF:179:PHE:HD1	1:AF:184:MET:HE2	1.65	0.60
1:AG:155:THR:HG23	1:AM:129:THR:HG21	1.83	0.60
1:AL:179:PHE:HZ	1:AL:344:VAL:HG13	1.67	0.60
1:AL:366:SER:CB	1:AL:371:HIS:HB2	2.31	0.60
1:AP:259:VAL:HG22	1:AP:328:VAL:CG2	2.31	0.60
1:AR:175:GLU:OE2	1:AR:358:ILE:HB	2.01	0.60
1:AW:249:THR:HG21	1:AW:406:GLN:OE1	2.00	0.60
1:AW:291:VAL:HG23	1:AW:295:THR:HG21	1.82	0.60
1:AX:291:VAL:O	1:AX:295:THR:HG23	2.02	0.60
1:A1:260:ARG:NH1	1:A1:323:SER:HB2	2.17	0.60
1:A2:5:ILE:HG12	1:A2:510:LEU:HD11	1.83	0.60
1:A3:89:LEU:HA	1:A3:92:ILE:HD13	1.83	0.60
1:A4:279:ASP:HB3	1:A4:301:LEU:HD11	1.84	0.60
1:A6:279:ASP:HB3	1:A6:301:LEU:HD11	1.82	0.60
1:A9:234:PHE:CZ	1:AA:303:ILE:HA	2.36	0.60
1:AC:211:ILE:CD1	1:AC:238:LEU:HD11	2.31	0.60
1:AE:224:ILE:HD11	1:AE:246:VAL:HG23	1.83	0.60
1:AE:319:VAL:HG12	1:AE:342:HIS:CD2	2.36	0.60
1:AF:362:GLY:O	1:AF:365:PHE:HB3	2.02	0.60
1:AI:129:THR:HG21	1:AO:155:THR:HG23	1.82	0.60
1:AJ:248:ALA:HA	1:AJ:334:PHE:CZ	2.37	0.60
1:AM:179:PHE:HD1	1:AM:184:MET:HE2	1.65	0.60
1:AN:116:ILE:HD12	1:AN:418:VAL:HG21	1.84	0.60
1:AO:76:GLN:O	1:AO:80:LYS:HG2	2.02	0.60
1:AQ:133:ASN:O	1:AV:105:THR:HG21	2.02	0.60
1:AR:421:LEU:O	1:AR:425:MET:HG2	2.01	0.60
1:AT:89:LEU:HA	1:AT:92:ILE:HD12	1.84	0.60
1:AW:511:ARG:HG3	1:AW:512:LEU:N	2.17	0.60
1:AX:187:SER:HB3	1:AX:335:ALA:CB	2.32	0.60
1:A2:260:ARG:NH1	1:A2:323:SER:HB2	2.17	0.60
1:A4:260:ARG:NH1	1:A4:323:SER:HB2	2.17	0.60
1:A5:249:THR:HG21	1:A5:406:GLN:OE1	2.01	0.60

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A6:283:ARG:NH1	1:AP:380:THR:HB	2.17	0.60
1:A7:508:ASN:CA	1:A7:511:ARG:HG2	2.26	0.60
1:A9:75:VAL:HG13	1:A9:445:MET:CG	2.27	0.60
1:A9:495:GLY:O	1:A9:499:MET:HG3	2.02	0.60
1:AA:89:LEU:HA	1:AA:92:ILE:HD12	1.83	0.60
1:AC:366:SER:CB	1:AC:371:HIS:HB2	2.31	0.60
1:AD:319:VAL:HG12	1:AD:342:HIS:ND1	2.17	0.60
1:AE:511:ARG:HH22	1:AE:512:LEU:HD22	1.67	0.60
1:AF:175:GLU:HG2	1:AF:378:GLU:CG	2.30	0.60
1:AF:370:PHE:HA	1:AF:376:VAL:HG11	1.83	0.60
1:AI:149:ILE:HD13	1:AI:157:VAL:HG12	1.84	0.60
1:AK:89:LEU:HD23	1:AK:92:ILE:HD13	1.83	0.60
1:AL:187:SER:HB3	1:AL:335:ALA:CB	2.32	0.60
1:AP:99:ALA:HB2	1:AP:112:LEU:HD23	1.83	0.60
1:AR:263:THR:HG22	1:AR:268:GLU:HA	1.82	0.60
1:AS:104:GLN:HB3	1:AS:108:SER:OG	2.01	0.60
1:AT:175:GLU:OE2	1:AT:358:ILE:HB	2.01	0.60
1:AT:263:THR:HG22	1:AT:268:GLU:HA	1.82	0.60
1:AX:277:LYS:HB2	2:AX:609:P8E:O1B	2.02	0.60
1:A1:429:ASP:OD2	1:AI:153:SER:HB3	2.01	0.60
1:A4:291:VAL:HG23	1:A4:295:THR:HG21	1.82	0.60
1:A5:144:ASN:ND2	1:AH:247:MET:HE1	2.16	0.60
1:A8:89:LEU:HA	1:A8:92:ILE:HD13	1.81	0.60
1:A8:211:ILE:HD12	1:A8:234:PHE:CD2	2.36	0.60
1:A8:383:LEU:HA	1:A8:430:MET:CE	2.32	0.60
1:A9:201:LYS:HB2	1:A9:359:ILE:CD1	2.32	0.60
1:AC:60:ASN:HD21	1:AR:93:LYS:HE2	1.65	0.60
1:AC:89:LEU:HA	1:AC:92:ILE:HD13	1.84	0.60
1:AC:360:VAL:HG23	1:AC:365:PHE:CD1	2.36	0.60
1:AC:382:ASN:ND2	1:AR:281:ASP:HB2	2.17	0.60
1:AC:445:MET:HE2	1:AC:445:MET:CA	2.31	0.60
1:AD:89:LEU:HA	1:AD:92:ILE:HD13	1.83	0.60
1:AD:370:PHE:HA	1:AD:376:VAL:HG11	1.82	0.60
1:AD:511:ARG:NH2	1:AD:512:LEU:HD22	2.16	0.60
1:AE:380:THR:HB	1:AK:283:ARG:HH12	1.66	0.60
1:AI:224:ILE:HD13	1:AI:345:ILE:O	2.02	0.60
1:AJ:98:GLN:HG2	1:AJ:112:LEU:HD21	1.83	0.60
1:AJ:480:GLU:HB2	1:AX:15:HIS:CE1	2.37	0.60
1:AK:68:ALA:HB3	1:AK:456:ILE:CD1	2.18	0.60
1:AL:380:THR:HB	1:AT:283:ARG:HH12	1.67	0.60
1:AM:209:TYR:CE1	1:AM:237:THR:HG22	2.37	0.60

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AO:362:GLY:O	1:AO:365:PHE:HB3	2.01	0.60
1:AR:293:ASP:OD2	1:AR:294:ARG:HG3	2.02	0.60
1:AR:303:ILE:O	1:AU:234:PHE:HE2	1.84	0.60
1:AR:360:VAL:HG23	1:AR:365:PHE:CD1	2.36	0.60
1:AS:383:LEU:HA	1:AS:430:MET:HE3	1.84	0.60
1:AT:423:GLY:HA2	1:AT:426:ILE:CD1	2.32	0.60
1:AU:175:GLU:OE2	1:AU:358:ILE:HB	2.02	0.60
1:AW:179:PHE:HD1	1:AW:184:MET:HE2	1.64	0.60
1:A1:501:GLN:HG3	1:AB:485:PHE:CE2	2.37	0.59
1:A6:129:THR:HG21	1:AT:155:THR:HG23	1.84	0.59
1:AA:291:VAL:HG23	1:AA:295:THR:HG21	1.83	0.59
1:AB:279:ASP:HB3	1:AB:301:LEU:HD11	1.83	0.59
1:AD:60:ASN:OD1	1:AI:93:LYS:HE2	2.02	0.59
1:AE:249:THR:HG22	1:AE:403:ASN:ND2	2.17	0.59
1:AF:260:ARG:NH1	1:AF:323:SER:HB2	2.16	0.59
1:AH:312:ILE:H	1:AH:312:ILE:HD12	1.66	0.59
1:AM:508:ASN:CA	1:AM:511:ARG:HG2	2.25	0.59
1:AN:76:GLN:O	1:AN:80:LYS:HG2	2.02	0.59
1:AN:175:GLU:OE2	1:AN:358:ILE:HB	2.01	0.59
1:AO:48:MET:HE1	1:AQ:442:ARG:HB3	1.84	0.59
1:AO:203:VAL:HG21	1:AO:209:TYR:HD1	1.67	0.59
1:AP:337:ILE:HG22	1:AP:342:HIS:CG	2.37	0.59
1:AP:362:GLY:O	1:AP:365:PHE:HB3	2.02	0.59
1:AR:471:SER:HB2	1:AR:475:ASP:OD1	2.01	0.59
1:AV:167:ASP:HB3	1:AV:384:ARG:CZ	2.31	0.59
1:AV:250:GLY:O	1:AV:306:ARG:HD2	2.02	0.59
1:AX:231:ILE:HG21	1:AX:242:ALA:HB2	1.84	0.59
1:AX:360:VAL:HG23	1:AX:365:PHE:CD1	2.37	0.59
1:A1:458:ASN:HD22	1:AB:126:ILE:HG12	1.67	0.59
1:A2:126:ILE:HG12	1:AM:458:ASN:HD22	1.67	0.59
1:A3:74:MET:HB3	1:A3:137:MET:HE1	1.84	0.59
1:A5:362:GLY:O	1:A5:365:PHE:HB3	2.01	0.59
1:A6:260:ARG:NH1	1:A6:323:SER:HB2	2.16	0.59
1:A7:312:ILE:H	1:A7:312:ILE:HD12	1.66	0.59
1:A8:155:THR:HG23	1:AS:129:THR:HG21	1.84	0.59
1:A8:291:VAL:HG23	1:A8:295:THR:HG21	1.83	0.59
1:A9:233:ARG:HG2	1:A9:234:PHE:HD2	1.66	0.59
1:A9:479:ALA:HB1	1:AN:499:MET:HE1	1.84	0.59
1:AC:155:THR:HG23	1:AO:129:THR:HG21	1.83	0.59
1:AD:187:SER:HB3	1:AD:335:ALA:CB	2.32	0.59
1:AF:161:ILE:HD13	1:AF:445:MET:HE1	1.84	0.59

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AF:263:THR:HG22	1:AF:268:GLU:HA	1.83	0.59
1:AK:81:ALA:HB3	1:AK:138:LEU:HD11	1.83	0.59
1:AK:201:LYS:HB2	1:AK:359:ILE:HD11	1.83	0.59
1:AL:155:THR:HG23	1:AP:129:THR:HG21	1.85	0.59
1:AO:211:ILE:CD1	1:AO:238:LEU:HD11	2.31	0.59
1:AP:410:ASN:HD21	1:AP:414:ILE:HG22	1.67	0.59
1:AQ:511:ARG:HG3	1:AQ:512:LEU:N	2.16	0.59
1:AR:104:GLN:HB3	1:AR:108:SER:OG	2.02	0.59
1:AT:76:GLN:O	1:AT:80:LYS:HG2	2.02	0.59
1:AT:279:ASP:HB3	1:AT:301:LEU:HD11	1.82	0.59
1:AU:76:GLN:O	1:AU:80:LYS:HG2	2.02	0.59
1:AU:201:LYS:HB2	1:AU:359:ILE:HG13	1.84	0.59
1:AV:395:ALA:HB2	1:AV:414:ILE:HG23	1.84	0.59
1:AW:293:ASP:OD1	1:AW:294:ARG:HG3	2.02	0.59
1:A3:184:MET:HE1	1:A3:345:ILE:CD1	2.33	0.59
1:A4:71:ALA:O	1:A4:75:VAL:HG23	2.02	0.59
1:A4:187:SER:HB3	1:A4:335:ALA:CB	2.33	0.59
1:A5:337:ILE:HG22	1:A5:342:HIS:CG	2.38	0.59
1:A6:481:GLU:HA	1:A6:481:GLU:OE2	2.01	0.59
1:A8:149:ILE:HD13	1:A8:157:VAL:CG1	2.32	0.59
1:A8:263:THR:CG2	1:A8:268:GLU:HG3	2.32	0.59
1:A8:512:LEU:HD22	1:AS:496:SER:OG	2.03	0.59
1:A9:41:ALA:N	1:A9:48:MET:HE1	2.16	0.59
1:A9:175:GLU:HG2	1:A9:378:GLU:CG	2.30	0.59
1:AB:78:ALA:HB3	1:AB:445:MET:HE1	1.83	0.59
1:AD:71:ALA:O	1:AD:75:VAL:HG23	2.02	0.59
1:AE:362:GLY:O	1:AE:365:PHE:HB3	2.01	0.59
1:AE:423:GLY:HA2	1:AE:426:ILE:HD13	1.84	0.59
1:AJ:234:PHE:HE2	1:AU:303:ILE:O	1.85	0.59
1:AO:98:GLN:HG2	1:AO:112:LEU:HD21	1.82	0.59
1:AP:167:ASP:HB3	1:AP:384:ARG:CZ	2.32	0.59
1:AS:291:VAL:HG23	1:AS:295:THR:HG21	1.84	0.59
1:AV:20:GLN:HA	1:AV:23:ARG:HH11	1.65	0.59
1:AX:362:GLY:O	1:AX:365:PHE:HB3	2.01	0.59
1:A1:250:GLY:O	1:A1:306:ARG:HD2	2.02	0.59
1:A1:283:ARG:NH1	1:AI:380:THR:HB	2.17	0.59
1:A1:362:GLY:O	1:A1:365:PHE:HB3	2.01	0.59
1:A2:88:ILE:CD1	1:AM:454:THR:HG21	2.28	0.59
1:A2:260:ARG:O	1:A2:261:GLU:HG2	2.00	0.59
1:A3:71:ALA:O	1:A3:75:VAL:HG23	2.02	0.59
1:A3:166:SER:O	1:A3:383:LEU:HB3	2.02	0.59

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A5:225:GLY:HA2	1:A5:244:TYR:CD1	2.38	0.59
1:A8:312:ILE:HD12	1:A8:312:ILE:H	1.67	0.59
1:A9:511:ARG:HG3	1:A9:512:LEU:N	2.17	0.59
1:AC:100:ALA:HB2	1:AC:424:ALA:HB1	1.84	0.59
1:AE:189:ALA:HB3	1:AE:343:ALA:HB3	1.84	0.59
1:AF:487:LYS:HE2	1:AT:6:ASN:O	2.03	0.59
1:AH:34:SER:HA	1:AI:17:VAL:CG1	2.22	0.59
1:AI:89:LEU:HA	1:AI:92:ILE:HD12	1.83	0.59
1:AI:122:GLU:HB2	1:AO:451:GLU:HG3	1.83	0.59
1:AI:224:ILE:HD11	1:AI:246:VAL:HG22	1.83	0.59
1:AK:120:LEU:HD23	1:AK:124:ASP:OD2	2.02	0.59
1:AL:174:MET:HE1	1:AL:398:ALA:HB2	1.83	0.59
1:AM:248:ALA:HA	1:AM:334:PHE:CE2	2.36	0.59
1:AQ:187:SER:HB3	1:AQ:335:ALA:CB	2.33	0.59
1:AQ:201:LYS:HA	1:AQ:208:ASP:HB2	1.84	0.59
1:AT:192:ASN:HA	1:AT:367:HIS:ND1	2.16	0.59
1:AV:45:SER:O	1:AV:48:MET:HE3	2.02	0.59
1:AV:81:ALA:CB	1:AV:138:LEU:HD11	2.32	0.59
1:A2:426:ILE:HD12	1:A2:426:ILE:H	1.65	0.59
1:A4:277:LYS:HB2	2:A4:609:P8E:O1B	2.03	0.59
1:A6:68:ALA:O	1:A6:72:ILE:HG13	2.03	0.59
1:AA:68:ALA:O	1:AA:72:ILE:HG13	2.02	0.59
1:AA:250:GLY:O	1:AA:306:ARG:HD2	2.03	0.59
1:AD:89:LEU:HD23	1:AD:92:ILE:HD13	1.84	0.59
1:AD:312:ILE:H	1:AD:312:ILE:HD12	1.67	0.59
1:AE:396:SER:HA	1:AE:401:ASN:HD22	1.67	0.59
1:AI:248:ALA:HA	1:AI:334:PHE:CE2	2.37	0.59
1:AK:263:THR:CG2	1:AK:268:GLU:HG3	2.32	0.59
1:AL:98:GLN:HG2	1:AL:112:LEU:HD21	1.83	0.59
1:AN:511:ARG:HG3	1:AN:512:LEU:N	2.17	0.59
1:AQ:186:ALA:HB3	1:AQ:334:PHE:HB2	1.84	0.59
1:AQ:382:ASN:ND2	1:AV:281:ASP:HB2	2.18	0.59
1:AU:89:LEU:HD23	1:AU:92:ILE:HD13	1.84	0.59
1:AU:383:LEU:HA	1:AU:430:MET:CE	2.33	0.59
1:AW:150:GLY:HA3	1:AW:155:THR:HB	1.84	0.59
1:AX:116:ILE:HD12	1:AX:418:VAL:HG21	1.84	0.59
1:A6:166:SER:O	1:A6:383:LEU:HB3	2.03	0.59
1:A6:263:THR:CG2	1:A6:268:GLU:HG3	2.32	0.59
1:A7:149:ILE:HD11	1:A7:157:VAL:CG2	2.33	0.59
1:A7:423:GLY:HA2	1:A7:426:ILE:HD13	1.85	0.59
1:A8:89:LEU:HD23	1:A8:92:ILE:HD13	1.85	0.59

*Continued on next page...*



*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AB:98:GLN:HB2	1:AH:63:GLN:CD	2.28	0.59
1:AB:233:ARG:HB3	1:AB:233:ARG:NH1	2.17	0.59
1:AC:5:ILE:HG21	1:AR:478:PHE:HE2	1.68	0.59
1:AC:61:LEU:CD2	1:AC:151:ALA:HB2	2.33	0.59
1:AC:76:GLN:O	1:AC:80:LYS:HG2	2.02	0.59
1:AF:68:ALA:O	1:AF:72:ILE:HG13	2.03	0.59
1:AF:82:MET:HE1	1:AF:442:ARG:N	2.16	0.59
1:AF:122:GLU:HG3	1:AN:451:GLU:HG2	1.85	0.59
1:AF:395:ALA:HB2	1:AF:414:ILE:HG23	1.85	0.59
1:AF:508:ASN:CA	1:AF:511:ARG:HG2	2.26	0.59
1:AF:511:ARG:HG3	1:AF:512:LEU:N	2.17	0.59
1:AH:68:ALA:O	1:AH:72:ILE:HG13	2.03	0.59
1:AH:496:SER:HB2	1:AI:512:LEU:HD23	1.84	0.59
1:AI:312:ILE:HD12	1:AI:312:ILE:H	1.67	0.59
1:AJ:410:ASN:HD21	1:AJ:414:ILE:HG22	1.68	0.59
1:AK:175:GLU:OE2	1:AK:358:ILE:HB	2.02	0.59
1:AL:92:ILE:HG23	1:AL:116:ILE:HG23	1.83	0.59
1:AN:291:VAL:HG23	1:AN:295:THR:HG21	1.84	0.59
1:AO:246:VAL:O	1:AO:247:MET:HG2	2.02	0.59
1:AO:264:ILE:CG2	1:AO:319:VAL:HB	2.29	0.59
1:AR:433:SER:O	1:AR:437:GLN:HG3	2.03	0.59
1:AS:454:THR:HG21	1:AT:88:ILE:CD1	2.31	0.59
1:AU:146:GLU:HG3	1:AU:158:LYS:HZ3	1.66	0.59
1:AV:5:ILE:HG12	1:AV:510:LEU:HD11	1.83	0.59
1:AW:260:ARG:NH1	1:AW:323:SER:HB2	2.18	0.59
1:A5:328:VAL:HG12	1:A5:329:PHE:HD1	1.67	0.59
1:AA:150:GLY:HA3	1:AA:155:THR:HB	1.85	0.59
1:AB:260:ARG:NH1	1:AB:323:SER:HB2	2.18	0.59
1:AB:302:ASP:HB3	1:AB:308:ASN:ND2	2.17	0.59
1:AB:471:SER:O	1:AB:475:ASP:HB2	2.03	0.59
1:AC:277:LYS:HB2	2:AC:609:P8E:O1B	2.02	0.59
1:AF:187:SER:HB3	1:AF:335:ALA:CB	2.33	0.59
1:AF:283:ARG:NH1	1:AS:380:THR:HB	2.18	0.59
1:AJ:117:GLN:NE2	1:AJ:387:ARG:HD2	2.17	0.59
1:AJ:174:MET:HE3	1:AJ:398:ALA:HA	1.85	0.59
1:AM:149:ILE:HD11	1:AM:157:VAL:CG2	2.32	0.59
1:AM:187:SER:HB3	1:AM:335:ALA:CB	2.33	0.59
1:AM:260:ARG:NH1	1:AM:323:SER:HB2	2.17	0.59
1:AN:187:SER:HB3	1:AN:335:ALA:HB1	1.84	0.59
1:AQ:88:ILE:HD11	1:AQ:122:GLU:OE1	2.02	0.59
1:AR:157:VAL:HG11	1:AR:452:LEU:CD2	2.32	0.59

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AS:155:THR:HG23	1:AT:129:THR:HG21	1.84	0.59
1:AS:218:THR:O	1:AS:315:ARG:HD3	2.03	0.59
1:AU:395:ALA:HB2	1:AU:414:ILE:HG23	1.83	0.59
1:AX:21:ASN:HA	1:AX:24:ASP:OD1	2.02	0.59
1:AX:248:ALA:HA	1:AX:334:PHE:CE2	2.38	0.59
1:AX:291:VAL:HG23	1:AX:295:THR:HG21	1.84	0.59
1:A1:187:SER:HB3	1:A1:335:ALA:CB	2.32	0.59
1:A2:179:PHE:HD1	1:A2:184:MET:HE2	1.67	0.59
1:A3:184:MET:HE1	1:A3:345:ILE:CG1	2.33	0.59
1:A4:81:ALA:CB	1:A4:138:LEU:HD11	2.33	0.59
1:A4:250:GLY:O	1:A4:306:ARG:HD2	2.03	0.59
1:A5:380:THR:HB	1:AH:283:ARG:NH1	2.18	0.59
1:A6:511:ARG:HG3	1:A6:512:LEU:N	2.16	0.59
1:A7:71:ALA:O	1:A7:75:VAL:HG23	2.03	0.59
1:A7:184:MET:HE1	1:A7:345:ILE:CD1	2.33	0.59
1:AC:92:ILE:HG23	1:AC:116:ILE:CG1	2.29	0.59
1:AC:146:GLU:CG	1:AR:421:LEU:HD21	2.33	0.59
1:AD:248:ALA:HA	1:AD:334:PHE:CE2	2.38	0.59
1:AD:362:GLY:O	1:AD:365:PHE:HB3	2.01	0.59
1:AE:231:ILE:HG21	1:AE:242:ALA:HB2	1.85	0.59
1:AE:259:VAL:HB	1:AE:272:VAL:HG22	1.84	0.59
1:AE:506:GLN:O	1:AE:509:VAL:HG12	2.03	0.59
1:AH:305:GLY:HA3	1:AI:212:GLU:OE2	2.01	0.59
1:AH:511:ARG:HG3	1:AH:512:LEU:N	2.17	0.59
1:AI:76:GLN:O	1:AI:80:LYS:HG2	2.03	0.59
1:AJ:15:HIS:O	1:AJ:19:VAL:HG12	2.03	0.59
1:AK:187:SER:HB3	1:AK:335:ALA:CB	2.31	0.59
1:AM:353:THR:HG23	1:AM:433:SER:CB	2.30	0.59
1:AO:166:SER:O	1:AO:383:LEU:HB3	2.02	0.59
1:AQ:81:ALA:HB3	1:AQ:138:LEU:HD11	1.84	0.59
1:AR:82:MET:HE1	1:AR:442:ARG:N	2.17	0.59
1:AT:38:ILE:HD11	1:AT:44:ASP:HB3	1.85	0.59
1:AU:259:VAL:HG22	1:AU:328:VAL:CG2	2.32	0.59
1:AX:360:VAL:HG23	1:AX:365:PHE:HD1	1.67	0.59
1:A1:68:ALA:O	1:A1:72:ILE:HG13	2.03	0.59
1:A1:186:ALA:HB3	1:A1:334:PHE:HB2	1.85	0.59
1:A2:305:GLY:HA3	1:AM:212:GLU:OE2	2.03	0.59
1:A3:360:VAL:HG23	1:A3:365:PHE:CD1	2.37	0.59
1:A4:68:ALA:O	1:A4:72:ILE:HG13	2.02	0.59
1:A4:463:GLN:HA	1:A4:466:VAL:HG22	1.85	0.59
1:A7:89:LEU:HA	1:A7:92:ILE:HD12	1.84	0.59

*Continued on next page...*



*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AC:248:ALA:HA	1:AC:334:PHE:CZ	2.38	0.59
1:AC:303:ILE:O	1:AX:234:PHE:HE2	1.86	0.59
1:AG:68:ALA:HB3	1:AG:456:ILE:CD1	2.18	0.59
1:AG:76:GLN:O	1:AG:80:LYS:HG2	2.02	0.59
1:AH:15:HIS:O	1:AH:19:VAL:HG12	2.03	0.59
1:AH:175:GLU:OE2	1:AH:358:ILE:HB	2.03	0.59
1:AH:187:SER:HB3	1:AH:335:ALA:CB	2.33	0.59
1:AN:5:ILE:CD1	1:AN:506:GLN:HG2	2.33	0.59
1:AO:179:PHE:CD1	1:AO:184:MET:HE3	2.38	0.59
1:AO:187:SER:HB3	1:AO:335:ALA:CB	2.32	0.59
1:AP:319:VAL:H	1:AP:342:HIS:HD2	1.51	0.59
1:AS:99:ALA:HB2	1:AS:112:LEU:CD2	2.25	0.59
1:AS:225:GLY:HA2	1:AS:244:TYR:CD1	2.37	0.59
1:AV:122:GLU:OE2	1:AV:126:ILE:HG13	2.02	0.59
1:AV:233:ARG:HB3	1:AV:233:ARG:NH1	2.17	0.59
1:AV:284:LEU:O	1:AV:288:ILE:HG12	2.03	0.59
1:AW:149:ILE:HD13	1:AW:157:VAL:CG1	2.33	0.59
1:AX:89:LEU:HA	1:AX:92:ILE:HD13	1.83	0.59
1:AX:319:VAL:HG12	1:AX:342:HIS:HE1	1.68	0.59
1:A1:184:MET:O	1:A1:189:ALA:HB2	2.03	0.59
1:A1:442:ARG:HD3	1:AI:48:MET:SD	2.43	0.59
1:A1:512:LEU:HD23	1:AB:496:SER:CB	2.32	0.59
1:A2:250:GLY:O	1:A2:306:ARG:HD2	2.03	0.59
1:A3:362:GLY:O	1:A3:365:PHE:HB3	2.03	0.59
1:A5:63:GLN:CD	1:AH:98:GLN:HB2	2.28	0.59
1:A6:283:ARG:HH12	1:AP:380:THR:HB	1.68	0.59
1:A6:362:GLY:O	1:A6:365:PHE:HB3	2.03	0.59
1:A7:248:ALA:HA	1:A7:334:PHE:CZ	2.37	0.59
1:A7:380:THR:HB	1:AP:283:ARG:NH1	2.18	0.59
1:A9:71:ALA:O	1:A9:75:VAL:HG23	2.03	0.59
1:AB:81:ALA:CB	1:AB:138:LEU:HD11	2.33	0.59
1:AB:251:GLY:H	1:AB:333:ASN:H	1.50	0.59
1:AC:68:ALA:O	1:AC:72:ILE:HG13	2.03	0.59
1:AD:248:ALA:HA	1:AD:334:PHE:CZ	2.38	0.59
1:AE:380:THR:HB	1:AK:283:ARG:NH1	2.18	0.59
1:AG:122:GLU:HG3	1:AP:451:GLU:HG3	1.84	0.59
1:AG:179:PHE:HD1	1:AG:184:MET:HE2	1.67	0.59
1:AI:98:GLN:HG2	1:AI:112:LEU:HD21	1.84	0.59
1:AI:149:ILE:HD12	1:AI:455:THR:HG21	1.85	0.59
1:AJ:50:ILE:HD11	1:AM:108:SER:HB3	1.84	0.59
1:AJ:512:LEU:HD22	1:AU:496:SER:OG	2.02	0.59

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AL:120:LEU:HD21	1:AL:166:SER:HB2	1.85	0.59
1:AM:283:ARG:NH1	1:AU:380:THR:HB	2.18	0.59
1:AN:360:VAL:HG23	1:AN:365:PHE:CD1	2.38	0.59
1:AN:362:GLY:O	1:AN:365:PHE:HB3	2.02	0.59
1:AR:248:ALA:HA	1:AR:334:PHE:CE2	2.37	0.59
1:AR:249:THR:HG21	1:AR:406:GLN:OE1	2.02	0.59
1:AS:175:GLU:OE2	1:AS:358:ILE:HB	2.02	0.59
1:AW:89:LEU:HA	1:AW:92:ILE:HD13	1.84	0.59
1:AW:263:THR:HG22	1:AW:268:GLU:HA	1.84	0.59
1:AX:15:HIS:O	1:AX:19:VAL:HG12	2.02	0.59
1:AX:76:GLN:O	1:AX:80:LYS:HG2	2.03	0.59
1:A1:510:LEU:HD12	1:AV:490:ILE:HG23	1.85	0.58
1:A2:68:ALA:O	1:A2:72:ILE:HG13	2.03	0.58
1:A5:175:GLU:OE2	1:A5:358:ILE:HB	2.03	0.58
1:A5:248:ALA:HA	1:A5:334:PHE:CE2	2.38	0.58
1:A6:496:SER:HA	1:A6:499:MET:CE	2.31	0.58
1:A7:133:ASN:O	1:AP:105:THR:HG21	2.03	0.58
1:A7:380:THR:HB	1:AP:283:ARG:HH12	1.68	0.58
1:A9:68:ALA:O	1:A9:72:ILE:HG13	2.03	0.58
1:A9:126:ILE:HG23	1:AH:458:ASN:HD21	1.68	0.58
1:AB:171:HIS:O	1:AB:172:VAL:HG23	2.03	0.58
1:AC:89:LEU:HD23	1:AC:92:ILE:HD13	1.85	0.58
1:AC:362:GLY:O	1:AC:365:PHE:HB3	2.02	0.58
1:AE:179:PHE:HZ	1:AE:344:VAL:HG13	1.67	0.58
1:AE:277:LYS:HB2	2:AE:609:P8E:O1B	2.03	0.58
1:AF:71:ALA:O	1:AF:75:VAL:HG23	2.02	0.58
1:AG:60:ASN:HD21	1:AW:93:LYS:CG	2.16	0.58
1:AG:281:ASP:HB2	1:AJ:382:ASN:ND2	2.18	0.58
1:AG:362:GLY:O	1:AG:365:PHE:HB3	2.03	0.58
1:AH:5:ILE:CD1	1:AH:506:GLN:HG2	2.33	0.58
1:AJ:68:ALA:O	1:AJ:72:ILE:HG13	2.03	0.58
1:AJ:184:MET:HE1	1:AJ:345:ILE:CG1	2.33	0.58
1:AL:233:ARG:HG2	1:AL:234:PHE:CD1	2.37	0.58
1:AM:312:ILE:H	1:AM:312:ILE:HD12	1.66	0.58
1:AO:89:LEU:HD23	1:AO:92:ILE:HD13	1.85	0.58
1:AO:133:ASN:O	1:AQ:105:THR:HG21	2.03	0.58
1:AQ:433:SER:O	1:AQ:437:GLN:HG3	2.03	0.58
1:AR:362:GLY:O	1:AR:365:PHE:HB3	2.02	0.58
1:AS:302:ASP:HB3	1:AS:308:ASN:ND2	2.18	0.58
1:AU:445:MET:HE2	1:AU:445:MET:CA	2.33	0.58
1:A1:88:ILE:HG22	1:A1:92:ILE:HD11	1.85	0.58

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A5:100:ALA:HB2	1:A5:424:ALA:HB1	1.85	0.58
1:A7:249:THR:HG22	1:A7:403:ASN:ND2	2.16	0.58
1:A8:263:THR:HG22	1:A8:268:GLU:HG3	1.83	0.58
1:A8:296:GLY:O	1:A8:312:ILE:HD12	2.03	0.58
1:A9:247:MET:HE1	1:AK:144:ASN:ND2	2.18	0.58
1:AA:279:ASP:HB3	1:AA:301:LEU:HD11	1.85	0.58
1:AB:184:MET:O	1:AB:189:ALA:HB2	2.02	0.58
1:AF:172:VAL:O	1:AF:380:THR:HA	2.04	0.58
1:AF:383:LEU:HA	1:AF:430:MET:CE	2.33	0.58
1:AJ:35:GLY:O	1:AJ:476:VAL:HG12	2.03	0.58
1:AJ:231:ILE:HG21	1:AJ:242:ALA:HB2	1.85	0.58
1:AJ:248:ALA:HA	1:AJ:334:PHE:CE2	2.38	0.58
1:AL:250:GLY:O	1:AL:306:ARG:HD2	2.03	0.58
1:AL:362:GLY:O	1:AL:365:PHE:HB3	2.03	0.58
1:AO:211:ILE:HD11	1:AO:238:LEU:CD1	2.31	0.58
1:AO:248:ALA:HA	1:AO:334:PHE:CE2	2.38	0.58
1:AO:312:ILE:H	1:AO:312:ILE:HD12	1.67	0.58
1:AP:161:ILE:HG12	1:AP:445:MET:SD	2.43	0.58
1:AP:328:VAL:HG23	1:AP:329:PHE:CD1	2.37	0.58
1:AP:360:VAL:HG23	1:AP:365:PHE:HD1	1.68	0.58
1:AP:383:LEU:HA	1:AP:430:MET:CE	2.33	0.58
1:AQ:89:LEU:HA	1:AQ:92:ILE:HD13	1.83	0.58
1:AR:395:ALA:HB2	1:AR:414:ILE:HG23	1.85	0.58
1:AR:445:MET:HE2	1:AR:445:MET:CA	2.32	0.58
1:AV:233:ARG:HB3	1:AV:233:ARG:HH11	1.69	0.58
1:AX:175:GLU:OE2	1:AX:358:ILE:HB	2.03	0.58
1:A1:15:HIS:O	1:A1:19:VAL:HG12	2.03	0.58
1:A1:108:SER:HB3	1:AO:50:ILE:HD11	1.84	0.58
1:A3:63:GLN:CD	1:AS:98:GLN:HB2	2.28	0.58
1:A4:511:ARG:HG3	1:A4:512:LEU:N	2.17	0.58
1:A6:82:MET:HE1	1:A6:441:ILE:HG22	1.84	0.58
1:A6:303:ILE:HD12	1:AT:234:PHE:CZ	2.38	0.58
1:A7:495:GLY:O	1:A7:499:MET:HG3	2.03	0.58
1:AA:201:LYS:HB2	1:AA:359:ILE:HG13	1.85	0.58
1:AA:423:GLY:O	1:AA:427:VAL:HG23	2.02	0.58
1:AC:60:ASN:HD21	1:AR:93:LYS:HG2	1.67	0.58
1:AC:71:ALA:O	1:AC:75:VAL:HG23	2.04	0.58
1:AD:259:VAL:HB	1:AD:272:VAL:HG22	1.84	0.58
1:AF:360:VAL:HG23	1:AF:365:PHE:HD1	1.67	0.58
1:AH:161:ILE:HG23	1:AH:445:MET:HE1	1.85	0.58
1:AJ:100:ALA:HB2	1:AJ:424:ALA:HB1	1.84	0.58

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AK:224:ILE:HD13	1:AK:345:ILE:O	2.02	0.58
1:AL:68:ALA:O	1:AL:72:ILE:HG13	2.04	0.58
1:AL:75:VAL:HG13	1:AL:445:MET:CG	2.30	0.58
1:AM:171:HIS:O	1:AM:172:VAL:HG23	2.03	0.58
1:AM:511:ARG:HG3	1:AM:512:LEU:N	2.17	0.58
1:AP:175:GLU:OE2	1:AP:358:ILE:HB	2.02	0.58
1:AQ:15:HIS:O	1:AQ:19:VAL:HG12	2.03	0.58
1:AR:76:GLN:O	1:AR:80:LYS:HG2	2.03	0.58
1:AR:352:ARG:HD3	1:AR:354:ASP:OD2	2.03	0.58
1:AT:249:THR:HG21	1:AT:406:GLN:OE1	2.02	0.58
1:AV:186:ALA:HB3	1:AV:334:PHE:HB2	1.85	0.58
1:AV:511:ARG:HG3	1:AV:512:LEU:N	2.17	0.58
1:AX:171:HIS:O	1:AX:172:VAL:HG23	2.03	0.58
1:AX:342:HIS:NE2	1:AX:344:VAL:HG23	2.18	0.58
1:A1:65:ILE:HG23	1:A1:456:ILE:HD12	1.85	0.58
1:A2:112:LEU:HD11	1:AU:46:SER:OG	2.04	0.58
1:A7:370:PHE:HA	1:A7:376:VAL:CG1	2.33	0.58
1:A7:382:ASN:ND2	1:AP:281:ASP:HB2	2.18	0.58
1:A8:362:GLY:O	1:A8:365:PHE:HB3	2.02	0.58
1:A9:250:GLY:O	1:A9:306:ARG:HD2	2.02	0.58
1:AC:117:GLN:HE22	1:AC:387:ARG:HD2	1.69	0.58
1:AC:234:PHE:HE2	1:AO:303:ILE:O	1.87	0.58
1:AD:445:MET:HE2	1:AD:445:MET:HA	1.85	0.58
1:AE:187:SER:HB3	1:AE:335:ALA:CB	2.32	0.58
1:AE:360:VAL:HG23	1:AE:365:PHE:HD1	1.68	0.58
1:AF:171:HIS:O	1:AF:172:VAL:HG23	2.03	0.58
1:AF:283:ARG:HH12	1:AS:380:THR:HB	1.69	0.58
1:AK:508:ASN:CA	1:AK:511:ARG:HG2	2.25	0.58
1:AL:277:LYS:HB2	2:AL:609:P8E:O1B	2.03	0.58
1:AM:89:LEU:HA	1:AM:92:ILE:HD13	1.84	0.58
1:AM:174:MET:HE1	1:AM:426:ILE:HD11	1.86	0.58
1:AN:383:LEU:HA	1:AN:430:MET:CE	2.33	0.58
1:AO:175:GLU:OE2	1:AO:358:ILE:HB	2.03	0.58
1:AO:259:VAL:CG1	1:AO:262:LEU:HB2	2.32	0.58
1:AR:89:LEU:HA	1:AR:92:ILE:HD13	1.85	0.58
1:AR:263:THR:CG2	1:AR:268:GLU:HG3	2.34	0.58
1:AR:496:SER:OG	1:AU:512:LEU:HD22	2.03	0.58
1:AT:423:GLY:HA2	1:AT:426:ILE:HD13	1.85	0.58
1:AT:471:SER:HB2	1:AT:475:ASP:OD2	2.03	0.58
1:AV:167:ASP:HA	1:AV:384:ARG:CB	2.31	0.58
1:AW:495:GLY:O	1:AW:499:MET:HG3	2.03	0.58

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AX:71:ALA:O	1:AX:75:VAL:HG23	2.04	0.58
1:A4:472:GLN:HA	1:AT:4:ARG:HH12	1.67	0.58
1:A7:179:PHE:CD1	1:A7:184:MET:HE2	2.38	0.58
1:A7:342:HIS:HE1	1:A7:344:VAL:HG23	1.66	0.58
1:A8:264:ILE:HG12	1:A8:319:VAL:HG23	1.84	0.58
1:AB:293:ASP:OD1	1:AB:294:ARG:HG3	2.03	0.58
1:AC:6:ASN:HB2	1:AR:475:ASP:OD2	2.03	0.58
1:AC:303:ILE:HA	1:AX:234:PHE:CZ	2.38	0.58
1:AD:262:LEU:O	1:AD:269:ILE:HG22	2.04	0.58
1:AE:76:GLN:O	1:AE:80:LYS:HG2	2.04	0.58
1:AE:352:ARG:HD3	1:AE:354:ASP:OD1	2.03	0.58
1:AG:508:ASN:CA	1:AG:511:ARG:HG2	2.27	0.58
1:AI:328:VAL:HG12	1:AI:329:PHE:HD1	1.67	0.58
1:AK:234:PHE:CD2	1:AN:303:ILE:HD12	2.39	0.58
1:AL:224:ILE:HD11	1:AL:246:VAL:HG22	1.86	0.58
1:AQ:68:ALA:HB3	1:AQ:456:ILE:CD1	2.31	0.58
1:AS:76:GLN:O	1:AS:80:LYS:HG2	2.03	0.58
1:AS:212:GLU:OE2	1:AT:305:GLY:HA3	2.02	0.58
1:AS:360:VAL:HG23	1:AS:365:PHE:CD1	2.37	0.58
1:AT:249:THR:HG23	1:AT:405:ALA:HB3	1.86	0.58
1:AU:187:SER:HB3	1:AU:335:ALA:HB1	1.84	0.58
1:AV:260:ARG:NH1	1:AV:323:SER:HB2	2.19	0.58
1:AX:68:ALA:HB3	1:AX:456:ILE:CD1	2.33	0.58
1:AX:196:VAL:CG2	1:AX:216:ILE:HD11	2.34	0.58
1:AX:383:LEU:HA	1:AX:430:MET:CE	2.33	0.58
1:A1:249:THR:HG23	1:A1:405:ALA:HB3	1.85	0.58
1:A1:303:ILE:HA	1:AQ:234:PHE:CZ	2.39	0.58
1:A2:283:ARG:HH12	1:AR:380:THR:HB	1.68	0.58
1:A3:277:LYS:HB2	2:A3:609:P8E:O1B	2.03	0.58
1:A3:454:THR:HG21	1:AL:88:ILE:CD1	2.26	0.58
1:A5:116:ILE:HD12	1:A5:418:VAL:HG21	1.86	0.58
1:A6:98:GLN:HB2	1:AP:63:GLN:CD	2.29	0.58
1:AA:260:ARG:NH1	1:AA:323:SER:HB2	2.19	0.58
1:AA:293:ASP:OD2	1:AF:110:ARG:HD3	2.04	0.58
1:AA:365:PHE:HZ	1:AA:371:HIS:HD1	1.51	0.58
1:AB:370:PHE:HA	1:AB:376:VAL:HG11	1.85	0.58
1:AC:199:ASN:CG	1:AC:210:LYS:HD2	2.29	0.58
1:AC:206:VAL:HG11	1:AR:294:ARG:NH1	2.19	0.58
1:AD:247:MET:HE3	1:AD:402:ALA:HB2	1.84	0.58
1:AD:410:ASN:HD21	1:AD:414:ILE:HG22	1.68	0.58
1:AD:511:ARG:HH22	1:AD:512:LEU:HD22	1.68	0.58

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AG:82:MET:HE2	1:AG:138:LEU:CD2	2.34	0.58
1:AG:312:ILE:H	1:AG:312:ILE:HD12	1.67	0.58
1:AG:380:THR:HB	1:AW:283:ARG:NH1	2.19	0.58
1:AH:172:VAL:O	1:AH:380:THR:HA	2.02	0.58
1:AH:263:THR:HG22	1:AH:268:GLU:HA	1.85	0.58
1:AJ:120:LEU:HD21	1:AJ:166:SER:CB	2.34	0.58
1:AM:68:ALA:HB3	1:AM:456:ILE:CD1	2.17	0.58
1:AM:442:ARG:HD3	1:AU:48:MET:SD	2.44	0.58
1:AO:35:GLY:O	1:AO:476:VAL:HG12	2.04	0.58
1:AQ:259:VAL:HG13	1:AQ:324:ALA:CB	2.34	0.58
1:AR:131:SER:HB3	1:AR:136:GLN:OE1	2.04	0.58
1:AS:98:GLN:HG2	1:AS:112:LEU:HD21	1.85	0.58
1:A1:471:SER:O	1:A1:475:ASP:HB2	2.02	0.58
1:A7:262:LEU:HD11	1:A7:319:VAL:HG23	1.84	0.58
1:A8:234:PHE:CZ	1:AS:303:ILE:HA	2.39	0.58
1:A8:234:PHE:CZ	1:AS:303:ILE:HD12	2.39	0.58
1:A9:305:GLY:HA3	1:AH:212:GLU:OE2	2.02	0.58
1:A9:423:GLY:HA2	1:A9:426:ILE:HD13	1.86	0.58
1:AA:187:SER:HB3	1:AA:335:ALA:CB	2.34	0.58
1:AB:312:ILE:H	1:AB:312:ILE:HD12	1.68	0.58
1:AD:380:THR:HB	1:AI:283:ARG:HH12	1.68	0.58
1:AD:395:ALA:HB2	1:AD:414:ILE:HG23	1.85	0.58
1:AE:246:VAL:HG22	1:AE:346:GLY:HA3	1.85	0.58
1:AI:362:GLY:O	1:AI:365:PHE:HB3	2.02	0.58
1:AK:433:SER:O	1:AK:437:GLN:HG3	2.03	0.58
1:AL:133:ASN:O	1:AT:105:THR:HG21	2.03	0.58
1:AL:499:MET:HE1	1:AS:479:ALA:CB	2.28	0.58
1:AM:279:ASP:HB3	1:AM:301:LEU:HD11	1.86	0.58
1:AT:89:LEU:HD23	1:AT:92:ILE:HD13	1.86	0.58
1:AT:410:ASN:HD21	1:AT:414:ILE:HG22	1.68	0.58
1:AU:98:GLN:HG2	1:AU:112:LEU:HD21	1.86	0.58
1:AW:209:TYR:CE2	1:AW:237:THR:HG22	2.38	0.58
1:AX:259:VAL:HA	1:AX:324:ALA:CB	2.34	0.58
1:AX:320:HIS:CE1	1:AX:340:THR:HA	2.38	0.58
1:A5:89:LEU:HA	1:A5:92:ILE:CD1	2.31	0.58
1:A6:89:LEU:HA	1:A6:92:ILE:HD12	1.85	0.58
1:A9:88:ILE:HD11	1:A9:122:GLU:OE1	2.03	0.58
1:AB:89:LEU:HD23	1:AB:92:ILE:HD13	1.84	0.58
1:AB:463:GLN:HA	1:AB:466:VAL:HG22	1.85	0.58
1:AC:259:VAL:CG1	1:AC:262:LEU:HB2	2.34	0.58
1:AC:380:THR:HB	1:AR:283:ARG:NH1	2.19	0.58

*Continued on next page...*



*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AG:189:ALA:HB3	1:AG:343:ALA:HB3	1.84	0.58
1:AH:410:ASN:HD21	1:AH:414:ILE:HG22	1.67	0.58
1:AK:250:GLY:O	1:AK:306:ARG:HD2	2.02	0.58
1:AL:74:MET:CE	1:AL:137:MET:HE1	2.32	0.58
1:AP:201:LYS:HB2	1:AP:359:ILE:HG13	1.85	0.58
1:AQ:71:ALA:O	1:AQ:75:VAL:HG23	2.04	0.58
1:AR:189:ALA:HB3	1:AR:343:ALA:HB3	1.85	0.58
1:AS:17:VAL:CG1	1:AT:34:SER:HA	2.27	0.58
1:AS:150:GLY:HA3	1:AS:155:THR:HB	1.86	0.58
1:AS:250:GLY:O	1:AS:306:ARG:HD2	2.03	0.58
1:AT:189:ALA:HB3	1:AT:343:ALA:HB3	1.84	0.58
1:AT:360:VAL:HG23	1:AT:365:PHE:CD1	2.38	0.58
1:AU:149:ILE:HD11	1:AU:157:VAL:CG2	2.32	0.58
1:AU:291:VAL:HG23	1:AU:295:THR:HG21	1.84	0.58
1:AW:370:PHE:HA	1:AW:376:VAL:HG11	1.85	0.58
1:AX:203:VAL:HG21	1:AX:209:TYR:CD2	2.37	0.58
1:A3:9:ILE:HD11	1:AS:468:ALA:HA	1.86	0.58
1:A3:35:GLY:O	1:A3:476:VAL:HG12	2.03	0.58
1:A3:445:MET:HE2	1:A3:445:MET:CA	2.33	0.58
1:A4:186:ALA:HB3	1:A4:334:PHE:HB2	1.86	0.58
1:A5:155:THR:HG23	1:AK:129:THR:HG21	1.86	0.58
1:A5:423:GLY:HA2	1:A5:426:ILE:CD1	2.33	0.58
1:A8:35:GLY:O	1:A8:476:VAL:HG12	2.04	0.58
1:A8:216:ILE:HD13	1:A8:223:GLY:HA2	1.85	0.58
1:A8:246:VAL:O	1:A8:247:MET:HG2	2.04	0.58
1:AA:93:LYS:HG2	1:AN:60:ASN:HD21	1.69	0.58
1:AA:120:LEU:HD21	1:AA:383:LEU:CG	2.34	0.58
1:AD:104:GLN:HB3	1:AD:108:SER:OG	2.04	0.58
1:AD:117:GLN:HE21	1:AD:387:ARG:HD2	1.68	0.58
1:AD:360:VAL:HG23	1:AD:365:PHE:HD1	1.68	0.58
1:AG:302:ASP:HB3	1:AG:308:ASN:HD21	1.68	0.58
1:AG:445:MET:HE2	1:AG:445:MET:CA	2.33	0.58
1:AI:81:ALA:CB	1:AI:138:LEU:HD11	2.34	0.58
1:AI:120:LEU:HD21	1:AI:166:SER:CB	2.34	0.58
1:AL:174:MET:HE3	1:AL:398:ALA:HA	1.86	0.58
1:AO:296:GLY:O	1:AO:312:ILE:HD12	2.04	0.58
1:AP:171:HIS:O	1:AP:172:VAL:HG23	2.04	0.58
1:AR:187:SER:HB3	1:AR:335:ALA:HB1	1.86	0.58
1:AU:362:GLY:O	1:AU:365:PHE:HB3	2.02	0.58
1:AV:187:SER:HB3	1:AV:335:ALA:CB	2.34	0.58
1:A1:75:VAL:HG13	1:A1:445:MET:CE	2.32	0.58

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A1:112:LEU:HD11	1:AO:46:SER:OG	2.03	0.58
1:A2:458:ASN:HD21	1:AV:126:ILE:HG23	1.69	0.58
1:A3:264:ILE:HD11	1:A3:295:THR:CB	2.34	0.58
1:A3:312:ILE:H	1:A3:312:ILE:HD12	1.67	0.58
1:A4:161:ILE:HG12	1:A4:445:MET:HE2	1.85	0.58
1:A4:175:GLU:HG2	1:A4:378:GLU:CG	2.31	0.58
1:A6:249:THR:HG23	1:A6:405:ALA:HB3	1.86	0.58
1:A7:60:ASN:ND2	1:AP:93:LYS:HE2	2.19	0.58
1:A8:133:ASN:O	1:AN:105:THR:HG21	2.04	0.58
1:A9:93:LYS:CG	1:AK:60:ASN:HD21	2.16	0.58
1:A9:201:LYS:HA	1:A9:208:ASP:HB2	1.86	0.58
1:AC:231:ILE:HG21	1:AC:242:ALA:HB2	1.86	0.58
1:AC:485:PHE:CE2	1:AX:501:GLN:HG3	2.38	0.58
1:AE:445:MET:HA	1:AE:445:MET:CE	2.34	0.58
1:AI:187:SER:HB3	1:AI:335:ALA:CB	2.33	0.58
1:AJ:149:ILE:HD11	1:AJ:157:VAL:CG2	2.34	0.58
1:AJ:258:THR:CG2	1:AJ:273:ASN:HA	2.27	0.58
1:AL:360:VAL:HG23	1:AL:365:PHE:CD1	2.39	0.58
1:AM:250:GLY:O	1:AM:306:ARG:HD2	2.04	0.58
1:AN:201:LYS:HB2	1:AN:359:ILE:HG13	1.86	0.58
1:AQ:360:VAL:HG23	1:AQ:365:PHE:CD1	2.38	0.58
1:AS:179:PHE:CZ	1:AS:344:VAL:HG13	2.39	0.58
1:AT:511:ARG:HG3	1:AT:512:LEU:N	2.17	0.58
1:AU:105:THR:HG21	1:AX:133:ASN:O	2.04	0.58
1:AU:248:ALA:HA	1:AU:334:PHE:CE2	2.38	0.58
1:AU:283:ARG:NH1	1:AX:380:THR:HB	2.19	0.58
1:AV:84:GLU:HA	1:AV:84:GLU:OE2	2.04	0.58
1:AV:167:ASP:CA	1:AV:384:ARG:HB2	2.33	0.58
1:AV:192:ASN:HA	1:AV:367:HIS:ND1	2.18	0.58
1:AV:262:LEU:HD12	1:AV:263:THR:N	2.19	0.58
1:A2:99:ALA:HB2	1:A2:112:LEU:CD2	2.18	0.57
1:A3:104:GLN:HB3	1:A3:108:SER:OG	2.03	0.57
1:A3:508:ASN:CA	1:A3:511:ARG:HG2	2.24	0.57
1:A4:36:LEU:HD21	1:AT:6:ASN:ND2	2.19	0.57
1:A5:380:THR:HB	1:AH:283:ARG:HH12	1.69	0.57
1:A6:14:SER:HB2	1:A6:499:MET:HG3	1.86	0.57
1:A6:171:HIS:O	1:A6:172:VAL:HG23	2.04	0.57
1:A6:212:GLU:OE2	1:AW:305:GLY:HA3	2.04	0.57
1:A8:360:VAL:HG23	1:A8:365:PHE:HD1	1.69	0.57
1:A9:15:HIS:HA	1:A9:499:MET:CE	2.34	0.57
1:AA:163:SER:OG	1:AA:168:LYS:HD3	2.04	0.57

*Continued on next page...*



*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AB:71:ALA:O	1:AB:75:VAL:HG23	2.04	0.57
1:AB:149:ILE:HD13	1:AB:157:VAL:CG1	2.34	0.57
1:AB:187:SER:HB3	1:AB:335:ALA:CB	2.34	0.57
1:AB:259:VAL:HG13	1:AB:324:ALA:CB	2.34	0.57
1:AB:449:GLN:HE21	1:AH:42:ALA:HB2	1.69	0.57
1:AB:511:ARG:HG3	1:AB:512:LEU:N	2.17	0.57
1:AC:224:ILE:HD11	1:AC:246:VAL:HG23	1.83	0.57
1:AC:395:ALA:HB2	1:AC:414:ILE:HG23	1.85	0.57
1:AD:100:ALA:HB2	1:AD:424:ALA:HB1	1.86	0.57
1:AE:259:VAL:HA	1:AE:324:ALA:CB	2.33	0.57
1:AE:312:ILE:H	1:AE:312:ILE:HD12	1.68	0.57
1:AF:249:THR:HG23	1:AF:405:ALA:HB3	1.86	0.57
1:AG:89:LEU:HA	1:AG:92:ILE:HD12	1.85	0.57
1:AG:360:VAL:HG23	1:AG:365:PHE:CD1	2.39	0.57
1:AI:305:GLY:HA3	1:AO:212:GLU:HG3	1.86	0.57
1:AJ:360:VAL:HG23	1:AJ:365:PHE:HD1	1.69	0.57
1:AK:362:GLY:O	1:AK:365:PHE:HB3	2.03	0.57
1:AM:116:ILE:CD1	1:AM:418:VAL:HG21	2.34	0.57
1:AM:360:VAL:HG23	1:AM:365:PHE:HD1	1.68	0.57
1:AN:201:LYS:HB2	1:AN:359:ILE:CD1	2.34	0.57
1:AN:360:VAL:HG23	1:AN:365:PHE:HD1	1.69	0.57
1:AP:389:ILE:HD12	1:AT:294:ARG:HH12	1.69	0.57
1:AS:360:VAL:HG23	1:AS:365:PHE:HD1	1.69	0.57
1:AV:312:ILE:H	1:AV:312:ILE:HD12	1.68	0.57
1:AX:68:ALA:O	1:AX:72:ILE:HG13	2.03	0.57
1:AX:291:VAL:HG23	1:AX:295:THR:HG23	1.85	0.57
1:A1:450:MET:HE1	1:AB:115:ASP:OD1	2.04	0.57
1:A4:383:LEU:HA	1:A4:430:MET:CE	2.34	0.57
1:A4:480:GLU:HB2	1:A6:15:HIS:CE1	2.39	0.57
1:A7:82:MET:SD	1:A7:441:ILE:HG22	2.44	0.57
1:A7:175:GLU:OE2	1:A7:358:ILE:HB	2.04	0.57
1:AA:15:HIS:HA	1:AA:499:MET:HE3	1.86	0.57
1:AA:471:SER:O	1:AA:475:ASP:HB2	2.04	0.57
1:AC:458:ASN:ND2	1:AO:126:ILE:HG12	2.18	0.57
1:AE:511:ARG:NH2	1:AE:512:LEU:HD22	2.20	0.57
1:AG:410:ASN:HD21	1:AG:414:ILE:HG22	1.69	0.57
1:AH:360:VAL:HG23	1:AH:365:PHE:HD1	1.68	0.57
1:AI:68:ALA:O	1:AI:72:ILE:HG13	2.05	0.57
1:AN:395:ALA:HB2	1:AN:414:ILE:HG23	1.86	0.57
1:AP:251:GLY:H	1:AP:332:GLY:CA	2.13	0.57
1:AP:445:MET:HE2	1:AP:445:MET:CA	2.34	0.57

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AU:174:MET:HE3	1:AU:398:ALA:HA	1.86	0.57
1:AX:104:GLN:HB3	1:AX:108:SER:OG	2.04	0.57
1:A1:195:GLU:CD	1:A1:215:ARG:HG2	2.29	0.57
1:A1:370:PHE:HA	1:A1:376:VAL:HG11	1.86	0.57
1:A2:362:GLY:O	1:A2:365:PHE:HB3	2.04	0.57
1:A3:76:GLN:O	1:A3:80:LYS:HG2	2.04	0.57
1:A3:248:ALA:HA	1:A3:334:PHE:CZ	2.38	0.57
1:A4:496:SER:HB2	1:AF:512:LEU:HD23	1.86	0.57
1:A5:35:GLY:O	1:A5:476:VAL:HG12	2.04	0.57
1:A6:303:ILE:HD12	1:AT:234:PHE:CE1	2.39	0.57
1:A9:161:ILE:HG23	1:A9:445:MET:HE1	1.87	0.57
1:A9:362:GLY:O	1:A9:365:PHE:HB3	2.03	0.57
1:AA:97:VAL:HG22	1:AA:428:MET:SD	2.45	0.57
1:AC:15:HIS:CD2	1:AU:480:GLU:HB2	2.39	0.57
1:AC:61:LEU:O	1:AC:65:ILE:HG13	2.04	0.57
1:AC:234:PHE:CZ	1:AO:303:ILE:HD12	2.39	0.57
1:AC:454:THR:HG21	1:AO:88:ILE:HD11	1.86	0.57
1:AD:171:HIS:O	1:AD:172:VAL:HG23	2.03	0.57
1:AD:507:GLN:HA	1:AO:490:ILE:HD11	1.86	0.57
1:AD:510:LEU:CD1	1:AO:490:ILE:HG23	2.33	0.57
1:AG:126:ILE:HG23	1:AP:458:ASN:HD21	1.68	0.57
1:AG:201:LYS:HB2	1:AG:359:ILE:HD11	1.85	0.57
1:AJ:362:GLY:O	1:AJ:365:PHE:HB3	2.04	0.57
1:AK:360:VAL:HG23	1:AK:365:PHE:HD1	1.69	0.57
1:AK:383:LEU:HA	1:AK:430:MET:CE	2.33	0.57
1:AQ:296:GLY:O	1:AQ:312:ILE:HD12	2.05	0.57
1:AQ:357:ASP:HB2	1:AV:271:THR:O	2.04	0.57
1:AS:511:ARG:HH22	1:AS:512:LEU:HD13	1.68	0.57
1:AT:362:GLY:O	1:AT:365:PHE:HB3	2.04	0.57
1:AW:201:LYS:HB2	1:AW:359:ILE:HD11	1.85	0.57
1:AX:83:ASP:HB2	1:AX:442:ARG:NH2	2.19	0.57
1:A1:76:GLN:O	1:A1:80:LYS:HG2	2.05	0.57
1:A1:293:ASP:OD1	1:A1:294:ARG:HG3	2.04	0.57
1:A1:496:SER:HB2	1:AQ:512:LEU:HD23	1.86	0.57
1:A2:496:SER:HB2	1:AM:512:LEU:HD23	1.86	0.57
1:A5:74:MET:HB3	1:A5:137:MET:HE1	1.86	0.57
1:A6:99:ALA:CB	1:A6:112:LEU:HD22	2.22	0.57
1:A6:360:VAL:HG23	1:A6:365:PHE:HD1	1.69	0.57
1:A8:60:ASN:HD22	1:A8:60:ASN:N	2.02	0.57
1:AC:179:PHE:CZ	1:AC:344:VAL:HG13	2.39	0.57
1:AD:380:THR:HB	1:AI:283:ARG:NH1	2.19	0.57

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AE:68:ALA:O	1:AE:72:ILE:HG13	2.04	0.57
1:AE:88:ILE:HG22	1:AE:92:ILE:HD11	1.85	0.57
1:AE:89:LEU:HD23	1:AE:92:ILE:HD13	1.86	0.57
1:AF:247:MET:HE1	1:AS:144:ASN:ND2	2.19	0.57
1:AG:248:ALA:HA	1:AG:334:PHE:CZ	2.39	0.57
1:AI:496:SER:OG	1:AO:512:LEU:HD23	2.05	0.57
1:AJ:201:LYS:HA	1:AJ:208:ASP:HB2	1.87	0.57
1:AM:283:ARG:HH12	1:AU:380:THR:HB	1.67	0.57
1:AT:184:MET:O	1:AT:189:ALA:HB2	2.05	0.57
1:AU:225:GLY:HA2	1:AU:244:TYR:CD1	2.39	0.57
1:AW:167:ASP:HA	1:AW:384:ARG:CB	2.34	0.57
1:AW:249:THR:HG23	1:AW:405:ALA:HB3	1.87	0.57
1:A1:360:VAL:HG23	1:A1:365:PHE:HD1	1.67	0.57
1:A2:171:HIS:O	1:A2:172:VAL:HG23	2.04	0.57
1:A2:187:SER:HB3	1:A2:335:ALA:CB	2.34	0.57
1:A2:249:THR:HG23	1:A2:405:ALA:HB3	1.87	0.57
1:A2:293:ASP:OD1	1:A2:294:ARG:HG3	2.04	0.57
1:A2:463:GLN:HA	1:A2:466:VAL:HG22	1.86	0.57
1:A3:83:ASP:HB2	1:A3:442:ARG:HH21	1.70	0.57
1:A8:303:ILE:O	1:AE:234:PHE:HE2	1.86	0.57
1:A9:215:ARG:HB3	1:A9:215:ARG:NH1	2.19	0.57
1:AA:186:ALA:HB3	1:AA:334:PHE:HB2	1.87	0.57
1:AA:302:ASP:HB3	1:AA:308:ASN:ND2	2.18	0.57
1:AB:93:LYS:O	1:AB:97:VAL:HG23	2.04	0.57
1:AD:120:LEU:HD13	1:AD:387:ARG:HG2	1.87	0.57
1:AO:508:ASN:CA	1:AO:511:ARG:HG2	2.26	0.57
1:AP:35:GLY:O	1:AP:476:VAL:HG12	2.05	0.57
1:AP:76:GLN:O	1:AP:80:LYS:HG2	2.04	0.57
1:AP:187:SER:HB3	1:AP:335:ALA:CB	2.34	0.57
1:AQ:263:THR:CG2	1:AQ:268:GLU:HG3	2.35	0.57
1:AR:78:ALA:HB2	1:AR:137:MET:HE1	1.86	0.57
1:AR:171:HIS:O	1:AR:172:VAL:HG23	2.04	0.57
1:AX:234:PHE:O	1:AX:238:LEU:HG	2.05	0.57
1:A2:294:ARG:NH2	1:AR:206:VAL:HG11	2.19	0.57
1:A2:360:VAL:HG23	1:A2:365:PHE:HD1	1.68	0.57
1:A3:157:VAL:HG11	1:A3:452:LEU:CD2	2.35	0.57
1:A4:179:PHE:HZ	1:A4:344:VAL:HG13	1.69	0.57
1:A5:133:ASN:O	1:AH:105:THR:HG21	2.05	0.57
1:A5:146:GLU:HB2	1:A5:158:LYS:HD2	1.87	0.57
1:A5:277:LYS:HB2	2:A5:609:P8E:O1B	2.04	0.57
1:A6:187:SER:HB3	1:A6:335:ALA:CB	2.35	0.57

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A9:93:LYS:HG2	1:AK:60:ASN:ND2	2.19	0.57
1:A9:471:SER:O	1:A9:475:ASP:HB2	2.03	0.57
1:A9:475:ASP:CB	1:AK:4:ARG:HD3	2.34	0.57
1:AA:74:MET:HE3	1:AA:137:MET:HE1	1.87	0.57
1:AA:449:GLN:HE21	1:AN:42:ALA:HB2	1.70	0.57
1:AA:511:ARG:HG3	1:AA:512:LEU:N	2.17	0.57
1:AB:149:ILE:HD13	1:AB:157:VAL:HG12	1.87	0.57
1:AB:296:GLY:O	1:AB:312:ILE:HD12	2.04	0.57
1:AC:98:GLN:HG2	1:AC:112:LEU:HD21	1.85	0.57
1:AC:380:THR:HB	1:AR:283:ARG:HH12	1.69	0.57
1:AD:35:GLY:O	1:AD:476:VAL:HG12	2.03	0.57
1:AD:352:ARG:NH2	1:AD:356:ARG:HH21	2.03	0.57
1:AE:259:VAL:CG1	1:AE:262:LEU:HB2	2.33	0.57
1:AE:445:MET:HE2	1:AE:445:MET:CA	2.32	0.57
1:AF:201:LYS:HB2	1:AF:359:ILE:CD1	2.34	0.57
1:AG:263:THR:HG22	1:AG:268:GLU:HA	1.85	0.57
1:AI:5:ILE:CD1	1:AI:506:GLN:HG2	2.35	0.57
1:AL:81:ALA:HB3	1:AL:138:LEU:HD11	1.87	0.57
1:AL:458:ASN:HB2	1:AP:84:GLU:HG2	1.85	0.57
1:AM:150:GLY:HA3	1:AM:155:THR:HB	1.86	0.57
1:AP:224:ILE:HD11	1:AP:246:VAL:HG23	1.87	0.57
1:AQ:122:GLU:HG3	1:AR:451:GLU:HG3	1.87	0.57
1:AQ:171:HIS:O	1:AQ:172:VAL:HG23	2.03	0.57
1:AR:296:GLY:O	1:AR:312:ILE:HD12	2.05	0.57
1:AR:511:ARG:HH12	1:AR:512:LEU:CD1	2.17	0.57
1:AV:249:THR:HG23	1:AV:405:ALA:HB3	1.85	0.57
1:A1:98:GLN:HB2	1:AI:63:GLN:CD	2.30	0.57
1:A1:171:HIS:O	1:A1:172:VAL:HG23	2.05	0.57
1:A4:89:LEU:HA	1:A4:92:ILE:HD12	1.86	0.57
1:A4:203:VAL:HG21	1:A4:209:TYR:CD1	2.40	0.57
1:A9:360:VAL:HG23	1:A9:365:PHE:HD1	1.68	0.57
1:A9:383:LEU:HA	1:A9:430:MET:HE3	1.86	0.57
1:AA:281:ASP:OD2	1:AA:283:ARG:HB3	2.05	0.57
1:AC:66:ARG:HG2	1:AC:66:ARG:HH11	1.69	0.57
1:AE:5:ILE:CD1	1:AE:506:GLN:HG2	2.35	0.57
1:AE:133:ASN:O	1:AK:105:THR:HG21	2.05	0.57
1:AF:233:ARG:HG3	1:AT:139:SER:OG	2.04	0.57
1:AG:187:SER:HB3	1:AG:335:ALA:HB1	1.87	0.57
1:AH:179:PHE:HZ	1:AH:344:VAL:HG13	1.70	0.57
1:AH:422:LYS:O	1:AH:426:ILE:CD1	2.53	0.57
1:AI:68:ALA:HB3	1:AI:456:ILE:CD1	2.33	0.57

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AI:88:ILE:CD1	1:AO:454:THR:HG21	2.30	0.57
1:AI:284:LEU:O	1:AI:288:ILE:HG12	2.05	0.57
1:AN:68:ALA:O	1:AN:72:ILE:HG13	2.04	0.57
1:AP:61:LEU:O	1:AP:65:ILE:HG13	2.05	0.57
1:AQ:426:ILE:O	1:AQ:430:MET:HG3	2.05	0.57
1:AU:68:ALA:O	1:AU:72:ILE:HG13	2.05	0.57
1:A3:171:HIS:O	1:A3:172:VAL:HG23	2.03	0.57
1:A6:225:GLY:HA2	1:A6:244:TYR:CD1	2.39	0.57
1:A7:108:SER:O	1:A7:112:LEU:HD13	2.05	0.57
1:A7:249:THR:CG2	1:A7:405:ALA:HB3	2.35	0.57
1:A7:283:ARG:HA	1:A7:286:ASN:OD1	2.04	0.57
1:A7:454:THR:HG21	1:AJ:88:ILE:CD1	2.32	0.57
1:A9:76:GLN:O	1:A9:80:LYS:HG2	2.05	0.57
1:A9:126:ILE:HD13	1:AH:458:ASN:HD22	1.70	0.57
1:A9:129:THR:HG21	1:AH:155:THR:HG23	1.85	0.57
1:A9:201:LYS:HB2	1:A9:359:ILE:HD11	1.86	0.57
1:A9:260:ARG:NH1	1:A9:323:SER:HB2	2.19	0.57
1:A9:284:LEU:O	1:A9:288:ILE:HG12	2.04	0.57
1:A9:458:ASN:HD22	1:AA:126:ILE:HG12	1.70	0.57
1:AA:68:ALA:HB3	1:AA:456:ILE:CD1	2.22	0.57
1:AA:175:GLU:HG2	1:AA:378:GLU:CG	2.32	0.57
1:AB:203:VAL:HG21	1:AB:209:TYR:CD2	2.40	0.57
1:AB:277:LYS:HB2	2:AB:609:P8E:O1B	2.05	0.57
1:AC:319:VAL:O	1:AC:342:HIS:HD2	1.87	0.57
1:AC:360:VAL:HG23	1:AC:365:PHE:HD1	1.70	0.57
1:AE:104:GLN:HB3	1:AE:108:SER:OG	2.05	0.57
1:AE:410:ASN:HD21	1:AE:414:ILE:HG22	1.69	0.57
1:AF:105:THR:HG21	1:AS:133:ASN:O	2.05	0.57
1:AF:129:THR:HG21	1:AN:155:THR:HG23	1.86	0.57
1:AF:410:ASN:OD1	1:AF:410:ASN:O	2.22	0.57
1:AG:71:ALA:O	1:AG:75:VAL:HG23	2.05	0.57
1:AG:294:ARG:NH1	1:AU:389:ILE:HD12	2.20	0.57
1:AG:380:THR:HB	1:AW:283:ARG:HH12	1.68	0.57
1:AH:150:GLY:HA3	1:AH:155:THR:HB	1.87	0.57
1:AH:395:ALA:HB2	1:AH:414:ILE:HG23	1.87	0.57
1:AI:360:VAL:HG23	1:AI:365:PHE:CD1	2.39	0.57
1:AJ:82:MET:HE1	1:AJ:442:ARG:N	2.19	0.57
1:AJ:296:GLY:O	1:AJ:312:ILE:HD12	2.05	0.57
1:AL:100:ALA:HB2	1:AL:424:ALA:HB1	1.85	0.57
1:AN:249:THR:HG23	1:AN:405:ALA:HB3	1.87	0.57
1:AO:506:GLN:O	1:AO:509:VAL:HG12	2.04	0.57

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AP:291:VAL:HG23	1:AP:295:THR:HG21	1.87	0.57
1:AQ:161:ILE:HD13	1:AQ:445:MET:HE1	1.87	0.57
1:AR:68:ALA:O	1:AR:72:ILE:HG13	2.04	0.57
1:AS:120:LEU:HD23	1:AS:387:ARG:HG3	1.87	0.57
1:AT:386:VAL:HG23	1:AT:430:MET:HE1	1.87	0.57
1:AU:201:LYS:HD3	2:AU:602:P8E:O1A	2.05	0.57
1:AV:463:GLN:HA	1:AV:466:VAL:HG22	1.86	0.57
1:AX:319:VAL:H	1:AX:342:HIS:CE1	2.23	0.57
1:A2:283:ARG:NH1	1:AR:380:THR:HB	2.19	0.57
1:A2:370:PHE:HA	1:A2:376:VAL:HG11	1.86	0.57
1:A3:83:ASP:HB2	1:A3:442:ARG:NH2	2.19	0.57
1:A3:225:GLY:HA2	1:A3:244:TYR:CD1	2.39	0.57
1:A3:259:VAL:HA	1:A3:324:ALA:CB	2.34	0.57
1:A5:187:SER:HB3	1:A5:335:ALA:HB1	1.87	0.57
1:A5:258:THR:CG2	1:A5:273:ASN:HA	2.30	0.57
1:A6:71:ALA:O	1:A6:75:VAL:HG23	2.04	0.57
1:A7:76:GLN:O	1:A7:80:LYS:HG2	2.05	0.57
1:A7:337:ILE:HG22	1:A7:342:HIS:CG	2.40	0.57
1:A8:5:ILE:CD1	1:A8:506:GLN:HG2	2.35	0.57
1:A8:201:LYS:HB2	1:A8:359:ILE:CD1	2.35	0.57
1:AB:68:ALA:HB3	1:AB:456:ILE:CD1	2.27	0.57
1:AC:187:SER:HB3	1:AC:335:ALA:HB1	1.87	0.57
1:AD:63:GLN:CD	1:AI:98:GLN:HB2	2.30	0.57
1:AE:21:ASN:HA	1:AE:24:ASP:OD1	2.04	0.57
1:AF:472:GLN:HA	1:AS:4:ARG:HH12	1.67	0.57
1:AJ:263:THR:HG21	1:AJ:268:GLU:HG3	1.86	0.57
1:AJ:353:THR:HG23	1:AJ:433:SER:CB	2.34	0.57
1:AK:189:ALA:HB3	1:AK:343:ALA:HB3	1.86	0.57
1:AK:454:THR:HG21	1:AN:88:ILE:CD1	2.30	0.57
1:AM:15:HIS:O	1:AM:19:VAL:HG12	2.05	0.57
1:AN:175:GLU:HG2	1:AN:378:GLU:CG	2.30	0.57
1:AQ:133:ASN:CG	1:AR:50:ILE:HD11	2.29	0.57
1:AQ:211:ILE:CD1	1:AQ:238:LEU:HD21	2.35	0.57
1:AT:319:VAL:H	1:AT:342:HIS:HD2	1.53	0.57
1:AV:171:HIS:O	1:AV:172:VAL:HG23	2.04	0.57
1:AV:296:GLY:O	1:AV:312:ILE:HD12	2.05	0.57
1:AV:366:SER:HB2	1:AV:371:HIS:HB2	1.87	0.57
1:A1:201:LYS:HA	1:A1:208:ASP:HB2	1.87	0.57
1:A3:8:ASN:HB3	1:A3:11:ALA:HB3	1.86	0.57
1:A5:410:ASN:HD21	1:A5:414:ILE:CG2	2.18	0.57
1:A7:297:VAL:HG21	1:A7:317:ILE:HG12	1.86	0.57

*Continued on next page...*



*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A8:157:VAL:HG11	1:A8:452:LEU:HD21	1.87	0.57
1:AA:105:THR:HG21	1:AN:133:ASN:O	2.05	0.57
1:AB:263:THR:CG2	1:AB:268:GLU:HG3	2.35	0.57
1:AB:353:THR:HG23	1:AB:433:SER:CB	2.31	0.57
1:AC:133:ASN:O	1:AR:105:THR:HG21	2.05	0.57
1:AG:421:LEU:HD21	1:AJ:146:GLU:CG	2.35	0.57
1:AI:84:GLU:HG2	1:AO:458:ASN:HB2	1.87	0.57
1:AI:201:LYS:HB2	1:AI:359:ILE:HG13	1.85	0.57
1:AI:263:THR:CG2	1:AI:268:GLU:HG3	2.35	0.57
1:AM:103:GLY:HA2	1:AU:74:MET:HE1	1.86	0.57
1:AP:511:ARG:CZ	1:AP:512:LEU:HG	2.35	0.57
1:AT:68:ALA:HB3	1:AT:456:ILE:CD1	2.35	0.57
1:AU:211:ILE:CD1	1:AU:238:LEU:HD11	2.32	0.57
1:AV:76:GLN:O	1:AV:80:LYS:HG2	2.04	0.57
1:A3:82:MET:SD	1:A3:441:ILE:HG22	2.45	0.56
1:A4:249:THR:HG23	1:A4:405:ALA:HB3	1.86	0.56
1:A6:104:GLN:HB3	1:A6:108:SER:OG	2.05	0.56
1:A6:172:VAL:O	1:A6:380:THR:HA	2.04	0.56
1:A7:203:VAL:HG21	1:A7:209:TYR:CD2	2.40	0.56
1:A8:139:SER:HB2	1:AK:233:ARG:HG3	1.86	0.56
1:AA:98:GLN:HB2	1:AN:63:GLN:CD	2.30	0.56
1:AD:68:ALA:O	1:AD:72:ILE:HG13	2.05	0.56
1:AG:68:ALA:O	1:AG:72:ILE:HG13	2.05	0.56
1:AH:303:ILE:HA	1:AI:234:PHE:HZ	1.65	0.56
1:AI:259:VAL:HG13	1:AI:324:ALA:CB	2.35	0.56
1:AI:511:ARG:HH12	1:AI:512:LEU:HD13	1.69	0.56
1:AK:171:HIS:O	1:AK:172:VAL:HG23	2.05	0.56
1:AK:248:ALA:HA	1:AK:334:PHE:CE2	2.40	0.56
1:AL:224:ILE:HD11	1:AL:246:VAL:HG23	1.86	0.56
1:AO:445:MET:HE2	1:AO:445:MET:CA	2.34	0.56
1:AP:201:LYS:HB2	1:AP:359:ILE:HD11	1.86	0.56
1:AV:370:PHE:HA	1:AV:376:VAL:HG11	1.87	0.56
1:A4:149:ILE:HD13	1:A4:157:VAL:CG1	2.34	0.56
1:A5:68:ALA:O	1:A5:72:ILE:HG13	2.05	0.56
1:A5:296:GLY:O	1:A5:312:ILE:HD12	2.05	0.56
1:A6:291:VAL:HG23	1:A6:295:THR:HG21	1.86	0.56
1:A8:445:MET:HE2	1:A8:445:MET:CA	2.32	0.56
1:A9:224:ILE:HD12	1:A9:244:TYR:HB2	1.86	0.56
1:AB:284:LEU:O	1:AB:288:ILE:HG12	2.05	0.56
1:AC:209:TYR:CE2	1:AC:237:THR:HG22	2.40	0.56
1:AE:120:LEU:HD23	1:AE:120:LEU:C	2.30	0.56

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AE:248:ALA:HA	1:AE:334:PHE:CE2	2.39	0.56
1:AG:105:THR:HG21	1:AJ:133:ASN:O	2.04	0.56
1:AG:283:ARG:NH1	1:AJ:380:THR:HB	2.20	0.56
1:AH:171:HIS:O	1:AH:172:VAL:HG23	2.04	0.56
1:AJ:224:ILE:HD11	1:AJ:246:VAL:HG22	1.87	0.56
1:AJ:426:ILE:HD12	1:AJ:426:ILE:H	1.69	0.56
1:AK:512:LEU:HD22	1:AN:496:SER:OG	2.05	0.56
1:AO:382:ASN:ND2	1:AQ:281:ASP:HB2	2.20	0.56
1:AQ:68:ALA:O	1:AQ:72:ILE:HG13	2.05	0.56
1:AR:117:GLN:HE21	1:AR:387:ARG:HD2	1.69	0.56
1:AR:360:VAL:HG23	1:AR:365:PHE:HD1	1.70	0.56
1:AT:120:LEU:CD2	1:AT:387:ARG:HG3	2.35	0.56
1:AT:187:SER:HB3	1:AT:335:ALA:HB1	1.86	0.56
1:AU:258:THR:HG22	1:AU:273:ASN:CA	2.20	0.56
1:AW:171:HIS:O	1:AW:172:VAL:HG23	2.05	0.56
1:A1:120:LEU:CD2	1:A1:383:LEU:HG	2.35	0.56
1:A1:149:ILE:HD11	1:A1:157:VAL:CG2	2.34	0.56
1:A1:472:GLN:HA	1:A1:4:ARG:HH11	1.70	0.56
1:A2:133:ASN:CG	1:AM:50:ILE:HD11	2.29	0.56
1:A2:284:LEU:O	1:A2:288:ILE:HG12	2.04	0.56
1:A3:231:ILE:HG21	1:A3:242:ALA:HB2	1.87	0.56
1:A3:395:ALA:HB2	1:A3:414:ILE:HG23	1.88	0.56
1:A7:89:LEU:HA	1:A7:92:ILE:HD13	1.85	0.56
1:A7:209:TYR:CE2	1:A7:237:THR:HG22	2.41	0.56
1:A7:246:VAL:HG22	1:A7:346:GLY:HA3	1.87	0.56
1:A8:423:GLY:HA2	1:A8:426:ILE:HD13	1.87	0.56
1:A9:171:HIS:O	1:A9:172:VAL:HG23	2.05	0.56
1:AA:5:ILE:HG12	1:AA:510:LEU:HD11	1.87	0.56
1:AA:203:VAL:HG21	1:AA:209:TYR:CD2	2.40	0.56
1:AA:277:LYS:HB2	2:AA:609:P8E:O1B	2.05	0.56
1:AB:262:LEU:HD12	1:AB:263:THR:N	2.21	0.56
1:AB:362:GLY:O	1:AB:365:PHE:HB3	2.04	0.56
1:AC:15:HIS:O	1:AC:19:VAL:HG12	2.06	0.56
1:AC:279:ASP:HB3	1:AC:301:LEU:HD11	1.86	0.56
1:AD:263:THR:CG2	1:AD:268:GLU:HG3	2.36	0.56
1:AD:509:VAL:HG13	1:AD:510:LEU:HD23	1.87	0.56
1:AE:35:GLY:O	1:AE:476:VAL:HG12	2.04	0.56
1:AE:383:LEU:HA	1:AE:430:MET:CE	2.35	0.56
1:AF:201:LYS:HB2	1:AF:359:ILE:HG13	1.87	0.56
1:AF:495:GLY:O	1:AF:499:MET:HG3	2.06	0.56
1:AG:99:ALA:HB2	1:AG:112:LEU:CD2	2.17	0.56

*Continued on next page...*



*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AG:179:PHE:CZ	1:AG:344:VAL:HG13	2.39	0.56
1:AG:425:MET:HE3	1:AJ:154:ASN:HA	1.87	0.56
1:AG:496:SER:OG	1:AP:512:LEU:HD13	2.04	0.56
1:AH:192:ASN:HA	1:AH:367:HIS:ND1	2.20	0.56
1:AH:234:PHE:O	1:AH:238:LEU:HD12	2.05	0.56
1:AH:259:VAL:HG13	1:AH:324:ALA:CB	2.35	0.56
1:AH:362:GLY:O	1:AH:365:PHE:HB3	2.04	0.56
1:AI:445:MET:HE2	1:AI:445:MET:CA	2.36	0.56
1:AJ:88:ILE:HG22	1:AJ:92:ILE:HD11	1.86	0.56
1:AJ:264:ILE:HD11	1:AJ:295:THR:HG21	1.87	0.56
1:AJ:342:HIS:CE1	1:AJ:344:VAL:HG23	2.40	0.56
1:AJ:395:ALA:HB2	1:AJ:414:ILE:HG23	1.86	0.56
1:AK:167:ASP:HB3	1:AK:384:ARG:CZ	2.34	0.56
1:AK:201:LYS:HD3	2:AK:602:P8E:O1A	2.05	0.56
1:AL:234:PHE:CD2	1:AP:303:ILE:HD12	2.40	0.56
1:AM:93:LYS:CG	1:AU:60:ASN:HD21	2.19	0.56
1:AN:120:LEU:HD21	1:AN:166:SER:CB	2.35	0.56
1:AN:328:VAL:HG12	1:AN:329:PHE:HD1	1.70	0.56
1:AO:423:GLY:HA2	1:AO:426:ILE:HD13	1.87	0.56
1:AP:38:ILE:HD11	1:AP:44:ASP:HB3	1.86	0.56
1:AP:184:MET:O	1:AP:189:ALA:HB2	2.04	0.56
1:AQ:291:VAL:HG23	1:AQ:295:THR:HG23	1.87	0.56
1:AR:183:GLY:O	1:AR:188:ALA:HB3	2.05	0.56
1:AR:201:LYS:HB2	1:AR:359:ILE:HG13	1.85	0.56
1:AR:249:THR:HG23	1:AR:405:ALA:HB3	1.87	0.56
1:AS:201:LYS:HD3	2:AS:602:P8E:O1A	2.04	0.56
1:AT:171:HIS:O	1:AT:172:VAL:HG23	2.04	0.56
1:AT:445:MET:HE2	1:AT:445:MET:CA	2.34	0.56
1:AU:5:ILE:CD1	1:AU:506:GLN:HG2	2.34	0.56
1:AU:421:LEU:HD11	1:AU:425:MET:HE2	1.86	0.56
1:AX:82:MET:SD	1:AX:441:ILE:HG22	2.45	0.56
1:AX:83:ASP:HB2	1:AX:442:ARG:HH21	1.70	0.56
1:AX:264:ILE:HG22	1:AX:319:VAL:CG2	2.34	0.56
1:A2:277:LYS:HB2	2:A2:609:P8E:O1B	2.06	0.56
1:A2:490:ILE:CG2	1:AQ:510:LEU:HD12	2.35	0.56
1:A3:360:VAL:HG23	1:A3:365:PHE:HD1	1.70	0.56
1:A4:105:THR:HG21	1:AT:133:ASN:O	2.05	0.56
1:A4:172:VAL:O	1:A4:380:THR:HA	2.06	0.56
1:A6:88:ILE:CD1	1:AT:454:THR:HG21	2.30	0.56
1:A6:120:LEU:CD1	1:A6:383:LEU:HG	2.34	0.56
1:A7:171:HIS:O	1:A7:172:VAL:HG23	2.06	0.56

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A7:248:ALA:HA	1:A7:334:PHE:CE2	2.40	0.56
1:A8:120:LEU:HD23	1:A8:124:ASP:OD2	2.05	0.56
1:A9:172:VAL:O	1:A9:380:THR:HA	2.05	0.56
1:AA:353:THR:HG23	1:AA:433:SER:CB	2.32	0.56
1:AA:463:GLN:HA	1:AA:466:VAL:HG22	1.85	0.56
1:AC:171:HIS:O	1:AC:172:VAL:HG23	2.05	0.56
1:AC:296:GLY:O	1:AC:312:ILE:HD12	2.05	0.56
1:AD:15:HIS:O	1:AD:19:VAL:HG12	2.05	0.56
1:AE:487:LYS:O	1:AE:491:LEU:HD23	2.05	0.56
1:AF:281:ASP:HB2	1:AS:382:ASN:ND2	2.20	0.56
1:AG:277:LYS:HB2	2:AG:609:P8E:O1B	2.06	0.56
1:AJ:179:PHE:CZ	1:AJ:344:VAL:HG13	2.40	0.56
1:AJ:423:GLY:HA2	1:AJ:426:ILE:CD1	2.35	0.56
1:AN:35:GLY:O	1:AN:476:VAL:HG12	2.05	0.56
1:AO:263:THR:CG2	1:AO:268:GLU:HG3	2.35	0.56
1:AP:296:GLY:O	1:AP:312:ILE:HD12	2.05	0.56
1:AQ:122:GLU:HB2	1:AR:451:GLU:HG3	1.87	0.56
1:AT:263:THR:CG2	1:AT:268:GLU:HG3	2.35	0.56
1:AT:395:ALA:HB2	1:AT:414:ILE:HG23	1.87	0.56
1:AW:76:GLN:O	1:AW:80:LYS:HG2	2.05	0.56
1:A3:175:GLU:OE2	1:A3:358:ILE:HB	2.05	0.56
1:A4:328:VAL:HG12	1:A4:329:PHE:HD1	1.69	0.56
1:A5:445:MET:HE2	1:A5:445:MET:CA	2.33	0.56
1:A5:508:ASN:CA	1:A5:511:ARG:HG2	2.24	0.56
1:A6:35:GLY:O	1:A6:476:VAL:HG12	2.06	0.56
1:A6:61:LEU:O	1:A6:65:ILE:HG13	2.06	0.56
1:A6:296:GLY:O	1:A6:312:ILE:HD12	2.05	0.56
1:A7:395:ALA:HB2	1:A7:414:ILE:HG23	1.87	0.56
1:AB:281:ASP:HB2	1:AH:382:ASN:ND2	2.20	0.56
1:AB:337:ILE:HG22	1:AB:342:HIS:CG	2.41	0.56
1:AC:192:ASN:HA	1:AC:367:HIS:ND1	2.20	0.56
1:AC:342:HIS:CE1	1:AC:344:VAL:HG23	2.40	0.56
1:AD:146:GLU:CG	1:AI:421:LEU:HD21	2.34	0.56
1:AD:296:GLY:O	1:AD:312:ILE:HD12	2.05	0.56
1:AG:382:ASN:ND2	1:AW:281:ASP:HB2	2.21	0.56
1:AI:104:GLN:HB3	1:AI:108:SER:OG	2.06	0.56
1:AI:337:ILE:HG22	1:AI:342:HIS:ND1	2.20	0.56
1:AJ:490:ILE:CG2	1:AX:510:LEU:HD12	2.35	0.56
1:AK:263:THR:HG22	1:AK:268:GLU:HG3	1.87	0.56
1:AL:60:ASN:ND2	1:AT:93:LYS:HE2	2.21	0.56
1:AL:201:LYS:HD3	2:AL:602:P8E:O1A	2.05	0.56

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AM:167:ASP:HA	1:AM:384:ARG:CB	2.34	0.56
1:AM:172:VAL:O	1:AM:380:THR:HA	2.05	0.56
1:AO:262:LEU:HD11	1:AO:319:VAL:CG2	2.34	0.56
1:AP:192:ASN:HA	1:AP:367:HIS:ND1	2.20	0.56
1:AQ:184:MET:O	1:AQ:189:ALA:HB2	2.06	0.56
1:AR:337:ILE:HG22	1:AR:342:HIS:CG	2.41	0.56
1:AT:179:PHE:HZ	1:AT:344:VAL:HG13	1.69	0.56
1:AT:249:THR:CG2	1:AT:405:ALA:HB3	2.35	0.56
1:AW:149:ILE:HD13	1:AW:157:VAL:HG12	1.87	0.56
1:AW:259:VAL:HG13	1:AW:324:ALA:CB	2.36	0.56
1:AW:360:VAL:HG23	1:AW:365:PHE:HD1	1.71	0.56
1:A1:36:LEU:HD21	1:A1:6:ASN:ND2	2.21	0.56
1:A2:76:GLN:O	1:A2:80:LYS:HG2	2.05	0.56
1:A2:89:LEU:HA	1:A2:92:ILE:HD13	1.88	0.56
1:A2:447:SER:OG	1:AV:118:ARG:HG3	2.06	0.56
1:A4:129:THR:HG21	1:AF:155:THR:HG23	1.88	0.56
1:A6:201:LYS:HB2	1:A6:359:ILE:HG13	1.88	0.56
1:A7:382:ASN:O	1:A7:430:MET:HE1	2.06	0.56
1:A7:511:ARG:CZ	1:A7:512:LEU:HG	2.36	0.56
1:A9:187:SER:HB3	1:A9:335:ALA:CB	2.36	0.56
1:AB:271:THR:O	1:AH:357:ASP:HB2	2.04	0.56
1:AC:259:VAL:HB	1:AC:272:VAL:HG22	1.87	0.56
1:AC:264:ILE:HD11	1:AC:295:THR:HG21	1.87	0.56
1:AC:328:VAL:HG12	1:AC:329:PHE:HD1	1.70	0.56
1:AD:445:MET:HE2	1:AD:445:MET:CA	2.36	0.56
1:AE:63:GLN:CD	1:AK:98:GLN:HB2	2.31	0.56
1:AF:81:ALA:HB3	1:AF:138:LEU:HD11	1.88	0.56
1:AG:296:GLY:O	1:AG:312:ILE:HD12	2.06	0.56
1:AH:61:LEU:O	1:AH:65:ILE:HG13	2.05	0.56
1:AH:76:GLN:O	1:AH:80:LYS:HG2	2.04	0.56
1:AH:319:VAL:HG13	1:AH:342:HIS:HD2	1.70	0.56
1:AJ:187:SER:HB3	1:AJ:335:ALA:HB1	1.87	0.56
1:AM:249:THR:HG23	1:AM:405:ALA:HB3	1.88	0.56
1:AU:283:ARG:HH12	1:AX:380:THR:HB	1.68	0.56
1:AW:201:LYS:HB2	1:AW:359:ILE:HG13	1.87	0.56
1:AX:8:ASN:HB3	1:AX:11:ALA:HB3	1.86	0.56
1:A1:463:GLN:HA	1:A1:466:VAL:HG22	1.87	0.56
1:A4:291:VAL:HG23	1:A4:295:THR:HG23	1.88	0.56
1:A5:360:VAL:HG23	1:A5:365:PHE:CD1	2.39	0.56
1:A6:463:GLN:HA	1:A6:466:VAL:HG22	1.88	0.56
1:A7:146:GLU:CG	1:AP:421:LEU:HD21	2.36	0.56

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A7:277:LYS:HG2	1:A7:278:ASN:HD22	1.71	0.56
1:AA:81:ALA:HB3	1:AA:138:LEU:HD11	1.87	0.56
1:AA:136:GLN:HB3	1:AA:139:SER:OG	2.05	0.56
1:AA:369:GLY:HA2	1:AA:374:GLN:NE2	2.21	0.56
1:AB:251:GLY:N	1:AB:333:ASN:H	2.03	0.56
1:AC:175:GLU:HG2	1:AC:378:GLU:CG	2.30	0.56
1:AD:120:LEU:HD23	1:AD:120:LEU:O	2.06	0.56
1:AD:277:LYS:HB2	2:AD:609:P8E:O1B	2.04	0.56
1:AE:61:LEU:HB3	1:AE:463:GLN:HB2	1.87	0.56
1:AH:129:THR:HG21	1:AI:155:THR:HG23	1.88	0.56
1:AI:201:LYS:HB2	1:AI:359:ILE:HD11	1.87	0.56
1:AJ:171:HIS:O	1:AJ:172:VAL:HG23	2.05	0.56
1:AL:68:ALA:HB3	1:AL:456:ILE:CD1	2.34	0.56
1:AL:211:ILE:HD13	1:AL:234:PHE:HD2	1.71	0.56
1:AL:512:LEU:HD22	1:AP:496:SER:OG	2.06	0.56
1:AM:201:LYS:HA	1:AM:208:ASP:HB2	1.88	0.56
1:AO:175:GLU:HG2	1:AO:378:GLU:CG	2.28	0.56
1:AP:389:ILE:HD12	1:AT:294:ARG:NH1	2.21	0.56
1:AQ:76:GLN:O	1:AQ:80:LYS:HG2	2.05	0.56
1:AQ:362:GLY:O	1:AQ:365:PHE:HB3	2.05	0.56
1:AS:448:VAL:HG22	1:AT:118:ARG:NH2	2.21	0.56
1:AU:131:SER:HB3	1:AU:136:GLN:OE1	2.06	0.56
1:AU:179:PHE:HD1	1:AU:184:MET:HE2	1.71	0.56
1:AV:149:ILE:HD13	1:AV:157:VAL:CG1	2.35	0.56
1:A1:263:THR:CG2	1:A1:268:GLU:HG3	2.35	0.56
1:A1:511:ARG:HH12	1:A1:512:LEU:HD13	1.69	0.56
1:A2:501:GLN:HG3	1:AV:485:PHE:CE2	2.41	0.56
1:A3:68:ALA:O	1:A3:72:ILE:HG13	2.05	0.56
1:A3:175:GLU:HA	1:A3:377:ALA:O	2.06	0.56
1:A4:171:HIS:O	1:A4:172:VAL:HG23	2.04	0.56
1:A4:284:LEU:O	1:A4:288:ILE:HG12	2.06	0.56
1:A5:259:VAL:HG13	1:A5:324:ALA:CB	2.36	0.56
1:A6:281:ASP:HB2	1:AP:382:ASN:ND2	2.21	0.56
1:A7:21:ASN:HA	1:A7:24:ASP:OD1	2.05	0.56
1:A8:100:ALA:HB2	1:A8:424:ALA:HB1	1.86	0.56
1:A8:167:ASP:HB3	1:A8:384:ARG:CZ	2.36	0.56
1:AC:201:LYS:HB2	1:AC:359:ILE:HG13	1.88	0.56
1:AD:133:ASN:O	1:AI:105:THR:HG21	2.06	0.56
1:AF:259:VAL:HG13	1:AF:324:ALA:CB	2.36	0.56
1:AG:175:GLU:HG2	1:AG:378:GLU:CG	2.28	0.56
1:AG:283:ARG:HH12	1:AJ:380:THR:HB	1.70	0.56

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AH:249:THR:HG23	1:AH:405:ALA:HB3	1.87	0.56
1:AI:395:ALA:HB2	1:AI:414:ILE:HG23	1.87	0.56
1:AK:445:MET:HA	1:AK:445:MET:CE	2.36	0.56
1:AK:511:ARG:HH22	1:AK:512:LEU:HD13	1.70	0.56
1:AL:192:ASN:HA	1:AL:367:HIS:ND1	2.21	0.56
1:AN:386:VAL:HG22	1:AN:427:VAL:HG22	1.88	0.56
1:AP:395:ALA:HB2	1:AP:414:ILE:HG23	1.88	0.56
1:AQ:89:LEU:HD23	1:AQ:92:ILE:HD13	1.88	0.56
1:AQ:116:ILE:CD1	1:AQ:418:VAL:HG21	2.36	0.56
1:AQ:302:ASP:HB3	1:AQ:308:ASN:ND2	2.21	0.56
1:AT:15:HIS:O	1:AT:19:VAL:HG12	2.05	0.56
1:AT:75:VAL:HG11	1:AT:449:GLN:HB2	1.87	0.56
1:AU:281:ASP:HB2	1:AX:382:ASN:ND2	2.20	0.56
1:AU:296:GLY:O	1:AU:312:ILE:HD12	2.06	0.56
1:AW:423:GLY:HA2	1:AW:426:ILE:CD1	2.36	0.56
1:A3:206:VAL:HG13	1:A3:207:ASN:OD1	2.05	0.56
1:A5:451:GLU:HG3	1:AK:122:GLU:HG3	1.86	0.56
1:A7:201:LYS:HD3	2:A7:602:P8E:O1A	2.06	0.56
1:A8:63:GLN:CD	1:AN:98:GLN:HB2	2.31	0.56
1:A8:184:MET:HE1	1:A8:345:ILE:HG12	1.88	0.56
1:A8:201:LYS:HB2	1:A8:359:ILE:HG13	1.87	0.56
1:AA:76:GLN:O	1:AA:80:LYS:HG2	2.05	0.56
1:AA:161:ILE:HG12	1:AA:445:MET:HE2	1.87	0.56
1:AA:370:PHE:HA	1:AA:376:VAL:HG11	1.86	0.56
1:AB:328:VAL:HG12	1:AB:329:PHE:HD1	1.70	0.56
1:AC:89:LEU:HA	1:AC:92:ILE:HD12	1.86	0.56
1:AC:149:ILE:CD1	1:AC:455:THR:HG21	2.31	0.56
1:AD:187:SER:HB3	1:AD:335:ALA:HB1	1.88	0.56
1:AD:382:ASN:ND2	1:AI:281:ASP:HB2	2.21	0.56
1:AE:184:MET:HE1	1:AE:345:ILE:HD11	1.87	0.56
1:AG:203:VAL:HG11	1:AG:238:LEU:CD2	2.36	0.56
1:AG:305:GLY:HA3	1:AP:212:GLU:OE2	2.06	0.56
1:AG:360:VAL:HG23	1:AG:365:PHE:HD1	1.71	0.56
1:AH:149:ILE:HD13	1:AH:157:VAL:HG12	1.87	0.56
1:AI:89:LEU:HD23	1:AI:92:ILE:HD13	1.87	0.56
1:AJ:192:ASN:HA	1:AJ:367:HIS:ND1	2.21	0.56
1:AJ:511:ARG:HH22	1:AJ:512:LEU:HD13	1.70	0.56
1:AL:61:LEU:HB3	1:AL:463:GLN:HB2	1.88	0.56
1:AL:89:LEU:HA	1:AL:92:ILE:HD13	1.85	0.56
1:AL:360:VAL:HG23	1:AL:365:PHE:HD1	1.71	0.56
1:AQ:247:MET:HE2	1:AQ:310:HIS:HB2	1.88	0.56

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AQ:360:VAL:HG23	1:AQ:365:PHE:HD1	1.70	0.56
1:AS:5:ILE:CD1	1:AS:506:GLN:HG2	2.35	0.56
1:AS:82:MET:HE1	1:AS:442:ARG:N	2.20	0.56
1:AT:5:ILE:CD1	1:AT:506:GLN:HG2	2.35	0.56
1:AT:302:ASP:HB3	1:AT:308:ASN:ND2	2.21	0.56
1:AT:337:ILE:HG22	1:AT:342:HIS:CG	2.40	0.56
1:AX:98:GLN:HG2	1:AX:112:LEU:HD21	1.88	0.56
1:AX:120:LEU:CD1	1:AX:383:LEU:HG	2.36	0.56
1:AX:319:VAL:HG12	1:AX:342:HIS:CE1	2.41	0.56
1:A1:284:LEU:O	1:A1:288:ILE:HG12	2.06	0.56
1:A1:490:ILE:CG2	1:AH:510:LEU:HD12	2.36	0.56
1:A2:263:THR:CG2	1:A2:268:GLU:HG3	2.36	0.56
1:A2:281:ASP:HB2	1:AR:382:ASN:ND2	2.21	0.56
1:A3:249:THR:HG23	1:A3:405:ALA:HB3	1.88	0.56
1:A4:116:ILE:CD1	1:A4:418:VAL:HG21	2.29	0.56
1:A6:81:ALA:CB	1:A6:138:LEU:HD11	2.35	0.56
1:A6:149:ILE:CD1	1:A6:455:THR:HG21	2.35	0.56
1:A6:442:ARG:HD3	1:AP:48:MET:SD	2.46	0.56
1:A7:68:ALA:O	1:A7:72:ILE:HG13	2.05	0.56
1:A7:107:GLU:H	1:A7:107:GLU:CD	2.14	0.56
1:A8:187:SER:HB3	1:A8:335:ALA:HB1	1.87	0.56
1:A9:118:ARG:HG3	1:AH:447:SER:OG	2.06	0.56
1:A9:203:VAL:HG21	1:A9:209:TYR:CD1	2.41	0.56
1:A9:209:TYR:CE1	1:A9:237:THR:HG22	2.41	0.56
1:A9:337:ILE:HG22	1:A9:342:HIS:CG	2.40	0.56
1:AB:120:LEU:HD21	1:AB:383:LEU:CG	2.36	0.56
1:AG:386:VAL:HG22	1:AG:427:VAL:HG22	1.88	0.56
1:AI:296:GLY:O	1:AI:312:ILE:HD12	2.05	0.56
1:AJ:89:LEU:HA	1:AJ:92:ILE:HD12	1.88	0.56
1:AK:259:VAL:HG13	1:AK:324:ALA:CB	2.36	0.56
1:AK:296:GLY:O	1:AK:312:ILE:HD12	2.05	0.56
1:AK:395:ALA:HB2	1:AK:414:ILE:HG23	1.88	0.56
1:AL:225:GLY:HA2	1:AL:244:TYR:CD1	2.41	0.56
1:AL:296:GLY:O	1:AL:312:ILE:HD12	2.06	0.56
1:AM:296:GLY:O	1:AM:312:ILE:HD12	2.06	0.56
1:AO:510:LEU:HD12	1:AR:490:ILE:CG2	2.36	0.56
1:AR:511:ARG:HG3	1:AR:512:LEU:N	2.19	0.56
1:AS:171:HIS:O	1:AS:172:VAL:HG23	2.05	0.56
1:AW:167:ASP:CA	1:AW:384:ARG:HB2	2.35	0.56
1:AW:426:ILE:HD12	1:AW:426:ILE:H	1.70	0.56
1:AX:410:ASN:HD21	1:AX:414:ILE:HG22	1.71	0.56

*Continued on next page...*



*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A1:41:ALA:HA	1:A1:48:MET:HE1	1.88	0.55
1:A3:187:SER:HB3	1:A3:335:ALA:HB1	1.86	0.55
1:A4:353:THR:HG23	1:A4:433:SER:CB	2.31	0.55
1:A5:211:ILE:HD13	1:A5:234:PHE:HD2	1.70	0.55
1:A6:76:GLN:O	1:A6:80:LYS:HG2	2.05	0.55
1:A7:458:ASN:HD22	1:AJ:126:ILE:HG12	1.71	0.55
1:A8:410:ASN:HD21	1:A8:414:ILE:CG2	2.19	0.55
1:A9:259:VAL:HG13	1:A9:324:ALA:CB	2.37	0.55
1:AB:475:ASP:OD1	1:AH:6:ASN:HB3	2.06	0.55
1:AC:224:ILE:HD11	1:AC:246:VAL:HG22	1.87	0.55
1:AE:249:THR:HG23	1:AE:405:ALA:HB3	1.88	0.55
1:AE:495:GLY:O	1:AE:499:MET:HE3	2.06	0.55
1:AF:463:GLN:HA	1:AF:466:VAL:HG22	1.87	0.55
1:AF:485:PHE:CE2	1:AN:501:GLN:HG3	2.41	0.55
1:AG:144:ASN:HD21	1:AW:247:MET:HE1	1.71	0.55
1:AH:296:GLY:O	1:AH:312:ILE:HD12	2.05	0.55
1:AI:171:HIS:O	1:AI:172:VAL:HG23	2.06	0.55
1:AK:201:LYS:HB2	1:AK:359:ILE:HG13	1.87	0.55
1:AP:5:ILE:CD1	1:AP:506:GLN:HG2	2.36	0.55
1:AP:68:ALA:O	1:AP:72:ILE:HG13	2.06	0.55
1:AP:263:THR:CG2	1:AP:268:GLU:HG3	2.36	0.55
1:AQ:249:THR:HG23	1:AQ:405:ALA:HB3	1.88	0.55
1:AR:15:HIS:O	1:AR:19:VAL:HG12	2.07	0.55
1:AR:41:ALA:N	1:AR:48:MET:HE1	2.20	0.55
1:AR:175:GLU:HG2	1:AR:378:GLU:CG	2.28	0.55
1:AS:447:SER:OG	1:AT:118:ARG:HG3	2.07	0.55
1:AT:68:ALA:O	1:AT:72:ILE:HG13	2.06	0.55
1:AT:259:VAL:HG13	1:AT:324:ALA:CB	2.37	0.55
1:AT:386:VAL:HG23	1:AT:430:MET:CE	2.36	0.55
1:AU:171:HIS:HD2	1:AU:382:ASN:HB3	1.71	0.55
1:AV:353:THR:HG23	1:AV:433:SER:CB	2.32	0.55
1:A1:277:LYS:HB2	2:A1:609:P8E:O1B	2.06	0.55
1:A2:214:VAL:HG11	1:A2:227:LEU:HB2	1.88	0.55
1:A4:422:LYS:O	1:A4:426:ILE:CD1	2.54	0.55
1:A6:93:LYS:HG2	1:AP:60:ASN:HD21	1.72	0.55
1:A7:196:VAL:HG21	1:A7:216:ILE:HD11	1.87	0.55
1:A9:167:ASP:HA	1:A9:384:ARG:CB	2.36	0.55
1:A9:249:THR:HG23	1:A9:405:ALA:HB3	1.88	0.55
1:AA:74:MET:CE	1:AA:137:MET:HE1	2.36	0.55
1:AA:171:HIS:O	1:AA:172:VAL:HG23	2.06	0.55
1:AB:369:GLY:HA2	1:AB:374:GLN:NE2	2.21	0.55

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AC:5:ILE:HG21	1:AR:478:PHE:CE2	2.42	0.55
1:AI:189:ALA:HB3	1:AI:343:ALA:HB3	1.87	0.55
1:AL:4:ARG:HH12	1:AT:472:GLN:HA	1.71	0.55
1:AL:249:THR:HG23	1:AL:405:ALA:HB3	1.89	0.55
1:AM:259:VAL:HG13	1:AM:324:ALA:CB	2.36	0.55
1:AN:171:HIS:O	1:AN:172:VAL:HG23	2.06	0.55
1:AN:179:PHE:CZ	1:AN:344:VAL:HG13	2.41	0.55
1:AO:100:ALA:HB2	1:AO:424:ALA:HB1	1.88	0.55
1:AT:201:LYS:HB2	1:AT:359:ILE:HD11	1.87	0.55
1:AV:75:VAL:HG11	1:AV:449:GLN:HB2	1.88	0.55
1:AX:35:GLY:O	1:AX:476:VAL:HG12	2.05	0.55
1:AX:337:ILE:HG22	1:AX:342:HIS:CB	2.36	0.55
1:A1:510:LEU:HD12	1:AV:490:ILE:CG2	2.37	0.55
1:A2:167:ASP:CA	1:A2:384:ARG:HB2	2.36	0.55
1:A3:65:ILE:HG13	1:A3:459:ILE:HD12	1.87	0.55
1:A3:296:GLY:O	1:A3:312:ILE:HD12	2.06	0.55
1:A5:360:VAL:HG23	1:A5:365:PHE:HD1	1.71	0.55
1:A5:382:ASN:ND2	1:AH:281:ASP:HB2	2.21	0.55
1:A8:68:ALA:O	1:A8:72:ILE:HG13	2.07	0.55
1:A8:149:ILE:HD13	1:A8:157:VAL:HG12	1.87	0.55
1:AA:84:GLU:HA	1:AA:84:GLU:OE2	2.06	0.55
1:AA:89:LEU:HA	1:AA:92:ILE:HD13	1.88	0.55
1:AB:104:GLN:HB3	1:AB:108:SER:OG	2.06	0.55
1:AD:277:LYS:HG2	1:AD:278:ASN:HD22	1.70	0.55
1:AD:445:MET:HE2	1:AD:445:MET:N	2.21	0.55
1:AE:230:ILE:HG13	1:AE:231:ILE:N	2.22	0.55
1:AE:258:THR:CG2	1:AE:273:ASN:HA	2.29	0.55
1:AG:15:HIS:O	1:AG:19:VAL:HG12	2.06	0.55
1:AG:35:GLY:O	1:AG:476:VAL:HG12	2.06	0.55
1:AG:133:ASN:ND2	1:AW:105:THR:HG23	2.22	0.55
1:AG:511:ARG:HG3	1:AG:512:LEU:N	2.19	0.55
1:AJ:250:GLY:O	1:AJ:306:ARG:HD2	2.07	0.55
1:AJ:277:LYS:HB2	2:AJ:609:P8E:O1B	2.07	0.55
1:AL:61:LEU:O	1:AL:65:ILE:HG13	2.05	0.55
1:AM:89:LEU:HD23	1:AM:92:ILE:HD13	1.88	0.55
1:AM:362:GLY:O	1:AM:365:PHE:HB3	2.05	0.55
1:AN:15:HIS:O	1:AN:19:VAL:HG12	2.05	0.55
1:AN:445:MET:HE2	1:AN:445:MET:CA	2.33	0.55
1:AP:149:ILE:HD11	1:AP:157:VAL:CG2	2.35	0.55
1:AS:277:LYS:HB2	2:AS:609:P8E:O1B	2.07	0.55
1:AV:89:LEU:HA	1:AV:92:ILE:HD13	1.87	0.55

*Continued on next page...*



*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AV:122:GLU:OE2	1:AV:122:GLU:O	2.24	0.55
1:AW:174:MET:HE3	1:AW:398:ALA:HA	1.89	0.55
1:AW:174:MET:HE1	1:AW:398:ALA:HB2	1.86	0.55
1:AW:187:SER:HB3	1:AW:335:ALA:CB	2.36	0.55
1:AW:249:THR:CG2	1:AW:405:ALA:HB3	2.37	0.55
1:AX:249:THR:HG23	1:AX:405:ALA:HB3	1.89	0.55
1:A1:172:VAL:O	1:A1:380:THR:HA	2.05	0.55
1:A1:249:THR:CG2	1:A1:405:ALA:HB3	2.37	0.55
1:A3:251:GLY:H	1:A3:333:ASN:H	1.54	0.55
1:A3:410:ASN:HD21	1:A3:414:ILE:HG22	1.69	0.55
1:A4:225:GLY:HA2	1:A4:244:TYR:CD1	2.41	0.55
1:A5:495:GLY:O	1:A5:499:MET:HE3	2.06	0.55
1:A7:259:VAL:HA	1:A7:324:ALA:CB	2.36	0.55
1:A9:98:GLN:HB2	1:AK:63:GLN:CD	2.30	0.55
1:A9:234:PHE:HE1	1:AA:303:ILE:O	1.89	0.55
1:AA:15:HIS:HA	1:AA:499:MET:CE	2.36	0.55
1:AA:172:VAL:O	1:AA:380:THR:HA	2.06	0.55
1:AC:259:VAL:HA	1:AC:324:ALA:CB	2.36	0.55
1:AD:352:ARG:HH22	1:AD:356:ARG:HE	1.54	0.55
1:AE:283:ARG:HA	1:AE:286:ASN:OD1	2.06	0.55
1:AE:395:ALA:HB2	1:AE:414:ILE:HG23	1.89	0.55
1:AG:120:LEU:CD2	1:AG:166:SER:HB2	2.36	0.55
1:AI:99:ALA:HB2	1:AI:112:LEU:CD2	2.27	0.55
1:AJ:175:GLU:OE2	1:AJ:358:ILE:HB	2.07	0.55
1:AJ:410:ASN:HD21	1:AJ:414:ILE:CG2	2.19	0.55
1:AK:35:GLY:O	1:AK:476:VAL:HG12	2.07	0.55
1:AK:445:MET:HE2	1:AK:445:MET:CA	2.33	0.55
1:AM:98:GLN:HB2	1:AU:63:GLN:CD	2.31	0.55
1:AM:395:ALA:HB2	1:AM:414:ILE:HG23	1.87	0.55
1:AO:277:LYS:HB2	2:AO:609:P8E:O1B	2.06	0.55
1:AP:463:GLN:HA	1:AP:466:VAL:HG22	1.89	0.55
1:AQ:63:GLN:CD	1:AV:98:GLN:HB2	2.31	0.55
1:AQ:82:MET:HE1	1:AQ:442:ARG:N	2.22	0.55
1:AR:88:ILE:CD1	1:AU:454:THR:HG21	2.30	0.55
1:AR:129:THR:HG21	1:AU:155:THR:HG23	1.88	0.55
1:AS:166:SER:O	1:AS:383:LEU:HB3	2.06	0.55
1:AU:15:HIS:O	1:AU:19:VAL:HG12	2.06	0.55
1:AU:263:THR:CG2	1:AU:268:GLU:HG3	2.36	0.55
1:AV:293:ASP:OD1	1:AV:294:ARG:HG3	2.05	0.55
1:AW:89:LEU:HA	1:AW:92:ILE:HD12	1.87	0.55
1:A1:369:GLY:HA2	1:A1:374:GLN:NE2	2.21	0.55

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A2:192:ASN:HA	1:A2:367:HIS:ND1	2.21	0.55
1:A3:192:ASN:HA	1:A3:367:HIS:ND1	2.21	0.55
1:A3:370:PHE:HA	1:A3:376:VAL:CG1	2.37	0.55
1:A4:471:SER:O	1:A4:475:ASP:HB2	2.07	0.55
1:A7:224:ILE:HD11	1:A7:246:VAL:HG23	1.89	0.55
1:A7:259:VAL:HG22	1:A7:324:ALA:CB	2.36	0.55
1:AA:98:GLN:HG2	1:AA:112:LEU:HD21	1.88	0.55
1:AD:502:ALA:O	1:AD:505:VAL:HG22	2.07	0.55
1:AE:171:HIS:O	1:AE:172:VAL:HG23	2.05	0.55
1:AF:89:LEU:HD23	1:AF:92:ILE:HD13	1.89	0.55
1:AF:192:ASN:HA	1:AF:367:HIS:ND1	2.22	0.55
1:AF:263:THR:CG2	1:AF:268:GLU:HG3	2.37	0.55
1:AG:249:THR:HG23	1:AG:405:ALA:HB3	1.89	0.55
1:AI:410:ASN:HD21	1:AI:414:ILE:HG22	1.72	0.55
1:AJ:17:VAL:CG2	1:AU:33:SER:HB2	2.35	0.55
1:AK:68:ALA:O	1:AK:72:ILE:HG13	2.07	0.55
1:AK:201:LYS:HA	1:AK:208:ASP:HB2	1.89	0.55
1:AL:258:THR:CG2	1:AL:273:ASN:HA	2.28	0.55
1:AN:38:ILE:HD11	1:AN:44:ASP:HB3	1.89	0.55
1:AP:509:VAL:HG13	1:AP:510:LEU:H	1.72	0.55
1:AQ:383:LEU:HA	1:AQ:430:MET:HE2	1.87	0.55
1:AR:201:LYS:HA	1:AR:208:ASP:HB2	1.89	0.55
1:AR:251:GLY:H	1:AR:332:GLY:CA	2.14	0.55
1:AS:183:GLY:O	1:AS:188:ALA:HB3	2.06	0.55
1:AU:98:GLN:HB2	1:AX:63:GLN:CD	2.32	0.55
1:AV:68:ALA:HB3	1:AV:456:ILE:CD1	2.31	0.55
1:AV:471:SER:O	1:AV:475:ASP:HB2	2.07	0.55
1:A2:98:GLN:HB2	1:AR:63:GLN:CD	2.32	0.55
1:A4:231:ILE:HG21	1:A4:242:ALA:HB2	1.87	0.55
1:A5:303:ILE:HA	1:AD:234:PHE:CE2	2.41	0.55
1:A7:63:GLN:CD	1:AP:98:GLN:HB2	2.32	0.55
1:A8:179:PHE:CZ	1:A8:344:VAL:HG13	2.41	0.55
1:A8:201:LYS:HD3	2:A8:602:P8E:O1A	2.07	0.55
1:A9:423:GLY:HA2	1:A9:426:ILE:CD1	2.37	0.55
1:AB:370:PHE:HA	1:AB:376:VAL:CG1	2.37	0.55
1:AE:184:MET:HE1	1:AE:345:ILE:HG12	1.86	0.55
1:AE:187:SER:HB3	1:AE:335:ALA:HB1	1.88	0.55
1:AE:192:ASN:HA	1:AE:367:HIS:ND1	2.22	0.55
1:AF:76:GLN:O	1:AF:80:LYS:HG2	2.05	0.55
1:AG:38:ILE:HD11	1:AG:44:ASP:HB3	1.87	0.55
1:AG:303:ILE:HA	1:AP:234:PHE:CE1	2.42	0.55

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AH:122:GLU:HB2	1:AI:451:GLU:HG3	1.89	0.55
1:AI:249:THR:HG23	1:AI:405:ALA:HB3	1.88	0.55
1:AJ:186:ALA:HB2	1:AJ:334:PHE:HB2	1.88	0.55
1:AJ:201:LYS:HD3	2:AJ:602:P8E:O1A	2.07	0.55
1:AJ:418:VAL:HG22	1:AJ:427:VAL:HG21	1.88	0.55
1:AK:78:ALA:O	1:AK:82:MET:HG3	2.06	0.55
1:AO:187:SER:HB3	1:AO:335:ALA:HB1	1.89	0.55
1:AO:258:THR:CG2	1:AO:273:ASN:HA	2.28	0.55
1:AQ:328:VAL:HG12	1:AQ:329:PHE:HD2	1.72	0.55
1:AS:260:ARG:O	1:AS:261:GLU:HG3	2.07	0.55
1:AT:166:SER:O	1:AT:383:LEU:HB3	2.07	0.55
1:AU:462:THR:O	1:AU:466:VAL:HG13	2.07	0.55
1:AV:277:LYS:HB2	2:AV:609:P8E:O1B	2.07	0.55
1:AW:71:ALA:O	1:AW:75:VAL:HG23	2.07	0.55
1:A3:61:LEU:O	1:A3:65:ILE:HG13	2.06	0.55
1:A3:68:ALA:HB3	1:A3:456:ILE:CD1	2.32	0.55
1:A3:201:LYS:HB2	1:A3:359:ILE:HG13	1.88	0.55
1:A4:462:THR:O	1:A4:466:VAL:HG13	2.07	0.55
1:A5:259:VAL:HA	1:A5:324:ALA:CB	2.37	0.55
1:A8:175:GLU:OE2	1:A8:358:ILE:HB	2.06	0.55
1:A9:15:HIS:O	1:A9:19:VAL:HG12	2.06	0.55
1:A9:192:ASN:HA	1:A9:367:HIS:ND1	2.21	0.55
1:A9:447:SER:OG	1:AA:118:ARG:HG3	2.07	0.55
1:AF:136:GLN:HB3	1:AF:139:SER:OG	2.06	0.55
1:AG:118:ARG:NH2	1:AP:448:VAL:HG22	2.22	0.55
1:AG:201:LYS:HB2	1:AG:359:ILE:HG13	1.88	0.55
1:AG:224:ILE:HG13	1:AG:244:TYR:HB2	1.87	0.55
1:AG:512:LEU:HD23	1:AM:496:SER:HB2	1.87	0.55
1:AI:293:ASP:OD2	1:AI:294:ARG:HG3	2.07	0.55
1:AJ:251:GLY:H	1:AJ:333:ASN:H	1.55	0.55
1:AK:249:THR:HG23	1:AK:405:ALA:HB3	1.88	0.55
1:AK:291:VAL:HG23	1:AK:295:THR:HG21	1.89	0.55
1:AM:68:ALA:O	1:AM:72:ILE:HG13	2.07	0.55
1:AO:8:ASN:HB3	1:AO:11:ALA:HB3	1.88	0.55
1:AO:212:GLU:N	1:AO:212:GLU:OE2	2.39	0.55
1:AO:224:ILE:HD13	1:AO:345:ILE:O	2.07	0.55
1:AO:249:THR:HG23	1:AO:405:ALA:HB3	1.89	0.55
1:AP:6:ASN:O	1:AT:487:LYS:HD3	2.06	0.55
1:AR:249:THR:CG2	1:AR:405:ALA:HB3	2.37	0.55
1:AS:89:LEU:HA	1:AS:92:ILE:HD13	1.87	0.55
1:AW:225:GLY:HA2	1:AW:244:TYR:CD1	2.41	0.55

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AW:383:LEU:HA	1:AW:430:MET:HE3	1.88	0.55
1:AW:462:THR:O	1:AW:466:VAL:HG13	2.07	0.55
1:AX:277:LYS:HG2	1:AX:278:ASN:HD22	1.72	0.55
1:A1:187:SER:HB3	1:A1:335:ALA:HB1	1.88	0.55
1:A3:423:GLY:HA2	1:A3:426:ILE:HD13	1.88	0.55
1:A5:130:THR:HB	1:A5:138:LEU:HD13	1.88	0.55
1:A5:224:ILE:HD13	1:A5:345:ILE:O	2.07	0.55
1:A5:233:ARG:HG2	1:A5:234:PHE:CD1	2.42	0.55
1:A7:35:GLY:O	1:A7:476:VAL:HG12	2.06	0.55
1:A7:507:GLN:HB2	1:AL:490:ILE:HD11	1.89	0.55
1:AB:187:SER:HB3	1:AB:335:ALA:HB1	1.89	0.55
1:AC:35:GLY:O	1:AC:476:VAL:HG12	2.06	0.55
1:AC:122:GLU:OE1	1:AX:451:GLU:CA	2.51	0.55
1:AC:302:ASP:HB3	1:AC:308:ASN:ND2	2.21	0.55
1:AD:184:MET:HE1	1:AD:345:ILE:HG12	1.89	0.55
1:AE:175:GLU:OE2	1:AE:358:ILE:HB	2.07	0.55
1:AF:88:ILE:HD11	1:AF:122:GLU:OE1	2.06	0.55
1:AG:133:ASN:O	1:AW:105:THR:HG21	2.07	0.55
1:AH:149:ILE:HD13	1:AH:157:VAL:CG1	2.36	0.55
1:AH:201:LYS:HA	1:AH:208:ASP:HB2	1.89	0.55
1:AH:319:VAL:HG13	1:AH:342:HIS:CD2	2.41	0.55
1:AI:35:GLY:O	1:AI:476:VAL:HG12	2.07	0.55
1:AI:249:THR:CG2	1:AI:405:ALA:HB3	2.37	0.55
1:AJ:462:THR:O	1:AJ:466:VAL:HG13	2.07	0.55
1:AL:171:HIS:O	1:AL:172:VAL:HG23	2.07	0.55
1:AL:382:ASN:ND2	1:AT:281:ASP:HB2	2.21	0.55
1:AN:249:THR:CG2	1:AN:405:ALA:HB3	2.37	0.55
1:AP:149:ILE:CD1	1:AP:455:THR:HG21	2.31	0.55
1:AQ:263:THR:HG22	1:AQ:268:GLU:HG3	1.88	0.55
1:AR:511:ARG:HH12	1:AR:512:LEU:HD13	1.72	0.55
1:AS:187:SER:HB3	1:AS:335:ALA:HB1	1.87	0.55
1:AU:81:ALA:HB3	1:AU:138:LEU:HD11	1.89	0.55
1:AW:75:VAL:HG13	1:AW:445:MET:CG	2.29	0.55
1:AW:231:ILE:HG21	1:AW:242:ALA:HB2	1.87	0.55
1:AW:296:GLY:O	1:AW:312:ILE:HD12	2.07	0.55
1:AX:89:LEU:HD23	1:AX:92:ILE:HD13	1.88	0.55
1:AX:175:GLU:HG2	1:AX:378:GLU:CG	2.29	0.55
1:AX:216:ILE:HG23	1:AX:223:GLY:HA2	1.87	0.55
1:A1:155:THR:HG23	1:AB:129:THR:HG21	1.87	0.55
1:A1:353:THR:HG23	1:A1:433:SER:CB	2.32	0.55
1:A2:36:LEU:HD21	1:AR:6:ASN:ND2	2.22	0.55

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A2:155:THR:HG23	1:AV:129:THR:HG21	1.87	0.55
1:A2:271:THR:O	1:AR:357:ASP:HB2	2.07	0.55
1:A3:186:ALA:HB2	1:A3:334:PHE:HB2	1.89	0.55
1:A3:224:ILE:CD1	1:A3:346:GLY:HA3	2.37	0.55
1:A4:271:THR:O	1:AT:357:ASP:HB2	2.06	0.55
1:A5:82:MET:HG3	1:A5:138:LEU:HD23	1.89	0.55
1:A6:471:SER:O	1:A6:475:ASP:HB2	2.07	0.55
1:A6:485:PHE:CE2	1:AT:501:GLN:HG3	2.41	0.55
1:A8:262:LEU:HD11	1:A8:319:VAL:CG2	2.37	0.55
1:AE:88:ILE:O	1:AE:92:ILE:CD1	2.54	0.55
1:AE:421:LEU:HD11	1:AE:425:MET:HE2	1.89	0.55
1:AE:462:THR:O	1:AE:466:VAL:HG13	2.06	0.55
1:AF:353:THR:HG23	1:AF:433:SER:CB	2.29	0.55
1:AG:171:HIS:O	1:AG:172:VAL:HG23	2.06	0.55
1:AG:214:VAL:HG11	1:AG:227:LEU:HB2	1.89	0.55
1:AI:502:ALA:O	1:AI:505:VAL:HG22	2.07	0.55
1:AJ:70:ASP:O	1:AJ:74:MET:HG3	2.06	0.55
1:AJ:72:ILE:O	1:AJ:76:GLN:HG3	2.07	0.55
1:AJ:259:VAL:HG22	1:AJ:328:VAL:CG2	2.30	0.55
1:AJ:508:ASN:CA	1:AJ:511:ARG:HG2	2.23	0.55
1:AK:187:SER:HB3	1:AK:335:ALA:HB1	1.88	0.55
1:AL:112:LEU:O	1:AL:116:ILE:CD1	2.55	0.55
1:AL:259:VAL:HG13	1:AL:324:ALA:CB	2.37	0.55
1:AO:63:GLN:CD	1:AQ:98:GLN:HB2	2.32	0.55
1:AO:319:VAL:O	1:AO:342:HIS:HD2	1.89	0.55
1:AP:201:LYS:HA	1:AP:208:ASP:HB2	1.89	0.55
1:AQ:463:GLN:HA	1:AQ:466:VAL:HG22	1.88	0.55
1:AS:395:ALA:HB2	1:AS:414:ILE:HG23	1.89	0.55
1:AT:360:VAL:HG23	1:AT:365:PHE:HD1	1.72	0.55
1:AW:35:GLY:O	1:AW:476:VAL:HG12	2.07	0.55
1:AW:471:SER:O	1:AW:475:ASP:HB2	2.07	0.55
1:AX:187:SER:HB3	1:AX:335:ALA:HB1	1.88	0.55
1:A2:133:ASN:HD21	1:AM:50:ILE:HD11	1.72	0.55
1:A6:89:LEU:HD23	1:A6:92:ILE:HD13	1.89	0.55
1:A7:224:ILE:CD1	1:A7:346:GLY:HA3	2.36	0.55
1:AA:88:ILE:O	1:AA:92:ILE:CD1	2.54	0.55
1:AB:495:GLY:O	1:AB:499:MET:HG3	2.07	0.55
1:AC:263:THR:HG21	1:AC:268:GLU:HG3	1.88	0.55
1:AD:76:GLN:O	1:AD:80:LYS:HG2	2.06	0.55
1:AE:296:GLY:O	1:AE:312:ILE:HD12	2.06	0.55
1:AF:337:ILE:HG22	1:AF:342:HIS:CG	2.41	0.55

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AG:421:LEU:HD21	1:AJ:146:GLU:HG3	1.88	0.55
1:AG:463:GLN:HA	1:AG:466:VAL:HG22	1.89	0.55
1:AH:175:GLU:HG2	1:AH:378:GLU:CG	2.30	0.55
1:AK:251:GLY:H	1:AK:332:GLY:CA	2.13	0.55
1:AL:15:HIS:O	1:AL:19:VAL:HG12	2.06	0.55
1:AL:186:ALA:HB2	1:AL:334:PHE:HB2	1.89	0.55
1:AN:167:ASP:CA	1:AN:384:ARG:HB2	2.37	0.55
1:AQ:354:ASP:OD2	1:AQ:356:ARG:HD3	2.06	0.55
1:AS:8:ASN:HB3	1:AS:11:ALA:HB3	1.89	0.55
1:AS:131:SER:HB3	1:AS:136:GLN:OE1	2.07	0.55
1:AS:234:PHE:C	1:AS:238:LEU:HD12	2.32	0.55
1:AS:262:LEU:HD12	1:AS:263:THR:N	2.22	0.55
1:AS:296:GLY:O	1:AS:312:ILE:HD12	2.06	0.55
1:AT:201:LYS:HB2	1:AT:359:ILE:HG13	1.88	0.55
1:AU:88:ILE:HG22	1:AU:92:ILE:HD11	1.88	0.55
1:AU:171:HIS:O	1:AU:172:VAL:HG23	2.07	0.55
1:AW:337:ILE:HG22	1:AW:342:HIS:ND1	2.22	0.55
1:AX:92:ILE:HG23	1:AX:116:ILE:HG23	1.89	0.55
1:AX:328:VAL:HG12	1:AX:329:PHE:HD1	1.71	0.55
1:A1:259:VAL:HG13	1:A1:324:ALA:CB	2.37	0.54
1:A2:34:SER:HA	1:AM:17:VAL:CG1	2.36	0.54
1:A2:422:LYS:O	1:A2:426:ILE:CD1	2.53	0.54
1:A8:157:VAL:HG11	1:A8:452:LEU:CD2	2.36	0.54
1:A8:234:PHE:C	1:A8:238:LEU:HD12	2.33	0.54
1:A9:496:SER:HB2	1:AH:512:LEU:HD23	1.88	0.54
1:AA:296:GLY:O	1:AA:312:ILE:HD12	2.07	0.54
1:AB:281:ASP:OD2	1:AB:283:ARG:HB3	2.08	0.54
1:AC:179:PHE:HD1	1:AC:184:MET:HE3	1.71	0.54
1:AE:328:VAL:HG12	1:AE:329:PHE:CD1	2.42	0.54
1:AG:337:ILE:HG22	1:AG:342:HIS:CG	2.42	0.54
1:AL:112:LEU:O	1:AL:116:ILE:HD12	2.07	0.54
1:AL:175:GLU:OE2	1:AL:358:ILE:HB	2.07	0.54
1:AM:167:ASP:HB3	1:AM:384:ARG:CZ	2.36	0.54
1:AT:426:ILE:O	1:AT:430:MET:HG3	2.07	0.54
1:AU:277:LYS:HB2	2:AU:609:P8E:O1B	2.08	0.54
1:AV:218:THR:O	1:AV:315:ARG:HD3	2.07	0.54
1:AW:149:ILE:HD12	1:AW:455:THR:HG21	1.88	0.54
1:A2:81:ALA:CB	1:A2:138:LEU:HD11	2.37	0.54
1:A3:224:ILE:HD11	1:A3:346:GLY:HA3	1.89	0.54
1:A3:277:LYS:HG2	1:A3:278:ASN:HD22	1.71	0.54
1:A3:320:HIS:NE2	1:A3:340:THR:HA	2.23	0.54

*Continued on next page...*



*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A4:76:GLN:O	1:A4:80:LYS:HG2	2.08	0.54
1:A4:262:LEU:HD11	1:A4:319:VAL:HG23	1.88	0.54
1:A4:426:ILE:HD12	1:A4:426:ILE:H	1.72	0.54
1:A5:15:HIS:O	1:A5:19:VAL:HG12	2.07	0.54
1:A5:17:VAL:CG2	1:AK:33:SER:HB2	2.35	0.54
1:A6:496:SER:HB2	1:AT:512:LEU:HD23	1.89	0.54
1:A8:249:THR:HG23	1:A8:405:ALA:HB3	1.90	0.54
1:A9:103:GLY:HA2	1:AK:74:MET:HE2	1.88	0.54
1:AA:192:ASN:HA	1:AA:367:HIS:ND1	2.22	0.54
1:AB:179:PHE:CZ	1:AB:344:VAL:HG13	2.41	0.54
1:AB:225:GLY:HA2	1:AB:244:TYR:CD1	2.42	0.54
1:AC:167:ASP:HB3	1:AC:384:ARG:CZ	2.38	0.54
1:AE:259:VAL:HG22	1:AE:324:ALA:HB1	1.88	0.54
1:AE:277:LYS:HG2	1:AE:278:ASN:HD22	1.71	0.54
1:AF:201:LYS:HA	1:AF:208:ASP:HB2	1.89	0.54
1:AF:234:PHE:HB3	1:AF:238:LEU:HD12	1.88	0.54
1:AF:426:ILE:HD12	1:AF:426:ILE:H	1.72	0.54
1:AG:81:ALA:HB3	1:AG:138:LEU:HD11	1.88	0.54
1:AG:172:VAL:O	1:AG:380:THR:HA	2.06	0.54
1:AG:259:VAL:HG13	1:AG:324:ALA:CB	2.37	0.54
1:AH:30:GLU:HG3	1:AI:13:THR:HG21	1.90	0.54
1:AI:118:ARG:HG3	1:AO:447:SER:OG	2.08	0.54
1:AI:187:SER:HB3	1:AI:335:ALA:HB1	1.89	0.54
1:AJ:249:THR:HG23	1:AJ:405:ALA:HB3	1.90	0.54
1:AK:383:LEU:HA	1:AK:430:MET:HE3	1.88	0.54
1:AN:167:ASP:HA	1:AN:384:ARG:CB	2.35	0.54
1:AN:259:VAL:HG13	1:AN:324:ALA:CB	2.36	0.54
1:AQ:41:ALA:CB	1:AV:446:GLY:HA3	2.37	0.54
1:AR:68:ALA:HB3	1:AR:456:ILE:CD1	2.36	0.54
1:AR:201:LYS:HD3	2:AR:602:P8E:O1A	2.06	0.54
1:AS:71:ALA:O	1:AS:75:VAL:HG23	2.07	0.54
1:AS:426:ILE:O	1:AS:430:MET:HG3	2.08	0.54
1:AT:88:ILE:O	1:AT:92:ILE:CD1	2.54	0.54
1:AT:277:LYS:HB2	2:AT:609:P8E:O1B	2.08	0.54
1:AU:189:ALA:HB3	1:AU:343:ALA:HB3	1.90	0.54
1:AV:259:VAL:HG13	1:AV:324:ALA:CB	2.37	0.54
1:AW:172:VAL:O	1:AW:380:THR:HA	2.06	0.54
1:AX:106:LEU:HD12	1:AX:107:GLU:OE1	2.07	0.54
1:AX:296:GLY:O	1:AX:312:ILE:HD12	2.07	0.54
1:A1:93:LYS:CG	1:AI:60:ASN:HD21	2.17	0.54
1:A7:15:HIS:O	1:A7:19:VAL:HG12	2.07	0.54

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A7:201:LYS:HA	1:A7:208:ASP:HB2	1.89	0.54
1:A7:296:GLY:O	1:A7:312:ILE:HD12	2.07	0.54
1:A8:118:ARG:NH2	1:AE:448:VAL:HG22	2.21	0.54
1:A8:195:GLU:HG3	1:A8:215:ARG:HG2	1.88	0.54
1:A9:89:LEU:HA	1:A9:92:ILE:HD13	1.88	0.54
1:AA:68:ALA:HB2	1:AA:149:ILE:HG22	1.88	0.54
1:AB:192:ASN:HA	1:AB:367:HIS:ND1	2.22	0.54
1:AC:512:LEU:HD23	1:AO:496:SER:CB	2.37	0.54
1:AF:117:GLN:HE21	1:AF:387:ARG:HD2	1.72	0.54
1:AF:294:ARG:NH2	1:AS:206:VAL:HG11	2.22	0.54
1:AJ:227:LEU:O	1:AJ:230:ILE:HG12	2.06	0.54
1:AJ:480:GLU:HB2	1:AX:15:HIS:ND1	2.22	0.54
1:AK:89:LEU:HA	1:AK:92:ILE:HD12	1.88	0.54
1:AL:201:LYS:HB2	1:AL:359:ILE:HG13	1.88	0.54
1:AL:389:ILE:CD1	1:AS:294:ARG:HH21	2.20	0.54
1:AM:277:LYS:HB2	2:AM:609:P8E:O1B	2.08	0.54
1:AM:370:PHE:HA	1:AM:376:VAL:HG11	1.87	0.54
1:AM:511:ARG:HH12	1:AM:512:LEU:HD13	1.73	0.54
1:AN:490:ILE:HD11	1:AS:507:GLN:HB2	1.89	0.54
1:AQ:172:VAL:O	1:AQ:380:THR:HA	2.06	0.54
1:AT:418:VAL:HG22	1:AT:427:VAL:HG21	1.90	0.54
1:AV:163:SER:OG	1:AV:168:LYS:HD3	2.06	0.54
1:AV:172:VAL:O	1:AV:380:THR:HA	2.06	0.54
1:AV:179:PHE:CZ	1:AV:344:VAL:HG13	2.42	0.54
1:AW:81:ALA:CB	1:AW:138:LEU:HD11	2.37	0.54
1:AW:284:LEU:O	1:AW:288:ILE:HG12	2.07	0.54
1:A1:71:ALA:O	1:A1:75:VAL:HG23	2.08	0.54
1:A1:495:GLY:O	1:A1:499:MET:HG3	2.07	0.54
1:A3:161:ILE:HG12	1:A3:445:MET:SD	2.48	0.54
1:A5:249:THR:HG23	1:A5:405:ALA:HB3	1.89	0.54
1:A5:319:VAL:H	1:A5:342:HIS:HD2	1.56	0.54
1:A5:502:ALA:O	1:A5:505:VAL:HG22	2.08	0.54
1:A6:122:GLU:HG3	1:AT:451:GLU:HG3	1.89	0.54
1:A6:184:MET:O	1:A6:189:ALA:HB2	2.07	0.54
1:A6:302:ASP:HB3	1:A6:308:ASN:HD21	1.73	0.54
1:A7:6:ASN:OD1	1:AL:491:LEU:HD21	2.07	0.54
1:A7:175:GLU:HA	1:A7:377:ALA:O	2.08	0.54
1:AD:291:VAL:HG23	1:AD:295:THR:HG23	1.90	0.54
1:AF:98:GLN:HB2	1:AS:63:GLN:CD	2.32	0.54
1:AG:68:ALA:HB2	1:AG:149:ILE:HG22	1.89	0.54
1:AH:8:ASN:ND2	1:AH:11:ALA:HB2	2.23	0.54

*Continued on next page...*



*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AJ:259:VAL:HA	1:AJ:324:ALA:CB	2.37	0.54
1:AM:463:GLN:HA	1:AM:466:VAL:HG22	1.88	0.54
1:AN:89:LEU:HD23	1:AN:92:ILE:HD13	1.90	0.54
1:AN:296:GLY:O	1:AN:312:ILE:HD12	2.07	0.54
1:AT:89:LEU:HA	1:AT:92:ILE:HD13	1.86	0.54
1:AU:89:LEU:HA	1:AU:92:ILE:HD13	1.87	0.54
1:AV:302:ASP:HB3	1:AV:308:ASN:HD21	1.72	0.54
1:A1:175:GLU:HG2	1:A1:378:GLU:CG	2.29	0.54
1:A1:192:ASN:HA	1:A1:367:HIS:ND1	2.22	0.54
1:A2:172:VAL:O	1:A2:380:THR:HA	2.06	0.54
1:A2:209:TYR:CE2	1:A2:237:THR:HG22	2.42	0.54
1:A3:65:ILE:CG1	1:A3:459:ILE:HD12	2.37	0.54
1:A4:149:ILE:HD13	1:A4:157:VAL:HG12	1.89	0.54
1:A6:98:GLN:HG2	1:A6:112:LEU:HD21	1.89	0.54
1:A6:512:LEU:HD23	1:AW:496:SER:HB2	1.89	0.54
1:A7:81:ALA:CB	1:A7:138:LEU:HD11	2.38	0.54
1:A7:410:ASN:HD21	1:A7:414:ILE:CG2	2.21	0.54
1:A8:462:THR:O	1:A8:466:VAL:HG13	2.07	0.54
1:A9:89:LEU:HA	1:A9:92:ILE:HD12	1.87	0.54
1:A9:277:LYS:HB2	2:A9:609:P8E:O1B	2.07	0.54
1:AB:76:GLN:O	1:AB:80:LYS:HG2	2.07	0.54
1:AC:249:THR:HG23	1:AC:405:ALA:HB3	1.90	0.54
1:AC:258:THR:CG2	1:AC:273:ASN:HA	2.30	0.54
1:AD:182:GLU:CG	1:AD:183:GLY:N	2.70	0.54
1:AD:249:THR:HG23	1:AD:405:ALA:HB3	1.90	0.54
1:AG:502:ALA:O	1:AG:505:VAL:HG22	2.08	0.54
1:AH:35:GLY:O	1:AH:476:VAL:HG12	2.08	0.54
1:AI:511:ARG:HG3	1:AI:512:LEU:N	2.22	0.54
1:AJ:88:ILE:O	1:AJ:92:ILE:CD1	2.53	0.54
1:AN:92:ILE:HD12	1:AN:92:ILE:H	1.72	0.54
1:AO:360:VAL:HG23	1:AO:365:PHE:HD1	1.72	0.54
1:AO:415:GLY:HA2	1:AR:294:ARG:HH21	1.72	0.54
1:AQ:61:LEU:O	1:AQ:65:ILE:HG13	2.08	0.54
1:AQ:353:THR:HG23	1:AQ:433:SER:CB	2.31	0.54
1:AR:462:THR:O	1:AR:466:VAL:HG13	2.07	0.54
1:AS:263:THR:HG21	1:AS:268:GLU:HG3	1.89	0.54
1:AU:38:ILE:HD11	1:AU:44:ASP:HB3	1.89	0.54
1:AV:104:GLN:HB3	1:AV:108:SER:OG	2.08	0.54
1:AX:76:GLN:HG3	1:AX:449:GLN:OE1	2.08	0.54
1:A1:89:LEU:HA	1:A1:92:ILE:HD13	1.89	0.54
1:A1:370:PHE:HA	1:A1:376:VAL:CG1	2.38	0.54

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A2:167:ASP:HB3	1:A2:384:ARG:CZ	2.38	0.54
1:A3:201:LYS:HD3	2:A3:602:P8E:O1A	2.07	0.54
1:A4:118:ARG:HG3	1:AF:447:SER:OG	2.08	0.54
1:A7:445:MET:HA	1:A7:445:MET:CE	2.38	0.54
1:A8:8:ASN:ND2	1:A8:11:ALA:HB2	2.23	0.54
1:A8:98:GLN:HG2	1:A8:112:LEU:HD21	1.90	0.54
1:A8:189:ALA:HB3	1:A8:343:ALA:HB3	1.90	0.54
1:A8:353:THR:HG23	1:A8:433:SER:CB	2.35	0.54
1:AA:294:ARG:HH21	1:AF:389:ILE:CD1	2.20	0.54
1:AB:291:VAL:CG1	1:AH:356:ARG:HH21	2.20	0.54
1:AB:395:ALA:HB2	1:AB:414:ILE:HG23	1.89	0.54
1:AE:262:LEU:HD12	1:AE:263:THR:H	1.71	0.54
1:AF:370:PHE:HA	1:AF:376:VAL:CG1	2.37	0.54
1:AG:63:GLN:CD	1:AW:98:GLN:HB2	2.32	0.54
1:AG:88:ILE:CD1	1:AP:454:THR:HG21	2.34	0.54
1:AG:98:GLN:HB2	1:AJ:63:GLN:CD	2.33	0.54
1:AG:212:GLU:HA	1:AG:212:GLU:OE1	2.06	0.54
1:AH:218:THR:O	1:AH:315:ARG:HD3	2.08	0.54
1:AH:353:THR:HG23	1:AH:433:SER:CB	2.34	0.54
1:AJ:120:LEU:HD21	1:AJ:166:SER:OG	2.08	0.54
1:AJ:120:LEU:HD23	1:AJ:120:LEU:O	2.07	0.54
1:AO:83:ASP:HB2	1:AO:442:ARG:HH21	1.73	0.54
1:AO:259:VAL:HB	1:AO:272:VAL:HG22	1.89	0.54
1:AQ:395:ALA:HB2	1:AQ:414:ILE:HG23	1.89	0.54
1:AR:5:ILE:CD1	1:AR:506:GLN:HG2	2.38	0.54
1:AR:485:PHE:CE2	1:AU:501:GLN:HG3	2.42	0.54
1:AU:218:THR:O	1:AU:315:ARG:HD3	2.07	0.54
1:AW:263:THR:CG2	1:AW:268:GLU:HG3	2.38	0.54
1:AX:251:GLY:H	1:AX:333:ASN:H	1.55	0.54
1:AX:462:THR:O	1:AX:466:VAL:HG13	2.07	0.54
1:A1:201:LYS:HB2	1:A1:359:ILE:CD1	2.37	0.54
1:A2:337:ILE:HG22	1:A2:342:HIS:CG	2.43	0.54
1:A3:328:VAL:HG12	1:A3:329:PHE:CD1	2.43	0.54
1:A4:192:ASN:HA	1:A4:367:HIS:ND1	2.23	0.54
1:A6:74:MET:CB	1:A6:137:MET:HE1	2.35	0.54
1:A7:390:PHE:CE2	1:A7:417:GLY:HA2	2.43	0.54
1:A9:167:ASP:CA	1:A9:384:ARG:HB2	2.36	0.54
1:A9:370:PHE:HA	1:A9:376:VAL:CG1	2.37	0.54
1:AA:149:ILE:HD13	1:AA:157:VAL:CG1	2.37	0.54
1:AA:362:GLY:O	1:AA:365:PHE:HB3	2.08	0.54
1:AA:395:ALA:HB2	1:AA:414:ILE:HG23	1.90	0.54

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AB:8:ASN:HB3	1:AB:11:ALA:HB3	1.89	0.54
1:AC:486:SER:O	1:AC:490:ILE:HG12	2.08	0.54
1:AF:167:ASP:CA	1:AF:384:ARG:HB2	2.37	0.54
1:AG:201:LYS:HA	1:AG:208:ASP:HB2	1.89	0.54
1:AM:136:GLN:HB3	1:AM:139:SER:OG	2.07	0.54
1:AM:161:ILE:HD13	1:AM:445:MET:HE1	1.90	0.54
1:AN:462:THR:O	1:AN:466:VAL:HG13	2.07	0.54
1:AO:161:ILE:HG12	1:AO:445:MET:SD	2.47	0.54
1:AO:410:ASN:HD21	1:AO:414:ILE:CG2	2.21	0.54
1:AP:259:VAL:O	1:AP:271:THR:HG23	2.07	0.54
1:AR:97:VAL:HG22	1:AR:428:MET:SD	2.46	0.54
1:AR:410:ASN:HD21	1:AR:414:ILE:HG22	1.73	0.54
1:AS:445:MET:HE2	1:AS:445:MET:CA	2.35	0.54
1:AU:442:ARG:HD3	1:AX:48:MET:SD	2.47	0.54
1:A1:105:THR:HG21	1:AI:133:ASN:O	2.08	0.54
1:A1:296:GLY:O	1:A1:312:ILE:HD12	2.07	0.54
1:A6:50:ILE:HD13	1:AW:133:ASN:ND2	2.22	0.54
1:A9:6:ASN:O	1:AB:487:LYS:HE2	2.08	0.54
1:A9:279:ASP:HB3	1:A9:301:LEU:HD11	1.88	0.54
1:AA:264:ILE:HD11	1:AA:288:ILE:CD1	2.37	0.54
1:AC:63:GLN:CD	1:AR:98:GLN:HB2	2.33	0.54
1:AC:68:ALA:HB3	1:AC:456:ILE:CD1	2.38	0.54
1:AD:462:THR:O	1:AD:466:VAL:HG13	2.07	0.54
1:AE:42:ALA:HB2	1:AK:449:GLN:HE21	1.72	0.54
1:AG:42:ALA:HB2	1:AW:449:GLN:HE21	1.73	0.54
1:AI:157:VAL:HG11	1:AI:452:LEU:CD2	2.38	0.54
1:AI:175:GLU:HG2	1:AI:378:GLU:CG	2.29	0.54
1:AJ:264:ILE:HG22	1:AJ:319:VAL:CB	2.25	0.54
1:AL:249:THR:CG2	1:AL:405:ALA:HB3	2.38	0.54
1:AL:410:ASN:HD21	1:AL:414:ILE:CG2	2.20	0.54
1:AM:471:SER:O	1:AM:475:ASP:HB2	2.08	0.54
1:AQ:108:SER:O	1:AQ:112:LEU:HD12	2.07	0.54
1:AQ:462:THR:O	1:AQ:466:VAL:HG13	2.08	0.54
1:AX:249:THR:CG2	1:AX:405:ALA:HB3	2.38	0.54
1:A1:120:LEU:HD21	1:A1:383:LEU:CG	2.37	0.54
1:A2:175:GLU:HG2	1:A2:378:GLU:CG	2.30	0.54
1:A3:249:THR:CG2	1:A3:405:ALA:HB3	2.38	0.54
1:A3:348:LEU:HD22	1:A3:370:PHE:HE2	1.72	0.54
1:A4:187:SER:HB3	1:A4:335:ALA:HB1	1.88	0.54
1:A5:171:HIS:O	1:A5:172:VAL:HG23	2.07	0.54
1:A5:192:ASN:HA	1:A5:367:HIS:ND1	2.22	0.54

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A5:201:LYS:HD3	2:A5:602:P8E:O1A	2.07	0.54
1:A5:227:LEU:O	1:A5:230:ILE:HG12	2.07	0.54
1:A8:511:ARG:HH22	1:A8:512:LEU:HD13	1.72	0.54
1:AC:199:ASN:CB	1:AC:210:LYS:HD2	2.38	0.54
1:AD:249:THR:CG2	1:AD:405:ALA:HB3	2.38	0.54
1:AD:259:VAL:HA	1:AD:324:ALA:CB	2.38	0.54
1:AE:89:LEU:HA	1:AE:92:ILE:HD13	1.88	0.54
1:AF:490:ILE:CG2	1:AT:510:LEU:HD12	2.38	0.54
1:AG:108:SER:O	1:AG:112:LEU:HD12	2.08	0.54
1:AG:429:ASP:OD1	1:AJ:153:SER:HB2	2.07	0.54
1:AJ:302:ASP:OD2	1:AJ:306:ARG:HB2	2.06	0.54
1:AJ:319:VAL:O	1:AJ:342:HIS:HD2	1.91	0.54
1:AN:471:SER:O	1:AN:475:ASP:HB2	2.08	0.54
1:AO:251:GLY:H	1:AO:332:GLY:CA	2.16	0.54
1:AQ:34:SER:CA	1:AR:17:VAL:HG11	2.32	0.54
1:AQ:89:LEU:HA	1:AQ:92:ILE:HD12	1.88	0.54
1:AQ:211:ILE:HD12	1:AQ:234:PHE:HD2	1.73	0.54
1:AQ:249:THR:CG2	1:AQ:405:ALA:HB3	2.38	0.54
1:AT:463:GLN:HA	1:AT:466:VAL:HG22	1.90	0.54
1:A1:478:PHE:HE2	1:AI:5:ILE:HG21	1.72	0.54
1:A2:458:ASN:ND2	1:AV:126:ILE:HG23	2.23	0.54
1:A4:167:ASP:CA	1:A4:384:ARG:HB2	2.36	0.54
1:A4:189:ALA:HB3	1:A4:343:ALA:HB3	1.90	0.54
1:A4:495:GLY:O	1:A4:499:MET:HG3	2.08	0.54
1:A6:337:ILE:HG22	1:A6:342:HIS:CG	2.43	0.54
1:A7:56:SER:O	1:A7:60:ASN:OD1	2.26	0.54
1:A8:104:GLN:HB3	1:A8:108:SER:OG	2.08	0.54
1:A8:192:ASN:HA	1:A8:367:HIS:ND1	2.22	0.54
1:A8:231:ILE:HG21	1:A8:242:ALA:HB2	1.90	0.54
1:A9:212:GLU:HA	1:A9:212:GLU:OE1	2.07	0.54
1:A9:369:GLY:HA2	1:A9:374:GLN:NE2	2.23	0.54
1:AA:370:PHE:HA	1:AA:376:VAL:CG1	2.37	0.54
1:AD:186:ALA:HB2	1:AD:334:PHE:HB2	1.89	0.54
1:AD:209:TYR:CE1	1:AD:237:THR:HG22	2.43	0.54
1:AD:231:ILE:HG21	1:AD:242:ALA:HB2	1.89	0.54
1:AD:240:VAL:CG2	1:AD:352:ARG:HD2	2.31	0.54
1:AE:171:HIS:CE1	1:AK:283:ARG:HA	2.42	0.54
1:AE:249:THR:CG2	1:AE:405:ALA:HB3	2.38	0.54
1:AG:122:GLU:HB2	1:AP:451:GLU:HG3	1.88	0.54
1:AG:291:VAL:HG23	1:AG:295:THR:HG23	1.90	0.54
1:AG:294:ARG:HH12	1:AU:389:ILE:HD12	1.73	0.54

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AI:291:VAL:HG23	1:AI:295:THR:HG23	1.89	0.54
1:AJ:224:ILE:HD11	1:AJ:246:VAL:HG23	1.87	0.54
1:AJ:234:PHE:CE2	1:AU:303:ILE:HD12	2.43	0.54
1:AL:187:SER:HB3	1:AL:335:ALA:HB1	1.89	0.54
1:AL:462:THR:O	1:AL:466:VAL:HG13	2.08	0.54
1:AN:211:ILE:HD11	1:AN:238:LEU:HD11	1.90	0.54
1:AS:234:PHE:CE2	1:AT:303:ILE:HA	2.42	0.54
1:AS:261:GLU:O	1:AS:263:THR:HG23	2.08	0.54
1:AV:230:ILE:HG13	1:AV:231:ILE:N	2.23	0.54
1:AV:495:GLY:O	1:AV:499:MET:HG3	2.08	0.54
1:AW:167:ASP:HB3	1:AW:384:ARG:CZ	2.38	0.54
1:AX:189:ALA:HB3	1:AX:343:ALA:HB3	1.90	0.54
1:A2:249:THR:CG2	1:A2:405:ALA:HB3	2.38	0.53
1:A3:149:ILE:HD13	1:A3:157:VAL:CG1	2.38	0.53
1:A4:370:PHE:HA	1:A4:376:VAL:CG1	2.37	0.53
1:A6:116:ILE:CD1	1:A6:418:VAL:HG21	2.38	0.53
1:A6:192:ASN:HA	1:A6:367:HIS:ND1	2.23	0.53
1:A7:61:LEU:O	1:A7:65:ILE:HG13	2.08	0.53
1:A7:218:THR:O	1:A7:315:ARG:HD3	2.07	0.53
1:A7:445:MET:HE2	1:A7:445:MET:CA	2.38	0.53
1:A7:463:GLN:HA	1:A7:466:VAL:HG22	1.90	0.53
1:A9:463:GLN:HA	1:A9:466:VAL:HG22	1.89	0.53
1:AD:89:LEU:HA	1:AD:92:ILE:HD12	1.89	0.53
1:AF:296:GLY:O	1:AF:312:ILE:HD12	2.06	0.53
1:AG:511:ARG:HH12	1:AG:512:LEU:HD13	1.73	0.53
1:AI:360:VAL:HG23	1:AI:365:PHE:HD1	1.72	0.53
1:AK:15:HIS:O	1:AK:19:VAL:HG12	2.08	0.53
1:AL:92:ILE:CG2	1:AL:116:ILE:HG23	2.37	0.53
1:AM:8:ASN:ND2	1:AM:11:ALA:HB2	2.23	0.53
1:AM:214:VAL:HG11	1:AM:227:LEU:HB2	1.89	0.53
1:AO:462:THR:O	1:AO:466:VAL:HG13	2.08	0.53
1:AQ:75:VAL:CG1	1:AQ:445:MET:HG3	2.30	0.53
1:AR:353:THR:HG23	1:AR:433:SER:CB	2.32	0.53
1:AS:337:ILE:HG22	1:AS:342:HIS:CD2	2.43	0.53
1:AT:263:THR:HG22	1:AT:268:GLU:HG3	1.90	0.53
1:AW:192:ASN:HA	1:AW:367:HIS:ND1	2.23	0.53
1:AX:89:LEU:HA	1:AX:92:ILE:HD12	1.89	0.53
1:AX:211:ILE:HD11	1:AX:238:LEU:HD11	1.89	0.53
1:A1:328:VAL:HG12	1:A1:329:PHE:HD1	1.72	0.53
1:A2:54:LEU:HB3	1:A2:470:GLU:HB2	1.90	0.53
1:A2:118:ARG:HG3	1:AM:447:SER:OG	2.09	0.53

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A4:184:MET:HA	1:A4:192:ASN:ND2	2.19	0.53
1:A4:259:VAL:HG13	1:A4:324:ALA:CB	2.39	0.53
1:A4:296:GLY:O	1:A4:312:ILE:HD12	2.07	0.53
1:A7:258:THR:CG2	1:A7:273:ASN:HA	2.33	0.53
1:A9:395:ALA:HB2	1:A9:414:ILE:HG23	1.90	0.53
1:AA:132:PHE:HB3	1:AA:137:MET:HE2	1.90	0.53
1:AC:234:PHE:CZ	1:AO:303:ILE:HA	2.43	0.53
1:AC:410:ASN:HD21	1:AC:414:ILE:CG2	2.20	0.53
1:AD:42:ALA:HB2	1:AI:449:GLN:HE21	1.74	0.53
1:AD:259:VAL:HG22	1:AD:324:ALA:CB	2.38	0.53
1:AE:82:MET:HE1	1:AE:442:ARG:HA	1.90	0.53
1:AF:163:SER:OG	1:AF:168:LYS:HD3	2.08	0.53
1:AG:479:ALA:HA	1:AJ:513:LEU:CD1	2.39	0.53
1:AI:463:GLN:HA	1:AI:466:VAL:HG22	1.90	0.53
1:AJ:293:ASP:OD1	1:AJ:294:ARG:HG3	2.07	0.53
1:AK:8:ASN:ND2	1:AK:11:ALA:HB2	2.23	0.53
1:AK:249:THR:CG2	1:AK:405:ALA:HB3	2.39	0.53
1:AK:502:ALA:O	1:AK:505:VAL:HG22	2.07	0.53
1:AL:8:ASN:ND2	1:AL:11:ALA:HB2	2.23	0.53
1:AN:412:GLN:N	1:AN:412:GLN:OE1	2.42	0.53
1:AN:490:ILE:HG22	1:AS:510:LEU:HD12	1.89	0.53
1:AO:171:HIS:HA	1:AO:381:VAL:O	2.08	0.53
1:AP:249:THR:HG23	1:AP:405:ALA:HB3	1.91	0.53
1:AP:462:THR:O	1:AP:466:VAL:HG13	2.07	0.53
1:AQ:187:SER:HB3	1:AQ:335:ALA:HB1	1.90	0.53
1:AQ:281:ASP:OD2	1:AQ:283:ARG:HB3	2.09	0.53
1:AS:112:LEU:O	1:AS:116:ILE:HG13	2.08	0.53
1:AV:370:PHE:HA	1:AV:376:VAL:CG1	2.39	0.53
1:AX:186:ALA:HB2	1:AX:334:PHE:HB2	1.90	0.53
1:A1:61:LEU:O	1:A1:65:ILE:HG13	2.08	0.53
1:A2:15:HIS:HA	1:A2:499:MET:HE3	1.89	0.53
1:A3:179:PHE:HZ	1:A3:344:VAL:HG13	1.73	0.53
1:A3:195:GLU:HG3	1:A3:213:THR:HB	1.89	0.53
1:A5:212:GLU:OE2	1:A5:234:PHE:HE2	1.92	0.53
1:A5:426:ILE:HD12	1:A5:426:ILE:H	1.74	0.53
1:A6:118:ARG:HG3	1:AT:447:SER:OG	2.08	0.53
1:A6:120:LEU:CD2	1:A6:387:ARG:HG3	2.38	0.53
1:A6:490:ILE:HG22	1:AG:510:LEU:HD12	1.89	0.53
1:A8:65:ILE:HG23	1:A8:456:ILE:HD12	1.89	0.53
1:A8:171:HIS:O	1:A8:172:VAL:HG23	2.07	0.53
1:AA:209:TYR:CE2	1:AA:237:THR:HG22	2.43	0.53

*Continued on next page...*



*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AC:8:ASN:ND2	1:AC:11:ALA:HB2	2.23	0.53
1:AC:247:MET:HE3	1:AC:402:ALA:CB	2.38	0.53
1:AD:259:VAL:CG1	1:AD:262:LEU:HB2	2.39	0.53
1:AE:8:ASN:HB3	1:AE:11:ALA:HB3	1.90	0.53
1:AG:88:ILE:O	1:AG:92:ILE:CD1	2.54	0.53
1:AG:462:THR:O	1:AG:466:VAL:HG13	2.09	0.53
1:AI:38:ILE:HD11	1:AI:44:ASP:HB3	1.91	0.53
1:AI:89:LEU:HA	1:AI:92:ILE:HD13	1.90	0.53
1:AJ:15:HIS:ND1	1:AP:480:GLU:HB2	2.23	0.53
1:AJ:251:GLY:H	1:AJ:332:GLY:CA	2.16	0.53
1:AL:63:GLN:CD	1:AT:98:GLN:HB2	2.33	0.53
1:AL:74:MET:HE1	1:AL:142:PHE:CZ	2.43	0.53
1:AM:462:THR:O	1:AM:466:VAL:HG13	2.08	0.53
1:AO:61:LEU:HB3	1:AO:463:GLN:HB2	1.89	0.53
1:AO:88:ILE:O	1:AO:92:ILE:CD1	2.53	0.53
1:AO:511:ARG:HG3	1:AO:512:LEU:N	2.22	0.53
1:AP:172:VAL:O	1:AP:380:THR:HA	2.08	0.53
1:AS:451:GLU:HG3	1:AT:122:GLU:HB2	1.90	0.53
1:AV:8:ASN:HB3	1:AV:11:ALA:HB3	1.90	0.53
1:A1:129:THR:HG21	1:AQ:155:THR:HG23	1.90	0.53
1:A1:366:SER:HB2	1:A1:374:GLN:OE1	2.08	0.53
1:A2:352:ARG:HB3	1:A2:358:ILE:HD11	1.91	0.53
1:A2:366:SER:HB2	1:A2:374:GLN:OE1	2.08	0.53
1:A2:370:PHE:HA	1:A2:376:VAL:CG1	2.39	0.53
1:A3:88:ILE:O	1:A3:92:ILE:CD1	2.55	0.53
1:A3:179:PHE:CD2	1:A3:184:MET:HE3	2.43	0.53
1:A5:294:ARG:HH21	1:AE:415:GLY:HA2	1.74	0.53
1:A6:281:ASP:OD1	1:A6:283:ARG:HG2	2.08	0.53
1:A7:8:ASN:ND2	1:A7:11:ALA:HB2	2.24	0.53
1:A7:462:THR:O	1:A7:466:VAL:HG13	2.07	0.53
1:A8:108:SER:O	1:A8:112:LEU:HD13	2.08	0.53
1:A8:186:ALA:HB2	1:A8:334:PHE:HB2	1.90	0.53
1:A9:337:ILE:HG22	1:A9:342:HIS:ND1	2.23	0.53
1:AB:163:SER:OG	1:AB:168:LYS:HD3	2.09	0.53
1:AC:303:ILE:HG13	1:AX:234:PHE:CD2	2.44	0.53
1:AD:201:LYS:HD3	2:AD:602:P8E:O1A	2.08	0.53
1:AG:284:LEU:O	1:AG:288:ILE:HG12	2.08	0.53
1:AI:353:THR:HG23	1:AI:433:SER:CB	2.33	0.53
1:AK:92:ILE:HG23	1:AK:116:ILE:CG1	2.28	0.53
1:AK:291:VAL:HG23	1:AK:295:THR:HG23	1.89	0.53
1:AL:35:GLY:O	1:AL:476:VAL:HG12	2.08	0.53

*Continued on next page...*



*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AM:212:GLU:OE1	1:AM:212:GLU:HA	2.06	0.53
1:AM:247:MET:HE3	1:AM:308:ASN:HB3	1.90	0.53
1:AN:201:LYS:HA	1:AN:208:ASP:HB2	1.90	0.53
1:AQ:161:ILE:CD1	1:AQ:445:MET:HE1	2.39	0.53
1:AR:201:LYS:HB2	1:AR:359:ILE:HD11	1.88	0.53
1:AR:291:VAL:HG23	1:AR:295:THR:HG23	1.89	0.53
1:AS:184:MET:O	1:AS:189:ALA:HB2	2.08	0.53
1:AT:203:VAL:HG21	1:AT:209:TYR:CD2	2.44	0.53
1:AV:224:ILE:CD1	1:AV:244:TYR:HB2	2.38	0.53
1:A1:8:ASN:ND2	1:A1:11:ALA:HB2	2.24	0.53
1:A1:41:ALA:CA	1:A1:48:MET:HE1	2.38	0.53
1:A2:117:GLN:HE22	1:A2:387:ARG:HD2	1.70	0.53
1:A4:249:THR:HG21	1:A4:406:GLN:OE1	2.08	0.53
1:A5:42:ALA:HB2	1:AH:449:GLN:HE21	1.73	0.53
1:A7:328:VAL:HG12	1:A7:329:PHE:HD1	1.73	0.53
1:A8:277:LYS:HB2	2:A8:609:P8E:O1B	2.07	0.53
1:A8:383:LEU:HA	1:A8:430:MET:HE2	1.89	0.53
1:A9:61:LEU:O	1:A9:65:ILE:HG13	2.08	0.53
1:A9:263:THR:CG2	1:A9:268:GLU:HG3	2.38	0.53
1:A9:271:THR:O	1:AK:357:ASP:HB2	2.08	0.53
1:AA:8:ASN:HB3	1:AA:11:ALA:HB3	1.90	0.53
1:AC:175:GLU:OE2	1:AC:358:ILE:HB	2.08	0.53
1:AC:203:VAL:HG21	1:AC:209:TYR:CD2	2.44	0.53
1:AC:448:VAL:HG22	1:AO:118:ARG:NH2	2.24	0.53
1:AD:184:MET:HE1	1:AD:345:ILE:HD11	1.90	0.53
1:AE:186:ALA:HB2	1:AE:334:PHE:HB2	1.90	0.53
1:AK:172:VAL:O	1:AK:380:THR:HA	2.08	0.53
1:AL:104:GLN:HB3	1:AL:108:SER:OG	2.08	0.53
1:AM:510:LEU:HD12	1:AW:490:ILE:CG2	2.36	0.53
1:AO:138:LEU:N	1:AO:138:LEU:HD23	2.24	0.53
1:AO:510:LEU:HD12	1:AR:490:ILE:HG22	1.91	0.53
1:AR:291:VAL:HG23	1:AR:295:THR:HG21	1.91	0.53
1:AS:433:SER:O	1:AS:437:GLN:HG3	2.09	0.53
1:AU:410:ASN:HD21	1:AU:414:ILE:CG2	2.22	0.53
1:A1:166:SER:O	1:A1:383:LEU:HB3	2.08	0.53
1:A1:475:ASP:OD1	1:AI:6:ASN:HB2	2.09	0.53
1:A2:259:VAL:HA	1:A2:324:ALA:CB	2.39	0.53
1:A5:303:ILE:HG13	1:AD:234:PHE:CE2	2.44	0.53
1:A7:42:ALA:HB2	1:AP:449:GLN:HE21	1.73	0.53
1:A7:281:ASP:OD2	1:A7:283:ARG:HB3	2.08	0.53
1:A8:70:ASP:O	1:A8:74:MET:HG3	2.08	0.53

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A8:259:VAL:HA	1:A8:324:ALA:CB	2.39	0.53
1:A8:451:GLU:HG2	1:AS:122:GLU:HG3	1.90	0.53
1:AC:130:THR:HB	1:AC:138:LEU:HD13	1.91	0.53
1:AC:259:VAL:HG22	1:AC:324:ALA:CB	2.38	0.53
1:AD:146:GLU:OE2	1:AD:156:THR:HG21	2.09	0.53
1:AE:264:ILE:CG2	1:AE:319:VAL:HG23	2.36	0.53
1:AE:386:VAL:HG23	1:AE:430:MET:CE	2.39	0.53
1:AF:509:VAL:HG12	1:AF:510:LEU:HD23	1.91	0.53
1:AG:485:PHE:CE2	1:AP:501:GLN:HG3	2.44	0.53
1:AH:212:GLU:OE1	1:AH:212:GLU:HA	2.07	0.53
1:AJ:108:SER:O	1:AJ:112:LEU:HD13	2.08	0.53
1:AJ:390:PHE:CE2	1:AJ:417:GLY:HA2	2.44	0.53
1:AO:422:LYS:O	1:AO:426:ILE:CD1	2.53	0.53
1:AQ:88:ILE:CD1	1:AR:454:THR:HG21	2.35	0.53
1:AS:120:LEU:CD2	1:AS:387:ARG:HG3	2.39	0.53
1:AS:259:VAL:HG13	1:AS:324:ALA:CB	2.39	0.53
1:AS:263:THR:HG22	1:AS:268:GLU:HG3	1.91	0.53
1:A1:122:GLU:C	1:A1:122:GLU:OE1	2.52	0.53
1:A1:386:VAL:CG2	1:A1:427:VAL:HG22	2.38	0.53
1:A2:296:GLY:O	1:A2:312:ILE:HD12	2.07	0.53
1:A4:98:GLN:HB2	1:AT:63:GLN:CD	2.33	0.53
1:A5:462:THR:O	1:A5:466:VAL:HG13	2.08	0.53
1:A6:179:PHE:CD1	1:A6:184:MET:HE3	2.44	0.53
1:A7:4:ARG:NH1	1:AP:472:GLN:HA	2.24	0.53
1:A7:297:VAL:CG2	1:A7:317:ILE:HG12	2.38	0.53
1:A7:357:ASP:HB2	1:AP:271:THR:O	2.09	0.53
1:A8:251:GLY:H	1:A8:332:GLY:CA	2.15	0.53
1:A9:117:GLN:HE22	1:A9:387:ARG:HD2	1.74	0.53
1:AA:187:SER:HB3	1:AA:335:ALA:HB1	1.90	0.53
1:AD:352:ARG:HH22	1:AD:356:ARG:NH2	2.07	0.53
1:AF:230:ILE:HG13	1:AF:231:ILE:N	2.23	0.53
1:AG:68:ALA:HB2	1:AG:149:ILE:CG2	2.39	0.53
1:AG:262:LEU:HD12	1:AG:263:THR:N	2.24	0.53
1:AH:249:THR:CG2	1:AH:405:ALA:HB3	2.38	0.53
1:AI:410:ASN:HD21	1:AI:414:ILE:CG2	2.22	0.53
1:AJ:89:LEU:HD23	1:AJ:92:ILE:HD13	1.88	0.53
1:AJ:218:THR:O	1:AJ:315:ARG:HD3	2.08	0.53
1:AJ:448:VAL:HG22	1:AU:118:ARG:NH2	2.24	0.53
1:AN:281:ASP:OD2	1:AN:283:ARG:HB3	2.09	0.53
1:AO:186:ALA:HB2	1:AO:334:PHE:HB2	1.90	0.53
1:AQ:410:ASN:HD21	1:AQ:414:ILE:HG22	1.72	0.53

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AR:184:MET:O	1:AR:189:ALA:HB2	2.08	0.53
1:AR:328:VAL:HG12	1:AR:329:PHE:HD1	1.73	0.53
1:AU:175:GLU:HG2	1:AU:378:GLU:CG	2.30	0.53
1:AU:319:VAL:HG13	1:AU:342:HIS:HD2	1.73	0.53
1:AX:263:THR:HG22	1:AX:268:GLU:HG3	1.89	0.53
1:A2:179:PHE:CZ	1:A2:344:VAL:HG13	2.43	0.53
1:A2:353:THR:HG23	1:A2:433:SER:CB	2.33	0.53
1:A2:475:ASP:OD1	1:AR:6:ASN:HB2	2.09	0.53
1:A3:259:VAL:HG22	1:A3:324:ALA:CB	2.39	0.53
1:A3:451:GLU:CA	1:AL:122:GLU:OE1	2.51	0.53
1:A4:20:GLN:C	1:A4:20:GLN:OE1	2.52	0.53
1:A4:366:SER:HB2	1:A4:374:GLN:OE1	2.09	0.53
1:A5:480:GLU:HB2	1:AE:15:HIS:ND1	2.24	0.53
1:A6:395:ALA:HB2	1:A6:414:ILE:HG23	1.89	0.53
1:A6:410:ASN:HD21	1:A6:414:ILE:HG22	1.73	0.53
1:A9:8:ASN:ND2	1:A9:11:ALA:HB2	2.23	0.53
1:AA:61:LEU:O	1:AA:65:ILE:HG13	2.09	0.53
1:AA:271:THR:O	1:AN:357:ASP:HB2	2.08	0.53
1:AB:120:LEU:CD2	1:AB:383:LEU:HG	2.36	0.53
1:AB:167:ASP:CA	1:AB:384:ARG:HB2	2.36	0.53
1:AB:211:ILE:HD11	1:AB:238:LEU:HD11	1.90	0.53
1:AB:231:ILE:HG21	1:AB:242:ALA:HB2	1.90	0.53
1:AE:74:MET:CE	1:AE:137:MET:HE1	2.38	0.53
1:AE:82:MET:HE1	1:AE:442:ARG:CA	2.39	0.53
1:AF:496:SER:HB2	1:AN:512:LEU:HD23	1.91	0.53
1:AG:112:LEU:O	1:AG:116:ILE:HG13	2.09	0.53
1:AG:211:ILE:CD1	1:AG:234:PHE:HD2	2.22	0.53
1:AH:97:VAL:HG22	1:AH:428:MET:SD	2.49	0.53
1:AI:161:ILE:HG12	1:AI:445:MET:SD	2.49	0.53
1:AJ:249:THR:CG2	1:AJ:405:ALA:HB3	2.39	0.53
1:AM:187:SER:HB3	1:AM:335:ALA:HB1	1.90	0.53
1:AT:172:VAL:O	1:AT:380:THR:HA	2.09	0.53
1:AT:328:VAL:HG12	1:AT:329:PHE:CD1	2.44	0.53
1:AV:54:LEU:HB3	1:AV:470:GLU:HB2	1.90	0.53
1:A1:167:ASP:CA	1:A1:384:ARG:HB2	2.39	0.53
1:A1:212:GLU:OE2	1:AB:305:GLY:HA3	2.08	0.53
1:A2:212:GLU:HG3	1:AV:278:ASN:CG	2.34	0.53
1:A4:157:VAL:HG11	1:A4:452:LEU:CD2	2.39	0.53
1:A5:509:VAL:HG23	1:A5:513:LEU:HD12	1.89	0.53
1:A7:175:GLU:HG2	1:A7:378:GLU:CG	2.29	0.53
1:A7:448:VAL:HG22	1:AJ:118:ARG:NH2	2.24	0.53

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A8:174:MET:HE1	1:A8:398:ALA:HB2	1.91	0.53
1:A8:259:VAL:HG13	1:A8:324:ALA:CB	2.38	0.53
1:A9:98:GLN:HG2	1:A9:112:LEU:HD21	1.89	0.53
1:A9:136:GLN:HB3	1:A9:139:SER:OG	2.09	0.53
1:AC:179:PHE:CD1	1:AC:184:MET:HE3	2.43	0.53
1:AD:486:SER:O	1:AD:490:ILE:HG12	2.08	0.53
1:AE:297:VAL:CG2	1:AE:317:ILE:HG12	2.38	0.53
1:AE:382:ASN:ND2	1:AK:281:ASP:HB2	2.24	0.53
1:AF:462:THR:O	1:AF:466:VAL:HG13	2.08	0.53
1:AG:8:ASN:ND2	1:AG:11:ALA:HB2	2.24	0.53
1:AG:291:VAL:HG23	1:AG:295:THR:HG21	1.90	0.53
1:AL:357:ASP:HB2	1:AT:271:THR:O	2.09	0.53
1:AL:454:THR:HG21	1:AP:88:ILE:CD1	2.34	0.53
1:AM:175:GLU:HG2	1:AM:378:GLU:CG	2.30	0.53
1:AM:369:GLY:HA2	1:AM:374:GLN:NE2	2.23	0.53
1:AO:8:ASN:ND2	1:AO:11:ALA:HB2	2.24	0.53
1:AO:89:LEU:HA	1:AO:92:ILE:HD12	1.90	0.53
1:AQ:386:VAL:HG22	1:AQ:427:VAL:HG22	1.91	0.53
1:AR:302:ASP:CB	1:AR:308:ASN:HD21	2.20	0.53
1:AS:15:HIS:O	1:AS:19:VAL:HG12	2.09	0.53
1:AT:212:GLU:OE1	1:AT:212:GLU:HA	2.09	0.53
1:AT:251:GLY:H	1:AT:332:GLY:CA	2.16	0.53
1:AU:231:ILE:HG21	1:AU:242:ALA:HB2	1.91	0.53
1:AV:369:GLY:HA2	1:AV:374:GLN:NE2	2.23	0.53
1:AX:423:GLY:HA2	1:AX:426:ILE:CD1	2.38	0.53
1:A1:212:GLU:OE1	1:A1:212:GLU:HA	2.08	0.53
1:A1:247:MET:HE1	1:AI:144:ASN:ND2	2.24	0.53
1:A1:271:THR:O	1:AI:357:ASP:HB2	2.08	0.53
1:A3:462:THR:O	1:A3:466:VAL:HG13	2.08	0.53
1:A5:39:ASN:N	1:A5:39:ASN:ND2	2.57	0.53
1:A5:491:LEU:HD21	1:AE:6:ASN:OD1	2.09	0.53
1:A6:234:PHE:CE1	1:AW:303:ILE:HA	2.43	0.53
1:A7:249:THR:HG23	1:A7:405:ALA:HB3	1.91	0.53
1:A7:369:GLY:HA2	1:A7:374:GLN:NE2	2.23	0.53
1:A7:508:ASN:ND2	1:A7:512:LEU:HD12	2.24	0.53
1:AA:167:ASP:CA	1:AA:384:ARG:HB2	2.38	0.53
1:AB:328:VAL:HG12	1:AB:329:PHE:CD1	2.43	0.53
1:AC:104:GLN:HB3	1:AC:108:SER:OG	2.09	0.53
1:AC:352:ARG:HD2	1:AC:356:ARG:O	2.09	0.53
1:AC:418:VAL:HG22	1:AC:427:VAL:HG21	1.91	0.53
1:AF:89:LEU:HA	1:AF:92:ILE:HD12	1.91	0.53

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AF:212:GLU:OE1	1:AF:212:GLU:HA	2.08	0.53
1:AG:263:THR:CG2	1:AG:268:GLU:HG3	2.39	0.53
1:AH:120:LEU:HD21	1:AH:383:LEU:CG	2.39	0.53
1:AI:97:VAL:HG22	1:AI:428:MET:CE	2.39	0.53
1:AI:172:VAL:O	1:AI:380:THR:HA	2.08	0.53
1:AI:251:GLY:H	1:AI:332:GLY:CA	2.14	0.53
1:AK:61:LEU:O	1:AK:65:ILE:HG13	2.09	0.53
1:AK:495:GLY:O	1:AK:499:MET:HE3	2.09	0.53
1:AN:174:MET:CE	1:AN:398:ALA:HA	2.39	0.53
1:AN:174:MET:HE1	1:AN:398:ALA:HB2	1.90	0.53
1:AP:186:ALA:HB2	1:AP:334:PHE:HB2	1.91	0.53
1:AQ:192:ASN:HA	1:AQ:367:HIS:ND1	2.23	0.53
1:AW:370:PHE:HA	1:AW:376:VAL:CG1	2.38	0.53
1:AX:259:VAL:HG22	1:AX:324:ALA:CB	2.39	0.53
1:A2:303:ILE:HG13	1:AM:234:PHE:CD1	2.44	0.52
1:A2:446:GLY:HA3	1:AR:41:ALA:CB	2.38	0.52
1:A3:463:GLN:HA	1:A3:466:VAL:HG22	1.91	0.52
1:A4:305:GLY:HA3	1:AF:212:GLU:OE2	2.08	0.52
1:A6:179:PHE:HD1	1:A6:184:MET:HE3	1.73	0.52
1:A7:298:GLU:HG2	1:A7:310:HIS:HB3	1.91	0.52
1:A8:15:HIS:O	1:A8:19:VAL:HG12	2.08	0.52
1:A8:249:THR:CG2	1:A8:405:ALA:HB3	2.39	0.52
1:A9:233:ARG:HB2	1:AN:139:SER:OG	2.08	0.52
1:A9:296:GLY:O	1:A9:312:ILE:HD12	2.09	0.52
1:A9:366:SER:HB2	1:A9:374:GLN:OE1	2.10	0.52
1:AA:259:VAL:HG13	1:AA:324:ALA:CB	2.38	0.52
1:AC:8:ASN:HB3	1:AC:11:ALA:HB3	1.90	0.52
1:AC:462:THR:O	1:AC:466:VAL:HG13	2.08	0.52
1:AD:175:GLU:HG2	1:AD:378:GLU:CG	2.31	0.52
1:AE:201:LYS:HD3	2:AE:602:P8E:O1A	2.09	0.52
1:AI:120:LEU:O	1:AI:120:LEU:HD23	2.09	0.52
1:AI:263:THR:HG22	1:AI:268:GLU:HG3	1.91	0.52
1:AI:277:LYS:HB2	2:AI:609:P8E:O1B	2.10	0.52
1:AK:146:GLU:HB2	1:AK:158:LYS:HD2	1.92	0.52
1:AK:462:THR:O	1:AK:466:VAL:HG13	2.08	0.52
1:AL:370:PHE:HA	1:AL:376:VAL:CG1	2.38	0.52
1:AQ:133:ASN:ND2	1:AV:105:THR:HG23	2.24	0.52
1:AQ:179:PHE:CZ	1:AQ:344:VAL:HG13	2.43	0.52
1:AQ:214:VAL:HG11	1:AQ:227:LEU:HB2	1.91	0.52
1:AR:328:VAL:HG12	1:AR:329:PHE:CD1	2.44	0.52
1:AS:167:ASP:CA	1:AS:384:ARG:HB2	2.39	0.52

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AS:192:ASN:HA	1:AS:367:HIS:CE1	2.44	0.52
1:AS:249:THR:HG23	1:AS:405:ALA:HB3	1.91	0.52
1:AT:61:LEU:O	1:AT:65:ILE:HG13	2.09	0.52
1:AT:296:GLY:O	1:AT:312:ILE:HD12	2.08	0.52
1:AV:363:VAL:HG22	1:AV:364:ASN:OD1	2.09	0.52
1:AW:291:VAL:HG23	1:AW:295:THR:HG23	1.90	0.52
1:AX:196:VAL:HG22	1:AX:216:ILE:HD11	1.91	0.52
1:A1:201:LYS:HB2	1:A1:359:ILE:HG13	1.90	0.52
1:A1:462:THR:O	1:A1:466:VAL:HG13	2.08	0.52
1:A2:163:SER:OG	1:A2:168:LYS:HD3	2.09	0.52
1:A5:251:GLY:H	1:A5:332:GLY:CA	2.16	0.52
1:A6:65:ILE:HG12	1:A6:459:ILE:HD12	1.91	0.52
1:A6:179:PHE:CZ	1:A6:344:VAL:HG13	2.42	0.52
1:A6:259:VAL:HG13	1:A6:324:ALA:CB	2.38	0.52
1:A7:319:VAL:H	1:A7:342:HIS:CD2	2.27	0.52
1:A9:353:THR:HG23	1:A9:433:SER:CB	2.34	0.52
1:A9:442:ARG:HD3	1:AK:48:MET:SD	2.50	0.52
1:AA:234:PHE:O	1:AA:238:LEU:HD12	2.09	0.52
1:AB:249:THR:CG2	1:AB:405:ALA:HB3	2.39	0.52
1:AC:154:ASN:H	1:AR:425:MET:CE	2.22	0.52
1:AC:204:ASN:HD21	1:AC:207:ASN:HB2	1.73	0.52
1:AF:231:ILE:HG21	1:AF:242:ALA:HB2	1.91	0.52
1:AG:356:ARG:HD2	1:AW:269:ILE:O	2.08	0.52
1:AG:357:ASP:HB2	1:AW:271:THR:O	2.08	0.52
1:AJ:451:GLU:HG3	1:AU:122:GLU:CB	2.36	0.52
1:AM:291:VAL:HG23	1:AM:295:THR:HG23	1.91	0.52
1:AO:246:VAL:C	1:AO:247:MET:HG2	2.34	0.52
1:AP:201:LYS:HB2	1:AP:359:ILE:CG1	2.39	0.52
1:AP:218:THR:O	1:AP:315:ARG:HD3	2.09	0.52
1:AQ:161:ILE:CG1	1:AQ:445:MET:HE1	2.40	0.52
1:AR:46:SER:HB2	1:AV:112:LEU:CD1	2.39	0.52
1:AR:149:ILE:HD12	1:AR:455:THR:HG21	1.92	0.52
1:AS:68:ALA:O	1:AS:72:ILE:HG13	2.09	0.52
1:AT:35:GLY:O	1:AT:476:VAL:HG12	2.10	0.52
1:AU:511:ARG:HH22	1:AU:512:LEU:HD13	1.74	0.52
1:AX:120:LEU:HD23	1:AX:387:ARG:HD3	1.91	0.52
1:A2:120:LEU:HD21	1:A2:383:LEU:CG	2.30	0.52
1:A5:116:ILE:CD1	1:A5:418:VAL:HG21	2.39	0.52
1:A5:186:ALA:HB2	1:A5:334:PHE:HB2	1.89	0.52
1:A5:249:THR:CG2	1:A5:405:ALA:HB3	2.39	0.52
1:A5:251:GLY:H	1:A5:333:ASN:H	1.58	0.52

*Continued on next page...*



*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A6:249:THR:CG2	1:A6:405:ALA:HB3	2.39	0.52
1:A6:271:THR:O	1:AP:357:ASP:HB2	2.08	0.52
1:A7:189:ALA:HB3	1:A7:343:ALA:HB3	1.92	0.52
1:A7:251:GLY:H	1:A7:333:ASN:H	1.55	0.52
1:A8:81:ALA:CB	1:A8:138:LEU:HD11	2.40	0.52
1:AA:8:ASN:ND2	1:AA:11:ALA:HB2	2.24	0.52
1:AB:8:ASN:ND2	1:AB:11:ALA:HB2	2.24	0.52
1:AB:201:LYS:HB2	1:AB:359:ILE:HG13	1.89	0.52
1:AC:129:THR:HG21	1:AX:155:THR:HG23	1.90	0.52
1:AE:224:ILE:HG13	1:AE:244:TYR:HB2	1.90	0.52
1:AF:249:THR:CG2	1:AF:405:ALA:HB3	2.38	0.52
1:AF:410:ASN:HD21	1:AF:414:ILE:CG2	2.20	0.52
1:AG:60:ASN:HD21	1:AW:93:LYS:HE2	1.74	0.52
1:AG:263:THR:HG22	1:AG:268:GLU:HG3	1.90	0.52
1:AG:382:ASN:O	1:AG:430:MET:HE1	2.09	0.52
1:AG:501:GLN:HG3	1:AM:485:PHE:CE2	2.44	0.52
1:AH:262:LEU:HD12	1:AH:263:THR:N	2.24	0.52
1:AH:463:GLN:HA	1:AH:466:VAL:HG22	1.90	0.52
1:AI:201:LYS:HA	1:AI:208:ASP:HB2	1.91	0.52
1:AK:97:VAL:CG2	1:AK:428:MET:HE2	2.36	0.52
1:AL:218:THR:O	1:AL:315:ARG:HD3	2.08	0.52
1:AN:262:LEU:HD12	1:AN:263:THR:N	2.24	0.52
1:AN:463:GLN:HA	1:AN:466:VAL:HG22	1.89	0.52
1:AO:224:ILE:CD1	1:AO:346:GLY:HA3	2.40	0.52
1:AP:445:MET:HE2	1:AP:445:MET:N	2.25	0.52
1:AQ:88:ILE:O	1:AQ:92:ILE:CD1	2.53	0.52
1:AQ:161:ILE:HG12	1:AQ:445:MET:HE1	1.91	0.52
1:AQ:201:LYS:HB2	1:AQ:359:ILE:HG13	1.91	0.52
1:AS:462:THR:O	1:AS:466:VAL:HG13	2.08	0.52
1:AT:328:VAL:HG12	1:AT:329:PHE:HD1	1.73	0.52
1:AU:251:GLY:H	1:AU:332:GLY:CA	2.15	0.52
1:AU:511:ARG:NH1	1:AU:512:LEU:HD12	2.21	0.52
1:AW:175:GLU:HG2	1:AW:378:GLU:CG	2.31	0.52
1:A1:41:ALA:N	1:A1:48:MET:HE1	2.24	0.52
1:A2:212:GLU:OE1	1:A2:212:GLU:HA	2.08	0.52
1:A3:319:VAL:H	1:A3:342:HIS:CE1	2.27	0.52
1:A3:445:MET:HE2	1:A3:445:MET:N	2.25	0.52
1:A3:499:MET:HE1	1:A8:479:ALA:HB1	1.91	0.52
1:A7:187:SER:HB3	1:A7:335:ALA:HB1	1.89	0.52
1:A8:42:ALA:HB2	1:AN:449:GLN:HE21	1.73	0.52
1:A8:89:LEU:HA	1:A8:92:ILE:HD12	1.90	0.52

*Continued on next page...*



*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A8:218:THR:O	1:A8:315:ARG:HD3	2.10	0.52
1:A8:454:THR:HG21	1:AS:88:ILE:CD1	2.33	0.52
1:AA:179:PHE:CZ	1:AA:344:VAL:HG13	2.43	0.52
1:AC:83:ASP:HB2	1:AC:442:ARG:HH21	1.73	0.52
1:AD:175:GLU:OE2	1:AD:358:ILE:HB	2.09	0.52
1:AD:342:HIS:NE2	1:AD:344:VAL:HG23	2.24	0.52
1:AF:271:THR:O	1:AS:357:ASP:HB2	2.09	0.52
1:AF:369:GLY:HA2	1:AF:374:GLN:NE2	2.24	0.52
1:AG:449:GLN:HE21	1:AJ:42:ALA:HB2	1.73	0.52
1:AH:38:ILE:CG2	1:AH:48:MET:HE3	2.39	0.52
1:AH:211:ILE:HD11	1:AH:238:LEU:CD1	2.34	0.52
1:AH:342:HIS:ND1	1:AH:343:ALA:N	2.57	0.52
1:AJ:225:GLY:HA2	1:AJ:244:TYR:CD1	2.45	0.52
1:AM:192:ASN:HA	1:AM:367:HIS:ND1	2.23	0.52
1:AM:293:ASP:C	1:AM:293:ASP:OD1	2.53	0.52
1:AN:82:MET:HG3	1:AN:138:LEU:CD1	2.39	0.52
1:AN:212:GLU:OE2	1:AN:234:PHE:HE1	1.92	0.52
1:AN:263:THR:CG2	1:AN:268:GLU:HG3	2.40	0.52
1:AQ:8:ASN:ND2	1:AQ:11:ALA:HB2	2.24	0.52
1:AQ:42:ALA:HB2	1:AV:449:GLN:HE21	1.73	0.52
1:AU:88:ILE:O	1:AU:92:ILE:CD1	2.54	0.52
1:AU:259:VAL:HA	1:AU:324:ALA:CB	2.40	0.52
1:AV:88:ILE:HG23	1:AV:119:LEU:HD22	1.91	0.52
1:AX:149:ILE:CD1	1:AX:455:THR:HG21	2.34	0.52
1:AX:421:LEU:HD11	1:AX:425:MET:HE2	1.91	0.52
1:A1:122:GLU:OE2	1:A1:126:ILE:HD11	2.10	0.52
1:A2:462:THR:O	1:A2:466:VAL:HG13	2.08	0.52
1:A5:68:ALA:HB3	1:A5:456:ILE:CD1	2.40	0.52
1:A5:357:ASP:HB2	1:AH:271:THR:O	2.09	0.52
1:A6:8:ASN:ND2	1:A6:11:ALA:HB2	2.25	0.52
1:A7:319:VAL:O	1:A7:342:HIS:HD2	1.91	0.52
1:AA:421:LEU:HD12	1:AA:421:LEU:O	2.10	0.52
1:AB:281:ASP:OD1	1:AB:283:ARG:HG2	2.10	0.52
1:AC:42:ALA:HB2	1:AR:449:GLN:HE21	1.75	0.52
1:AF:93:LYS:CG	1:AS:60:ASN:HD21	2.21	0.52
1:AF:104:GLN:HB3	1:AF:108:SER:OG	2.08	0.52
1:AG:61:LEU:HB3	1:AG:463:GLN:HB2	1.90	0.52
1:AH:284:LEU:O	1:AH:288:ILE:HG12	2.10	0.52
1:AI:167:ASP:HB3	1:AI:384:ARG:CZ	2.39	0.52
1:AI:423:GLY:O	1:AI:427:VAL:HG23	2.09	0.52
1:AJ:61:LEU:O	1:AJ:65:ILE:HG13	2.09	0.52

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AJ:184:MET:O	1:AJ:189:ALA:HB2	2.10	0.52
1:AJ:445:MET:HE2	1:AJ:445:MET:CA	2.31	0.52
1:AK:192:ASN:HA	1:AK:367:HIS:CE1	2.45	0.52
1:AL:259:VAL:HA	1:AL:324:ALA:CB	2.39	0.52
1:AM:44:ASP:C	1:AM:44:ASP:OD1	2.53	0.52
1:AM:271:THR:O	1:AU:357:ASP:HB2	2.09	0.52
1:AM:410:ASN:HD21	1:AM:414:ILE:HG22	1.74	0.52
1:AO:171:HIS:O	1:AO:172:VAL:HG23	2.09	0.52
1:AO:189:ALA:HB3	1:AO:343:ALA:HB3	1.91	0.52
1:AO:445:MET:HE2	1:AO:445:MET:N	2.25	0.52
1:AP:421:LEU:HD11	1:AP:425:MET:HE2	1.92	0.52
1:AS:251:GLY:H	1:AS:332:GLY:CA	2.13	0.52
1:AS:260:ARG:C	1:AS:261:GLU:HG3	2.34	0.52
1:AT:131:SER:HB3	1:AT:136:GLN:NE2	2.24	0.52
1:AT:462:THR:O	1:AT:466:VAL:HG13	2.09	0.52
1:AU:271:THR:O	1:AX:357:ASP:HB2	2.09	0.52
1:AU:421:LEU:HD21	1:AX:146:GLU:CG	2.39	0.52
1:AV:421:LEU:HD12	1:AV:421:LEU:O	2.10	0.52
1:AX:175:GLU:HA	1:AX:377:ALA:O	2.10	0.52
1:A2:122:GLU:CG	1:AM:451:GLU:HG3	2.37	0.52
1:A3:4:ARG:HG2	1:AS:475:ASP:HB2	1.91	0.52
1:A3:153:SER:HB3	1:AS:429:ASP:OD1	2.10	0.52
1:A5:395:ALA:CB	1:A5:414:ILE:HG23	2.40	0.52
1:A6:262:LEU:HD12	1:A6:263:THR:N	2.24	0.52
1:A7:44:ASP:C	1:A7:44:ASP:OD1	2.53	0.52
1:A7:204:ASN:HD21	1:A7:207:ASN:HB3	1.75	0.52
1:A8:88:ILE:CD1	1:AE:454:THR:HG21	2.38	0.52
1:AC:244:TYR:CD1	1:AC:244:TYR:C	2.88	0.52
1:AD:88:ILE:O	1:AD:92:ILE:CD1	2.54	0.52
1:AF:187:SER:HB3	1:AF:335:ALA:HB1	1.90	0.52
1:AF:328:VAL:HG12	1:AF:329:PHE:HD1	1.74	0.52
1:AK:184:MET:O	1:AK:189:ALA:HB2	2.10	0.52
1:AK:212:GLU:OE2	1:AK:234:PHE:HE2	1.93	0.52
1:AM:61:LEU:O	1:AM:65:ILE:HG13	2.10	0.52
1:AN:8:ASN:ND2	1:AN:11:ALA:HB2	2.25	0.52
1:AO:201:LYS:HB2	1:AO:359:ILE:CD1	2.40	0.52
1:AQ:302:ASP:HB3	1:AQ:308:ASN:HD21	1.73	0.52
1:AR:463:GLN:HA	1:AR:466:VAL:HG22	1.90	0.52
1:AS:105:THR:HG23	1:AS:107:GLU:OE2	2.09	0.52
1:AV:187:SER:HB3	1:AV:335:ALA:HB1	1.92	0.52
1:AW:75:VAL:CG1	1:AW:445:MET:HG2	2.30	0.52

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AW:463:GLN:HA	1:AW:466:VAL:HG22	1.91	0.52
1:AX:263:THR:HG21	1:AX:268:GLU:HG3	1.90	0.52
1:A1:118:ARG:NH2	1:AQ:448:VAL:HG22	2.24	0.52
1:A2:8:ASN:HB3	1:A2:11:ALA:HB3	1.91	0.52
1:A5:302:ASP:HB3	1:A5:308:ASN:HD21	1.74	0.52
1:A6:302:ASP:HB3	1:A6:308:ASN:ND2	2.25	0.52
1:A7:120:LEU:CD2	1:A7:387:ARG:HD3	2.40	0.52
1:A9:161:ILE:CG2	1:A9:445:MET:HE1	2.40	0.52
1:AA:174:MET:HE3	1:AA:398:ALA:HA	1.92	0.52
1:AB:172:VAL:O	1:AB:380:THR:HA	2.09	0.52
1:AC:144:ASN:HD21	1:AR:247:MET:HE1	1.75	0.52
1:AC:249:THR:CG2	1:AC:405:ALA:HB3	2.40	0.52
1:AC:455:THR:O	1:AC:459:ILE:HG23	2.10	0.52
1:AD:48:MET:SD	1:AI:442:ARG:HD3	2.50	0.52
1:AG:249:THR:CG2	1:AG:405:ALA:HB3	2.40	0.52
1:AG:302:ASP:HB3	1:AG:308:ASN:ND2	2.25	0.52
1:AH:30:GLU:OE1	1:AH:39:ASN:ND2	2.43	0.52
1:AH:471:SER:HB2	1:AH:475:ASP:OD2	2.10	0.52
1:AJ:84:GLU:OE2	1:AJ:84:GLU:HA	2.09	0.52
1:AK:463:GLN:HA	1:AK:466:VAL:HG22	1.90	0.52
1:AM:68:ALA:HB2	1:AM:149:ILE:HG22	1.92	0.52
1:AM:263:THR:CG2	1:AM:268:GLU:HG3	2.39	0.52
1:AM:291:VAL:HG23	1:AM:295:THR:HG21	1.90	0.52
1:AO:71:ALA:O	1:AO:75:VAL:HG23	2.10	0.52
1:AO:171:HIS:CD2	1:AO:382:ASN:HB3	2.44	0.52
1:AO:225:GLY:HA2	1:AO:244:TYR:CD1	2.45	0.52
1:AQ:5:ILE:HG21	1:AV:478:PHE:HE2	1.75	0.52
1:AR:172:VAL:O	1:AR:380:THR:HA	2.09	0.52
1:AR:173:ARG:HD2	1:AR:357:ASP:HA	1.92	0.52
1:AR:370:PHE:HA	1:AR:376:VAL:CG1	2.39	0.52
1:AS:512:LEU:HD22	1:AT:496:SER:OG	2.09	0.52
1:AT:8:ASN:ND2	1:AT:11:ALA:HB2	2.24	0.52
1:AU:174:MET:HE1	1:AU:398:ALA:HB2	1.92	0.52
1:AU:353:THR:HG23	1:AU:433:SER:CB	2.36	0.52
1:AV:8:ASN:ND2	1:AV:11:ALA:HB2	2.24	0.52
1:AV:462:THR:O	1:AV:466:VAL:HG13	2.09	0.52
1:A1:35:GLY:O	1:A1:476:VAL:HG12	2.10	0.52
1:A1:112:LEU:CD1	1:AO:46:SER:HB2	2.40	0.52
1:A2:75:VAL:HG13	1:A2:445:MET:CG	2.33	0.52
1:A3:42:ALA:HB2	1:AS:449:GLN:HE21	1.73	0.52
1:A4:167:ASP:HA	1:A4:384:ARG:CB	2.37	0.52

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A8:303:ILE:HA	1:AE:234:PHE:CZ	2.44	0.52
1:A9:167:ASP:HB3	1:A9:384:ARG:CZ	2.39	0.52
1:AC:61:LEU:HD23	1:AC:151:ALA:HB2	1.92	0.52
1:AD:175:GLU:HA	1:AD:377:ALA:O	2.10	0.52
1:AD:410:ASN:HD21	1:AD:414:ILE:CG2	2.23	0.52
1:AF:471:SER:O	1:AF:475:ASP:HB2	2.10	0.52
1:AF:490:ILE:HG22	1:AT:510:LEU:HD12	1.91	0.52
1:AI:174:MET:HE1	1:AI:398:ALA:HB2	1.90	0.52
1:AK:448:VAL:HG22	1:AN:118:ARG:NH2	2.25	0.52
1:AK:511:ARG:HH12	1:AK:512:LEU:CD1	2.22	0.52
1:AM:15:HIS:HA	1:AM:499:MET:CE	2.40	0.52
1:AM:93:LYS:HE2	1:AU:60:ASN:HD21	1.74	0.52
1:AM:174:MET:CE	1:AM:398:ALA:HA	2.40	0.52
1:AQ:370:PHE:HA	1:AQ:376:VAL:CG1	2.39	0.52
1:AR:89:LEU:HD23	1:AR:92:ILE:HD13	1.92	0.52
1:AR:263:THR:HG22	1:AR:268:GLU:HG3	1.90	0.52
1:AR:305:GLY:HA3	1:AU:212:GLU:HG3	1.91	0.52
1:AS:458:ASN:HD22	1:AT:126:ILE:HD13	1.74	0.52
1:AU:146:GLU:HB2	1:AU:158:LYS:HD3	1.92	0.52
1:AW:8:ASN:ND2	1:AW:11:ALA:HB2	2.25	0.52
1:AX:259:VAL:HG11	1:AX:262:LEU:HB2	1.90	0.52
1:A2:44:ASP:C	1:A2:44:ASP:OD1	2.52	0.52
1:A2:122:GLU:HB2	1:AM:451:GLU:HG3	1.92	0.52
1:A2:303:ILE:HG13	1:AM:234:PHE:CE1	2.45	0.52
1:A2:480:GLU:HB2	1:AQ:15:HIS:CD2	2.45	0.52
1:A6:201:LYS:HA	1:A6:208:ASP:HB2	1.92	0.52
1:A7:179:PHE:HD1	1:A7:184:MET:HE2	1.75	0.52
1:A7:186:ALA:HB2	1:A7:334:PHE:HB2	1.92	0.52
1:A8:262:LEU:HD11	1:A8:319:VAL:HG22	1.91	0.52
1:A9:281:ASP:HB2	1:AK:382:ASN:ND2	2.25	0.52
1:A9:490:ILE:CG2	1:AN:510:LEU:HD12	2.40	0.52
1:AA:167:ASP:HA	1:AA:384:ARG:CB	2.37	0.52
1:AA:263:THR:CG2	1:AA:268:GLU:HG3	2.39	0.52
1:AA:462:THR:O	1:AA:466:VAL:HG13	2.09	0.52
1:AC:212:GLU:HG3	1:AO:305:GLY:HA3	1.92	0.52
1:AD:370:PHE:HA	1:AD:376:VAL:CG1	2.40	0.52
1:AE:390:PHE:CE2	1:AE:417:GLY:HA2	2.44	0.52
1:AF:105:THR:HG23	1:AS:133:ASN:ND2	2.25	0.52
1:AH:122:GLU:OE2	1:AI:454:THR:HB	2.10	0.52
1:AI:15:HIS:O	1:AI:19:VAL:HG12	2.10	0.52
1:AI:118:ARG:NH2	1:AO:448:VAL:HG22	2.24	0.52

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AI:203:VAL:HG11	1:AI:238:LEU:CD2	2.40	0.52
1:AJ:68:ALA:HB3	1:AJ:456:ILE:CD1	2.17	0.52
1:AK:277:LYS:HB2	2:AK:609:P8E:O1B	2.10	0.52
1:AM:249:THR:CG2	1:AM:405:ALA:HB3	2.40	0.52
1:AM:491:LEU:HD11	1:AR:6:ASN:OD1	2.10	0.52
1:AO:192:ASN:HA	1:AO:367:HIS:CE1	2.45	0.52
1:AP:8:ASN:ND2	1:AP:11:ALA:HB2	2.24	0.52
1:AP:277:LYS:HB2	2:AP:609:P8E:O1B	2.10	0.52
1:AV:174:MET:HE1	1:AV:398:ALA:CB	2.40	0.52
1:AW:8:ASN:HB3	1:AW:11:ALA:HB3	1.92	0.52
1:AW:337:ILE:HG22	1:AW:342:HIS:CG	2.45	0.52
1:AX:65:ILE:HG23	1:AX:456:ILE:HD12	1.91	0.52
1:A2:88:ILE:O	1:A2:92:ILE:CD1	2.55	0.52
1:A2:201:LYS:HB2	1:A2:359:ILE:HG13	1.92	0.52
1:A3:357:ASP:HB2	1:AS:271:THR:O	2.10	0.52
1:A5:234:PHE:CD2	1:AK:303:ILE:HD12	2.45	0.52
1:A6:118:ARG:NH2	1:AT:448:VAL:HG22	2.25	0.52
1:A6:234:PHE:CZ	1:AW:303:ILE:HD12	2.44	0.52
1:A6:370:PHE:HA	1:A6:376:VAL:CG1	2.40	0.52
1:A6:462:THR:O	1:A6:466:VAL:HG13	2.09	0.52
1:A7:4:ARG:HH12	1:AP:472:GLN:HG2	1.74	0.52
1:A7:172:VAL:O	1:A7:380:THR:HA	2.10	0.52
1:A7:247:MET:HE3	1:A7:402:ALA:CB	2.39	0.52
1:A9:512:LEU:HD23	1:AA:496:SER:HB2	1.90	0.52
1:AA:179:PHE:CD1	1:AA:184:MET:HE2	2.45	0.52
1:AB:167:ASP:HA	1:AB:384:ARG:CB	2.38	0.52
1:AB:263:THR:HG21	1:AB:268:GLU:HG3	1.91	0.52
1:AC:138:LEU:HD12	1:AC:138:LEU:N	2.24	0.52
1:AC:186:ALA:HB2	1:AC:334:PHE:HB2	1.90	0.52
1:AC:502:ALA:O	1:AC:505:VAL:HG22	2.10	0.52
1:AD:463:GLN:HA	1:AD:466:VAL:HG22	1.91	0.52
1:AE:201:LYS:HA	1:AE:208:ASP:HB2	1.92	0.52
1:AE:337:ILE:HG22	1:AE:342:HIS:CG	2.45	0.52
1:AF:286:ASN:HD21	1:AS:437:GLN:CD	2.16	0.52
1:AH:328:VAL:HG12	1:AH:329:PHE:HD1	1.75	0.52
1:AJ:510:LEU:HD12	1:AP:490:ILE:HG23	1.91	0.52
1:AK:363:VAL:HG22	1:AK:364:ASN:OD1	2.10	0.52
1:AL:263:THR:HG22	1:AL:268:GLU:HG3	1.92	0.52
1:AL:463:GLN:HA	1:AL:466:VAL:HG22	1.92	0.52
1:AN:131:SER:HB3	1:AN:136:GLN:NE2	2.24	0.52
1:AO:201:LYS:HD3	2:AO:602:P8E:O1A	2.10	0.52

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AO:249:THR:CG2	1:AO:405:ALA:HB3	2.40	0.52
1:AQ:118:ARG:NH2	1:AR:448:VAL:HG22	2.24	0.52
1:AQ:175:GLU:HG2	1:AQ:378:GLU:CG	2.31	0.52
1:AQ:305:GLY:HA3	1:AR:212:GLU:OE2	2.10	0.52
1:AS:370:PHE:HA	1:AS:376:VAL:CG1	2.40	0.52
1:AW:366:SER:HB2	1:AW:374:GLN:OE1	2.10	0.52
1:AX:463:GLN:HA	1:AX:466:VAL:HG22	1.91	0.52
1:A1:118:ARG:HG3	1:AQ:447:SER:OG	2.10	0.51
1:A3:348:LEU:C	1:A3:348:LEU:HD23	2.34	0.51
1:A4:369:GLY:HA2	1:A4:374:GLN:NE2	2.25	0.51
1:A5:353:THR:HG23	1:A5:433:SER:CB	2.35	0.51
1:A6:65:ILE:HG13	1:A6:459:ILE:HD12	1.92	0.51
1:A8:167:ASP:CA	1:A8:384:ARG:HB2	2.40	0.51
1:A9:352:ARG:HB3	1:A9:358:ILE:HD11	1.91	0.51
1:AB:82:MET:HE2	1:AB:138:LEU:HD22	1.92	0.51
1:AB:167:ASP:HB3	1:AB:384:ARG:CZ	2.40	0.51
1:AE:251:GLY:H	1:AE:333:ASN:H	1.58	0.51
1:AG:74:MET:HE3	1:AG:137:MET:SD	2.50	0.51
1:AH:118:ARG:NH2	1:AI:448:VAL:HG22	2.25	0.51
1:AH:490:ILE:CG2	1:AK:510:LEU:HD12	2.40	0.51
1:AI:179:PHE:CD1	1:AI:184:MET:HE2	2.45	0.51
1:AL:226:ALA:O	1:AL:230:ILE:HG23	2.10	0.51
1:AM:442:ARG:HB3	1:AU:48:MET:HE1	1.92	0.51
1:AN:172:VAL:O	1:AN:380:THR:HA	2.09	0.51
1:AP:370:PHE:HA	1:AP:376:VAL:CG1	2.40	0.51
1:AP:410:ASN:HD21	1:AP:414:ILE:CG2	2.23	0.51
1:AS:8:ASN:ND2	1:AS:11:ALA:HB2	2.25	0.51
1:AS:68:ALA:HB3	1:AS:456:ILE:CD1	2.40	0.51
1:AS:353:THR:HG23	1:AS:433:SER:CB	2.32	0.51
1:AT:231:ILE:HG21	1:AT:242:ALA:HB2	1.92	0.51
1:AT:284:LEU:O	1:AT:288:ILE:HG12	2.10	0.51
1:AT:291:VAL:HG23	1:AT:295:THR:HG23	1.92	0.51
1:AU:99:ALA:HB2	1:AU:112:LEU:CD2	2.28	0.51
1:AU:249:THR:HG23	1:AU:405:ALA:HB3	1.93	0.51
1:AW:277:LYS:HB2	2:AW:609:P8E:O1B	2.10	0.51
1:A1:291:VAL:HG23	1:A1:295:THR:HG23	1.92	0.51
1:A6:263:THR:HG22	1:A6:268:GLU:HG3	1.91	0.51
1:A8:328:VAL:HG12	1:A8:329:PHE:HD1	1.74	0.51
1:A9:291:VAL:HG23	1:A9:295:THR:HG23	1.92	0.51
1:AA:172:VAL:HG12	1:AA:174:MET:HG3	1.92	0.51
1:AB:112:LEU:CD1	1:AI:46:SER:HB2	2.40	0.51

*Continued on next page...*



*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AE:234:PHE:O	1:AE:238:LEU:HG	2.10	0.51
1:AF:35:GLY:O	1:AF:476:VAL:HG12	2.11	0.51
1:AF:122:GLU:HG3	1:AN:451:GLU:CG	2.40	0.51
1:AG:118:ARG:HG3	1:AP:447:SER:OG	2.10	0.51
1:AI:8:ASN:ND2	1:AI:11:ALA:HB2	2.25	0.51
1:AI:192:ASN:HA	1:AI:367:HIS:CE1	2.45	0.51
1:AI:291:VAL:HG23	1:AI:295:THR:HG21	1.93	0.51
1:AJ:216:ILE:HD13	1:AJ:223:GLY:CA	2.40	0.51
1:AM:234:PHE:HB3	1:AM:238:LEU:CD1	2.39	0.51
1:AO:511:ARG:NH1	1:AO:512:LEU:HB2	2.25	0.51
1:AQ:41:ALA:HB3	1:AV:446:GLY:HA3	1.92	0.51
1:AT:183:GLY:O	1:AT:188:ALA:HB3	2.09	0.51
1:AW:39:ASN:N	1:AW:39:ASN:ND2	2.58	0.51
1:AX:4:ARG:HG2	1:AX:4:ARG:HH11	1.74	0.51
1:AX:218:THR:O	1:AX:315:ARG:HD3	2.09	0.51
1:A1:54:LEU:HB3	1:A1:470:GLU:HB2	1.92	0.51
1:A1:293:ASP:OD2	1:AH:110:ARG:HD3	2.10	0.51
1:A2:105:THR:HG21	1:AR:133:ASN:O	2.10	0.51
1:A2:480:GLU:HB2	1:AQ:15:HIS:NE2	2.25	0.51
1:A3:175:GLU:HG2	1:A3:378:GLU:CG	2.29	0.51
1:A3:212:GLU:OE2	1:AL:305:GLY:HA3	2.09	0.51
1:A3:264:ILE:HD11	1:A3:295:THR:CG2	2.40	0.51
1:A4:186:ALA:HB2	1:A4:334:PHE:HB2	1.93	0.51
1:A4:209:TYR:CE1	1:A4:237:THR:HG22	2.45	0.51
1:A4:395:ALA:HB2	1:A4:414:ILE:HG23	1.92	0.51
1:A5:454:THR:HB	1:AK:122:GLU:OE1	2.10	0.51
1:A6:75:VAL:HG11	1:A6:449:GLN:HB2	1.93	0.51
1:A7:179:PHE:HZ	1:A7:344:VAL:HG13	1.75	0.51
1:A7:451:GLU:HG3	1:AJ:122:GLU:CG	2.39	0.51
1:A8:61:LEU:O	1:A8:65:ILE:HG13	2.10	0.51
1:A8:184:MET:HE1	1:A8:345:ILE:HD11	1.92	0.51
1:A9:249:THR:CG2	1:A9:405:ALA:HB3	2.40	0.51
1:AA:149:ILE:HD13	1:AA:157:VAL:HG12	1.91	0.51
1:AD:251:GLY:H	1:AD:332:GLY:CA	2.17	0.51
1:AD:337:ILE:HG22	1:AD:342:HIS:HB2	1.93	0.51
1:AF:161:ILE:HG23	1:AF:445:MET:HE1	1.92	0.51
1:AF:251:GLY:H	1:AF:332:GLY:CA	2.15	0.51
1:AI:122:GLU:OE1	1:AO:454:THR:HB	2.10	0.51
1:AJ:382:ASN:O	1:AJ:430:MET:HE1	2.11	0.51
1:AJ:511:ARG:NH2	1:AJ:512:LEU:HD13	2.26	0.51
1:AK:99:ALA:HB2	1:AK:112:LEU:CD2	2.29	0.51

*Continued on next page...*



*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AL:251:GLY:H	1:AL:333:ASN:H	1.57	0.51
1:AM:174:MET:HE1	1:AM:398:ALA:CB	2.40	0.51
1:AM:179:PHE:CZ	1:AM:344:VAL:HG13	2.43	0.51
1:AM:284:LEU:O	1:AM:288:ILE:HG12	2.11	0.51
1:AO:61:LEU:O	1:AO:65:ILE:HG13	2.10	0.51
1:AQ:421:LEU:HD12	1:AQ:421:LEU:O	2.10	0.51
1:AT:20:GLN:C	1:AT:20:GLN:OE1	2.52	0.51
1:AV:231:ILE:HG21	1:AV:242:ALA:HB2	1.92	0.51
1:AX:281:ASP:OD2	1:AX:283:ARG:HB3	2.11	0.51
1:A1:179:PHE:CZ	1:A1:344:VAL:HG13	2.44	0.51
1:A5:206:VAL:HG11	1:AH:294:ARG:NH2	2.25	0.51
1:A6:384:ARG:HD2	1:A6:387:ARG:NH2	2.26	0.51
1:A8:291:VAL:HG23	1:A8:295:THR:HG23	1.91	0.51
1:A8:357:ASP:HB2	1:AN:271:THR:O	2.11	0.51
1:A9:454:THR:HG21	1:AA:88:ILE:CD1	2.38	0.51
1:AA:262:LEU:HD12	1:AA:263:THR:N	2.25	0.51
1:AB:54:LEU:HB3	1:AB:470:GLU:HB2	1.91	0.51
1:AB:84:GLU:OE1	1:AB:84:GLU:HA	2.09	0.51
1:AB:209:TYR:CE2	1:AB:237:THR:HG22	2.45	0.51
1:AD:61:LEU:O	1:AD:65:ILE:HG13	2.10	0.51
1:AD:251:GLY:H	1:AD:333:ASN:H	1.59	0.51
1:AF:93:LYS:HE2	1:AS:60:ASN:HD21	1.74	0.51
1:AF:161:ILE:CG1	1:AF:445:MET:HE1	2.40	0.51
1:AG:126:ILE:HG23	1:AP:458:ASN:ND2	2.25	0.51
1:AG:445:MET:HA	1:AG:445:MET:CE	2.35	0.51
1:AI:186:ALA:HB3	1:AI:334:PHE:O	2.10	0.51
1:AI:201:LYS:HD3	2:AI:602:P8E:O1A	2.10	0.51
1:AJ:6:ASN:OD1	1:AP:491:LEU:HD21	2.10	0.51
1:AJ:46:SER:OG	1:AM:112:LEU:HD11	2.10	0.51
1:AJ:138:LEU:N	1:AJ:138:LEU:HD23	2.25	0.51
1:AJ:342:HIS:ND1	1:AJ:343:ALA:N	2.59	0.51
1:AJ:463:GLN:HA	1:AJ:466:VAL:HG22	1.92	0.51
1:AM:251:GLY:H	1:AM:332:GLY:CA	2.16	0.51
1:AM:262:LEU:HD12	1:AM:263:THR:N	2.26	0.51
1:AM:449:GLN:HE21	1:AU:42:ALA:HB2	1.75	0.51
1:AN:230:ILE:HG13	1:AN:231:ILE:N	2.24	0.51
1:AO:42:ALA:HB2	1:AQ:449:GLN:HE21	1.75	0.51
1:AP:502:ALA:O	1:AP:505:VAL:HG22	2.09	0.51
1:AQ:284:LEU:O	1:AQ:288:ILE:HG12	2.11	0.51
1:AQ:369:GLY:HA2	1:AQ:374:GLN:NE2	2.25	0.51
1:AR:302:ASP:OD2	1:AR:306:ARG:HB2	2.11	0.51

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AS:454:THR:HB	1:AT:122:GLU:OE2	2.10	0.51
1:AS:511:ARG:HH12	1:AS:512:LEU:CD1	2.20	0.51
1:AT:81:ALA:CB	1:AT:138:LEU:HD11	2.40	0.51
1:AT:209:TYR:CE2	1:AT:237:THR:HG22	2.45	0.51
1:AU:172:VAL:O	1:AU:380:THR:HA	2.11	0.51
1:AX:172:VAL:O	1:AX:380:THR:HA	2.10	0.51
1:AX:201:LYS:HA	1:AX:208:ASP:HB2	1.93	0.51
1:A1:383:LEU:HA	1:A1:430:MET:CE	2.39	0.51
1:A2:8:ASN:ND2	1:A2:11:ALA:HB2	2.25	0.51
1:A2:187:SER:HB3	1:A2:335:ALA:HB1	1.92	0.51
1:A4:8:ASN:ND2	1:A4:11:ALA:HB2	2.25	0.51
1:A5:120:LEU:HD11	1:A5:166:SER:HB2	1.92	0.51
1:A6:89:LEU:HA	1:A6:92:ILE:HD13	1.91	0.51
1:A7:144:ASN:HD21	1:AP:247:MET:HE1	1.75	0.51
1:A7:184:MET:O	1:A7:189:ALA:HB2	2.10	0.51
1:A8:201:LYS:HA	1:A8:208:ASP:HB2	1.93	0.51
1:A9:81:ALA:CB	1:A9:138:LEU:HD11	2.41	0.51
1:A9:179:PHE:CZ	1:A9:344:VAL:HG13	2.44	0.51
1:AA:44:ASP:C	1:AA:44:ASP:OD1	2.54	0.51
1:AB:88:ILE:O	1:AB:92:ILE:CD1	2.53	0.51
1:AC:251:GLY:H	1:AC:333:ASN:H	1.59	0.51
1:AC:366:SER:HB2	1:AC:374:GLN:OE1	2.11	0.51
1:AC:496:SER:OG	1:AX:512:LEU:HD13	2.11	0.51
1:AD:65:ILE:HG23	1:AD:456:ILE:HD12	1.93	0.51
1:AF:366:SER:HB2	1:AF:374:GLN:OE1	2.11	0.51
1:AH:34:SER:CA	1:AI:17:VAL:HG11	2.25	0.51
1:AH:88:ILE:HG22	1:AH:92:ILE:CD1	2.41	0.51
1:AH:187:SER:HB3	1:AH:335:ALA:HB1	1.93	0.51
1:AI:246:VAL:HG22	1:AI:346:GLY:HA3	1.92	0.51
1:AI:303:ILE:HA	1:AO:234:PHE:CZ	2.46	0.51
1:AM:54:LEU:HB3	1:AM:470:GLU:HB2	1.92	0.51
1:AN:410:ASN:HD21	1:AN:414:ILE:CG2	2.23	0.51
1:AO:4:ARG:HH12	1:AQ:472:GLN:HA	1.76	0.51
1:AO:15:HIS:O	1:AO:19:VAL:HG12	2.09	0.51
1:AP:15:HIS:O	1:AP:19:VAL:HG12	2.11	0.51
1:AP:175:GLU:HG2	1:AP:378:GLU:CG	2.30	0.51
1:AP:510:LEU:HD12	1:AT:490:ILE:HG22	1.93	0.51
1:AR:211:ILE:CD1	1:AR:238:LEU:HD11	2.40	0.51
1:AR:319:VAL:H	1:AR:342:HIS:HD2	1.58	0.51
1:AS:502:ALA:O	1:AS:505:VAL:HG22	2.10	0.51
1:AT:370:PHE:HA	1:AT:376:VAL:CG1	2.40	0.51

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AU:233:ARG:HD2	1:AU:234:PHE:CE1	2.46	0.51
1:AX:74:MET:HB3	1:AX:137:MET:CE	2.40	0.51
1:A3:218:THR:O	1:A3:315:ARG:HD3	2.11	0.51
1:A3:292:LYS:HD3	1:A3:298:GLU:CA	2.41	0.51
1:A5:463:GLN:HA	1:A5:466:VAL:HG22	1.91	0.51
1:A6:120:LEU:HD22	1:A6:387:ARG:HG3	1.92	0.51
1:A6:212:GLU:HA	1:A6:212:GLU:OE1	2.10	0.51
1:A8:110:ARG:HG3	1:AK:293:ASP:OD2	2.10	0.51
1:AA:258:THR:CG2	1:AA:273:ASN:HA	2.27	0.51
1:AB:186:ALA:HB3	1:AB:334:PHE:HB2	1.91	0.51
1:AD:8:ASN:ND2	1:AD:11:ALA:HB2	2.26	0.51
1:AI:122:GLU:HG3	1:AO:451:GLU:HG3	1.89	0.51
1:AK:211:ILE:HD11	1:AK:238:LEU:CD1	2.27	0.51
1:AK:370:PHE:HA	1:AK:376:VAL:CG1	2.40	0.51
1:AN:186:ALA:HB2	1:AN:334:PHE:HB2	1.91	0.51
1:AN:209:TYR:CE2	1:AN:237:THR:HG22	2.45	0.51
1:AN:259:VAL:HA	1:AN:324:ALA:CB	2.40	0.51
1:AQ:35:GLY:O	1:AQ:476:VAL:HG12	2.11	0.51
1:AQ:278:ASN:CG	1:AR:212:GLU:HG3	2.36	0.51
1:AQ:291:VAL:HG23	1:AQ:295:THR:HG21	1.91	0.51
1:AR:74:MET:HE1	1:AR:142:PHE:CZ	2.46	0.51
1:AW:163:SER:OG	1:AW:168:LYS:HD3	2.11	0.51
1:A1:163:SER:OG	1:A1:168:LYS:HD3	2.11	0.51
1:A3:145:LYS:HA	1:AS:102:ASP:OD2	2.11	0.51
1:A3:173:ARG:HD2	1:A3:357:ASP:HA	1.93	0.51
1:A3:189:ALA:HB3	1:A3:343:ALA:HB3	1.93	0.51
1:A4:211:ILE:HD11	1:A4:238:LEU:HD11	1.92	0.51
1:A4:263:THR:HG21	1:A4:268:GLU:HG3	1.92	0.51
1:A5:8:ASN:ND2	1:A5:11:ALA:HB2	2.26	0.51
1:A5:120:LEU:HD11	1:A5:383:LEU:HG	1.92	0.51
1:A5:211:ILE:HD11	1:A5:238:LEU:CD1	2.39	0.51
1:A6:184:MET:HE1	1:A6:345:ILE:CD1	2.41	0.51
1:A8:92:ILE:HG23	1:A8:116:ILE:CG1	2.34	0.51
1:AA:269:ILE:O	1:AN:356:ARG:HD2	2.10	0.51
1:AB:365:PHE:O	1:AB:368:VAL:HG12	2.10	0.51
1:AC:263:THR:HG22	1:AC:268:GLU:HG3	1.92	0.51
1:AD:224:ILE:CD1	1:AD:346:GLY:HA3	2.40	0.51
1:AD:258:THR:CG2	1:AD:273:ASN:HA	2.30	0.51
1:AD:352:ARG:HB2	1:AD:358:ILE:HD11	1.92	0.51
1:AE:61:LEU:O	1:AE:65:ILE:HG13	2.11	0.51
1:AG:201:LYS:HD3	2:AG:602:P8E:O1A	2.11	0.51

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AG:513:LEU:HD13	1:AW:479:ALA:HA	1.90	0.51
1:AH:92:ILE:HG23	1:AH:116:ILE:HG23	1.92	0.51
1:AI:179:PHE:CZ	1:AI:344:VAL:HG13	2.42	0.51
1:AI:510:LEU:CD1	1:AQ:490:ILE:HG23	2.37	0.51
1:AL:511:ARG:HH22	1:AL:512:LEU:HD13	1.75	0.51
1:AO:104:GLN:HB3	1:AO:108:SER:OG	2.11	0.51
1:AR:186:ALA:HB2	1:AR:334:PHE:HB2	1.91	0.51
1:AT:214:VAL:HG23	1:AT:230:ILE:HD13	1.92	0.51
1:AT:215:ARG:HB2	1:AT:215:ARG:NH1	2.25	0.51
1:AT:218:THR:O	1:AT:315:ARG:HD3	2.11	0.51
1:AT:410:ASN:HD21	1:AT:414:ILE:CG2	2.23	0.51
1:AT:511:ARG:HH12	1:AT:512:LEU:HD13	1.75	0.51
1:AU:102:ASP:OD2	1:AX:145:LYS:HA	2.11	0.51
1:AU:184:MET:HE1	1:AU:345:ILE:CD1	2.41	0.51
1:AV:61:LEU:O	1:AV:65:ILE:HG13	2.11	0.51
1:AW:395:ALA:HB2	1:AW:414:ILE:HG23	1.92	0.51
1:A1:303:ILE:HD12	1:AQ:234:PHE:CD2	2.46	0.51
1:A2:167:ASP:HA	1:A2:384:ARG:CB	2.34	0.51
1:A2:233:ARG:HG2	1:A2:234:PHE:CD2	2.45	0.51
1:A2:369:GLY:HA2	1:A2:374:GLN:NE2	2.25	0.51
1:A3:89:LEU:HD12	1:A3:438:LEU:HD12	1.93	0.51
1:A4:35:GLY:O	1:A4:476:VAL:HG12	2.11	0.51
1:A5:118:ARG:NH2	1:AD:448:VAL:HG22	2.26	0.51
1:A6:277:LYS:HB2	2:A6:609:P8E:O1B	2.10	0.51
1:A7:4:ARG:HG3	1:AP:475:ASP:HB3	1.92	0.51
1:A7:510:LEU:HD22	1:A7:514:GLN:NE2	2.13	0.51
1:A8:448:VAL:HG22	1:AS:118:ARG:NH2	2.25	0.51
1:A9:161:ILE:HD13	1:A9:445:MET:HE1	1.93	0.51
1:A9:212:GLU:OE2	1:AA:305:GLY:HA3	2.09	0.51
1:AB:61:LEU:O	1:AB:65:ILE:HG13	2.11	0.51
1:AB:365:PHE:HZ	1:AB:371:HIS:HD1	1.56	0.51
1:AC:118:ARG:NH2	1:AX:448:VAL:HG22	2.26	0.51
1:AC:184:MET:O	1:AC:189:ALA:HB2	2.11	0.51
1:AC:250:GLY:HA2	1:AC:333:ASN:H	1.76	0.51
1:AD:183:GLY:O	1:AD:188:ALA:HB3	2.11	0.51
1:AD:369:GLY:HA2	1:AD:374:GLN:NE2	2.25	0.51
1:AE:262:LEU:HD12	1:AE:263:THR:N	2.26	0.51
1:AF:291:VAL:HG23	1:AF:295:THR:HG23	1.89	0.51
1:AG:50:ILE:HD11	1:AM:133:ASN:HD21	1.75	0.51
1:AH:183:GLY:O	1:AH:188:ALA:HB3	2.11	0.51
1:AI:88:ILE:O	1:AI:92:ILE:CD1	2.54	0.51

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AI:422:LYS:O	1:AI:426:ILE:CD1	2.58	0.51
1:AI:462:THR:O	1:AI:466:VAL:HG13	2.10	0.51
1:AK:61:LEU:HB3	1:AK:463:GLN:HB2	1.92	0.51
1:AL:8:ASN:HB3	1:AL:11:ALA:HB3	1.93	0.51
1:AN:319:VAL:HG13	1:AN:342:HIS:CD2	2.46	0.51
1:AO:6:ASN:ND2	1:AQ:36:LEU:HD21	2.25	0.51
1:AO:179:PHE:HD1	1:AO:184:MET:CE	2.24	0.51
1:AQ:511:ARG:HH12	1:AQ:512:LEU:HD13	1.76	0.51
1:AR:192:ASN:HA	1:AR:367:HIS:CE1	2.46	0.51
1:AS:61:LEU:O	1:AS:65:ILE:HG13	2.10	0.51
1:AS:463:GLN:HA	1:AS:466:VAL:HG22	1.91	0.51
1:AT:74:MET:HE2	1:AT:132:PHE:CD1	2.46	0.51
1:AU:502:ALA:O	1:AU:505:VAL:HG22	2.11	0.51
1:AV:35:GLY:O	1:AV:476:VAL:HG12	2.09	0.51
1:AV:365:PHE:CD1	1:AV:365:PHE:C	2.89	0.51
1:AW:353:THR:HG23	1:AW:433:SER:CB	2.33	0.51
1:AW:486:SER:O	1:AW:490:ILE:HG12	2.10	0.51
1:A1:93:LYS:HE2	1:AI:60:ASN:HD21	1.76	0.51
1:A2:259:VAL:HG13	1:A2:324:ALA:CB	2.40	0.51
1:A2:449:GLN:HE21	1:AR:42:ALA:HB2	1.75	0.51
1:A4:104:GLN:HB3	1:A4:108:SER:OG	2.11	0.51
1:A4:118:ARG:NH2	1:AF:448:VAL:HG22	2.26	0.51
1:A4:201:LYS:HA	1:A4:208:ASP:HB2	1.93	0.51
1:A5:61:LEU:O	1:A5:65:ILE:HG13	2.10	0.51
1:A5:179:PHE:CZ	1:A5:344:VAL:HG13	2.45	0.51
1:A6:175:GLU:HG2	1:A6:378:GLU:CG	2.30	0.51
1:A6:490:ILE:CG2	1:AG:510:LEU:HD12	2.41	0.51
1:A7:348:LEU:HD21	1:A7:350:LEU:CD2	2.40	0.51
1:A9:105:THR:HG21	1:AK:133:ASN:O	2.11	0.51
1:AA:54:LEU:HB3	1:AA:470:GLU:HB2	1.91	0.51
1:AC:259:VAL:HG11	1:AC:262:LEU:HB2	1.93	0.51
1:AF:34:SER:HA	1:AN:17:VAL:CG1	2.39	0.51
1:AF:259:VAL:HA	1:AF:324:ALA:CB	2.41	0.51
1:AG:510:LEU:HD23	1:AG:510:LEU:N	2.25	0.51
1:AH:86:ILE:HD13	1:AH:439:ASP:OD1	2.10	0.51
1:AI:117:GLN:NE2	1:AI:387:ARG:HD2	2.25	0.51
1:AI:354:ASP:OD2	1:AI:356:ARG:HD3	2.11	0.51
1:AK:179:PHE:CZ	1:AK:344:VAL:HG13	2.43	0.51
1:AL:201:LYS:HA	1:AL:208:ASP:HB2	1.92	0.51
1:AL:455:THR:O	1:AL:459:ILE:HG12	2.11	0.51
1:AN:277:LYS:HB2	2:AN:609:P8E:O1B	2.11	0.51

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AN:490:ILE:CG2	1:AS:510:LEU:HD12	2.41	0.51
1:AO:203:VAL:HG11	1:AO:238:LEU:HD22	1.92	0.51
1:AT:319:VAL:HG12	1:AT:342:HIS:CD2	2.46	0.51
1:AT:426:ILE:HD12	1:AT:426:ILE:H	1.76	0.51
1:AU:189:ALA:C	1:AU:343:ALA:HB3	2.36	0.51
1:AX:92:ILE:HG23	1:AX:116:ILE:HG12	1.93	0.51
1:AX:244:TYR:C	1:AX:244:TYR:CD2	2.89	0.51
1:A2:122:GLU:OE1	1:AM:454:THR:HB	2.11	0.51
1:A3:259:VAL:HG11	1:A3:262:LEU:HB2	1.92	0.51
1:A4:167:ASP:HB3	1:A4:384:ARG:CZ	2.41	0.51
1:A4:281:ASP:HB2	1:AT:382:ASN:ND2	2.26	0.51
1:A5:61:LEU:HB3	1:A5:463:GLN:HB2	1.92	0.51
1:A6:29:LEU:HD11	1:A6:485:PHE:CE1	2.46	0.51
1:A6:34:SER:CA	1:AT:17:VAL:HG11	2.26	0.51
1:A6:167:ASP:CA	1:A6:384:ARG:HB2	2.39	0.51
1:A6:448:VAL:HG22	1:AW:118:ARG:NH2	2.26	0.51
1:A7:120:LEU:HD22	1:A7:387:ARG:HD3	1.92	0.51
1:A9:214:VAL:HG11	1:A9:227:LEU:HB2	1.92	0.51
1:A9:462:THR:O	1:A9:466:VAL:HG13	2.10	0.51
1:AB:462:THR:O	1:AB:466:VAL:HG13	2.10	0.51
1:AC:251:GLY:H	1:AC:332:GLY:CA	2.16	0.51
1:AE:486:SER:O	1:AE:490:ILE:HG13	2.11	0.51
1:AE:513:LEU:HD11	1:AK:479:ALA:HA	1.92	0.51
1:AI:201:LYS:HB2	1:AI:359:ILE:CG1	2.40	0.51
1:AI:370:PHE:HA	1:AI:376:VAL:CG1	2.40	0.51
1:AJ:260:ARG:HA	1:AJ:271:THR:OG1	2.10	0.51
1:AK:81:ALA:CB	1:AK:138:LEU:HD11	2.40	0.51
1:AL:179:PHE:HD1	1:AL:184:MET:CE	2.21	0.51
1:AM:283:ARG:HA	1:AM:286:ASN:OD1	2.10	0.51
1:AS:201:LYS:HA	1:AS:208:ASP:HB2	1.93	0.51
1:AU:244:TYR:C	1:AU:244:TYR:CD2	2.89	0.51
1:AU:259:VAL:O	1:AU:271:THR:HG23	2.10	0.51
1:A2:61:LEU:O	1:A2:65:ILE:HG13	2.11	0.50
1:A3:138:LEU:N	1:A3:138:LEU:HD23	2.25	0.50
1:A5:153:SER:HB3	1:AH:429:ASP:OD1	2.10	0.50
1:A5:184:MET:O	1:A5:189:ALA:HB2	2.10	0.50
1:A6:82:MET:HE1	1:A6:441:ILE:CG2	2.40	0.50
1:A8:61:LEU:HB3	1:A8:463:GLN:HB2	1.93	0.50
1:A8:184:MET:O	1:A8:189:ALA:HB2	2.11	0.50
1:AA:117:GLN:OE1	1:AA:387:ARG:HG2	2.11	0.50
1:AA:201:LYS:HA	1:AA:208:ASP:HB2	1.93	0.50

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AA:452:LEU:O	1:AA:456:ILE:HG12	2.11	0.50
1:AC:125:ASN:O	1:AC:129:THR:HG23	2.11	0.50
1:AF:233:ARG:HD2	1:AF:234:PHE:CE2	2.46	0.50
1:AF:303:ILE:HD12	1:AN:234:PHE:CE1	2.46	0.50
1:AG:116:ILE:HD13	1:AG:418:VAL:HG21	1.91	0.50
1:AH:203:VAL:HG21	1:AH:209:TYR:CD1	2.46	0.50
1:AH:224:ILE:HD13	1:AH:345:ILE:O	2.10	0.50
1:AI:186:ALA:HB2	1:AI:334:PHE:HB2	1.93	0.50
1:AI:319:VAL:H	1:AI:342:HIS:HD2	1.59	0.50
1:AK:201:LYS:HB2	1:AK:359:ILE:CG1	2.41	0.50
1:AK:259:VAL:HA	1:AK:324:ALA:CB	2.41	0.50
1:AN:218:THR:O	1:AN:315:ARG:HD3	2.11	0.50
1:AP:249:THR:CG2	1:AP:405:ALA:HB3	2.41	0.50
1:AQ:259:VAL:HA	1:AQ:324:ALA:CB	2.40	0.50
1:AS:454:THR:HB	1:AT:122:GLU:OE1	2.11	0.50
1:AT:117:GLN:C	1:AT:117:GLN:OE1	2.53	0.50
1:AT:201:LYS:HA	1:AT:208:ASP:CB	2.41	0.50
1:AV:201:LYS:HB2	1:AV:359:ILE:HG13	1.92	0.50
1:A1:262:LEU:HD12	1:A1:263:THR:N	2.26	0.50
1:A1:395:ALA:HB2	1:A1:414:ILE:HG23	1.93	0.50
1:A5:122:GLU:CG	1:AD:451:GLU:HG3	2.33	0.50
1:A6:122:GLU:OE1	1:AT:454:THR:HB	2.12	0.50
1:A6:337:ILE:HG22	1:A6:342:HIS:ND1	2.26	0.50
1:A7:201:LYS:HB2	1:A7:359:ILE:HG13	1.93	0.50
1:A8:303:ILE:HG13	1:AE:234:PHE:CD2	2.46	0.50
1:A9:99:ALA:CB	1:A9:112:LEU:HD22	2.24	0.50
1:AB:201:LYS:HA	1:AB:208:ASP:HB2	1.94	0.50
1:AE:418:VAL:HG22	1:AE:427:VAL:HG21	1.93	0.50
1:AE:509:VAL:HG13	1:AE:510:LEU:N	2.26	0.50
1:AF:129:THR:CG2	1:AN:155:THR:HG23	2.41	0.50
1:AG:166:SER:O	1:AG:383:LEU:HB3	2.11	0.50
1:AG:192:ASN:HA	1:AG:367:HIS:CE1	2.46	0.50
1:AG:209:TYR:CE2	1:AG:237:THR:HG22	2.46	0.50
1:AH:149:ILE:HD12	1:AH:455:THR:HG21	1.93	0.50
1:AH:410:ASN:HD21	1:AH:414:ILE:CG2	2.24	0.50
1:AI:485:PHE:CE2	1:AO:501:GLN:HG3	2.46	0.50
1:AJ:352:ARG:HD2	1:AJ:356:ARG:O	2.11	0.50
1:AL:60:ASN:HD21	1:AT:93:LYS:HE2	1.77	0.50
1:AL:179:PHE:CZ	1:AL:344:VAL:HG13	2.46	0.50
1:AL:184:MET:O	1:AL:189:ALA:HB2	2.12	0.50
1:AM:92:ILE:HD12	1:AM:92:ILE:H	1.76	0.50

*Continued on next page...*



*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AN:173:ARG:HD2	1:AN:357:ASP:HA	1.93	0.50
1:AN:370:PHE:HA	1:AN:376:VAL:CG1	2.40	0.50
1:AQ:118:ARG:HG3	1:AR:447:SER:OG	2.11	0.50
1:AR:277:LYS:HB2	2:AR:609:P8E:O1B	2.12	0.50
1:AU:291:VAL:HG23	1:AU:295:THR:HG23	1.92	0.50
1:AU:478:PHE:HE2	1:AX:5:ILE:HG21	1.76	0.50
1:AV:149:ILE:HD12	1:AV:455:THR:HG21	1.93	0.50
1:AW:15:HIS:HA	1:AW:499:MET:HE3	1.93	0.50
1:A2:386:VAL:HG22	1:A2:427:VAL:HG22	1.93	0.50
1:A3:89:LEU:CA	1:A3:92:ILE:HD12	2.42	0.50
1:A4:249:THR:CG2	1:A4:405:ALA:HB3	2.40	0.50
1:A6:100:ALA:HB2	1:A6:424:ALA:HB1	1.94	0.50
1:A7:231:ILE:HG21	1:A7:242:ALA:HB2	1.93	0.50
1:A9:458:ASN:HB2	1:AA:84:GLU:HG2	1.94	0.50
1:AB:65:ILE:HG23	1:AB:456:ILE:HD12	1.92	0.50
1:AB:89:LEU:HA	1:AB:92:ILE:HD12	1.93	0.50
1:AD:61:LEU:HB3	1:AD:463:GLN:HB2	1.93	0.50
1:AE:259:VAL:HA	1:AE:324:ALA:HB2	1.93	0.50
1:AF:262:LEU:HD12	1:AF:263:THR:N	2.27	0.50
1:AG:271:THR:O	1:AJ:357:ASP:HB2	2.11	0.50
1:AG:395:ALA:CB	1:AG:414:ILE:HG23	2.42	0.50
1:AH:201:LYS:HB2	1:AH:359:ILE:HG13	1.91	0.50
1:AI:5:ILE:HG12	1:AQ:490:ILE:CG2	2.42	0.50
1:AI:363:VAL:HG22	1:AI:364:ASN:OD1	2.11	0.50
1:AI:509:VAL:HG13	1:AI:510:LEU:CD2	2.31	0.50
1:AJ:8:ASN:ND2	1:AJ:11:ALA:HB2	2.27	0.50
1:AJ:501:GLN:HG3	1:AU:485:PHE:CE2	2.46	0.50
1:AK:218:THR:O	1:AK:315:ARG:HD3	2.11	0.50
1:AL:389:ILE:HD11	1:AS:294:ARG:HH21	1.75	0.50
1:AM:78:ALA:O	1:AM:82:MET:HE2	2.11	0.50
1:AP:173:ARG:HD2	1:AP:357:ASP:HA	1.94	0.50
1:AQ:117:GLN:C	1:AQ:117:GLN:OE1	2.54	0.50
1:AQ:363:VAL:HG22	1:AQ:364:ASN:OD1	2.11	0.50
1:AR:8:ASN:ND2	1:AR:11:ALA:HB2	2.27	0.50
1:AR:118:ARG:NH2	1:AU:448:VAL:HG22	2.27	0.50
1:AR:259:VAL:HG13	1:AR:324:ALA:CB	2.40	0.50
1:AV:175:GLU:HG2	1:AV:378:GLU:CG	2.33	0.50
1:AW:15:HIS:HA	1:AW:499:MET:CE	2.40	0.50
1:AW:99:ALA:CB	1:AW:112:LEU:HD22	2.22	0.50
1:A1:186:ALA:HB2	1:A1:334:PHE:HB2	1.93	0.50
1:A1:448:VAL:HG22	1:AB:118:ARG:NH2	2.27	0.50

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A3:278:ASN:OD1	1:A3:305:GLY:HA3	2.12	0.50
1:A4:5:ILE:HG12	1:A4:510:LEU:HD11	1.92	0.50
1:A5:83:ASP:C	1:A5:83:ASP:OD1	2.54	0.50
1:A7:224:ILE:HD11	1:A7:346:GLY:HA3	1.94	0.50
1:A7:486:SER:O	1:A7:490:ILE:HG13	2.11	0.50
1:A7:513:LEU:CD1	1:AP:479:ALA:HA	2.41	0.50
1:A8:284:LEU:O	1:A8:288:ILE:HG12	2.11	0.50
1:A8:463:GLN:HA	1:A8:466:VAL:HG22	1.92	0.50
1:A8:510:LEU:HD12	1:AK:490:ILE:CG2	2.41	0.50
1:AA:291:VAL:HG23	1:AA:295:THR:HG23	1.92	0.50
1:AB:174:MET:HE1	1:AB:398:ALA:HB2	1.92	0.50
1:AC:149:ILE:HD11	1:AC:157:VAL:CG2	2.40	0.50
1:AC:175:GLU:HA	1:AC:377:ALA:O	2.11	0.50
1:AC:510:LEU:HD12	1:AU:490:ILE:CG2	2.41	0.50
1:AD:38:ILE:HD11	1:AD:44:ASP:HB3	1.93	0.50
1:AF:179:PHE:CZ	1:AF:344:VAL:HG13	2.43	0.50
1:AF:186:ALA:HB2	1:AF:334:PHE:HB2	1.92	0.50
1:AF:263:THR:HG22	1:AF:268:GLU:HG3	1.93	0.50
1:AF:386:VAL:HG22	1:AF:427:VAL:HG22	1.94	0.50
1:AI:203:VAL:HG11	1:AI:238:LEU:HD22	1.92	0.50
1:AJ:104:GLN:HB3	1:AJ:108:SER:OG	2.11	0.50
1:AK:284:LEU:O	1:AK:288:ILE:HG12	2.12	0.50
1:AL:201:LYS:HB2	1:AL:359:ILE:CG1	2.41	0.50
1:AL:366:SER:HB2	1:AL:374:GLN:OE1	2.12	0.50
1:AL:513:LEU:HD13	1:AT:479:ALA:HA	1.94	0.50
1:AM:76:GLN:O	1:AM:80:LYS:HG2	2.10	0.50
1:AN:183:GLY:O	1:AN:188:ALA:HB3	2.11	0.50
1:AN:284:LEU:O	1:AN:288:ILE:HG12	2.12	0.50
1:AO:74:MET:HE1	1:AO:142:PHE:CE2	2.47	0.50
1:AO:511:ARG:HH12	1:AO:512:LEU:HD13	1.77	0.50
1:AP:386:VAL:HG22	1:AP:427:VAL:HG22	1.93	0.50
1:AP:422:LYS:HA	1:AP:422:LYS:HE3	1.94	0.50
1:AQ:167:ASP:CA	1:AQ:384:ARG:HB2	2.40	0.50
1:AQ:283:ARG:HG3	1:AQ:284:LEU:N	2.27	0.50
1:AT:167:ASP:HA	1:AT:384:ARG:CB	2.40	0.50
1:AW:328:VAL:HG12	1:AW:329:PHE:HD1	1.75	0.50
1:A1:138:LEU:HD12	1:A1:138:LEU:N	2.26	0.50
1:A4:8:ASN:HB3	1:A4:11:ALA:HB3	1.93	0.50
1:A5:122:GLU:OE1	1:AD:454:THR:HB	2.11	0.50
1:A6:211:ILE:HD11	1:A6:238:LEU:HD11	1.93	0.50
1:A7:116:ILE:CD1	1:A7:418:VAL:HG21	2.40	0.50

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A9:102:ASP:OD2	1:AK:145:LYS:HA	2.12	0.50
1:A9:234:PHE:HB3	1:A9:238:LEU:HD13	1.93	0.50
1:A9:247:MET:HE1	1:AK:144:ASN:HD21	1.77	0.50
1:AA:325:SER:CB	1:AA:330:GLY:HA3	2.41	0.50
1:AB:325:SER:CB	1:AB:330:GLY:HA3	2.42	0.50
1:AC:57:GLN:O	1:AC:61:LEU:HG	2.12	0.50
1:AC:120:LEU:HD23	1:AC:124:ASP:OD2	2.11	0.50
1:AC:155:THR:HG23	1:AO:129:THR:CG2	2.42	0.50
1:AE:218:THR:O	1:AE:315:ARG:HD3	2.12	0.50
1:AF:93:LYS:HG2	1:AS:60:ASN:ND2	2.26	0.50
1:AF:277:LYS:HB2	2:AF:609:P8E:O1B	2.11	0.50
1:AG:363:VAL:HG22	1:AG:364:ASN:OD1	2.12	0.50
1:AH:251:GLY:H	1:AH:332:GLY:CA	2.15	0.50
1:AH:277:LYS:HB2	2:AH:609:P8E:O1B	2.11	0.50
1:AH:384:ARG:HD2	1:AH:387:ARG:NH2	2.27	0.50
1:AJ:175:GLU:HG2	1:AJ:378:GLU:CG	2.32	0.50
1:AK:186:ALA:HB2	1:AK:334:PHE:HB2	1.91	0.50
1:AN:167:ASP:HB3	1:AN:384:ARG:CZ	2.41	0.50
1:AO:183:GLY:O	1:AO:188:ALA:HB3	2.11	0.50
1:AO:463:GLN:HA	1:AO:466:VAL:HG22	1.92	0.50
1:AP:74:MET:HE1	1:AP:142:PHE:CZ	2.46	0.50
1:AQ:166:SER:O	1:AQ:383:LEU:HB3	2.12	0.50
1:AQ:179:PHE:HD1	1:AQ:184:MET:HE2	1.76	0.50
1:AR:88:ILE:O	1:AR:92:ILE:CD1	2.53	0.50
1:AR:201:LYS:HB2	1:AR:359:ILE:CG1	2.41	0.50
1:AR:203:VAL:HG21	1:AR:209:TYR:HD1	1.74	0.50
1:AS:17:VAL:HG11	1:AT:34:SER:CA	2.30	0.50
1:AS:363:VAL:HG22	1:AS:364:ASN:OD1	2.12	0.50
1:AT:167:ASP:CA	1:AT:384:ARG:HB2	2.41	0.50
1:AT:363:VAL:HG22	1:AT:364:ASN:OD1	2.11	0.50
1:AU:61:LEU:HB3	1:AU:463:GLN:HB2	1.92	0.50
1:AU:463:GLN:HA	1:AU:466:VAL:HG22	1.93	0.50
1:AV:291:VAL:HG23	1:AV:295:THR:HG23	1.92	0.50
1:AV:448:VAL:O	1:AV:452:LEU:HG	2.11	0.50
1:AW:104:GLN:HB3	1:AW:108:SER:OG	2.12	0.50
1:AW:201:LYS:HB2	1:AW:359:ILE:CG1	2.41	0.50
1:AX:8:ASN:ND2	1:AX:11:ALA:HB2	2.27	0.50
1:AX:201:LYS:HD3	2:AX:602:P8E:O1A	2.11	0.50
1:A1:447:SER:OG	1:AB:118:ARG:HG3	2.11	0.50
1:A3:149:ILE:HD12	1:A3:455:THR:HG21	1.93	0.50
1:A3:328:VAL:HG12	1:A3:329:PHE:HD1	1.75	0.50

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A5:171:HIS:CE1	1:AH:286:ASN:HD22	2.29	0.50
1:A5:175:GLU:HG2	1:A5:378:GLU:CG	2.30	0.50
1:A6:421:LEU:HD12	1:A6:421:LEU:O	2.11	0.50
1:A8:174:MET:HE3	1:A8:398:ALA:HA	1.92	0.50
1:A9:88:ILE:CD1	1:AH:454:THR:HG21	2.31	0.50
1:AA:475:ASP:HB2	1:AN:4:ARG:HG2	1.93	0.50
1:AB:422:LYS:O	1:AB:426:ILE:CD1	2.57	0.50
1:AB:426:ILE:O	1:AB:430:MET:HG3	2.12	0.50
1:AC:213:THR:HG23	1:AO:278:ASN:HD21	1.77	0.50
1:AE:8:ASN:ND2	1:AE:11:ALA:HB2	2.27	0.50
1:AE:175:GLU:HG2	1:AE:378:GLU:CG	2.31	0.50
1:AE:184:MET:HE1	1:AE:345:ILE:CD1	2.41	0.50
1:AE:300:SER:O	1:AE:301:LEU:HD23	2.12	0.50
1:AF:161:ILE:CD1	1:AF:445:MET:HE1	2.41	0.50
1:AG:353:THR:HG23	1:AG:433:SER:CB	2.35	0.50
1:AH:54:LEU:HB3	1:AH:470:GLU:HB2	1.92	0.50
1:AH:214:VAL:HG11	1:AH:227:LEU:HB2	1.92	0.50
1:AI:508:ASN:CA	1:AI:511:ARG:HG2	2.33	0.50
1:AJ:511:ARG:NH1	1:AJ:512:LEU:HD12	2.20	0.50
1:AL:60:ASN:HD21	1:AT:93:LYS:CE	2.25	0.50
1:AL:146:GLU:CD	1:AT:421:LEU:HD21	2.36	0.50
1:AM:440:LYS:HB2	1:AM:440:LYS:HZ3	1.74	0.50
1:AN:163:SER:OG	1:AN:168:LYS:HD3	2.11	0.50
1:AN:211:ILE:CD1	1:AN:238:LEU:HD21	2.40	0.50
1:AN:353:THR:HG23	1:AN:433:SER:CB	2.36	0.50
1:AN:369:GLY:HA2	1:AN:374:GLN:NE2	2.27	0.50
1:AO:173:ARG:HD2	1:AO:357:ASP:HA	1.93	0.50
1:AP:369:GLY:HA2	1:AP:374:GLN:NE2	2.27	0.50
1:AR:179:PHE:CZ	1:AR:344:VAL:HG13	2.45	0.50
1:AR:231:ILE:HG21	1:AR:242:ALA:HB2	1.92	0.50
1:AT:291:VAL:HG23	1:AT:295:THR:HG21	1.92	0.50
1:AU:319:VAL:HG13	1:AU:342:HIS:CD2	2.47	0.50
1:AV:88:ILE:O	1:AV:92:ILE:CD1	2.55	0.50
1:AX:225:GLY:HA2	1:AX:244:TYR:CD1	2.46	0.50
1:A1:88:ILE:O	1:A1:92:ILE:CD1	2.55	0.50
1:A1:462:THR:HG23	1:AB:77:THR:HG23	1.93	0.50
1:A2:328:VAL:HG12	1:A2:329:PHE:HD1	1.76	0.50
1:A3:281:ASP:OD2	1:A3:283:ARG:HB3	2.11	0.50
1:A5:184:MET:SD	1:A5:345:ILE:HD11	2.52	0.50
1:A6:458:ASN:ND2	1:AW:126:ILE:HG23	2.27	0.50
1:A8:50:ILE:HD11	1:AS:133:ASN:HD21	1.76	0.50

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A9:88:ILE:O	1:A9:92:ILE:CD1	2.54	0.50
1:AA:259:VAL:HA	1:AA:324:ALA:CB	2.42	0.50
1:AA:366:SER:HB2	1:AA:374:GLN:OE1	2.12	0.50
1:AA:502:ALA:O	1:AA:505:VAL:HG12	2.12	0.50
1:AC:117:GLN:NE2	1:AC:387:ARG:HD2	2.26	0.50
1:AC:172:VAL:O	1:AC:380:THR:HA	2.12	0.50
1:AF:118:ARG:NH2	1:AN:448:VAL:HG22	2.27	0.50
1:AF:161:ILE:CG2	1:AF:445:MET:HE1	2.41	0.50
1:AG:167:ASP:CA	1:AG:384:ARG:HB2	2.41	0.50
1:AH:470:GLU:HA	1:AH:473:ILE:CG2	2.41	0.50
1:AH:490:ILE:HD11	1:AK:507:GLN:HB2	1.94	0.50
1:AH:511:ARG:HH12	1:AH:512:LEU:HD13	1.77	0.50
1:AI:173:ARG:HD2	1:AI:357:ASP:HA	1.94	0.50
1:AI:369:GLY:HA2	1:AI:374:GLN:NE2	2.27	0.50
1:AM:82:MET:HE1	1:AM:445:MET:HE2	1.94	0.50
1:AM:281:ASP:HB2	1:AU:382:ASN:ND2	2.26	0.50
1:AM:363:VAL:HG22	1:AM:364:ASN:OD1	2.12	0.50
1:AM:370:PHE:HA	1:AM:376:VAL:CG1	2.42	0.50
1:AN:212:GLU:OE2	1:AN:212:GLU:N	2.45	0.50
1:AP:187:SER:HB3	1:AP:335:ALA:HB1	1.92	0.50
1:AS:211:ILE:CD1	1:AS:234:PHE:HD2	2.24	0.50
1:AS:386:VAL:HG22	1:AS:427:VAL:HG22	1.93	0.50
1:AU:65:ILE:CG1	1:AU:459:ILE:HD11	2.42	0.50
1:AW:262:LEU:HD12	1:AW:263:THR:N	2.26	0.50
1:AX:167:ASP:HB3	1:AX:384:ARG:CZ	2.42	0.50
1:AX:258:THR:CG2	1:AX:273:ASN:HA	2.34	0.50
1:A1:458:ASN:ND2	1:AB:126:ILE:HG23	2.27	0.50
1:A2:234:PHE:O	1:A2:238:LEU:HD12	2.12	0.50
1:A3:410:ASN:HD21	1:A3:414:ILE:CG2	2.25	0.50
1:A4:259:VAL:HA	1:A4:324:ALA:CB	2.41	0.50
1:A4:502:ALA:O	1:A4:505:VAL:HG12	2.12	0.50
1:A5:447:SER:OG	1:AK:118:ARG:HG3	2.12	0.50
1:AB:360:VAL:HG23	1:AB:365:PHE:HD1	1.75	0.50
1:AD:225:GLY:HA2	1:AD:244:TYR:CD1	2.47	0.50
1:AF:8:ASN:ND2	1:AF:11:ALA:HB2	2.27	0.50
1:AG:120:LEU:HD21	1:AG:383:LEU:CG	2.31	0.50
1:AG:370:PHE:HA	1:AG:376:VAL:CG1	2.41	0.50
1:AH:133:ASN:HD21	1:AI:50:ILE:HD11	1.77	0.50
1:AH:462:THR:O	1:AH:466:VAL:HG13	2.11	0.50
1:AJ:157:VAL:HG22	1:AJ:451:GLU:OE2	2.12	0.50
1:AJ:233:ARG:HG2	1:AJ:234:PHE:HD1	1.77	0.50

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AK:212:GLU:OE2	1:AK:212:GLU:N	2.45	0.50
1:AN:88:ILE:O	1:AN:92:ILE:CD1	2.53	0.50
1:AN:174:MET:HE1	1:AN:398:ALA:CB	2.42	0.50
1:AN:325:SER:CB	1:AN:330:GLY:HA3	2.42	0.50
1:AR:410:ASN:HD21	1:AR:414:ILE:CG2	2.24	0.50
1:AU:342:HIS:ND1	1:AU:343:ALA:N	2.59	0.50
1:AW:369:GLY:HA2	1:AW:374:GLN:NE2	2.25	0.50
1:AX:184:MET:O	1:AX:189:ALA:HB2	2.11	0.50
1:A1:211:ILE:CD1	1:A1:234:PHE:HD2	2.24	0.50
1:A2:201:LYS:HA	1:A2:208:ASP:HB2	1.94	0.50
1:A3:8:ASN:ND2	1:A3:11:ALA:HB2	2.26	0.50
1:A3:229:GLU:O	1:A3:233:ARG:HG3	2.11	0.50
1:A5:244:TYR:C	1:A5:244:TYR:CD2	2.90	0.50
1:A6:54:LEU:HB3	1:A6:470:GLU:HB2	1.94	0.50
1:A6:480:GLU:O	1:A6:480:GLU:HG2	2.12	0.50
1:A7:146:GLU:OE1	1:A7:156:THR:HG21	2.12	0.50
1:A8:363:VAL:HG22	1:A8:364:ASN:OD1	2.12	0.50
1:A9:35:GLY:O	1:A9:476:VAL:HG12	2.12	0.50
1:AA:81:ALA:CB	1:AA:138:LEU:HD11	2.41	0.50
1:AB:175:GLU:HG2	1:AB:378:GLU:CG	2.31	0.50
1:AB:186:ALA:HB2	1:AB:334:PHE:HB2	1.93	0.50
1:AC:173:ARG:HD2	1:AC:357:ASP:HA	1.94	0.50
1:AC:211:ILE:HD11	1:AC:238:LEU:HD21	1.93	0.50
1:AC:369:GLY:HA2	1:AC:374:GLN:NE2	2.26	0.50
1:AC:510:LEU:N	1:AC:510:LEU:HD23	2.27	0.50
1:AD:120:LEU:HD23	1:AD:124:ASP:OD2	2.12	0.50
1:AE:56:SER:O	1:AE:60:ASN:OD1	2.30	0.50
1:AE:146:GLU:CD	1:AK:421:LEU:HD21	2.37	0.50
1:AE:352:ARG:HD2	1:AE:356:ARG:O	2.12	0.50
1:AE:410:ASN:HD21	1:AE:414:ILE:CG2	2.25	0.50
1:AE:463:GLN:HA	1:AE:466:VAL:HG22	1.92	0.50
1:AF:38:ILE:HD11	1:AF:44:ASP:HB3	1.93	0.50
1:AF:65:ILE:CG1	1:AF:459:ILE:HD11	2.42	0.50
1:AG:61:LEU:O	1:AG:65:ILE:HG13	2.12	0.50
1:AG:410:ASN:HD21	1:AG:414:ILE:CG2	2.25	0.50
1:AH:224:ILE:HD11	1:AH:246:VAL:HG22	1.94	0.50
1:AK:262:LEU:HD12	1:AK:263:THR:N	2.26	0.50
1:AK:353:THR:HG23	1:AK:433:SER:CB	2.35	0.50
1:AL:140:GLY:HA3	1:AL:163:SER:HB2	1.93	0.50
1:AN:120:LEU:HD13	1:AN:387:ARG:CG	2.42	0.50
1:AN:342:HIS:ND1	1:AN:343:ALA:N	2.59	0.50

*Continued on next page...*



*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AO:117:GLN:HE22	1:AO:387:ARG:HD2	1.77	0.50
1:AO:251:GLY:H	1:AO:333:ASN:H	1.60	0.50
1:AO:263:THR:HG21	1:AO:268:GLU:HG3	1.94	0.50
1:AO:395:ALA:CB	1:AO:414:ILE:HG23	2.42	0.50
1:AP:99:ALA:HB2	1:AP:112:LEU:HD22	1.93	0.50
1:AQ:4:ARG:HH11	1:AV:472:GLN:HA	1.75	0.50
1:AR:112:LEU:CD1	1:AX:46:SER:HB2	2.41	0.50
1:AR:363:VAL:HG22	1:AR:364:ASN:OD1	2.11	0.50
1:AS:61:LEU:HB3	1:AS:463:GLN:HB2	1.92	0.50
1:AS:511:ARG:HG3	1:AS:512:LEU:N	2.26	0.50
1:AU:167:ASP:HA	1:AU:384:ARG:CB	2.42	0.50
1:AU:246:VAL:HG22	1:AU:346:GLY:HA3	1.92	0.50
1:AV:502:ALA:O	1:AV:505:VAL:HG12	2.11	0.50
1:AW:186:ALA:HB2	1:AW:334:PHE:HB2	1.93	0.50
1:AX:337:ILE:HG22	1:AX:342:HIS:HB2	1.94	0.50
1:A2:122:GLU:CD	1:AM:454:THR:HB	2.37	0.49
1:A2:161:ILE:HG23	1:A2:445:MET:HE1	1.94	0.49
1:A3:15:HIS:O	1:A3:19:VAL:HG12	2.12	0.49
1:A3:189:ALA:O	1:A3:192:ASN:HB2	2.11	0.49
1:A4:65:ILE:CG1	1:A4:459:ILE:HD11	2.42	0.49
1:A5:38:ILE:HG21	1:A5:48:MET:HB2	1.94	0.49
1:A5:184:MET:HE1	1:A5:345:ILE:HG12	1.94	0.49
1:A5:218:THR:O	1:A5:315:ARG:HD3	2.12	0.49
1:A5:303:ILE:HA	1:AD:234:PHE:CZ	2.47	0.49
1:A7:207:ASN:OD1	1:A7:207:ASN:C	2.54	0.49
1:A8:264:ILE:HG12	1:A8:319:VAL:CG2	2.42	0.49
1:A9:201:LYS:HB2	1:A9:359:ILE:HG13	1.92	0.49
1:A9:325:SER:CB	1:A9:330:GLY:HA3	2.42	0.49
1:AB:429:ASP:OD1	1:AH:153:SER:HB3	2.12	0.49
1:AD:212:GLU:OE1	1:AD:212:GLU:HA	2.11	0.49
1:AF:24:ASP:HB3	1:AF:488:TYR:CE2	2.47	0.49
1:AF:54:LEU:HB3	1:AF:470:GLU:HB2	1.94	0.49
1:AF:325:SER:CB	1:AF:330:GLY:HA3	2.42	0.49
1:AG:251:GLY:H	1:AG:332:GLY:CA	2.14	0.49
1:AH:189:ALA:O	1:AH:192:ASN:HB2	2.11	0.49
1:AH:203:VAL:HG21	1:AH:209:TYR:HD1	1.77	0.49
1:AI:231:ILE:HG21	1:AI:242:ALA:HB2	1.93	0.49
1:AK:183:GLY:O	1:AK:188:ALA:HB3	2.12	0.49
1:AL:167:ASP:HB3	1:AL:384:ARG:CZ	2.42	0.49
1:AL:175:GLU:HG2	1:AL:378:GLU:CG	2.30	0.49
1:AL:447:SER:OG	1:AP:118:ARG:HG3	2.12	0.49

*Continued on next page...*



*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AN:54:LEU:HB3	1:AN:470:GLU:HB2	1.93	0.49
1:AN:291:VAL:HG23	1:AN:295:THR:HG23	1.93	0.49
1:AO:120:LEU:HD11	1:AO:166:SER:CB	2.35	0.49
1:AP:201:LYS:HD3	2:AP:602:P8E:O1A	2.12	0.49
1:AQ:129:THR:HG21	1:AR:155:THR:HG23	1.94	0.49
1:AR:33:SER:HB2	1:AU:17:VAL:CG2	2.38	0.49
1:AR:293:ASP:OD2	1:AR:293:ASP:C	2.55	0.49
1:AS:174:MET:HE1	1:AS:398:ALA:HB2	1.93	0.49
1:AS:249:THR:CG2	1:AS:405:ALA:HB3	2.42	0.49
1:AS:454:THR:HB	1:AT:122:GLU:CD	2.37	0.49
1:AT:201:LYS:HD3	2:AT:602:P8E:O1A	2.11	0.49
1:AU:352:ARG:HD2	1:AU:356:ARG:O	2.11	0.49
1:AV:325:SER:CB	1:AV:330:GLY:HA3	2.42	0.49
1:AW:179:PHE:CZ	1:AW:344:VAL:HG13	2.45	0.49
1:AX:88:ILE:O	1:AX:92:ILE:CD1	2.54	0.49
1:AX:410:ASN:HD21	1:AX:414:ILE:CG2	2.25	0.49
1:A1:263:THR:HG22	1:A1:268:GLU:HG3	1.93	0.49
1:A1:421:LEU:O	1:A1:421:LEU:HD12	2.12	0.49
1:A2:200:PHE:CE1	1:A2:211:ILE:HD12	2.47	0.49
1:A2:212:GLU:OE2	1:AV:305:GLY:HA3	2.12	0.49
1:A4:102:ASP:OD2	1:AT:145:LYS:HA	2.12	0.49
1:A4:179:PHE:CZ	1:A4:344:VAL:HG13	2.47	0.49
1:A5:74:MET:HE3	1:A5:137:MET:SD	2.52	0.49
1:A5:184:MET:HE1	1:A5:345:ILE:HD11	1.94	0.49
1:A5:227:LEU:O	1:A5:231:ILE:HG13	2.12	0.49
1:A6:214:VAL:HG11	1:A6:227:LEU:HB2	1.92	0.49
1:A6:449:GLN:HE21	1:AP:42:ALA:HB2	1.76	0.49
1:A7:155:THR:HG23	1:AJ:129:THR:HG21	1.93	0.49
1:A7:234:PHE:N	1:A7:234:PHE:CD1	2.80	0.49
1:A8:17:VAL:CG2	1:AS:33:SER:HB2	2.37	0.49
1:A8:445:MET:HA	1:A8:445:MET:CE	2.34	0.49
1:A9:448:VAL:HG22	1:AA:118:ARG:NH2	2.26	0.49
1:AC:17:VAL:CG2	1:AO:33:SER:HB2	2.39	0.49
1:AC:179:PHE:HD1	1:AC:184:MET:CE	2.25	0.49
1:AC:511:ARG:HG3	1:AC:512:LEU:N	2.25	0.49
1:AD:172:VAL:O	1:AD:380:THR:HA	2.12	0.49
1:AD:263:THR:HG22	1:AD:268:GLU:HG3	1.94	0.49
1:AE:328:VAL:HG12	1:AE:329:PHE:HD1	1.76	0.49
1:AH:118:ARG:HG3	1:AI:447:SER:OG	2.12	0.49
1:AH:122:GLU:CD	1:AI:454:THR:HB	2.37	0.49
1:AJ:383:LEU:HA	1:AJ:430:MET:HE2	1.94	0.49

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AK:451:GLU:O	1:AN:122:GLU:OE2	2.30	0.49
1:AL:263:THR:HG21	1:AL:268:GLU:HG3	1.93	0.49
1:AL:363:VAL:HG22	1:AL:364:ASN:OD1	2.12	0.49
1:AM:89:LEU:HA	1:AM:92:ILE:HD12	1.93	0.49
1:AM:421:LEU:HD21	1:AU:146:GLU:CD	2.37	0.49
1:AQ:65:ILE:CG1	1:AQ:459:ILE:HD11	2.42	0.49
1:AR:225:GLY:HA2	1:AR:244:TYR:CD1	2.47	0.49
1:AS:186:ALA:HB2	1:AS:334:PHE:HB2	1.92	0.49
1:AS:284:LEU:O	1:AS:288:ILE:HG12	2.13	0.49
1:AT:82:MET:HE1	1:AT:441:ILE:CG2	2.28	0.49
1:AT:369:GLY:HA2	1:AT:374:GLN:NE2	2.28	0.49
1:AU:263:THR:HG22	1:AU:268:GLU:HG3	1.93	0.49
1:AV:149:ILE:HD13	1:AV:157:VAL:HG12	1.93	0.49
1:AW:61:LEU:O	1:AW:65:ILE:HG13	2.11	0.49
1:AX:284:LEU:O	1:AX:288:ILE:HG12	2.13	0.49
1:A1:214:VAL:HG11	1:A1:227:LEU:HB2	1.94	0.49
1:A1:294:ARG:NH2	1:AI:206:VAL:HG11	2.27	0.49
1:A1:475:ASP:HB2	1:AI:4:ARG:HG2	1.93	0.49
1:A1:490:ILE:HD11	1:AH:507:GLN:HB2	1.94	0.49
1:A2:291:VAL:HG23	1:A2:295:THR:HG23	1.93	0.49
1:A2:363:VAL:HG22	1:A2:364:ASN:OD1	2.12	0.49
1:A2:395:ALA:HB2	1:A2:414:ILE:HG23	1.93	0.49
1:A2:495:GLY:O	1:A2:499:MET:HG3	2.12	0.49
1:A3:17:VAL:CG2	1:AL:33:SER:HB2	2.40	0.49
1:A5:8:ASN:HB3	1:A5:11:ALA:HB3	1.95	0.49
1:A5:138:LEU:H	1:A5:138:LEU:HD12	1.77	0.49
1:A5:370:PHE:HA	1:A5:376:VAL:CG1	2.41	0.49
1:A7:259:VAL:CG1	1:A7:262:LEU:HB2	2.41	0.49
1:A8:167:ASP:HA	1:A8:384:ARG:CB	2.40	0.49
1:A9:40:LYS:C	1:A9:48:MET:HE1	2.38	0.49
1:AA:231:ILE:HG21	1:AA:242:ALA:HB2	1.93	0.49
1:AC:511:ARG:HH12	1:AC:512:LEU:HD12	1.77	0.49
1:AF:126:ILE:HG23	1:AN:458:ASN:ND2	2.28	0.49
1:AF:429:ASP:OD1	1:AS:153:SER:HB3	2.12	0.49
1:AG:102:ASP:OD2	1:AJ:145:LYS:HA	2.12	0.49
1:AG:122:GLU:OE2	1:AP:454:THR:HB	2.12	0.49
1:AG:184:MET:O	1:AG:189:ALA:HB2	2.13	0.49
1:AH:279:ASP:HB3	1:AH:301:LEU:HD11	1.92	0.49
1:AI:92:ILE:CG2	1:AI:116:ILE:HD13	2.41	0.49
1:AI:480:GLU:O	1:AI:480:GLU:HG2	2.12	0.49
1:AK:56:SER:O	1:AK:60:ASN:OD1	2.30	0.49

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AK:88:ILE:O	1:AK:92:ILE:CD1	2.53	0.49
1:AL:171:HIS:CE1	1:AL:382:ASN:HB3	2.47	0.49
1:AM:88:ILE:O	1:AM:92:ILE:CD1	2.54	0.49
1:AM:490:ILE:CG2	1:AR:510:LEU:HD12	2.43	0.49
1:AN:258:THR:CG2	1:AN:273:ASN:HA	2.28	0.49
1:AQ:212:GLU:OE1	1:AQ:212:GLU:HA	2.11	0.49
1:AR:167:ASP:CA	1:AR:384:ARG:HB2	2.41	0.49
1:AT:175:GLU:HG2	1:AT:378:GLU:CG	2.31	0.49
1:AU:93:LYS:CE	1:AX:60:ASN:HD21	2.22	0.49
1:AU:363:VAL:HG22	1:AU:364:ASN:OD1	2.12	0.49
1:AX:5:ILE:HD12	1:AX:5:ILE:O	2.12	0.49
1:AX:250:GLY:O	1:AX:306:ARG:HD2	2.12	0.49
1:A2:122:GLU:OE2	1:AM:454:THR:HB	2.12	0.49
1:A3:146:GLU:OE2	1:A3:156:THR:HG21	2.13	0.49
1:A4:166:SER:O	1:A4:383:LEU:HB3	2.12	0.49
1:A4:189:ALA:HA	1:A4:192:ASN:ND2	2.28	0.49
1:A5:88:ILE:O	1:A5:92:ILE:CD1	2.51	0.49
1:A5:363:VAL:HG22	1:A5:364:ASN:OD1	2.13	0.49
1:A6:291:VAL:HG23	1:A6:295:THR:HG23	1.93	0.49
1:A6:325:SER:CB	1:A6:330:GLY:HA3	2.42	0.49
1:A7:99:ALA:CB	1:A7:112:LEU:HD23	2.35	0.49
1:A8:370:PHE:HA	1:A8:376:VAL:CG1	2.42	0.49
1:A9:189:ALA:O	1:A9:192:ASN:HB2	2.12	0.49
1:AC:189:ALA:O	1:AC:192:ASN:HB2	2.12	0.49
1:AD:189:ALA:O	1:AD:192:ASN:HB2	2.11	0.49
1:AE:46:SER:HB2	1:AN:112:LEU:CD1	2.42	0.49
1:AE:189:ALA:O	1:AE:192:ASN:HB2	2.12	0.49
1:AF:201:LYS:HB2	1:AF:359:ILE:HD11	1.93	0.49
1:AF:258:THR:CG2	1:AF:273:ASN:HA	2.28	0.49
1:AH:157:VAL:HG11	1:AH:452:LEU:CD2	2.43	0.49
1:AL:251:GLY:H	1:AL:332:GLY:CA	2.17	0.49
1:AL:448:VAL:HG22	1:AP:118:ARG:NH2	2.28	0.49
1:AM:352:ARG:HB3	1:AM:358:ILE:HD11	1.95	0.49
1:AP:61:LEU:HB3	1:AP:463:GLN:HB2	1.93	0.49
1:AP:203:VAL:HG21	1:AP:209:TYR:CD1	2.41	0.49
1:AP:353:THR:HG23	1:AP:433:SER:CB	2.34	0.49
1:AQ:201:LYS:HA	1:AQ:208:ASP:CB	2.41	0.49
1:AR:281:ASP:OD1	1:AR:283:ARG:HG2	2.11	0.49
1:AT:470:GLU:HA	1:AT:473:ILE:CG2	2.42	0.49
1:AV:249:THR:CG2	1:AV:405:ALA:HB3	2.43	0.49
1:AV:337:ILE:HG22	1:AV:342:HIS:CG	2.47	0.49

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AW:189:ALA:O	1:AW:192:ASN:HB2	2.12	0.49
1:AX:230:ILE:HG13	1:AX:231:ILE:N	2.28	0.49
1:AX:395:ALA:HB2	1:AX:414:ILE:HG23	1.93	0.49
1:A2:129:THR:HG21	1:AM:155:THR:HG23	1.93	0.49
1:A3:140:GLY:HA3	1:A3:163:SER:HB2	1.94	0.49
1:A4:263:THR:HG22	1:A4:268:GLU:HG3	1.94	0.49
1:A4:302:ASP:HB3	1:A4:308:ASN:ND2	2.27	0.49
1:A4:421:LEU:HD12	1:A4:421:LEU:O	2.13	0.49
1:A5:445:MET:HA	1:A5:445:MET:CE	2.36	0.49
1:A6:161:ILE:HG23	1:A6:445:MET:HE1	1.94	0.49
1:A6:187:SER:HB3	1:A6:335:ALA:HB1	1.93	0.49
1:A7:179:PHE:HB2	1:A7:347:ARG:HG2	1.93	0.49
1:A8:120:LEU:HD21	1:A8:166:SER:OG	2.12	0.49
1:A8:136:GLN:HB3	1:A8:139:SER:OG	2.12	0.49
1:A8:246:VAL:C	1:A8:247:MET:HG2	2.37	0.49
1:A9:118:ARG:NH2	1:AH:448:VAL:HG22	2.27	0.49
1:A9:371:HIS:CB	1:A9:374:GLN:HG3	2.31	0.49
1:AB:258:THR:CG2	1:AB:273:ASN:HA	2.26	0.49
1:AB:259:VAL:HA	1:AB:324:ALA:CB	2.41	0.49
1:AB:421:LEU:HD12	1:AB:421:LEU:O	2.12	0.49
1:AC:122:GLU:OE2	1:AX:454:THR:HB	2.12	0.49
1:AE:167:ASP:HA	1:AE:384:ARG:CB	2.41	0.49
1:AE:247:MET:HG2	1:AE:310:HIS:HD1	1.76	0.49
1:AH:487:LYS:HD2	1:AK:6:ASN:O	2.11	0.49
1:AJ:366:SER:HB2	1:AJ:374:GLN:OE1	2.13	0.49
1:AK:186:ALA:HB3	1:AK:334:PHE:O	2.12	0.49
1:AM:384:ARG:HD2	1:AM:387:ARG:NH2	2.28	0.49
1:AO:149:ILE:HD11	1:AO:157:VAL:CG2	2.42	0.49
1:AO:357:ASP:HB2	1:AQ:271:THR:O	2.11	0.49
1:AP:211:ILE:HD13	1:AP:234:PHE:HD1	1.77	0.49
1:AP:263:THR:HG22	1:AP:268:GLU:HG3	1.92	0.49
1:AQ:104:GLN:HB3	1:AQ:108:SER:OG	2.13	0.49
1:AR:5:ILE:HD13	1:AR:506:GLN:HG2	1.94	0.49
1:AR:167:ASP:HA	1:AR:384:ARG:CB	2.41	0.49
1:AR:259:VAL:HA	1:AR:324:ALA:CB	2.43	0.49
1:AT:211:ILE:CD1	1:AT:234:PHE:HD2	2.25	0.49
1:AT:353:THR:HG23	1:AT:433:SER:CB	2.37	0.49
1:AU:8:ASN:ND2	1:AU:11:ALA:HB2	2.28	0.49
1:AU:186:ALA:HB3	1:AU:334:PHE:O	2.12	0.49
1:AU:249:THR:CG2	1:AU:405:ALA:HB3	2.43	0.49
1:AX:259:VAL:HA	1:AX:324:ALA:HB2	1.94	0.49

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A3:149:ILE:HD13	1:A3:157:VAL:HG12	1.94	0.49
1:A3:251:GLY:H	1:A3:332:GLY:CA	2.19	0.49
1:A3:259:VAL:HA	1:A3:324:ALA:HB2	1.95	0.49
1:A3:369:GLY:HA2	1:A3:374:GLN:NE2	2.27	0.49
1:A3:422:LYS:C	1:A3:426:ILE:HD12	2.37	0.49
1:A4:54:LEU:HB3	1:A4:470:GLU:HB2	1.94	0.49
1:A5:167:ASP:HA	1:A5:384:ARG:CB	2.43	0.49
1:A5:291:VAL:HG23	1:A5:295:THR:HG23	1.94	0.49
1:A6:284:LEU:O	1:A6:288:ILE:HG12	2.11	0.49
1:A6:475:ASP:HB2	1:AP:4:ARG:HG2	1.94	0.49
1:A7:268:GLU:HG3	1:A7:268:GLU:O	2.13	0.49
1:A8:215:ARG:HB3	1:A8:215:ARG:HH11	1.77	0.49
1:A8:382:ASN:O	1:A8:430:MET:HE1	2.12	0.49
1:A8:447:SER:OG	1:AS:118:ARG:HG3	2.12	0.49
1:A8:502:ALA:O	1:A8:505:VAL:HG22	2.11	0.49
1:AA:249:THR:CG2	1:AA:405:ALA:HB3	2.41	0.49
1:AA:371:HIS:CB	1:AA:374:GLN:HG3	2.33	0.49
1:AC:6:ASN:HD22	1:AR:36:LEU:CD2	2.26	0.49
1:AC:60:ASN:HD21	1:AR:93:LYS:CD	2.26	0.49
1:AC:218:THR:O	1:AC:315:ARG:HD3	2.12	0.49
1:AC:484:ASN:OD1	1:AC:488:TYR:HE2	1.96	0.49
1:AD:145:LYS:HA	1:AI:102:ASP:OD2	2.12	0.49
1:AD:189:ALA:HB3	1:AD:343:ALA:HB3	1.94	0.49
1:AE:146:GLU:HB2	1:AE:158:LYS:HD2	1.95	0.49
1:AE:357:ASP:HB2	1:AK:271:THR:O	2.12	0.49
1:AF:167:ASP:HA	1:AF:384:ARG:CB	2.38	0.49
1:AG:122:GLU:OE1	1:AP:454:THR:HB	2.13	0.49
1:AG:155:THR:HG23	1:AM:129:THR:CG2	2.42	0.49
1:AH:179:PHE:CZ	1:AH:344:VAL:HG13	2.47	0.49
1:AI:61:LEU:O	1:AI:65:ILE:HG13	2.12	0.49
1:AJ:38:ILE:HD11	1:AJ:44:ASP:HB3	1.94	0.49
1:AJ:233:ARG:HG2	1:AJ:234:PHE:CD1	2.47	0.49
1:AJ:233:ARG:HD2	1:AJ:234:PHE:HE1	1.77	0.49
1:AL:328:VAL:HG12	1:AL:329:PHE:HD1	1.76	0.49
1:AN:61:LEU:O	1:AN:65:ILE:HG13	2.12	0.49
1:AO:174:MET:HE3	1:AO:398:ALA:HA	1.94	0.49
1:AP:88:ILE:O	1:AP:92:ILE:CD1	2.51	0.49
1:AP:201:LYS:HA	1:AP:208:ASP:CB	2.42	0.49
1:AQ:122:GLU:OE2	1:AR:454:THR:HB	2.12	0.49
1:AR:211:ILE:CD1	1:AR:234:PHE:HD1	2.25	0.49
1:AS:100:ALA:HB2	1:AS:424:ALA:HB1	1.95	0.49

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AS:390:PHE:CE2	1:AS:417:GLY:HA2	2.47	0.49
1:AT:92:ILE:HG23	1:AT:116:ILE:CG1	2.32	0.49
1:AW:88:ILE:O	1:AW:92:ILE:CD1	2.54	0.49
1:AW:325:SER:CB	1:AW:330:GLY:HA3	2.42	0.49
1:AX:167:ASP:CA	1:AX:384:ARG:HB2	2.41	0.49
1:AX:509:VAL:HG13	1:AX:510:LEU:H	1.78	0.49
1:A2:302:ASP:HB3	1:A2:308:ASN:ND2	2.27	0.49
1:A2:325:SER:CB	1:A2:330:GLY:HA3	2.43	0.49
1:A3:284:LEU:O	1:A3:288:ILE:HG12	2.13	0.49
1:A6:447:SER:OG	1:AW:118:ARG:HG3	2.13	0.49
1:A6:451:GLU:CA	1:AW:122:GLU:OE1	2.55	0.49
1:A8:65:ILE:CG1	1:A8:459:ILE:HD11	2.42	0.49
1:A9:269:ILE:O	1:AK:356:ARG:HD2	2.12	0.49
1:AA:421:LEU:HD21	1:AN:146:GLU:CD	2.38	0.49
1:AE:65:ILE:CG1	1:AE:459:ILE:HD11	2.42	0.49
1:AE:175:GLU:HA	1:AE:377:ALA:O	2.12	0.49
1:AG:33:SER:HB2	1:AP:17:VAL:CG2	2.41	0.49
1:AG:203:VAL:HG11	1:AG:238:LEU:HD22	1.93	0.49
1:AH:38:ILE:HD12	1:AH:474:ARG:HA	1.94	0.49
1:AH:325:SER:CB	1:AH:330:GLY:HA3	2.43	0.49
1:AI:214:VAL:HG11	1:AI:227:LEU:HA	1.94	0.49
1:AL:216:ILE:HD13	1:AL:223:GLY:HA2	1.94	0.49
1:AL:264:ILE:HG22	1:AL:319:VAL:CB	2.38	0.49
1:AM:183:GLY:O	1:AM:188:ALA:HB3	2.13	0.49
1:AM:294:ARG:NH2	1:AU:206:VAL:HG11	2.27	0.49
1:AM:325:SER:CB	1:AM:330:GLY:HA3	2.43	0.49
1:AO:68:ALA:HB3	1:AO:456:ILE:CD1	2.39	0.49
1:AO:74:MET:HE1	1:AO:142:PHE:CZ	2.48	0.49
1:AO:353:THR:HG23	1:AO:433:SER:CB	2.36	0.49
1:AP:259:VAL:HB	1:AP:272:VAL:HG22	1.95	0.49
1:AP:325:SER:CB	1:AP:330:GLY:HA3	2.43	0.49
1:AQ:149:ILE:HD12	1:AQ:455:THR:HG21	1.95	0.49
1:AQ:163:SER:OG	1:AQ:168:LYS:HD3	2.13	0.49
1:AR:61:LEU:HB3	1:AR:463:GLN:HB2	1.94	0.49
1:AS:512:LEU:HD23	1:AT:496:SER:HB2	1.94	0.49
1:AT:211:ILE:HD11	1:AT:238:LEU:HD11	1.95	0.49
1:AT:445:MET:HA	1:AT:445:MET:CE	2.36	0.49
1:AX:179:PHE:CZ	1:AX:344:VAL:HG13	2.45	0.49
1:A1:167:ASP:HA	1:A1:384:ARG:CB	2.42	0.49
1:A1:189:ALA:HA	1:A1:192:ASN:ND2	2.28	0.49
1:A2:189:ALA:O	1:A2:192:ASN:HB2	2.12	0.49

*Continued on next page...*



*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A4:112:LEU:CD1	1:AS:46:SER:HB2	2.43	0.49
1:A4:163:SER:OG	1:A4:168:LYS:HD3	2.12	0.49
1:A5:212:GLU:OE2	1:A5:212:GLU:N	2.45	0.49
1:A5:448:VAL:HG22	1:AK:118:ARG:NH2	2.28	0.49
1:A8:212:GLU:HG3	1:AS:278:ASN:CG	2.38	0.49
1:A8:251:GLY:H	1:A8:333:ASN:H	1.60	0.49
1:AG:130:THR:CB	1:AG:138:LEU:HD12	2.43	0.49
1:AG:201:LYS:HB2	1:AG:359:ILE:CG1	2.42	0.49
1:AG:234:PHE:CD2	1:AM:303:ILE:HD12	2.46	0.49
1:AH:167:ASP:CA	1:AH:384:ARG:HB2	2.40	0.49
1:AM:225:GLY:HA2	1:AM:244:TYR:CD1	2.47	0.49
1:AO:201:LYS:HB2	1:AO:359:ILE:CG1	2.42	0.49
1:AO:370:PHE:HA	1:AO:376:VAL:CG1	2.41	0.49
1:AP:179:PHE:CZ	1:AP:344:VAL:HG13	2.46	0.49
1:AP:227:LEU:O	1:AP:231:ILE:HG13	2.12	0.49
1:AQ:122:GLU:CD	1:AR:454:THR:HB	2.38	0.49
1:AR:184:MET:HE3	1:AR:369:GLY:HA3	1.94	0.49
1:AR:204:ASN:HD21	1:AR:207:ASN:HB2	1.78	0.49
1:AT:186:ALA:HB2	1:AT:334:PHE:HB2	1.94	0.49
1:AT:201:LYS:HB2	1:AT:359:ILE:CG1	2.43	0.49
1:AX:92:ILE:CG2	1:AX:116:ILE:HG23	2.43	0.49
1:AX:196:VAL:HG12	1:AX:364:ASN:HB3	1.93	0.49
1:AX:278:ASN:OD1	1:AX:305:GLY:HA3	2.12	0.49
1:A3:244:TYR:C	1:A3:244:TYR:CD2	2.91	0.49
1:A3:352:ARG:HD2	1:A3:356:ARG:O	2.12	0.49
1:A6:155:THR:HG23	1:AW:129:THR:HG21	1.95	0.49
1:A6:161:ILE:HD13	1:A6:445:MET:HE1	1.94	0.49
1:A6:186:ALA:HB2	1:A6:334:PHE:HB2	1.94	0.49
1:A7:342:HIS:HE1	1:A7:344:VAL:CG2	2.25	0.49
1:A8:173:ARG:HD2	1:A8:357:ASP:HA	1.95	0.49
1:A8:175:GLU:HG2	1:A8:378:GLU:CG	2.30	0.49
1:AA:167:ASP:HB3	1:AA:384:ARG:CZ	2.43	0.49
1:AA:174:MET:CE	1:AA:398:ALA:HA	2.43	0.49
1:AB:366:SER:HB2	1:AB:374:GLN:OE1	2.13	0.49
1:AB:502:ALA:O	1:AB:505:VAL:HG12	2.11	0.49
1:AC:463:GLN:HA	1:AC:466:VAL:HG22	1.94	0.49
1:AD:426:ILE:HD12	1:AD:426:ILE:H	1.78	0.49
1:AF:90:ASP:C	1:AF:90:ASP:OD1	2.56	0.49
1:AF:92:ILE:HD12	1:AF:92:ILE:H	1.77	0.49
1:AF:93:LYS:CD	1:AS:60:ASN:HD21	2.25	0.49
1:AF:352:ARG:HB3	1:AF:358:ILE:HD11	1.95	0.49

*Continued on next page...*



*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AG:110:ARG:CZ	1:AG:110:ARG:HB2	2.43	0.49
1:AH:263:THR:CG2	1:AH:268:GLU:HG3	2.43	0.49
1:AH:369:GLY:HA2	1:AH:374:GLN:NE2	2.27	0.49
1:AJ:92:ILE:CG2	1:AJ:116:ILE:HG12	2.22	0.49
1:AJ:189:ALA:O	1:AJ:192:ASN:HB2	2.12	0.49
1:AN:395:ALA:CB	1:AN:414:ILE:HG23	2.43	0.49
1:AN:487:LYS:HE2	1:AS:6:ASN:O	2.13	0.49
1:AO:60:ASN:HD21	1:AQ:93:LYS:CD	2.25	0.49
1:AO:60:ASN:HD21	1:AQ:93:LYS:CE	2.26	0.49
1:AO:328:VAL:HG12	1:AO:329:PHE:HD1	1.78	0.49
1:AQ:167:ASP:HA	1:AQ:384:ARG:CB	2.40	0.49
1:AQ:206:VAL:HG11	1:AV:294:ARG:NH2	2.28	0.49
1:AR:149:ILE:HD13	1:AR:157:VAL:CG1	2.43	0.49
1:AT:262:LEU:HD12	1:AT:263:THR:N	2.28	0.49
1:AU:325:SER:CB	1:AU:330:GLY:HA3	2.43	0.49
1:AV:361:SER:HA	1:AV:365:PHE:CD2	2.48	0.49
1:AW:166:SER:O	1:AW:383:LEU:HB3	2.13	0.49
1:AW:384:ARG:HD2	1:AW:387:ARG:NH2	2.28	0.49
1:AX:166:SER:O	1:AX:383:LEU:HB3	2.13	0.49
1:A1:382:ASN:O	1:A1:430:MET:HE1	2.13	0.49
1:A1:449:GLN:HE21	1:A1:42:ALA:HB2	1.77	0.49
1:A2:421:LEU:HD12	1:A2:421:LEU:O	2.13	0.49
1:A3:458:ASN:HB2	1:AL:84:GLU:HG2	1.94	0.49
1:A5:155:THR:HG23	1:AK:129:THR:CG2	2.43	0.49
1:A7:284:LEU:O	1:A7:288:ILE:HG12	2.12	0.49
1:A9:386:VAL:HG22	1:A9:427:VAL:HG22	1.94	0.49
1:AA:99:ALA:CB	1:AA:112:LEU:HD22	2.24	0.49
1:AB:211:ILE:HD11	1:AB:238:LEU:HD21	1.95	0.49
1:AC:61:LEU:HD12	1:AC:463:GLN:HA	1.95	0.49
1:AC:201:LYS:HD3	2:AC:602:P8E:O1A	2.12	0.49
1:AD:300:SER:O	1:AD:301:LEU:HD23	2.13	0.49
1:AE:184:MET:O	1:AE:189:ALA:HB2	2.13	0.49
1:AH:129:THR:CG2	1:AI:155:THR:HG23	2.43	0.49
1:AI:122:GLU:CD	1:AO:454:THR:HB	2.38	0.49
1:AI:471:SER:O	1:AI:475:ASP:HB2	2.13	0.49
1:AJ:155:THR:HG23	1:AU:129:THR:CG2	2.43	0.49
1:AJ:454:THR:HB	1:AU:122:GLU:CD	2.38	0.49
1:AK:352:ARG:HD2	1:AK:356:ARG:O	2.13	0.49
1:AL:173:ARG:HD2	1:AL:357:ASP:HA	1.94	0.49
1:AL:328:VAL:C	1:AL:329:PHE:CD1	2.91	0.49
1:AL:353:THR:HG23	1:AL:433:SER:CB	2.37	0.49

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AL:395:ALA:CB	1:AL:414:ILE:HG23	2.43	0.49
1:AL:422:LYS:O	1:AL:426:ILE:CD1	2.52	0.49
1:AM:92:ILE:CG2	1:AM:116:ILE:HG12	2.32	0.49
1:AM:209:TYR:HE1	1:AM:237:THR:HG22	1.77	0.49
1:AN:511:ARG:HH12	1:AN:512:LEU:HD13	1.78	0.49
1:AP:92:ILE:HG23	1:AP:116:ILE:HG12	1.95	0.49
1:AP:211:ILE:CD1	1:AP:234:PHE:HD1	2.25	0.49
1:AQ:61:LEU:HB3	1:AQ:463:GLN:HB2	1.93	0.49
1:AR:284:LEU:O	1:AR:288:ILE:HG12	2.13	0.49
1:AT:179:PHE:CZ	1:AT:344:VAL:HG13	2.48	0.49
1:AU:163:SER:OG	1:AU:168:LYS:HD3	2.13	0.49
1:AU:369:GLY:HA2	1:AU:374:GLN:NE2	2.28	0.49
1:AW:54:LEU:HB3	1:AW:470:GLU:HB2	1.95	0.49
1:AW:234:PHE:HB3	1:AW:238:LEU:HD11	1.91	0.49
1:AX:167:ASP:HA	1:AX:384:ARG:CB	2.39	0.49
1:A1:97:VAL:HG21	1:A1:60:ASN:ND2	2.28	0.48
1:A1:108:SER:O	1:A1:112:LEU:HD12	2.13	0.48
1:A1:281:ASP:OD1	1:A1:283:ARG:HG2	2.12	0.48
1:A2:102:ASP:OD2	1:AR:145:LYS:HA	2.13	0.48
1:A5:83:ASP:HB2	1:A5:442:ARG:HH21	1.75	0.48
1:A5:99:ALA:CB	1:A5:112:LEU:HD22	2.32	0.48
1:A7:50:ILE:HD12	1:AJ:133:ASN:ND2	2.28	0.48
1:A7:61:LEU:HD12	1:A7:463:GLN:HA	1.95	0.48
1:A7:216:ILE:HG23	1:A7:223:GLY:HA2	1.93	0.48
1:A8:88:ILE:O	1:A8:92:ILE:CD1	2.54	0.48
1:A9:421:LEU:HD21	1:AK:146:GLU:CD	2.38	0.48
1:AD:60:ASN:N	1:AD:60:ASN:HD22	2.11	0.48
1:AE:174:MET:CE	1:AE:398:ALA:HB2	2.43	0.48
1:AF:189:ALA:O	1:AF:192:ASN:HB2	2.13	0.48
1:AF:305:GLY:HA3	1:AN:212:GLU:HG3	1.95	0.48
1:AH:291:VAL:HG23	1:AH:295:THR:HG23	1.95	0.48
1:AH:363:VAL:HG22	1:AH:364:ASN:OD1	2.13	0.48
1:AI:302:ASP:CB	1:AI:308:ASN:HD21	2.24	0.48
1:AJ:92:ILE:HD12	1:AJ:92:ILE:H	1.78	0.48
1:AL:369:GLY:HA2	1:AL:374:GLN:NE2	2.28	0.48
1:AM:510:LEU:HD23	1:AM:510:LEU:N	2.29	0.48
1:AN:82:MET:HE1	1:AN:442:ARG:N	2.27	0.48
1:AN:319:VAL:HG13	1:AN:342:HIS:HD2	1.78	0.48
1:AO:342:HIS:CE1	1:AO:344:VAL:HG23	2.48	0.48
1:AQ:186:ALA:HB3	1:AQ:334:PHE:O	2.12	0.48
1:AR:510:LEU:HD23	1:AR:510:LEU:N	2.28	0.48

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AS:81:ALA:HB3	1:AS:138:LEU:HD11	1.95	0.48
1:AS:204:ASN:HD21	1:AS:207:ASN:HB2	1.78	0.48
1:AU:61:LEU:O	1:AU:65:ILE:HG13	2.13	0.48
1:AW:502:ALA:O	1:AW:505:VAL:HG12	2.12	0.48
1:A2:328:VAL:HG12	1:A2:329:PHE:CD1	2.48	0.48
1:A2:448:VAL:O	1:A2:452:LEU:HG	2.14	0.48
1:A2:490:ILE:HD11	1:AQ:507:GLN:HB2	1.94	0.48
1:A3:61:LEU:HB3	1:A3:463:GLN:HB2	1.95	0.48
1:A3:448:VAL:HG22	1:AL:118:ARG:NH2	2.28	0.48
1:A4:303:ILE:HA	1:AF:234:PHE:CE1	2.48	0.48
1:A4:449:GLN:HE21	1:AT:42:ALA:HB2	1.78	0.48
1:A7:292:LYS:HD3	1:A7:297:VAL:O	2.14	0.48
1:A8:183:GLY:O	1:A8:188:ALA:HB3	2.14	0.48
1:AB:291:VAL:HG23	1:AB:295:THR:HG23	1.95	0.48
1:AC:88:ILE:O	1:AC:92:ILE:CD1	2.54	0.48
1:AC:183:GLY:O	1:AC:188:ALA:HB3	2.13	0.48
1:AD:74:MET:HE3	1:AD:137:MET:HE1	1.94	0.48
1:AD:284:LEU:O	1:AD:288:ILE:HG12	2.13	0.48
1:AE:179:PHE:HD1	1:AE:184:MET:CE	2.25	0.48
1:AE:366:SER:HB2	1:AE:374:GLN:OE1	2.12	0.48
1:AF:116:ILE:CD1	1:AF:418:VAL:HG21	2.43	0.48
1:AG:122:GLU:CD	1:AP:454:THR:HB	2.38	0.48
1:AG:186:ALA:HB3	1:AG:334:PHE:O	2.13	0.48
1:AG:200:PHE:HB3	1:AG:203:VAL:HG12	1.96	0.48
1:AG:454:THR:HG21	1:AM:88:ILE:HD11	1.93	0.48
1:AG:471:SER:O	1:AG:475:ASP:HB2	2.14	0.48
1:AL:108:SER:O	1:AL:112:LEU:HD13	2.12	0.48
1:AL:117:GLN:C	1:AL:117:GLN:OE1	2.56	0.48
1:AM:201:LYS:HB2	1:AM:359:ILE:HG13	1.95	0.48
1:AM:421:LEU:HD12	1:AM:421:LEU:O	2.13	0.48
1:AP:291:VAL:HG23	1:AP:295:THR:HG23	1.94	0.48
1:AQ:54:LEU:HB3	1:AQ:470:GLU:HB2	1.94	0.48
1:AQ:82:MET:HE1	1:AQ:442:ARG:CA	2.43	0.48
1:AR:227:LEU:O	1:AR:230:ILE:HG12	2.12	0.48
1:AS:291:VAL:HG23	1:AS:295:THR:HG23	1.94	0.48
1:AU:370:PHE:HA	1:AU:376:VAL:CG1	2.42	0.48
1:AV:20:GLN:O	1:AV:24:ASP:OD1	2.32	0.48
1:AV:74:MET:HB3	1:AV:137:MET:HE1	1.94	0.48
1:AV:183:GLY:O	1:AV:188:ALA:HB3	2.13	0.48
1:AV:281:ASP:OD1	1:AV:283:ARG:HG2	2.12	0.48
1:AW:38:ILE:HD11	1:AW:44:ASP:HB3	1.95	0.48

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A1:325:SER:CB	1:A1:330:GLY:HA3	2.43	0.48
1:A2:75:VAL:CG1	1:A2:445:MET:HG2	2.34	0.48
1:A2:174:MET:CE	1:A2:398:ALA:HA	2.44	0.48
1:A3:172:VAL:O	1:A3:380:THR:HA	2.13	0.48
1:A3:201:LYS:HA	1:A3:208:ASP:HB2	1.95	0.48
1:A3:214:VAL:HG11	1:A3:227:LEU:HB2	1.95	0.48
1:A4:88:ILE:CD1	1:AF:454:THR:HG21	2.38	0.48
1:A5:60:ASN:HD21	1:AH:93:LYS:HG2	1.78	0.48
1:A5:84:GLU:OE1	1:A5:84:GLU:HA	2.12	0.48
1:A7:259:VAL:O	1:A7:271:THR:HG23	2.13	0.48
1:A7:337:ILE:HG22	1:A7:342:HIS:CB	2.43	0.48
1:A7:366:SER:HB2	1:A7:374:GLN:OE1	2.13	0.48
1:A9:103:GLY:CA	1:AK:74:MET:HE2	2.43	0.48
1:A9:129:THR:CG2	1:AH:155:THR:HG23	2.43	0.48
1:A9:186:ALA:HB2	1:A9:334:PHE:HB2	1.93	0.48
1:AA:183:GLY:O	1:AA:188:ALA:HB3	2.14	0.48
1:AB:25:LEU:HD23	1:AB:25:LEU:C	2.38	0.48
1:AB:44:ASP:OD2	1:AB:44:ASP:C	2.56	0.48
1:AC:319:VAL:HG12	1:AC:342:HIS:CD2	2.48	0.48
1:AC:422:LYS:O	1:AC:426:ILE:CD1	2.53	0.48
1:AD:211:ILE:CD1	1:AD:234:PHE:HD2	2.25	0.48
1:AD:366:SER:HB2	1:AD:374:GLN:OE1	2.13	0.48
1:AE:292:LYS:HD3	1:AE:298:GLU:CA	2.42	0.48
1:AF:118:ARG:HG3	1:AN:447:SER:OG	2.12	0.48
1:AI:259:VAL:HA	1:AI:324:ALA:CB	2.44	0.48
1:AJ:369:GLY:HA2	1:AJ:374:GLN:NE2	2.27	0.48
1:AK:211:ILE:CD1	1:AK:234:PHE:HD2	2.26	0.48
1:AK:328:VAL:HG12	1:AK:329:PHE:CD1	2.46	0.48
1:AL:183:GLY:O	1:AL:188:ALA:HB3	2.13	0.48
1:AL:231:ILE:HG21	1:AL:242:ALA:HB2	1.95	0.48
1:AM:167:ASP:CA	1:AM:384:ARG:HB2	2.35	0.48
1:AM:211:ILE:HD13	1:AM:234:PHE:HD1	1.77	0.48
1:AM:410:ASN:HD21	1:AM:414:ILE:CG2	2.25	0.48
1:AQ:231:ILE:HG21	1:AQ:242:ALA:HB2	1.94	0.48
1:AS:86:ILE:HD13	1:AS:439:ASP:OD1	2.12	0.48
1:AU:262:LEU:HD11	1:AU:319:VAL:HG23	1.96	0.48
1:AV:174:MET:CE	1:AV:398:ALA:HA	2.43	0.48
1:AV:189:ALA:O	1:AV:192:ASN:HB2	2.13	0.48
1:AV:201:LYS:HA	1:AV:208:ASP:HB2	1.95	0.48
1:AV:209:TYR:CE2	1:AV:237:THR:HG22	2.48	0.48
1:AV:422:LYS:O	1:AV:426:ILE:CD1	2.51	0.48

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AX:174:MET:CE	1:AX:398:ALA:HB2	2.43	0.48
1:AX:371:HIS:CB	1:AX:374:GLN:HG3	2.31	0.48
1:A1:189:ALA:HA	1:A1:192:ASN:CG	2.38	0.48
1:A2:90:ASP:C	1:A2:90:ASP:OD1	2.57	0.48
1:A3:366:SER:HB2	1:A3:374:GLN:OE1	2.13	0.48
1:A4:44:ASP:OD2	1:A4:44:ASP:C	2.55	0.48
1:A4:286:ASN:OD1	1:A4:286:ASN:C	2.57	0.48
1:A5:166:SER:O	1:A5:383:LEU:HB3	2.13	0.48
1:A6:366:SER:HB2	1:A6:374:GLN:OE1	2.14	0.48
1:A7:5:ILE:HD13	1:AL:490:ILE:HG21	1.95	0.48
1:A7:251:GLY:H	1:A7:332:GLY:CA	2.20	0.48
1:A7:320:HIS:NE2	1:A7:340:THR:HA	2.28	0.48
1:A7:354:ASP:OD2	1:A7:354:ASP:C	2.56	0.48
1:A8:42:ALA:HB2	1:AN:449:GLN:NE2	2.28	0.48
1:A8:507:GLN:HB2	1:AK:490:ILE:HD11	1.95	0.48
1:A9:93:LYS:HE2	1:AK:60:ASN:HD21	1.77	0.48
1:AA:102:ASP:HA	1:AA:109:ARG:NH2	2.28	0.48
1:AC:371:HIS:CB	1:AC:374:GLN:HG3	2.33	0.48
1:AD:146:GLU:HG2	1:AI:421:LEU:CD2	2.42	0.48
1:AD:173:ARG:HD2	1:AD:357:ASP:HA	1.94	0.48
1:AE:354:ASP:OD1	1:AE:354:ASP:C	2.56	0.48
1:AE:423:GLY:HA2	1:AE:426:ILE:HD12	1.96	0.48
1:AH:163:SER:OG	1:AH:168:LYS:HD3	2.13	0.48
1:AI:157:VAL:HG11	1:AI:452:LEU:HD21	1.95	0.48
1:AJ:184:MET:HE1	1:AJ:345:ILE:HD11	1.95	0.48
1:AK:258:THR:CG2	1:AK:273:ASN:HA	2.27	0.48
1:AM:116:ILE:HD12	1:AM:418:VAL:HG21	1.95	0.48
1:AM:263:THR:HG22	1:AM:268:GLU:HG3	1.94	0.48
1:AO:510:LEU:HD23	1:AO:510:LEU:N	2.29	0.48
1:AR:65:ILE:CG1	1:AR:459:ILE:HD11	2.43	0.48
1:AR:470:GLU:HA	1:AR:473:ILE:CG2	2.43	0.48
1:AS:258:THR:CG2	1:AS:273:ASN:HA	2.28	0.48
1:AT:78:ALA:O	1:AT:82:MET:HG3	2.14	0.48
1:AT:281:ASP:OD1	1:AT:283:ARG:HG2	2.13	0.48
1:A1:175:GLU:HA	1:A1:377:ALA:O	2.13	0.48
1:A1:259:VAL:HA	1:A1:324:ALA:CB	2.44	0.48
1:A3:342:HIS:NE2	1:A3:344:VAL:HG23	2.27	0.48
1:A5:146:GLU:CD	1:AH:421:LEU:HD21	2.38	0.48
1:A5:146:GLU:HG3	1:A5:156:THR:HG21	1.95	0.48
1:A7:88:ILE:O	1:A7:92:ILE:CD1	2.55	0.48
1:A7:234:PHE:N	1:A7:234:PHE:HD1	2.11	0.48

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A7:421:LEU:O	1:A7:425:MET:HG2	2.14	0.48
1:A8:85:GLN:OE1	1:A8:123:LEU:HG	2.13	0.48
1:A9:90:ASP:C	1:A9:90:ASP:OD2	2.57	0.48
1:A9:155:THR:HG23	1:AA:129:THR:HG21	1.94	0.48
1:AA:189:ALA:O	1:AA:192:ASN:HB2	2.12	0.48
1:AA:328:VAL:HG12	1:AA:329:PHE:HD1	1.79	0.48
1:AB:20:GLN:HG2	1:AB:23:ARG:HH22	1.79	0.48
1:AB:102:ASP:OD2	1:AH:145:LYS:HA	2.14	0.48
1:AB:116:ILE:CD1	1:AB:418:VAL:HG21	2.43	0.48
1:AB:286:ASN:C	1:AB:286:ASN:OD1	2.57	0.48
1:AC:167:ASP:CA	1:AC:384:ARG:HB2	2.42	0.48
1:AD:179:PHE:CZ	1:AD:344:VAL:HG13	2.47	0.48
1:AD:281:ASP:OD2	1:AD:283:ARG:HB3	2.13	0.48
1:AE:61:LEU:HD12	1:AE:463:GLN:HA	1.94	0.48
1:AF:108:SER:O	1:AF:112:LEU:HD12	2.13	0.48
1:AG:5:ILE:CD1	1:AG:506:GLN:HG2	2.42	0.48
1:AG:174:MET:HE1	1:AG:398:ALA:CB	2.41	0.48
1:AG:447:SER:OG	1:AM:118:ARG:HG3	2.13	0.48
1:AH:302:ASP:CB	1:AH:308:ASN:HD21	2.24	0.48
1:AJ:224:ILE:CD1	1:AJ:346:GLY:HA3	2.43	0.48
1:AK:92:ILE:HD12	1:AK:92:ILE:H	1.77	0.48
1:AK:173:ARG:HD2	1:AK:357:ASP:HA	1.94	0.48
1:AL:65:ILE:HG13	1:AL:459:ILE:HD12	1.95	0.48
1:AN:263:THR:HG22	1:AN:268:GLU:HG3	1.94	0.48
1:AN:363:VAL:HG22	1:AN:364:ASN:OD1	2.13	0.48
1:AQ:90:ASP:C	1:AQ:90:ASP:OD2	2.57	0.48
1:AQ:189:ALA:HA	1:AQ:192:ASN:CG	2.39	0.48
1:AQ:189:ALA:HB3	1:AQ:343:ALA:HB3	1.95	0.48
1:AQ:303:ILE:HD12	1:AR:234:PHE:CD1	2.48	0.48
1:AR:325:SER:CB	1:AR:330:GLY:HA3	2.43	0.48
1:AS:172:VAL:O	1:AS:380:THR:HA	2.13	0.48
1:AT:120:LEU:HD22	1:AT:387:ARG:HG3	1.95	0.48
1:AU:284:LEU:O	1:AU:288:ILE:HG12	2.14	0.48
1:AV:189:ALA:HB3	1:AV:343:ALA:HB3	1.95	0.48
1:AW:161:ILE:HG23	1:AW:445:MET:HE1	1.95	0.48
1:AX:163:SER:OG	1:AX:168:LYS:HD3	2.14	0.48
1:AX:189:ALA:O	1:AX:192:ASN:HB2	2.12	0.48
1:AX:511:ARG:CZ	1:AX:512:LEU:HG	2.43	0.48
1:A3:423:GLY:HA2	1:A3:426:ILE:CD1	2.43	0.48
1:A4:33:SER:HB2	1:AF:17:VAL:CG2	2.39	0.48
1:A4:88:ILE:O	1:A4:92:ILE:CD1	2.54	0.48

*Continued on next page...*



*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A5:211:ILE:CD1	1:A5:234:PHE:HD2	2.26	0.48
1:A6:365:PHE:O	1:A6:368:VAL:HG12	2.14	0.48
1:A7:68:ALA:CB	1:A7:456:ILE:HD11	2.35	0.48
1:A8:117:GLN:C	1:A8:117:GLN:OE1	2.57	0.48
1:A8:422:LYS:O	1:A8:426:ILE:CD1	2.53	0.48
1:AB:108:SER:O	1:AB:112:LEU:HD12	2.14	0.48
1:AD:5:ILE:HD11	1:AD:510:LEU:HG	1.95	0.48
1:AD:218:THR:O	1:AD:315:ARG:HD3	2.12	0.48
1:AE:146:GLU:HG3	1:AE:156:THR:HG21	1.94	0.48
1:AF:214:VAL:HG11	1:AF:227:LEU:HB2	1.95	0.48
1:AF:422:LYS:O	1:AF:426:ILE:CD1	2.55	0.48
1:AG:93:LYS:CE	1:AJ:60:ASN:HD21	2.24	0.48
1:AG:183:GLY:O	1:AG:188:ALA:HB3	2.13	0.48
1:AG:369:GLY:HA2	1:AG:374:GLN:NE2	2.28	0.48
1:AH:189:ALA:HA	1:AH:192:ASN:CG	2.39	0.48
1:AH:225:GLY:HA2	1:AH:244:TYR:CD1	2.49	0.48
1:AH:352:ARG:HD2	1:AH:356:ARG:O	2.14	0.48
1:AI:426:ILE:HD12	1:AI:426:ILE:N	2.29	0.48
1:AJ:125:ASN:O	1:AJ:129:THR:HG23	2.13	0.48
1:AJ:325:SER:CB	1:AJ:330:GLY:HA3	2.43	0.48
1:AK:65:ILE:CG1	1:AK:459:ILE:HD11	2.44	0.48
1:AK:227:LEU:O	1:AK:231:ILE:HG13	2.14	0.48
1:AK:319:VAL:HG13	1:AK:342:HIS:HD2	1.79	0.48
1:AM:189:ALA:O	1:AM:192:ASN:HB2	2.13	0.48
1:AM:319:VAL:H	1:AM:342:HIS:HD2	1.61	0.48
1:AO:163:SER:OG	1:AO:168:LYS:HD3	2.14	0.48
1:AP:189:ALA:O	1:AP:192:ASN:HB2	2.12	0.48
1:AP:259:VAL:HA	1:AP:324:ALA:CB	2.44	0.48
1:AR:84:GLU:HA	1:AR:84:GLU:OE1	2.13	0.48
1:AT:117:GLN:HE21	1:AT:387:ARG:HD2	1.78	0.48
1:AX:246:VAL:HB	1:AX:311:SER:HB3	1.96	0.48
1:A1:137:MET:HB2	1:A1:138:LEU:HD12	1.94	0.48
1:A1:231:ILE:HG21	1:A1:242:ALA:HB2	1.95	0.48
1:A2:118:ARG:NH2	1:AM:448:VAL:HG22	2.29	0.48
1:A3:421:LEU:O	1:A3:425:MET:HG2	2.14	0.48
1:A3:487:LYS:O	1:A3:491:LEU:HD23	2.14	0.48
1:A4:247:MET:HE1	1:AT:144:ASN:HD21	1.79	0.48
1:A4:485:PHE:CZ	1:AF:501:GLN:HG3	2.49	0.48
1:A5:284:LEU:O	1:A5:288:ILE:HG12	2.14	0.48
1:A6:120:LEU:HD11	1:A6:166:SER:HB2	1.94	0.48
1:A6:186:ALA:HB3	1:A6:334:PHE:O	2.13	0.48

*Continued on next page...*



*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A7:179:PHE:CZ	1:A7:344:VAL:HG13	2.49	0.48
1:A8:189:ALA:O	1:A8:192:ASN:HB2	2.13	0.48
1:A8:260:ARG:HA	1:A8:271:THR:OG1	2.14	0.48
1:A8:303:ILE:CD1	1:AE:237:THR:HG21	2.44	0.48
1:AA:149:ILE:HD12	1:AA:455:THR:HG21	1.95	0.48
1:AB:189:ALA:O	1:AB:192:ASN:HB2	2.13	0.48
1:AB:244:TYR:C	1:AB:244:TYR:CD2	2.91	0.48
1:AB:389:ILE:HG13	1:AB:415:GLY:C	2.39	0.48
1:AF:269:ILE:O	1:AS:356:ARG:HD2	2.14	0.48
1:AH:201:LYS:HB2	1:AH:359:ILE:CG1	2.44	0.48
1:AJ:5:ILE:HD11	1:AJ:510:LEU:HG	1.96	0.48
1:AK:17:VAL:CG1	1:AN:34:SER:HA	2.38	0.48
1:AL:7:THR:OG1	1:AT:471:SER:HB2	2.14	0.48
1:AL:284:LEU:O	1:AL:288:ILE:HG12	2.14	0.48
1:AM:440:LYS:HB2	1:AM:440:LYS:NZ	2.28	0.48
1:AO:224:ILE:HD11	1:AO:346:GLY:HA3	1.94	0.48
1:AO:291:VAL:HG23	1:AO:295:THR:HG23	1.96	0.48
1:AP:363:VAL:HG22	1:AP:364:ASN:OD1	2.13	0.48
1:AR:136:GLN:HB3	1:AR:139:SER:OG	2.13	0.48
1:AS:89:LEU:CA	1:AS:92:ILE:HD12	2.43	0.48
1:AS:281:ASP:OD1	1:AS:283:ARG:HG2	2.12	0.48
1:AS:421:LEU:HD11	1:AS:425:MET:HE2	1.95	0.48
1:AS:451:GLU:HG3	1:AT:122:GLU:CG	2.44	0.48
1:AT:293:ASP:OD1	1:AT:293:ASP:C	2.56	0.48
1:AW:92:ILE:HG23	1:AW:116:ILE:CG1	2.31	0.48
1:AW:183:GLY:O	1:AW:188:ALA:HB3	2.14	0.48
1:AW:201:LYS:HA	1:AW:208:ASP:HB2	1.96	0.48
1:AX:487:LYS:O	1:AX:491:LEU:HD23	2.13	0.48
1:A1:485:PHE:CZ	1:AQ:501:GLN:HG3	2.49	0.48
1:A2:263:THR:HG22	1:A2:268:GLU:HG3	1.94	0.48
1:A3:454:THR:HB	1:AL:122:GLU:OE2	2.14	0.48
1:A4:244:TYR:C	1:A4:244:TYR:CD2	2.91	0.48
1:A4:478:PHE:HE2	1:AT:5:ILE:CG2	2.27	0.48
1:A5:490:ILE:CG2	1:AE:510:LEU:HD12	2.44	0.48
1:A6:88:ILE:O	1:A6:92:ILE:CD1	2.54	0.48
1:A7:167:ASP:HA	1:A7:384:ARG:CB	2.44	0.48
1:A7:183:GLY:O	1:A7:188:ALA:HB3	2.14	0.48
1:A8:395:ALA:CB	1:A8:414:ILE:HG23	2.44	0.48
1:A9:50:ILE:HD11	1:AA:133:ASN:HD21	1.79	0.48
1:AB:183:GLY:O	1:AB:188:ALA:HB3	2.13	0.48
1:AD:229:GLU:O	1:AD:233:ARG:HG3	2.14	0.48

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AD:244:TYR:C	1:AD:244:TYR:CD2	2.91	0.48
1:AE:319:VAL:HG12	1:AE:342:HIS:HD2	1.79	0.48
1:AF:167:ASP:HB3	1:AF:384:ARG:CZ	2.44	0.48
1:AG:93:LYS:HG2	1:AJ:60:ASN:HD21	1.77	0.48
1:AH:258:THR:CG2	1:AH:273:ASN:HA	2.30	0.48
1:AH:423:GLY:O	1:AH:427:VAL:HG23	2.13	0.48
1:AJ:83:ASP:HB2	1:AJ:442:ARG:HH21	1.77	0.48
1:AM:8:ASN:HB3	1:AM:11:ALA:HB3	1.96	0.48
1:AN:157:VAL:HG22	1:AN:451:GLU:OE2	2.14	0.48
1:AN:294:ARG:NH1	1:AS:389:ILE:HD12	2.28	0.48
1:AN:445:MET:HA	1:AN:445:MET:CE	2.35	0.48
1:AO:293:ASP:OD1	1:AO:294:ARG:HG3	2.14	0.48
1:AO:459:ILE:HG13	1:AO:460:SER:N	2.29	0.48
1:AQ:75:VAL:HG11	1:AQ:449:GLN:HB2	1.95	0.48
1:AQ:122:GLU:OE1	1:AR:454:THR:HB	2.14	0.48
1:AQ:211:ILE:HG22	1:AQ:212:GLU:N	2.29	0.48
1:AS:88:ILE:CD1	1:AS:122:GLU:OE1	2.62	0.48
1:AT:65:ILE:CG1	1:AT:459:ILE:HD11	2.43	0.48
1:AT:186:ALA:HB3	1:AT:334:PHE:O	2.14	0.48
1:AT:258:THR:CG2	1:AT:273:ASN:HA	2.28	0.48
1:AU:97:VAL:HG22	1:AU:428:MET:CE	2.44	0.48
1:AU:173:ARG:HD2	1:AU:357:ASP:HA	1.95	0.48
1:AU:281:ASP:OD1	1:AU:283:ARG:HG2	2.13	0.48
1:AW:470:GLU:HA	1:AW:473:ILE:CG2	2.44	0.48
1:A1:478:PHE:CE2	1:AI:5:ILE:HG21	2.49	0.48
1:A1:512:LEU:HD23	1:AB:496:SER:HB2	1.96	0.48
1:A3:4:ARG:HH11	1:AS:472:GLN:HA	1.76	0.48
1:A3:382:ASN:O	1:A3:430:MET:HE1	2.14	0.48
1:A4:90:ASP:OD2	1:A4:90:ASP:C	2.57	0.48
1:A4:183:GLY:O	1:A4:188:ALA:HB3	2.14	0.48
1:A5:85:GLN:OE1	1:A5:123:LEU:HG	2.14	0.48
1:A6:283:ARG:HG3	1:A6:284:LEU:N	2.29	0.48
1:A8:510:LEU:N	1:A8:510:LEU:HD23	2.29	0.48
1:A9:15:HIS:HA	1:A9:499:MET:HE1	1.94	0.48
1:A9:386:VAL:HG23	1:A9:430:MET:CE	2.44	0.48
1:AB:218:THR:O	1:AB:315:ARG:HD3	2.14	0.48
1:AD:337:ILE:HG22	1:AD:342:HIS:CG	2.49	0.48
1:AE:38:ILE:HD11	1:AE:44:ASP:HB3	1.96	0.48
1:AE:211:ILE:HD11	1:AE:238:LEU:CD1	2.43	0.48
1:AE:216:ILE:HD13	1:AE:223:GLY:CA	2.43	0.48
1:AE:281:ASP:OD2	1:AE:283:ARG:HB3	2.14	0.48

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AG:186:ALA:HB2	1:AG:334:PHE:HB2	1.92	0.48
1:AG:209:TYR:HB2	1:AG:238:LEU:HD21	1.96	0.48
1:AG:442:ARG:NH1	1:AJ:48:MET:HG3	2.29	0.48
1:AH:370:PHE:HA	1:AH:376:VAL:CG1	2.42	0.48
1:AK:325:SER:CB	1:AK:330:GLY:HA3	2.44	0.48
1:AM:511:ARG:NH1	1:AM:512:LEU:HB2	2.29	0.48
1:AN:138:LEU:HD23	1:AN:138:LEU:N	2.29	0.48
1:AN:179:PHE:HD1	1:AN:184:MET:HE2	1.78	0.48
1:AP:100:ALA:HB2	1:AP:424:ALA:HB1	1.96	0.48
1:AQ:92:ILE:HD12	1:AQ:92:ILE:H	1.77	0.48
1:AR:88:ILE:CG2	1:AR:92:ILE:HD11	2.44	0.48
1:AT:325:SER:CB	1:AT:330:GLY:HA3	2.43	0.48
1:AU:212:GLU:OE2	1:AU:212:GLU:N	2.43	0.48
1:AU:386:VAL:HG23	1:AU:430:MET:CE	2.44	0.48
1:AW:187:SER:HB3	1:AW:335:ALA:HB1	1.95	0.48
1:AW:386:VAL:HG23	1:AW:430:MET:CE	2.43	0.48
1:AX:81:ALA:CB	1:AX:138:LEU:HD11	2.41	0.48
1:AX:229:GLU:O	1:AX:233:ARG:HG3	2.14	0.48
1:AX:300:SER:O	1:AX:301:LEU:HD23	2.14	0.48
1:A1:102:ASP:OD2	1:A1:145:LYS:HA	2.14	0.48
1:A1:126:ILE:HG12	1:AQ:458:ASN:ND2	2.26	0.48
1:A1:234:PHE:CE2	1:AB:303:ILE:HG13	2.49	0.48
1:A1:251:GLY:H	1:A1:332:GLY:CA	2.16	0.48
1:A3:300:SER:O	1:A3:301:LEU:HD23	2.13	0.48
1:A3:348:LEU:HD22	1:A3:370:PHE:CE2	2.49	0.48
1:A4:325:SER:CB	1:A4:330:GLY:HA3	2.43	0.48
1:A6:122:GLU:CD	1:AT:454:THR:HB	2.39	0.48
1:A6:189:ALA:HA	1:A6:192:ASN:CG	2.39	0.48
1:A8:342:HIS:ND1	1:A8:343:ALA:N	2.61	0.48
1:A9:84:GLU:HG2	1:AH:458:ASN:HB2	1.94	0.48
1:A9:263:THR:HG22	1:A9:268:GLU:HG3	1.94	0.48
1:AA:363:VAL:HG22	1:AA:364:ASN:OD1	2.14	0.48
1:AB:78:ALA:O	1:AB:82:MET:HE3	2.13	0.48
1:AC:227:LEU:O	1:AC:230:ILE:HG12	2.13	0.48
1:AD:116:ILE:CD1	1:AD:418:VAL:HG21	2.44	0.48
1:AD:328:VAL:C	1:AD:329:PHE:CD1	2.92	0.48
1:AE:60:ASN:HD21	1:AK:93:LYS:HE2	1.78	0.48
1:AF:201:LYS:HB2	1:AF:359:ILE:CG1	2.44	0.48
1:AH:395:ALA:CB	1:AH:414:ILE:HG23	2.44	0.48
1:AI:61:LEU:HB3	1:AI:463:GLN:HB2	1.95	0.48
1:AK:447:SER:OG	1:AN:118:ARG:HG3	2.14	0.48

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AM:75:VAL:HG13	1:AM:445:MET:CG	2.35	0.48
1:AM:215:ARG:HB2	1:AM:215:ARG:CZ	2.44	0.48
1:AM:283:ARG:HG3	1:AM:284:LEU:N	2.29	0.48
1:AN:392:ALA:HB2	1:AN:411:SER:O	2.14	0.48
1:AR:89:LEU:HA	1:AR:92:ILE:HD12	1.94	0.48
1:AU:511:ARG:NH2	1:AU:512:LEU:HD13	2.29	0.48
1:AV:88:ILE:CD1	1:AV:122:GLU:HG3	2.44	0.48
1:AW:259:VAL:HA	1:AW:324:ALA:CB	2.44	0.48
1:AW:319:VAL:H	1:AW:342:HIS:HD2	1.62	0.48
1:A1:50:ILE:HD11	1:AB:133:ASN:ND2	2.29	0.47
1:A1:184:MET:HA	1:A1:192:ASN:ND2	2.25	0.47
1:A2:65:ILE:CG1	1:A2:459:ILE:HD11	2.44	0.47
1:A2:89:LEU:CA	1:A2:92:ILE:HD12	2.43	0.47
1:A3:38:ILE:HD11	1:A3:44:ASP:HB3	1.95	0.47
1:A6:281:ASP:OD2	1:A6:283:ARG:HB3	2.14	0.47
1:A7:184:MET:CE	1:A7:345:ILE:HG12	2.32	0.47
1:A7:189:ALA:O	1:A7:192:ASN:HB2	2.13	0.47
1:A8:166:SER:O	1:A8:383:LEU:HB3	2.14	0.47
1:A8:214:VAL:HG11	1:A8:227:LEU:HB2	1.95	0.47
1:A9:163:SER:OG	1:A9:168:LYS:HD3	2.13	0.47
1:AA:281:ASP:OD1	1:AA:283:ARG:HG2	2.13	0.47
1:AA:283:ARG:HA	1:AA:286:ASN:ND2	2.29	0.47
1:AC:213:THR:CG2	1:AO:278:ASN:HD21	2.27	0.47
1:AE:297:VAL:HG21	1:AE:317:ILE:HG12	1.96	0.47
1:AG:60:ASN:ND2	1:AW:93:LYS:HG2	2.22	0.47
1:AG:260:ARG:HA	1:AG:271:THR:OG1	2.14	0.47
1:AH:231:ILE:HG21	1:AH:242:ALA:HB2	1.95	0.47
1:AH:328:VAL:C	1:AH:329:PHE:CD1	2.92	0.47
1:AJ:61:LEU:HB3	1:AJ:463:GLN:HB2	1.96	0.47
1:AJ:183:GLY:O	1:AJ:188:ALA:HB3	2.14	0.47
1:AJ:363:VAL:HG22	1:AJ:364:ASN:OD1	2.13	0.47
1:AL:189:ALA:O	1:AL:192:ASN:HB2	2.13	0.47
1:AL:510:LEU:HD23	1:AL:510:LEU:N	2.29	0.47
1:AM:218:THR:O	1:AM:315:ARG:HD3	2.14	0.47
1:AO:174:MET:HE1	1:AO:398:ALA:HB2	1.95	0.47
1:AT:98:GLN:HG2	1:AT:112:LEU:HD21	1.94	0.47
1:AU:224:ILE:HD13	1:AU:345:ILE:O	2.14	0.47
1:AU:227:LEU:O	1:AU:230:ILE:HG12	2.14	0.47
1:AV:21:ASN:HA	1:AV:24:ASP:OD1	2.14	0.47
1:AW:352:ARG:HB3	1:AW:358:ILE:HD11	1.96	0.47
1:A3:390:PHE:CE2	1:A3:417:GLY:HA2	2.49	0.47

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A6:163:SER:OG	1:A6:168:LYS:HD3	2.14	0.47
1:AA:112:LEU:HD11	1:AK:46:SER:OG	2.13	0.47
1:AD:184:MET:O	1:AD:189:ALA:HB2	2.13	0.47
1:AE:386:VAL:HG23	1:AE:430:MET:HE1	1.96	0.47
1:AF:125:ASN:O	1:AF:129:THR:HG23	2.14	0.47
1:AF:157:VAL:HG22	1:AF:451:GLU:OE2	2.14	0.47
1:AF:421:LEU:HD21	1:AS:146:GLU:CD	2.39	0.47
1:AF:511:ARG:HH12	1:AF:512:LEU:HD13	1.78	0.47
1:AG:20:GLN:OE1	1:AG:20:GLN:C	2.57	0.47
1:AH:224:ILE:HD11	1:AH:346:GLY:HA3	1.96	0.47
1:AI:190:ALA:O	1:AI:193:LEU:HG	2.13	0.47
1:AJ:65:ILE:CG1	1:AJ:459:ILE:HD11	2.44	0.47
1:AJ:233:ARG:HD2	1:AJ:234:PHE:CE1	2.49	0.47
1:AJ:337:ILE:HG22	1:AJ:342:HIS:CG	2.48	0.47
1:AN:61:LEU:HB3	1:AN:463:GLN:HB2	1.97	0.47
1:AP:510:LEU:HD12	1:AT:490:ILE:HG23	1.95	0.47
1:AQ:117:GLN:HE21	1:AQ:387:ARG:HD2	1.79	0.47
1:AQ:167:ASP:HB3	1:AQ:384:ARG:CZ	2.44	0.47
1:AQ:189:ALA:HA	1:AQ:192:ASN:ND2	2.29	0.47
1:AR:61:LEU:O	1:AR:65:ILE:HG13	2.14	0.47
1:AR:129:THR:CG2	1:AU:155:THR:HG23	2.44	0.47
1:AS:65:ILE:CG1	1:AS:459:ILE:HD11	2.44	0.47
1:AS:138:LEU:N	1:AS:138:LEU:HD23	2.28	0.47
1:AS:167:ASP:HB3	1:AS:384:ARG:CZ	2.45	0.47
1:AU:395:ALA:CB	1:AU:414:ILE:HG23	2.44	0.47
1:AW:5:ILE:HG12	1:AW:510:LEU:HD11	1.96	0.47
1:AW:281:ASP:OD2	1:AW:283:ARG:HB3	2.13	0.47
1:AX:511:ARG:NH2	1:AX:512:LEU:HD11	2.29	0.47
1:A2:35:GLY:O	1:A2:476:VAL:HG12	2.13	0.47
1:A2:186:ALA:HB2	1:A2:334:PHE:HB2	1.94	0.47
1:A2:421:LEU:HD21	1:AR:146:GLU:CD	2.39	0.47
1:A3:155:THR:HG23	1:AL:129:THR:CG2	2.43	0.47
1:A3:183:GLY:O	1:A3:188:ALA:HB3	2.15	0.47
1:A3:227:LEU:O	1:A3:230:ILE:HG12	2.14	0.47
1:A4:61:LEU:O	1:A4:65:ILE:HG13	2.15	0.47
1:A5:144:ASN:HD21	1:AH:247:MET:HE1	1.78	0.47
1:A5:224:ILE:HD11	1:A5:346:GLY:HA3	1.97	0.47
1:A5:260:ARG:HA	1:A5:271:THR:OG1	2.14	0.47
1:A6:189:ALA:HA	1:A6:192:ASN:ND2	2.29	0.47
1:A6:501:GLN:HG3	1:AW:485:PHE:CZ	2.49	0.47
1:A7:251:GLY:N	1:A7:333:ASN:H	2.12	0.47

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A8:234:PHE:CD2	1:AS:303:ILE:HD12	2.50	0.47
1:A9:138:LEU:N	1:A9:138:LEU:HD23	2.29	0.47
1:AA:224:ILE:HD11	1:AA:246:VAL:HG22	1.95	0.47
1:AC:145:LYS:HA	1:AR:102:ASP:OD2	2.15	0.47
1:AC:189:ALA:HB3	1:AC:343:ALA:HB3	1.96	0.47
1:AD:319:VAL:H	1:AD:342:HIS:HD1	1.62	0.47
1:AD:328:VAL:HG12	1:AD:329:PHE:HD1	1.79	0.47
1:AE:48:MET:SD	1:AK:442:ARG:HD3	2.54	0.47
1:AE:173:ARG:HD2	1:AE:357:ASP:HA	1.94	0.47
1:AE:251:GLY:H	1:AE:332:GLY:CA	2.18	0.47
1:AE:284:LEU:O	1:AE:288:ILE:HG12	2.15	0.47
1:AE:371:HIS:CB	1:AE:374:GLN:HG3	2.32	0.47
1:AF:122:GLU:OE2	1:AN:454:THR:HB	2.13	0.47
1:AF:225:GLY:HA2	1:AF:244:TYR:CD1	2.48	0.47
1:AG:145:LYS:HA	1:AW:102:ASP:OD2	2.14	0.47
1:AH:511:ARG:NH1	1:AH:512:LEU:HB2	2.30	0.47
1:AJ:201:LYS:HA	1:AJ:208:ASP:CB	2.44	0.47
1:AP:167:ASP:OD1	1:AP:168:LYS:HG3	2.14	0.47
1:AP:183:GLY:O	1:AP:188:ALA:HB3	2.14	0.47
1:AP:250:GLY:HA2	1:AP:333:ASN:H	1.79	0.47
1:AQ:149:ILE:HD11	1:AQ:157:VAL:HB	1.95	0.47
1:AT:97:VAL:HG22	1:AT:428:MET:CE	2.43	0.47
1:AT:352:ARG:HD2	1:AT:356:ARG:O	2.15	0.47
1:AU:99:ALA:CB	1:AU:112:LEU:HD22	2.31	0.47
1:AU:510:LEU:HD23	1:AU:510:LEU:N	2.29	0.47
1:AX:179:PHE:HB2	1:AX:347:ARG:HG2	1.96	0.47
1:AX:184:MET:HE1	1:AX:345:ILE:CD1	2.44	0.47
1:A2:472:GLN:HA	1:AR:4:ARG:HH11	1.79	0.47
1:A3:174:MET:CE	1:A3:398:ALA:HB2	2.44	0.47
1:A3:246:VAL:HB	1:A3:311:SER:HB3	1.95	0.47
1:A4:352:ARG:HB3	1:A4:358:ILE:HD11	1.96	0.47
1:A5:231:ILE:HG21	1:A5:242:ALA:HB2	1.95	0.47
1:A6:93:LYS:CE	1:AP:60:ASN:HD21	2.27	0.47
1:A6:112:LEU:HD11	1:AL:46:SER:OG	2.15	0.47
1:A6:319:VAL:H	1:A6:342:HIS:HD2	1.63	0.47
1:A8:48:MET:SD	1:AN:442:ARG:HD3	2.54	0.47
1:A9:93:LYS:CD	1:AK:60:ASN:HD21	2.27	0.47
1:AC:284:LEU:O	1:AC:288:ILE:HG12	2.14	0.47
1:AD:239:GLY:O	1:AD:352:ARG:HG3	2.15	0.47
1:AD:395:ALA:CB	1:AD:414:ILE:HG23	2.44	0.47
1:AF:61:LEU:O	1:AF:65:ILE:HG13	2.14	0.47

*Continued on next page...*



*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AH:201:LYS:HE2	1:AH:201:LYS:HB3	1.74	0.47
1:AI:247:MET:HE2	1:AI:402:ALA:CB	2.44	0.47
1:AJ:173:ARG:HD2	1:AJ:357:ASP:HA	1.96	0.47
1:AJ:175:GLU:HA	1:AJ:377:ALA:O	2.14	0.47
1:AJ:244:TYR:C	1:AJ:244:TYR:CD2	2.92	0.47
1:AL:83:ASP:HB2	1:AL:442:ARG:HH21	1.79	0.47
1:AL:146:GLU:HG3	1:AL:156:THR:HG21	1.96	0.47
1:AM:186:ALA:HB2	1:AM:334:PHE:HB2	1.95	0.47
1:AN:184:MET:O	1:AN:189:ALA:HB2	2.15	0.47
1:AN:201:LYS:HB2	1:AN:359:ILE:CG1	2.45	0.47
1:AO:218:THR:O	1:AO:315:ARG:HD3	2.14	0.47
1:AQ:146:GLU:CD	1:AV:421:LEU:HD21	2.40	0.47
1:AR:262:LEU:HD12	1:AR:263:THR:N	2.29	0.47
1:AS:231:ILE:HG21	1:AS:242:ALA:HB2	1.96	0.47
1:AU:186:ALA:HB2	1:AU:334:PHE:HB2	1.95	0.47
1:A1:84:GLU:OE1	1:A1:84:GLU:HA	2.14	0.47
1:A1:352:ARG:HB3	1:A1:358:ILE:HD11	1.96	0.47
1:A2:120:LEU:CD2	1:A2:166:SER:HB2	2.44	0.47
1:A2:183:GLY:O	1:A2:188:ALA:HB3	2.15	0.47
1:A5:110:ARG:CZ	1:A5:110:ARG:HB2	2.43	0.47
1:A5:138:LEU:HD12	1:A5:138:LEU:N	2.29	0.47
1:A5:511:ARG:NH1	1:A5:512:LEU:CD1	2.72	0.47
1:A6:211:ILE:HG22	1:A6:212:GLU:N	2.28	0.47
1:A6:422:LYS:HA	1:A6:422:LYS:HE3	1.97	0.47
1:A7:155:THR:HG23	1:AJ:129:THR:CG2	2.45	0.47
1:A7:226:ALA:O	1:A7:230:ILE:HG23	2.13	0.47
1:A7:262:LEU:CD1	1:A7:319:VAL:HG23	2.44	0.47
1:A8:83:ASP:HB2	1:A8:442:ARG:HH21	1.78	0.47
1:A9:421:LEU:O	1:A9:421:LEU:HD12	2.14	0.47
1:A9:490:ILE:HG22	1:AN:510:LEU:HD12	1.96	0.47
1:A9:501:GLN:HG3	1:AA:485:PHE:CZ	2.50	0.47
1:AA:251:GLY:H	1:AA:332:GLY:CA	2.17	0.47
1:AA:365:PHE:O	1:AA:368:VAL:HG12	2.15	0.47
1:AC:60:ASN:HD21	1:AR:93:LYS:CE	2.27	0.47
1:AC:328:VAL:C	1:AC:329:PHE:CD1	2.92	0.47
1:AD:104:GLN:HB3	1:AD:108:SER:HG	1.79	0.47
1:AE:4:ARG:HH11	1:AK:472:GLN:HA	1.80	0.47
1:AF:122:GLU:CB	1:AN:451:GLU:HG3	2.41	0.47
1:AF:244:TYR:C	1:AF:244:TYR:CD2	2.92	0.47
1:AG:81:ALA:CB	1:AG:138:LEU:HD11	2.44	0.47
1:AG:278:ASN:CG	1:AP:212:GLU:HG3	2.39	0.47

*Continued on next page...*



*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AG:328:VAL:C	1:AG:329:PHE:CD1	2.93	0.47
1:AG:449:GLN:NE2	1:AJ:42:ALA:HB2	2.30	0.47
1:AI:99:ALA:CB	1:AI:112:LEU:HD22	2.30	0.47
1:AJ:8:ASN:HB3	1:AJ:11:ALA:HB3	1.97	0.47
1:AJ:184:MET:HE1	1:AJ:345:ILE:HG12	1.95	0.47
1:AJ:184:MET:SD	1:AJ:345:ILE:HD11	2.54	0.47
1:AK:167:ASP:OD1	1:AK:168:LYS:HG3	2.14	0.47
1:AK:366:SER:HB2	1:AK:374:GLN:OE1	2.15	0.47
1:AM:281:ASP:OD2	1:AM:283:ARG:HB3	2.15	0.47
1:AM:422:LYS:HA	1:AM:422:LYS:HE3	1.97	0.47
1:AO:259:VAL:HA	1:AO:324:ALA:CB	2.44	0.47
1:AO:342:HIS:ND1	1:AO:343:ALA:N	2.62	0.47
1:AO:356:ARG:HD2	1:AQ:269:ILE:O	2.14	0.47
1:AO:418:VAL:HG22	1:AO:427:VAL:HG21	1.97	0.47
1:AP:46:SER:OG	1:AW:112:LEU:HD11	2.14	0.47
1:AP:186:ALA:HB3	1:AP:334:PHE:O	2.14	0.47
1:AS:167:ASP:HA	1:AS:384:ARG:CB	2.40	0.47
1:AU:247:MET:HE3	1:AU:308:ASN:HB3	1.95	0.47
1:AV:166:SER:O	1:AV:383:LEU:HB3	2.14	0.47
1:AW:175:GLU:HA	1:AW:377:ALA:O	2.14	0.47
1:AW:263:THR:HG21	1:AW:268:GLU:HG3	1.95	0.47
1:AW:421:LEU:HD12	1:AW:421:LEU:O	2.15	0.47
1:AX:65:ILE:HG13	1:AX:459:ILE:HD12	1.93	0.47
1:A2:125:ASN:O	1:A2:129:THR:HG23	2.15	0.47
1:A4:161:ILE:HG23	1:A4:445:MET:HE1	1.96	0.47
1:A4:382:ASN:O	1:A4:430:MET:HE1	2.14	0.47
1:A5:201:LYS:HE2	1:A5:201:LYS:HB3	1.75	0.47
1:A5:422:LYS:O	1:A5:426:ILE:CD1	2.54	0.47
1:A7:328:VAL:C	1:A7:329:PHE:CD1	2.93	0.47
1:A8:145:LYS:HA	1:AN:102:ASP:OD2	2.15	0.47
1:AB:398:ALA:HB1	1:AB:426:ILE:HD11	1.95	0.47
1:AC:5:ILE:CG2	1:AR:478:PHE:HE2	2.28	0.47
1:AC:48:MET:SD	1:AR:442:ARG:HD3	2.54	0.47
1:AD:337:ILE:HG22	1:AD:342:HIS:CB	2.45	0.47
1:AD:509:VAL:CG1	1:AD:510:LEU:N	2.77	0.47
1:AE:353:THR:HG23	1:AE:433:SER:CB	2.38	0.47
1:AE:422:LYS:O	1:AE:426:ILE:CD1	2.53	0.47
1:AF:126:ILE:HG12	1:AN:458:ASN:HD22	1.80	0.47
1:AF:449:GLN:HE21	1:AS:42:ALA:HB2	1.79	0.47
1:AF:508:ASN:ND2	1:AF:508:ASN:C	2.71	0.47
1:AH:303:ILE:O	1:AI:234:PHE:HE2	1.96	0.47

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AI:211:ILE:HD13	1:AI:234:PHE:HD2	1.80	0.47
1:AI:260:ARG:HA	1:AI:271:THR:OG1	2.14	0.47
1:AI:325:SER:CB	1:AI:330:GLY:HA3	2.44	0.47
1:AI:445:MET:HE2	1:AI:445:MET:N	2.30	0.47
1:AK:230:ILE:HG13	1:AK:231:ILE:N	2.29	0.47
1:AM:163:SER:OG	1:AM:168:LYS:HD3	2.15	0.47
1:AP:260:ARG:HA	1:AP:271:THR:OG1	2.14	0.47
1:AQ:189:ALA:O	1:AQ:192:ASN:HB2	2.14	0.47
1:AQ:277:LYS:HB2	2:AQ:609:P8E:O1B	2.14	0.47
1:AQ:410:ASN:HD21	1:AQ:414:ILE:CG2	2.27	0.47
1:AQ:470:GLU:HA	1:AQ:473:ILE:CG2	2.44	0.47
1:AS:163:SER:OG	1:AS:168:LYS:HD3	2.14	0.47
1:AS:325:SER:CB	1:AS:330:GLY:HA3	2.44	0.47
1:AU:262:LEU:HD11	1:AU:319:VAL:CG2	2.44	0.47
1:AV:329:PHE:CG	1:AV:330:GLY:N	2.82	0.47
1:A3:174:MET:HE3	1:A3:398:ALA:HB2	1.96	0.47
1:A3:263:THR:HG21	1:A3:268:GLU:HG3	1.94	0.47
1:A3:356:ARG:HD2	1:AS:269:ILE:O	2.15	0.47
1:A3:502:ALA:O	1:A3:505:VAL:HG12	2.15	0.47
1:A5:7:THR:OG1	1:AH:471:SER:HB2	2.15	0.47
1:A5:42:ALA:HB2	1:AH:449:GLN:NE2	2.29	0.47
1:A5:183:GLY:O	1:A5:188:ALA:HB3	2.14	0.47
1:A5:189:ALA:HA	1:A5:192:ASN:CG	2.40	0.47
1:A5:201:LYS:HB2	1:A5:359:ILE:HG13	1.95	0.47
1:A5:246:VAL:HG22	1:A5:346:GLY:HA3	1.97	0.47
1:A6:102:ASP:OD2	1:AP:145:LYS:HA	2.14	0.47
1:A6:129:THR:CG2	1:AT:155:THR:HG23	2.44	0.47
1:A6:212:GLU:HG3	1:AW:278:ASN:CG	2.40	0.47
1:A6:244:TYR:C	1:A6:244:TYR:CD2	2.92	0.47
1:A7:74:MET:HE3	1:A7:137:MET:HE1	1.97	0.47
1:A8:227:LEU:O	1:A8:230:ILE:HG12	2.15	0.47
1:A8:511:ARG:NH2	1:A8:512:LEU:HD13	2.29	0.47
1:A9:120:LEU:HD21	1:A9:383:LEU:CD2	2.43	0.47
1:A9:187:SER:HB3	1:A9:335:ALA:HB1	1.96	0.47
1:AA:35:GLY:O	1:AA:476:VAL:HG12	2.15	0.47
1:AA:224:ILE:HD11	1:AA:246:VAL:CG2	2.45	0.47
1:AA:264:ILE:HD11	1:AA:288:ILE:HD12	1.95	0.47
1:AA:283:ARG:HA	1:AA:286:ASN:HD22	1.80	0.47
1:AA:360:VAL:HG23	1:AA:365:PHE:CD1	2.50	0.47
1:AB:35:GLY:O	1:AB:476:VAL:HG12	2.14	0.47
1:AC:5:ILE:CD1	1:AC:506:GLN:HG2	2.45	0.47

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AC:65:ILE:HA	1:AC:459:ILE:HD11	1.97	0.47
1:AC:357:ASP:HB2	1:AR:271:THR:O	2.13	0.47
1:AC:458:ASN:HD22	1:AO:126:ILE:CG1	2.23	0.47
1:AE:352:ARG:HH12	1:AE:356:ARG:HH21	1.62	0.47
1:AF:211:ILE:CD1	1:AF:234:PHE:HD1	2.28	0.47
1:AF:421:LEU:HD12	1:AF:421:LEU:O	2.14	0.47
1:AG:92:ILE:HD12	1:AG:92:ILE:H	1.80	0.47
1:AG:250:GLY:HA2	1:AG:333:ASN:H	1.80	0.47
1:AG:426:ILE:N	1:AG:426:ILE:HD12	2.29	0.47
1:AG:470:GLU:HA	1:AG:473:ILE:CG2	2.45	0.47
1:AH:366:SER:HB2	1:AH:374:GLN:OE1	2.15	0.47
1:AI:224:ILE:HD11	1:AI:246:VAL:HG23	1.97	0.47
1:AI:352:ARG:HD2	1:AI:356:ARG:O	2.14	0.47
1:AI:470:GLU:HA	1:AI:473:ILE:CG2	2.45	0.47
1:AJ:247:MET:HE3	1:AJ:308:ASN:HB3	1.96	0.47
1:AJ:250:GLY:HA2	1:AJ:333:ASN:H	1.80	0.47
1:AK:5:ILE:HD11	1:AK:506:GLN:HG2	1.96	0.47
1:AK:82:MET:HE1	1:AK:441:ILE:CG2	2.43	0.47
1:AK:99:ALA:CB	1:AK:112:LEU:HD22	2.30	0.47
1:AK:190:ALA:O	1:AK:193:LEU:HG	2.14	0.47
1:AK:212:GLU:HG3	1:AN:305:GLY:HA3	1.95	0.47
1:AK:421:LEU:HD12	1:AK:421:LEU:O	2.15	0.47
1:AK:511:ARG:HG3	1:AK:512:LEU:N	2.30	0.47
1:AL:89:LEU:CA	1:AL:92:ILE:HD12	2.45	0.47
1:AL:209:TYR:HE1	1:AL:237:THR:HG21	1.80	0.47
1:AL:251:GLY:N	1:AL:333:ASN:H	2.13	0.47
1:AM:102:ASP:OD2	1:AU:145:LYS:HA	2.14	0.47
1:AM:448:VAL:O	1:AM:452:LEU:HG	2.15	0.47
1:AN:186:ALA:HB3	1:AN:334:PHE:O	2.15	0.47
1:AN:352:ARG:HB3	1:AN:358:ILE:HD11	1.96	0.47
1:AN:366:SER:HB2	1:AN:374:GLN:OE1	2.15	0.47
1:AO:92:ILE:HG23	1:AO:116:ILE:CG1	2.26	0.47
1:AO:175:GLU:HA	1:AO:377:ALA:O	2.14	0.47
1:AO:186:ALA:HB3	1:AO:334:PHE:O	2.14	0.47
1:AO:250:GLY:HA2	1:AO:333:ASN:H	1.80	0.47
1:AP:189:ALA:HA	1:AP:192:ASN:CG	2.40	0.47
1:AQ:325:SER:CB	1:AQ:330:GLY:HA3	2.45	0.47
1:AR:126:ILE:CG1	1:AU:458:ASN:HD22	2.27	0.47
1:AR:166:SER:O	1:AR:383:LEU:HB3	2.15	0.47
1:AS:136:GLN:HB3	1:AS:139:SER:OG	2.14	0.47
1:AS:244:TYR:C	1:AS:244:TYR:CD2	2.92	0.47

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AT:61:LEU:HB3	1:AT:463:GLN:HB2	1.97	0.47
1:AT:163:SER:OG	1:AT:168:LYS:HD3	2.14	0.47
1:AT:238:LEU:O	1:AT:240:VAL:HG23	2.14	0.47
1:AU:89:LEU:CA	1:AU:92:ILE:HD12	2.44	0.47
1:AV:260:ARG:HA	1:AV:271:THR:OG1	2.15	0.47
1:AW:251:GLY:H	1:AW:332:GLY:CA	2.18	0.47
1:AX:262:LEU:HD11	1:AX:319:VAL:CG2	2.45	0.47
1:A2:365:PHE:O	1:A2:368:VAL:HG12	2.14	0.47
1:A2:470:GLU:HA	1:A2:473:ILE:CG2	2.44	0.47
1:A3:251:GLY:N	1:A3:333:ASN:H	2.12	0.47
1:A5:33:SER:HB2	1:AD:17:VAL:HG21	1.96	0.47
1:A5:352:ARG:HD2	1:A5:356:ARG:O	2.15	0.47
1:A5:511:ARG:HH12	1:A5:512:LEU:HD12	1.79	0.47
1:A7:6:ASN:OD1	1:AL:491:LEU:HD11	2.15	0.47
1:A7:167:ASP:CA	1:A7:384:ARG:HB2	2.44	0.47
1:A8:259:VAL:O	1:A8:271:THR:HG23	2.14	0.47
1:A9:328:VAL:HG12	1:A9:329:PHE:CD1	2.49	0.47
1:AA:389:ILE:HG13	1:AA:415:GLY:C	2.40	0.47
1:AC:42:ALA:HB2	1:AR:449:GLN:NE2	2.29	0.47
1:AD:5:ILE:HD13	1:AD:510:LEU:HD11	1.97	0.47
1:AD:184:MET:HE1	1:AD:345:ILE:CD1	2.45	0.47
1:AD:260:ARG:HA	1:AD:271:THR:OG1	2.15	0.47
1:AF:183:GLY:O	1:AF:188:ALA:HB3	2.15	0.47
1:AG:163:SER:OG	1:AG:168:LYS:HD3	2.15	0.47
1:AI:218:THR:O	1:AI:315:ARG:HD3	2.15	0.47
1:AJ:172:VAL:O	1:AJ:380:THR:HA	2.13	0.47
1:AJ:328:VAL:HG23	1:AJ:329:PHE:CD1	2.50	0.47
1:AK:250:GLY:HA2	1:AK:333:ASN:H	1.80	0.47
1:AK:421:LEU:HD11	1:AK:425:MET:HE2	1.96	0.47
1:AL:74:MET:HE3	1:AL:137:MET:CE	2.40	0.47
1:AL:88:ILE:O	1:AL:92:ILE:CD1	2.54	0.47
1:AL:211:ILE:HD11	1:AL:238:LEU:HD11	1.97	0.47
1:AL:244:TYR:C	1:AL:244:TYR:CD2	2.93	0.47
1:AL:418:VAL:HG22	1:AL:427:VAL:HG21	1.97	0.47
1:AM:211:ILE:HG23	1:AM:230:ILE:HD12	1.97	0.47
1:AO:190:ALA:O	1:AO:193:LEU:HG	2.14	0.47
1:AO:325:SER:CB	1:AO:330:GLY:HA3	2.45	0.47
1:AP:214:VAL:HG11	1:AP:227:LEU:HA	1.97	0.47
1:AQ:262:LEU:HD23	1:AQ:262:LEU:C	2.39	0.47
1:AS:212:GLU:OE1	1:AS:212:GLU:HA	2.15	0.47
1:AS:422:LYS:HA	1:AS:422:LYS:HE3	1.97	0.47

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AT:510:LEU:HD23	1:AT:510:LEU:N	2.29	0.47
1:AW:511:ARG:HH12	1:AW:512:LEU:HD13	1.80	0.47
1:AX:328:VAL:C	1:AX:329:PHE:CD1	2.93	0.47
1:A1:90:ASP:OD1	1:A1:90:ASP:C	2.58	0.47
1:A1:201:LYS:HA	1:A1:208:ASP:CB	2.45	0.47
1:A1:281:ASP:HB2	1:A1:382:ASN:ND2	2.30	0.47
1:A2:281:ASP:OD1	1:A2:283:ARG:HG2	2.14	0.47
1:A4:82:MET:HE1	1:A4:445:MET:SD	2.55	0.47
1:A4:337:ILE:HG22	1:A4:342:HIS:CG	2.50	0.47
1:A5:120:LEU:HD11	1:A5:166:SER:CB	2.45	0.47
1:A6:369:GLY:HA2	1:A6:374:GLN:NE2	2.30	0.47
1:A7:163:SER:OG	1:A7:168:LYS:HD3	2.14	0.47
1:A8:149:ILE:HD12	1:A8:455:THR:HG21	1.97	0.47
1:A9:426:ILE:HD12	1:A9:426:ILE:H	1.78	0.47
1:A9:442:ARG:HG2	1:AK:48:MET:HE1	1.97	0.47
1:AA:263:THR:HG22	1:AA:268:GLU:HG3	1.96	0.47
1:AC:259:VAL:HA	1:AC:324:ALA:HB2	1.96	0.47
1:AC:262:LEU:HD11	1:AC:319:VAL:CG2	2.44	0.47
1:AC:342:HIS:ND1	1:AC:343:ALA:N	2.62	0.47
1:AD:66:ARG:HG2	1:AD:66:ARG:HH11	1.80	0.47
1:AD:227:LEU:O	1:AD:231:ILE:HG13	2.14	0.47
1:AE:292:LYS:HD2	1:AE:298:GLU:HB3	1.96	0.47
1:AF:84:GLU:OE2	1:AF:84:GLU:HA	2.15	0.47
1:AF:161:ILE:HG12	1:AF:445:MET:HE1	1.97	0.47
1:AH:122:GLU:OE1	1:AI:454:THR:HB	2.14	0.47
1:AH:421:LEU:HD12	1:AH:421:LEU:O	2.15	0.47
1:AI:167:ASP:OD1	1:AI:168:LYS:HG3	2.15	0.47
1:AJ:107:GLU:H	1:AJ:107:GLU:CD	2.23	0.47
1:AJ:284:LEU:O	1:AJ:288:ILE:HG12	2.15	0.47
1:AJ:448:VAL:O	1:AJ:452:LEU:HG	2.15	0.47
1:AK:167:ASP:HA	1:AK:384:ARG:CB	2.39	0.47
1:AK:246:VAL:HG22	1:AK:346:GLY:HA3	1.96	0.47
1:AK:247:MET:HE3	1:AK:308:ASN:HB3	1.97	0.47
1:AK:259:VAL:O	1:AK:271:THR:HG23	2.15	0.47
1:AM:487:LYS:HD2	1:AR:6:ASN:C	2.40	0.47
1:AN:283:ARG:HG3	1:AN:284:LEU:N	2.29	0.47
1:AN:448:VAL:O	1:AN:452:LEU:HG	2.15	0.47
1:AO:149:ILE:CD1	1:AO:455:THR:HG21	2.40	0.47
1:AP:212:GLU:OE1	1:AP:212:GLU:HA	2.15	0.47
1:AQ:238:LEU:O	1:AQ:240:VAL:HG23	2.15	0.47
1:AQ:366:SER:HB2	1:AQ:374:GLN:OE1	2.15	0.47

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AR:281:ASP:OD2	1:AR:283:ARG:HB3	2.14	0.47
1:AS:366:SER:HB2	1:AS:374:GLN:OE1	2.15	0.47
1:AT:259:VAL:HA	1:AT:324:ALA:CB	2.44	0.47
1:AT:395:ALA:CB	1:AT:414:ILE:HG23	2.45	0.47
1:AT:422:LYS:O	1:AT:426:ILE:CD1	2.54	0.47
1:AV:395:ALA:CB	1:AV:414:ILE:HG23	2.45	0.47
1:A1:112:LEU:HD12	1:AO:46:SER:HB2	1.97	0.47
1:A2:166:SER:O	1:A2:383:LEU:HB3	2.15	0.47
1:A3:250:GLY:O	1:A3:306:ARG:HD2	2.14	0.47
1:A3:511:ARG:NH2	1:A3:512:LEU:HD22	2.30	0.47
1:A5:189:ALA:O	1:A5:192:ASN:HB2	2.14	0.47
1:A5:201:LYS:HA	1:A5:208:ASP:HB2	1.97	0.47
1:A5:234:PHE:CE2	1:AK:303:ILE:HD12	2.50	0.47
1:A5:259:VAL:HA	1:A5:324:ALA:HB2	1.97	0.47
1:A6:328:VAL:HG12	1:A6:329:PHE:CD1	2.46	0.47
1:A7:227:LEU:O	1:A7:231:ILE:HG13	2.15	0.47
1:A7:292:LYS:CD	1:A7:298:GLU:HA	2.45	0.47
1:A8:82:MET:HE1	1:A8:441:ILE:HG22	1.97	0.47
1:A9:451:GLU:HG3	1:AA:122:GLU:HB2	1.96	0.47
1:AA:293:ASP:OD1	1:AA:294:ARG:HG3	2.14	0.47
1:AB:65:ILE:CG1	1:AB:459:ILE:HD11	2.44	0.47
1:AB:93:LYS:CG	1:AH:60:ASN:HD21	2.25	0.47
1:AB:175:GLU:HA	1:AB:377:ALA:O	2.14	0.47
1:AB:421:LEU:HD21	1:AH:146:GLU:CD	2.40	0.47
1:AC:211:ILE:HD11	1:AC:238:LEU:CD1	2.41	0.47
1:AD:139:SER:OG	1:AO:233:ARG:HB2	2.15	0.47
1:AE:383:LEU:HA	1:AE:430:MET:HE3	1.96	0.47
1:AG:116:ILE:HD12	1:AG:418:VAL:HG21	1.97	0.47
1:AH:187:SER:HB3	1:AH:335:ALA:HB3	1.97	0.47
1:AI:183:GLY:O	1:AI:188:ALA:HB3	2.15	0.47
1:AJ:291:VAL:HG23	1:AJ:295:THR:HG23	1.96	0.47
1:AO:92:ILE:HD12	1:AO:92:ILE:H	1.78	0.47
1:AO:260:ARG:HA	1:AO:271:THR:OG1	2.15	0.47
1:AO:426:ILE:HD12	1:AO:426:ILE:H	1.80	0.47
1:AQ:83:ASP:HB2	1:AQ:442:ARG:CZ	2.45	0.47
1:AQ:293:ASP:C	1:AQ:293:ASP:OD1	2.57	0.47
1:AT:283:ARG:HG3	1:AT:284:LEU:N	2.30	0.47
1:AX:92:ILE:HD12	1:AX:92:ILE:H	1.80	0.47
1:AX:183:GLY:O	1:AX:188:ALA:HB3	2.15	0.47
1:A2:20:GLN:C	1:A2:20:GLN:OE1	2.58	0.46
1:A3:42:ALA:HB2	1:AS:449:GLN:NE2	2.30	0.46

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A4:472:GLN:HA	1:AT:4:ARG:HH11	1.80	0.46
1:A6:20:GLN:OE1	1:A6:20:GLN:C	2.58	0.46
1:A6:479:ALA:HA	1:AP:513:LEU:HD13	1.97	0.46
1:A7:196:VAL:CG2	1:A7:216:ILE:HD11	2.45	0.46
1:A7:234:PHE:HE2	1:AJ:303:ILE:O	1.98	0.46
1:A8:33:SER:HB2	1:AE:17:VAL:CG2	2.40	0.46
1:A9:201:LYS:HA	1:A9:208:ASP:CB	2.45	0.46
1:AA:283:ARG:HG3	1:AA:284:LEU:N	2.29	0.46
1:AB:371:HIS:HD2	1:AB:373:ALA:HB3	1.80	0.46
1:AC:66:ARG:HG2	1:AC:66:ARG:NH1	2.30	0.46
1:AE:89:LEU:CA	1:AE:92:ILE:HD12	2.45	0.46
1:AE:172:VAL:O	1:AE:380:THR:HA	2.14	0.46
1:AG:281:ASP:OD1	1:AG:283:ARG:HG2	2.14	0.46
1:AG:286:ASN:C	1:AG:286:ASN:OD1	2.58	0.46
1:AH:263:THR:HG22	1:AH:268:GLU:HG3	1.96	0.46
1:AI:20:GLN:C	1:AI:20:GLN:OE1	2.58	0.46
1:AI:97:VAL:HG22	1:AI:428:MET:HE2	1.96	0.46
1:AI:122:GLU:OE2	1:AO:454:THR:HB	2.15	0.46
1:AJ:454:THR:HB	1:AU:122:GLU:OE1	2.16	0.46
1:AN:65:ILE:CG1	1:AN:459:ILE:HD11	2.44	0.46
1:AN:174:MET:HE2	1:AN:398:ALA:HA	1.97	0.46
1:AO:145:LYS:HA	1:AQ:102:ASP:OD2	2.14	0.46
1:AO:259:VAL:HG12	1:AO:262:LEU:HB2	1.96	0.46
1:AP:192:ASN:HA	1:AP:367:HIS:CE1	2.50	0.46
1:AQ:81:ALA:CB	1:AQ:138:LEU:HD11	2.44	0.46
1:AQ:184:MET:HE1	1:AQ:345:ILE:CD1	2.45	0.46
1:AQ:251:GLY:H	1:AQ:332:GLY:CA	2.16	0.46
1:AQ:281:ASP:OD1	1:AQ:283:ARG:HG2	2.15	0.46
1:AQ:384:ARG:HD2	1:AQ:387:ARG:NH2	2.31	0.46
1:AR:88:ILE:HG22	1:AR:92:ILE:HD11	1.96	0.46
1:AU:201:LYS:O	1:AU:359:ILE:HD11	2.14	0.46
1:AU:201:LYS:HA	1:AU:208:ASP:HB2	1.98	0.46
1:AU:260:ARG:HA	1:AU:271:THR:OG1	2.15	0.46
1:AV:89:LEU:CA	1:AV:92:ILE:HD12	2.45	0.46
1:AW:189:ALA:HA	1:AW:192:ASN:CG	2.40	0.46
1:AW:244:TYR:C	1:AW:244:TYR:CD2	2.93	0.46
1:AX:251:GLY:N	1:AX:333:ASN:H	2.12	0.46
1:A1:41:ALA:HA	1:A1:48:MET:HE3	1.97	0.46
1:A2:478:PHE:HE2	1:AR:5:ILE:HG21	1.80	0.46
1:A2:502:ALA:O	1:A2:505:VAL:HG12	2.14	0.46
1:A3:212:GLU:HG3	1:AL:278:ASN:CG	2.40	0.46

*Continued on next page...*



*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A3:259:VAL:O	1:A3:271:THR:HG23	2.15	0.46
1:A3:348:LEU:HD23	1:A3:349:THR:N	2.31	0.46
1:A3:510:LEU:HD12	1:A8:490:ILE:CG2	2.46	0.46
1:A4:446:GLY:HA3	1:AT:41:ALA:CB	2.44	0.46
1:A5:157:VAL:HG22	1:A5:451:GLU:OE2	2.15	0.46
1:A5:212:GLU:HG3	1:AK:305:GLY:HA3	1.96	0.46
1:A6:184:MET:HA	1:A6:192:ASN:ND2	2.23	0.46
1:A6:189:ALA:O	1:A6:192:ASN:HB2	2.14	0.46
1:A7:259:VAL:HA	1:A7:324:ALA:HB2	1.96	0.46
1:A8:175:GLU:HA	1:A8:377:ALA:O	2.14	0.46
1:A8:305:GLY:HA3	1:AE:212:GLU:HG3	1.97	0.46
1:A8:342:HIS:CE1	1:A8:344:VAL:HG23	2.51	0.46
1:A9:253:PRO:HB3	1:AH:212:GLU:OE2	2.15	0.46
1:A9:259:VAL:HA	1:A9:324:ALA:CB	2.45	0.46
1:A9:278:ASN:CG	1:AH:212:GLU:HG3	2.40	0.46
1:A9:451:GLU:O	1:AA:122:GLU:OE1	2.32	0.46
1:AC:426:ILE:HD12	1:AC:426:ILE:H	1.79	0.46
1:AD:46:SER:OG	1:AH:112:LEU:HD11	2.14	0.46
1:AD:203:VAL:HG21	1:AD:209:TYR:CD1	2.50	0.46
1:AE:201:LYS:HE2	1:AE:201:LYS:HB3	1.75	0.46
1:AE:216:ILE:HD13	1:AE:223:GLY:C	2.40	0.46
1:AG:352:ARG:HD2	1:AG:356:ARG:O	2.15	0.46
1:AG:448:VAL:HG22	1:AM:118:ARG:NH2	2.30	0.46
1:AL:291:VAL:HG23	1:AL:295:THR:HG23	1.97	0.46
1:AL:511:ARG:NH2	1:AL:512:LEU:HD13	2.30	0.46
1:AM:215:ARG:NH1	1:AM:215:ARG:CB	2.77	0.46
1:AM:224:ILE:HG13	1:AM:244:TYR:HB2	1.97	0.46
1:AM:395:ALA:CB	1:AM:414:ILE:HG23	2.45	0.46
1:AN:187:SER:HB3	1:AN:335:ALA:HB3	1.98	0.46
1:AN:510:LEU:HD23	1:AN:510:LEU:N	2.30	0.46
1:AP:170:GLY:HA2	1:AP:434:ALA:N	2.31	0.46
1:AR:20:GLN:OE1	1:AR:20:GLN:C	2.59	0.46
1:AR:83:ASP:HB2	1:AR:442:ARG:CZ	2.46	0.46
1:AR:187:SER:HB3	1:AR:335:ALA:HB3	1.97	0.46
1:AS:470:GLU:HA	1:AS:473:ILE:CG2	2.45	0.46
1:AT:366:SER:HB2	1:AT:374:GLN:OE1	2.15	0.46
1:AT:386:VAL:HG22	1:AT:427:VAL:HG22	1.98	0.46
1:AU:187:SER:HB3	1:AU:335:ALA:HB3	1.96	0.46
1:AV:281:ASP:OD2	1:AV:283:ARG:HB3	2.16	0.46
1:AW:20:GLN:C	1:AW:20:GLN:OE1	2.59	0.46
1:A2:383:LEU:HA	1:A2:430:MET:HE2	1.96	0.46

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A3:211:ILE:HG22	1:A3:212:GLU:N	2.30	0.46
1:A3:212:GLU:OE1	1:A3:212:GLU:HA	2.16	0.46
1:A5:125:ASN:O	1:A5:129:THR:HG23	2.15	0.46
1:A5:325:SER:CB	1:A5:330:GLY:HA3	2.45	0.46
1:A7:8:ASN:HB3	1:A7:11:ALA:HB3	1.96	0.46
1:A7:60:ASN:HD21	1:AP:93:LYS:HE2	1.81	0.46
1:A7:189:ALA:HA	1:A7:192:ASN:ND2	2.31	0.46
1:A7:383:LEU:HA	1:A7:430:MET:HE2	1.98	0.46
1:A9:449:GLN:HE21	1:AK:42:ALA:HB2	1.79	0.46
1:AA:75:VAL:CG1	1:AA:445:MET:HG2	2.34	0.46
1:AA:125:ASN:O	1:AA:129:THR:HG23	2.15	0.46
1:AA:249:THR:HB	1:AA:308:ASN:OD1	2.15	0.46
1:AC:395:ALA:CB	1:AC:414:ILE:HG23	2.45	0.46
1:AD:81:ALA:HB3	1:AD:138:LEU:HD11	1.98	0.46
1:AD:473:ILE:HD12	1:AD:473:ILE:O	2.14	0.46
1:AH:510:LEU:HD23	1:AH:510:LEU:N	2.30	0.46
1:AJ:84:GLU:O	1:AJ:88:ILE:HG13	2.14	0.46
1:AJ:201:LYS:HB2	1:AJ:359:ILE:HG13	1.97	0.46
1:AL:42:ALA:HB2	1:AT:449:GLN:HE21	1.79	0.46
1:AM:93:LYS:HG2	1:AU:60:ASN:ND2	2.25	0.46
1:AQ:510:LEU:HD23	1:AQ:510:LEU:N	2.30	0.46
1:AR:218:THR:O	1:AR:315:ARG:HD3	2.15	0.46
1:AR:352:ARG:HD2	1:AR:356:ARG:O	2.15	0.46
1:AS:88:ILE:O	1:AS:92:ILE:CD1	2.56	0.46
1:AS:261:GLU:OE2	1:AS:322:ALA:HB2	2.16	0.46
1:AS:328:VAL:C	1:AS:329:PHE:CD1	2.94	0.46
1:AU:249:THR:HB	1:AU:308:ASN:OD1	2.15	0.46
1:AW:90:ASP:C	1:AW:90:ASP:OD1	2.59	0.46
1:A2:269:ILE:O	1:AR:356:ARG:HD2	2.15	0.46
1:A2:382:ASN:O	1:A2:430:MET:HE1	2.16	0.46
1:A2:384:ARG:HD2	1:A2:387:ARG:NH2	2.30	0.46
1:A6:263:THR:HG21	1:A6:268:GLU:HG3	1.96	0.46
1:A6:478:PHE:HE2	1:AP:5:ILE:HG21	1.80	0.46
1:A7:5:ILE:HD13	1:AL:490:ILE:CG2	2.46	0.46
1:A7:229:GLU:O	1:A7:233:ARG:HG3	2.15	0.46
1:A7:300:SER:O	1:A7:301:LEU:HD23	2.16	0.46
1:A8:216:ILE:HD13	1:A8:223:GLY:CA	2.45	0.46
1:A9:116:ILE:CD1	1:A9:418:VAL:HG21	2.45	0.46
1:A9:234:PHE:CE1	1:AA:303:ILE:HG13	2.50	0.46
1:AA:186:ALA:HB2	1:AA:334:PHE:HB2	1.97	0.46
1:AE:5:ILE:HG21	1:AK:478:PHE:HE2	1.80	0.46

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AF:20:GLN:C	1:AF:20:GLN:OE1	2.59	0.46
1:AF:88:ILE:O	1:AF:92:ILE:CD1	2.54	0.46
1:AG:259:VAL:HA	1:AG:324:ALA:CB	2.46	0.46
1:AH:98:GLN:HG2	1:AH:112:LEU:HD21	1.96	0.46
1:AH:186:ALA:HB3	1:AH:334:PHE:O	2.15	0.46
1:AI:262:LEU:HD12	1:AI:263:THR:N	2.31	0.46
1:AK:62:GLY:HA2	1:AK:65:ILE:HD12	1.97	0.46
1:AO:297:VAL:CG1	1:AO:309:LEU:HG	2.45	0.46
1:AO:470:GLU:HA	1:AO:473:ILE:CG2	2.46	0.46
1:AP:262:LEU:CD1	1:AP:319:VAL:HG23	2.45	0.46
1:AP:509:VAL:HG13	1:AP:510:LEU:N	2.31	0.46
1:AR:126:ILE:HG23	1:AU:458:ASN:ND2	2.27	0.46
1:AS:187:SER:HB3	1:AS:335:ALA:HB3	1.97	0.46
1:AS:302:ASP:CB	1:AS:308:ASN:HD21	2.28	0.46
1:AT:214:VAL:CG2	1:AT:230:ILE:HD13	2.45	0.46
1:AW:365:PHE:O	1:AW:368:VAL:HG12	2.16	0.46
1:AX:195:GLU:OE2	1:AX:215:ARG:HG2	2.14	0.46
1:A1:17:VAL:CG2	1:AB:33:SER:HB2	2.43	0.46
1:A1:186:ALA:HB3	1:A1:334:PHE:O	2.15	0.46
1:A1:421:LEU:HD21	1:AI:146:GLU:CD	2.41	0.46
1:A2:80:LYS:HG3	1:AM:461:VAL:CG1	2.45	0.46
1:A3:209:TYR:CE2	1:A3:237:THR:HG22	2.47	0.46
1:A4:126:ILE:HD13	1:AF:458:ASN:HD22	1.81	0.46
1:A5:117:GLN:C	1:A5:117:GLN:OE1	2.59	0.46
1:A5:133:ASN:ND2	1:AH:105:THR:HG23	2.30	0.46
1:A5:247:MET:HE2	1:A5:247:MET:HB3	1.80	0.46
1:A6:303:ILE:O	1:AT:234:PHE:HE2	1.98	0.46
1:A6:382:ASN:O	1:A6:430:MET:HE1	2.16	0.46
1:A6:511:ARG:HH12	1:A6:512:LEU:HD13	1.81	0.46
1:A7:6:ASN:HD22	1:AP:36:LEU:CD2	2.29	0.46
1:A7:104:GLN:HB3	1:A7:108:SER:OG	2.15	0.46
1:A7:458:ASN:HB2	1:AJ:84:GLU:HG2	1.97	0.46
1:A8:325:SER:CB	1:A8:330:GLY:HA3	2.45	0.46
1:A9:293:ASP:OD1	1:A9:294:ARG:HG3	2.15	0.46
1:A9:452:LEU:HA	1:A9:455:THR:CG2	2.46	0.46
1:AA:166:SER:O	1:AA:383:LEU:HB3	2.15	0.46
1:AA:189:ALA:HA	1:AA:192:ASN:CG	2.41	0.46
1:AA:214:VAL:HG11	1:AA:227:LEU:HA	1.98	0.46
1:AA:371:HIS:HD2	1:AA:373:ALA:HB3	1.80	0.46
1:AB:92:ILE:HD12	1:AB:92:ILE:H	1.80	0.46
1:AC:6:ASN:OD1	1:AU:491:LEU:HD11	2.15	0.46

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AD:507:GLN:HA	1:AO:490:ILE:CD1	2.45	0.46
1:AE:206:VAL:HG11	1:AK:294:ARG:NH2	2.30	0.46
1:AE:259:VAL:HA	1:AE:324:ALA:HB1	1.97	0.46
1:AE:426:ILE:HD12	1:AE:426:ILE:H	1.81	0.46
1:AF:102:ASP:OD2	1:AS:145:LYS:HA	2.15	0.46
1:AF:186:ALA:HB3	1:AF:334:PHE:O	2.15	0.46
1:AH:262:LEU:CD1	1:AH:319:VAL:HG23	2.45	0.46
1:AI:33:SER:HB2	1:AO:17:VAL:CG2	2.38	0.46
1:AI:250:GLY:HA2	1:AI:333:ASN:H	1.80	0.46
1:AI:259:VAL:O	1:AI:271:THR:HG23	2.16	0.46
1:AJ:383:LEU:HA	1:AJ:430:MET:CE	2.46	0.46
1:AK:68:ALA:HB2	1:AK:149:ILE:HG22	1.97	0.46
1:AK:201:LYS:HA	1:AK:208:ASP:CB	2.46	0.46
1:AL:167:ASP:HA	1:AL:384:ARG:CB	2.44	0.46
1:AL:224:ILE:CD1	1:AL:346:GLY:HA3	2.45	0.46
1:AL:234:PHE:CE2	1:AP:303:ILE:HD12	2.50	0.46
1:AL:325:SER:CB	1:AL:330:GLY:HA3	2.45	0.46
1:AL:511:ARG:NH1	1:AL:512:LEU:HD12	2.22	0.46
1:AM:189:ALA:HA	1:AM:192:ASN:CG	2.41	0.46
1:AM:259:VAL:HA	1:AM:324:ALA:CB	2.45	0.46
1:AM:470:GLU:HA	1:AM:473:ILE:HG22	1.97	0.46
1:AN:251:GLY:H	1:AN:332:GLY:CA	2.15	0.46
1:AP:167:ASP:HA	1:AP:384:ARG:CB	2.43	0.46
1:AR:92:ILE:HD12	1:AR:92:ILE:H	1.81	0.46
1:AR:212:GLU:OE1	1:AR:212:GLU:HA	2.14	0.46
1:AV:44:ASP:C	1:AV:44:ASP:OD1	2.58	0.46
1:AV:189:ALA:HA	1:AV:192:ASN:CG	2.41	0.46
1:AV:302:ASP:HB3	1:AV:308:ASN:ND2	2.30	0.46
1:AV:423:GLY:O	1:AV:427:VAL:HG23	2.15	0.46
1:AW:459:ILE:HG13	1:AW:460:SER:N	2.29	0.46
1:A1:50:ILE:HD11	1:AB:133:ASN:HD21	1.80	0.46
1:A1:278:ASN:CG	1:AQ:212:GLU:HG3	2.41	0.46
1:A2:212:GLU:OE2	1:AV:253:PRO:HB3	2.16	0.46
1:A3:353:THR:HG23	1:A3:433:SER:CB	2.37	0.46
1:A4:421:LEU:HD21	1:AT:146:GLU:CD	2.40	0.46
1:A4:475:ASP:OD1	1:AT:6:ASN:HB2	2.15	0.46
1:A5:137:MET:HB2	1:A5:138:LEU:HD12	1.98	0.46
1:A5:328:VAL:C	1:A5:329:PHE:CD1	2.94	0.46
1:A6:231:ILE:HG21	1:A6:242:ALA:HB2	1.98	0.46
1:A6:247:MET:HE1	1:AP:144:ASN:ND2	2.30	0.46
1:A7:42:ALA:HB2	1:AP:449:GLN:NE2	2.30	0.46

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A7:145:LYS:HA	1:AP:102:ASP:OD2	2.15	0.46
1:A7:369:GLY:HA2	1:A7:374:GLN:HE22	1.81	0.46
1:A8:201:LYS:HB2	1:A8:359:ILE:CG1	2.46	0.46
1:A9:20:GLN:OE1	1:A9:20:GLN:C	2.58	0.46
1:A9:186:ALA:HB3	1:A9:334:PHE:O	2.15	0.46
1:A9:201:LYS:HB2	1:A9:359:ILE:CG1	2.46	0.46
1:A9:215:ARG:HB3	1:A9:215:ARG:HH11	1.80	0.46
1:AB:422:LYS:HA	1:AB:422:LYS:HE3	1.97	0.46
1:AC:33:SER:HB2	1:AX:17:VAL:CG2	2.38	0.46
1:AC:138:LEU:HD12	1:AC:138:LEU:H	1.80	0.46
1:AD:5:ILE:HD12	1:AI:478:PHE:CD2	2.50	0.46
1:AD:120:LEU:HD23	1:AD:120:LEU:C	2.40	0.46
1:AE:46:SER:HB2	1:AN:112:LEU:HD12	1.96	0.46
1:AE:183:GLY:O	1:AE:188:ALA:HB3	2.15	0.46
1:AE:291:VAL:HG23	1:AE:295:THR:HG23	1.98	0.46
1:AE:369:GLY:HA2	1:AE:374:GLN:NE2	2.31	0.46
1:AF:196:VAL:O	1:AF:196:VAL:HG23	2.16	0.46
1:AG:50:ILE:HD11	1:AM:133:ASN:ND2	2.31	0.46
1:AG:60:ASN:HD21	1:AW:93:LYS:CD	2.29	0.46
1:AG:471:SER:HB2	1:AG:475:ASP:OD2	2.15	0.46
1:AH:29:LEU:HD23	1:AH:29:LEU:HA	1.80	0.46
1:AH:234:PHE:HB3	1:AH:238:LEU:HD13	1.97	0.46
1:AJ:264:ILE:HD12	1:AJ:295:THR:HB	1.97	0.46
1:AK:201:LYS:HE2	1:AK:201:LYS:HB3	1.74	0.46
1:AK:281:ASP:OD1	1:AK:283:ARG:HG2	2.15	0.46
1:AL:74:MET:HB3	1:AL:137:MET:HE1	1.98	0.46
1:AL:99:ALA:HB2	1:AL:112:LEU:HD22	1.97	0.46
1:AM:68:ALA:HB2	1:AM:149:ILE:CG2	2.45	0.46
1:AM:186:ALA:HB3	1:AM:334:PHE:O	2.16	0.46
1:AO:231:ILE:HG21	1:AO:242:ALA:HB2	1.96	0.46
1:AP:281:ASP:OD1	1:AP:283:ARG:HG2	2.16	0.46
1:AR:86:ILE:HD13	1:AR:439:ASP:OD1	2.15	0.46
1:AR:211:ILE:HD11	1:AR:238:LEU:CD1	2.43	0.46
1:AS:186:ALA:HB3	1:AS:334:PHE:O	2.15	0.46
1:AS:511:ARG:NH2	1:AS:512:LEU:HD13	2.30	0.46
1:AT:192:ASN:HA	1:AT:367:HIS:CE1	2.50	0.46
1:AV:328:VAL:C	1:AV:329:PHE:CD1	2.93	0.46
1:AX:65:ILE:HG12	1:AX:459:ILE:CD1	2.44	0.46
1:A1:174:MET:HE2	1:A1:174:MET:HB2	1.77	0.46
1:A3:184:MET:CE	1:A3:345:ILE:HD11	2.44	0.46
1:A3:363:VAL:HG22	1:A3:364:ASN:OD1	2.16	0.46

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A4:281:ASP:OD1	1:A4:283:ARG:HG2	2.16	0.46
1:A6:126:ILE:HG23	1:AT:458:ASN:HD21	1.80	0.46
1:A6:293:ASP:OD2	1:A6:293:ASP:C	2.59	0.46
1:A7:65:ILE:CG1	1:A7:459:ILE:HD11	2.46	0.46
1:A8:50:ILE:HD11	1:AS:133:ASN:ND2	2.31	0.46
1:A8:110:ARG:HG3	1:A8:110:ARG:HH11	1.81	0.46
1:A8:174:MET:CE	1:A8:398:ALA:HB2	2.46	0.46
1:A8:328:VAL:C	1:A8:329:PHE:CD1	2.94	0.46
1:A9:80:LYS:HG3	1:AH:461:VAL:CG1	2.46	0.46
1:A9:470:GLU:HA	1:A9:473:ILE:CG2	2.45	0.46
1:AB:189:ALA:HB3	1:AB:343:ALA:HB3	1.98	0.46
1:AC:297:VAL:CG2	1:AC:317:ILE:HG12	2.45	0.46
1:AC:447:SER:OG	1:AO:118:ARG:HG3	2.16	0.46
1:AD:250:GLY:HA2	1:AD:333:ASN:H	1.81	0.46
1:AE:124:ASP:OD2	1:AE:166:SER:HB3	2.16	0.46
1:AF:179:PHE:CD1	1:AF:184:MET:HE2	2.48	0.46
1:AF:189:ALA:HA	1:AF:192:ASN:ND2	2.31	0.46
1:AF:281:ASP:OD1	1:AF:283:ARG:HG2	2.15	0.46
1:AG:173:ARG:HD2	1:AG:357:ASP:HA	1.95	0.46
1:AG:422:LYS:HA	1:AG:422:LYS:HE3	1.98	0.46
1:AH:224:ILE:HD11	1:AH:246:VAL:CG2	2.45	0.46
1:AJ:212:GLU:OE1	1:AJ:212:GLU:N	2.48	0.46
1:AJ:454:THR:HB	1:AU:122:GLU:OE2	2.16	0.46
1:AJ:475:ASP:C	1:AJ:475:ASP:OD1	2.58	0.46
1:AM:173:ARG:HD2	1:AM:357:ASP:HA	1.97	0.46
1:AN:85:GLN:OE1	1:AN:123:LEU:HG	2.16	0.46
1:AN:262:LEU:CD1	1:AN:319:VAL:HG23	2.46	0.46
1:AO:211:ILE:CD1	1:AO:234:PHE:HD1	2.29	0.46
1:AQ:218:THR:O	1:AQ:315:ARG:HD3	2.16	0.46
1:AU:174:MET:HE3	1:AU:398:ALA:CA	2.45	0.46
1:AV:389:ILE:HG13	1:AV:415:GLY:C	2.40	0.46
1:AX:173:ARG:HD2	1:AX:357:ASP:HA	1.96	0.46
1:A2:231:ILE:HG21	1:A2:242:ALA:HB2	1.97	0.46
1:A3:259:VAL:HA	1:A3:324:ALA:HB1	1.98	0.46
1:A5:510:LEU:HD12	1:AI:490:ILE:HG23	1.98	0.46
1:A6:470:GLU:HA	1:A6:473:ILE:CG2	2.46	0.46
1:A7:250:GLY:O	1:A7:306:ARG:HD2	2.15	0.46
1:A7:353:THR:HG23	1:A7:433:SER:CB	2.38	0.46
1:A7:371:HIS:CB	1:A7:374:GLN:HG3	2.34	0.46
1:A7:502:ALA:O	1:A7:505:VAL:HG12	2.16	0.46
1:A8:48:MET:HE3	1:A8:48:MET:HB3	1.72	0.46

*Continued on next page...*



*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A8:110:ARG:CZ	1:A8:110:ARG:HB2	2.46	0.46
1:A8:129:THR:CG2	1:AE:155:THR:HG23	2.45	0.46
1:A8:189:ALA:HA	1:A8:192:ASN:CG	2.41	0.46
1:A8:422:LYS:HA	1:A8:422:LYS:HE3	1.98	0.46
1:A8:501:GLN:HG3	1:AS:485:PHE:CE2	2.50	0.46
1:AA:189:ALA:HA	1:AA:192:ASN:ND2	2.31	0.46
1:AC:60:ASN:HD21	1:AR:93:LYS:CG	2.28	0.46
1:AC:129:THR:CG2	1:AX:155:THR:HG23	2.46	0.46
1:AC:302:ASP:CB	1:AC:308:ASN:HD21	2.26	0.46
1:AD:166:SER:O	1:AD:383:LEU:HB3	2.15	0.46
1:AD:357:ASP:HB2	1:AI:271:THR:O	2.16	0.46
1:AE:81:ALA:CB	1:AE:138:LEU:HD11	2.46	0.46
1:AE:247:MET:HG2	1:AE:310:HIS:ND1	2.31	0.46
1:AF:382:ASN:O	1:AF:430:MET:HE1	2.16	0.46
1:AG:174:MET:HE3	1:AG:398:ALA:HA	1.97	0.46
1:AG:437:GLN:HE22	1:AW:286:ASN:ND2	2.14	0.46
1:AH:84:GLU:O	1:AH:88:ILE:HG13	2.16	0.46
1:AI:163:SER:OG	1:AI:168:LYS:HD3	2.15	0.46
1:AJ:136:GLN:HB3	1:AJ:139:SER:OG	2.16	0.46
1:AJ:212:GLU:HG3	1:AU:305:GLY:HA3	1.96	0.46
1:AJ:251:GLY:N	1:AJ:333:ASN:H	2.12	0.46
1:AK:395:ALA:CB	1:AK:414:ILE:HG23	2.45	0.46
1:AL:175:GLU:HA	1:AL:377:ALA:O	2.15	0.46
1:AL:510:LEU:HD12	1:AS:490:ILE:CG2	2.46	0.46
1:AM:15:HIS:HA	1:AM:499:MET:HE3	1.97	0.46
1:AM:449:GLN:NE2	1:AU:42:ALA:HB2	2.31	0.46
1:AO:227:LEU:O	1:AO:230:ILE:HG12	2.15	0.46
1:AO:363:VAL:HG22	1:AO:364:ASN:OD1	2.16	0.46
1:AP:167:ASP:CA	1:AP:384:ARG:HB2	2.44	0.46
1:AQ:211:ILE:HD11	1:AQ:238:LEU:CD2	2.39	0.46
1:AQ:303:ILE:O	1:AR:234:PHE:HE1	1.98	0.46
1:AR:283:ARG:HG3	1:AR:284:LEU:N	2.30	0.46
1:AR:305:GLY:CA	1:AU:212:GLU:HG3	2.46	0.46
1:AS:173:ARG:HD2	1:AS:357:ASP:HA	1.96	0.46
1:AS:174:MET:HE3	1:AS:398:ALA:HA	1.97	0.46
1:AS:342:HIS:ND1	1:AS:343:ALA:N	2.63	0.46
1:AT:173:ARG:HD2	1:AT:357:ASP:HA	1.97	0.46
1:AT:187:SER:HB3	1:AT:335:ALA:HB3	1.98	0.46
1:AU:174:MET:CE	1:AU:398:ALA:HB2	2.45	0.46
1:AW:363:VAL:HG22	1:AW:364:ASN:OD1	2.16	0.46
1:A1:129:THR:CG2	1:AQ:155:THR:HG23	2.46	0.46

*Continued on next page...*



*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A1:189:ALA:O	1:A1:192:ASN:HB2	2.15	0.46
1:A1:189:ALA:HB3	1:A1:343:ALA:HB3	1.98	0.46
1:A1:508:ASN:ND2	1:A1:509:VAL:N	2.63	0.46
1:A2:189:ALA:HB3	1:A2:343:ALA:HB3	1.97	0.46
1:A3:211:ILE:CD1	1:A3:234:PHE:HD2	2.29	0.46
1:A4:189:ALA:HA	1:A4:192:ASN:CG	2.41	0.46
1:A4:189:ALA:O	1:A4:192:ASN:HB2	2.15	0.46
1:A5:4:ARG:HH11	1:AH:472:GLN:HA	1.78	0.46
1:A5:145:LYS:HA	1:AH:102:ASP:OD2	2.16	0.46
1:A5:448:VAL:O	1:A5:452:LEU:HG	2.16	0.46
1:A5:484:ASN:OD1	1:A5:488:TYR:HE2	1.98	0.46
1:A7:35:GLY:C	1:A7:476:VAL:HG12	2.41	0.46
1:A8:184:MET:HE1	1:A8:345:ILE:CD1	2.46	0.46
1:A8:250:GLY:HA2	1:A8:333:ASN:H	1.80	0.46
1:A8:496:SER:HA	1:A8:499:MET:HE3	1.98	0.46
1:A9:189:ALA:HA	1:A9:192:ASN:CG	2.41	0.46
1:A9:189:ALA:HA	1:A9:192:ASN:ND2	2.30	0.46
1:AC:382:ASN:O	1:AC:430:MET:HE1	2.15	0.46
1:AE:14:SER:HB3	1:AE:499:MET:HG3	1.97	0.46
1:AE:60:ASN:HD21	1:AK:93:LYS:CD	2.29	0.46
1:AE:437:GLN:O	1:AE:441:ILE:HG13	2.16	0.46
1:AF:11:ALA:HA	1:AF:14:SER:OG	2.16	0.46
1:AH:209:TYR:CE1	1:AH:237:THR:HG22	2.51	0.46
1:AH:283:ARG:HG3	1:AH:284:LEU:N	2.31	0.46
1:AJ:76:GLN:HG2	1:AJ:449:GLN:OE1	2.16	0.46
1:AK:68:ALA:HB2	1:AK:149:ILE:CG2	2.46	0.46
1:AK:293:ASP:C	1:AK:293:ASP:OD1	2.59	0.46
1:AK:369:GLY:HA2	1:AK:374:GLN:NE2	2.31	0.46
1:AL:259:VAL:HA	1:AL:324:ALA:HB2	1.98	0.46
1:AL:260:ARG:HA	1:AL:271:THR:OG1	2.15	0.46
1:AL:383:LEU:HA	1:AL:430:MET:HE3	1.96	0.46
1:AL:513:LEU:CD1	1:AT:479:ALA:HA	2.45	0.46
1:AM:175:GLU:HA	1:AM:377:ALA:O	2.16	0.46
1:AN:120:LEU:HD21	1:AN:166:SER:OG	2.16	0.46
1:AO:369:GLY:HA2	1:AO:374:GLN:NE2	2.31	0.46
1:AQ:186:ALA:HB2	1:AQ:334:PHE:HB2	1.94	0.46
1:AR:112:LEU:HD12	1:AX:46:SER:HB2	1.97	0.46
1:AR:167:ASP:HB3	1:AR:384:ARG:CZ	2.46	0.46
1:AV:65:ILE:CG1	1:AV:459:ILE:HD11	2.45	0.46
1:AX:57:GLN:O	1:AX:61:LEU:HG	2.16	0.46
1:AX:423:GLY:CA	1:AX:426:ILE:HD12	2.46	0.46

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A1:225:GLY:HA2	1:A1:244:TYR:CD1	2.51	0.46
1:A1:422:LYS:HA	1:A1:422:LYS:HE3	1.98	0.46
1:A1:475:ASP:CB	1:AI:4:ARG:HG2	2.46	0.46
1:A2:260:ARG:HA	1:A2:271:THR:OG1	2.16	0.46
1:A4:149:ILE:HD12	1:A4:455:THR:HG21	1.97	0.46
1:A4:174:MET:CE	1:A4:398:ALA:HB2	2.46	0.46
1:A4:278:ASN:CG	1:AF:212:GLU:HG3	2.41	0.46
1:A4:511:ARG:HH12	1:A4:512:LEU:HD13	1.81	0.46
1:A5:187:SER:HB3	1:A5:335:ALA:HB3	1.99	0.46
1:A5:328:VAL:HG12	1:A5:329:PHE:CD1	2.50	0.46
1:A5:454:THR:HB	1:AK:122:GLU:CD	2.40	0.46
1:A6:234:PHE:HE1	1:AW:303:ILE:O	1.99	0.46
1:A8:9:ILE:CD1	1:AN:468:ALA:HA	2.46	0.46
1:A8:92:ILE:HD12	1:A8:92:ILE:H	1.81	0.46
1:A8:118:ARG:HG3	1:AE:447:SER:OG	2.16	0.46
1:A9:451:GLU:CG	1:AA:122:GLU:OE1	2.63	0.46
1:AA:83:ASP:HB2	1:AA:442:ARG:CZ	2.45	0.46
1:AB:107:GLU:H	1:AB:107:GLU:CD	2.24	0.46
1:AD:363:VAL:HG22	1:AD:364:ASN:OD1	2.16	0.46
1:AF:201:LYS:HA	1:AF:208:ASP:CB	2.46	0.46
1:AF:470:GLU:HA	1:AF:473:ILE:CG2	2.46	0.46
1:AG:418:VAL:O	1:AG:418:VAL:HG12	2.16	0.46
1:AG:461:VAL:CG1	1:AM:80:LYS:HG3	2.46	0.46
1:AI:100:ALA:HB2	1:AI:424:ALA:HB1	1.97	0.46
1:AJ:259:VAL:O	1:AJ:271:THR:HG23	2.16	0.46
1:AK:451:GLU:CG	1:AN:122:GLU:CG	2.89	0.46
1:AL:5:ILE:HG12	1:AS:490:ILE:CG2	2.46	0.46
1:AL:92:ILE:HG23	1:AL:116:ILE:CG2	2.46	0.46
1:AL:184:MET:SD	1:AL:345:ILE:HD11	2.55	0.46
1:AO:83:ASP:C	1:AO:83:ASP:OD2	2.59	0.46
1:AO:328:VAL:C	1:AO:329:PHE:CD1	2.94	0.46
1:AP:93:LYS:O	1:AP:97:VAL:HG23	2.16	0.46
1:AQ:125:ASN:O	1:AQ:129:THR:HG23	2.16	0.46
1:AQ:174:MET:HE2	1:AQ:174:MET:HB2	1.72	0.46
1:AQ:437:GLN:NE2	1:AV:286:ASN:HD21	2.13	0.46
1:AT:511:ARG:NH1	1:AT:512:LEU:HB2	2.31	0.46
1:AV:108:SER:O	1:AV:112:LEU:HD12	2.16	0.46
1:A2:84:GLU:OE1	1:A2:84:GLU:HA	2.16	0.45
1:A3:7:THR:OG1	1:AS:471:SER:HB2	2.15	0.45
1:A4:175:GLU:HA	1:A4:377:ALA:O	2.15	0.45
1:A4:271:THR:HG22	1:A4:273:ASN:OD1	2.16	0.45

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A5:163:SER:OG	1:A5:168:LYS:HD3	2.16	0.45
1:A5:251:GLY:N	1:A5:333:ASN:H	2.14	0.45
1:A5:510:LEU:HD22	1:A5:514:GLN:HE21	1.81	0.45
1:A6:86:ILE:HD13	1:A6:439:ASP:OD1	2.16	0.45
1:A6:259:VAL:O	1:A6:271:THR:HG23	2.16	0.45
1:A6:363:VAL:HG22	1:A6:364:ASN:OD1	2.15	0.45
1:A8:352:ARG:HD2	1:A8:356:ARG:O	2.16	0.45
1:A9:92:ILE:HD12	1:A9:92:ILE:H	1.80	0.45
1:AB:189:ALA:HA	1:AB:192:ASN:CG	2.42	0.45
1:AC:342:HIS:HE1	1:AC:344:VAL:CG2	2.29	0.45
1:AD:201:LYS:HB2	1:AD:359:ILE:HG13	1.96	0.45
1:AD:513:LEU:HD13	1:AI:479:ALA:HA	1.98	0.45
1:AF:184:MET:HA	1:AF:192:ASN:ND2	2.17	0.45
1:AF:211:ILE:HD12	1:AF:234:PHE:HD1	1.81	0.45
1:AG:36:LEU:HD21	1:AJ:6:ASN:HD22	1.81	0.45
1:AG:36:LEU:CD2	1:AJ:6:ASN:HD22	2.29	0.45
1:AH:62:GLY:HA2	1:AH:65:ILE:HD12	1.98	0.45
1:AH:186:ALA:HB2	1:AH:334:PHE:HB2	1.96	0.45
1:AH:260:ARG:HA	1:AH:271:THR:OG1	2.16	0.45
1:AI:293:ASP:OD2	1:AI:293:ASP:C	2.58	0.45
1:AJ:342:HIS:HE1	1:AJ:344:VAL:CG2	2.29	0.45
1:AK:283:ARG:HG3	1:AK:284:LEU:N	2.30	0.45
1:AL:50:ILE:HD12	1:AP:133:ASN:ND2	2.30	0.45
1:AL:166:SER:O	1:AL:383:LEU:HB3	2.16	0.45
1:AL:189:ALA:HA	1:AL:192:ASN:CG	2.41	0.45
1:AL:212:GLU:HG3	1:AP:305:GLY:HA3	1.98	0.45
1:AL:470:GLU:HA	1:AL:473:ILE:CG2	2.46	0.45
1:AM:366:SER:HB2	1:AM:374:GLN:OE1	2.17	0.45
1:AN:192:ASN:HA	1:AN:367:HIS:CE1	2.51	0.45
1:AO:38:ILE:HD11	1:AO:44:ASP:HB3	1.98	0.45
1:AP:231:ILE:HG21	1:AP:242:ALA:HB2	1.98	0.45
1:AP:281:ASP:OD2	1:AP:283:ARG:HB3	2.16	0.45
1:AR:61:LEU:HD12	1:AR:463:GLN:HA	1.97	0.45
1:AR:174:MET:HE3	1:AR:398:ALA:HA	1.97	0.45
1:AR:184:MET:CE	1:AR:345:ILE:HD11	2.47	0.45
1:AR:260:ARG:HA	1:AR:271:THR:OG1	2.16	0.45
1:AS:250:GLY:HA2	1:AS:333:ASN:H	1.81	0.45
1:AU:449:GLN:HE21	1:AX:42:ALA:HB2	1.80	0.45
1:AV:263:THR:HG22	1:AV:268:GLU:HG3	1.98	0.45
1:AW:258:THR:CG2	1:AW:273:ASN:HA	2.28	0.45
1:AX:264:ILE:HG22	1:AX:319:VAL:HG23	1.97	0.45

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A1:89:LEU:CA	1:A1:92:ILE:HD12	2.45	0.45
1:A2:218:THR:O	1:A2:315:ARG:HD3	2.16	0.45
1:A2:300:SER:O	1:A2:301:LEU:HD23	2.17	0.45
1:A3:499:MET:CE	1:A8:479:ALA:HB1	2.46	0.45
1:A5:458:ASN:HB2	1:AK:84:GLU:HG2	1.98	0.45
1:A6:449:GLN:NE2	1:AP:42:ALA:HB2	2.31	0.45
1:A7:192:ASN:HA	1:A7:367:HIS:CE1	2.50	0.45
1:A7:297:VAL:CG1	1:A7:309:LEU:HG	2.46	0.45
1:A9:88:ILE:CD1	1:A9:122:GLU:OE1	2.64	0.45
1:A9:234:PHE:O	1:A9:238:LEU:HD12	2.16	0.45
1:AA:382:ASN:O	1:AA:430:MET:HE1	2.16	0.45
1:AC:99:ALA:CB	1:AC:112:LEU:HD22	2.35	0.45
1:AC:224:ILE:CD1	1:AC:346:GLY:HA3	2.46	0.45
1:AD:277:LYS:HG2	1:AD:278:ASN:ND2	2.31	0.45
1:AE:65:ILE:HG23	1:AE:456:ILE:HD12	1.98	0.45
1:AF:166:SER:O	1:AF:383:LEU:HB3	2.16	0.45
1:AG:227:LEU:O	1:AG:231:ILE:HG13	2.15	0.45
1:AG:458:ASN:HB2	1:AM:84:GLU:HG2	1.99	0.45
1:AH:75:VAL:HG13	1:AH:445:MET:CG	2.34	0.45
1:AH:352:ARG:HB3	1:AH:358:ILE:HD11	1.97	0.45
1:AI:117:GLN:C	1:AI:117:GLN:OE1	2.60	0.45
1:AI:328:VAL:C	1:AI:329:PHE:CD1	2.94	0.45
1:AI:509:VAL:CG1	1:AI:510:LEU:N	2.79	0.45
1:AJ:50:ILE:HD12	1:AU:133:ASN:ND2	2.31	0.45
1:AK:155:THR:HG23	1:AN:129:THR:CG2	2.43	0.45
1:AL:145:LYS:HA	1:AT:102:ASP:OD2	2.17	0.45
1:AL:172:VAL:O	1:AL:380:THR:HA	2.16	0.45
1:AN:82:MET:HG3	1:AN:138:LEU:HD11	1.98	0.45
1:AN:470:GLU:HA	1:AN:473:ILE:CG2	2.45	0.45
1:AO:216:ILE:HD13	1:AO:223:GLY:C	2.41	0.45
1:AO:235:SER:HB2	1:AO:240:VAL:O	2.16	0.45
1:AQ:145:LYS:HA	1:AV:102:ASP:OD2	2.16	0.45
1:AQ:422:LYS:HA	1:AQ:422:LYS:HE3	1.99	0.45
1:AR:366:SER:HB2	1:AR:374:GLN:OE1	2.17	0.45
1:AS:174:MET:CE	1:AS:398:ALA:HB2	2.45	0.45
1:AS:369:GLY:HA2	1:AS:374:GLN:NE2	2.31	0.45
1:AT:89:LEU:CA	1:AT:92:ILE:HD12	2.47	0.45
1:AU:149:ILE:CD1	1:AU:455:THR:HG21	2.44	0.45
1:AU:250:GLY:HA2	1:AU:333:ASN:H	1.82	0.45
1:AU:511:ARG:HG3	1:AU:512:LEU:N	2.30	0.45
1:AV:120:LEU:O	1:AV:124:ASP:OD1	2.35	0.45

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AW:422:LYS:O	1:AW:426:ILE:CD1	2.52	0.45
1:A1:20:GLN:C	1:A1:20:GLN:OE1	2.59	0.45
1:A3:447:SER:OG	1:AL:118:ARG:HG3	2.17	0.45
1:A5:41:ALA:CB	1:AH:446:GLY:HA3	2.46	0.45
1:A6:84:GLU:O	1:A6:88:ILE:HG13	2.16	0.45
1:A6:149:ILE:HD11	1:A6:157:VAL:CG2	2.46	0.45
1:A7:74:MET:CE	1:A7:137:MET:HE1	2.46	0.45
1:A7:447:SER:OG	1:AJ:118:ARG:HG3	2.17	0.45
1:AA:319:VAL:H	1:AA:342:HIS:HD2	1.64	0.45
1:AB:423:GLY:O	1:AB:427:VAL:HG23	2.16	0.45
1:AC:201:LYS:HA	1:AC:208:ASP:HB2	1.99	0.45
1:AC:260:ARG:HA	1:AC:271:THR:OG1	2.17	0.45
1:AD:48:MET:HE3	1:AD:48:MET:HB3	1.86	0.45
1:AD:83:ASP:HB2	1:AD:442:ARG:HH21	1.81	0.45
1:AD:184:MET:SD	1:AD:345:ILE:HD11	2.57	0.45
1:AD:259:VAL:O	1:AD:271:THR:HG23	2.16	0.45
1:AD:325:SER:CB	1:AD:330:GLY:HA3	2.46	0.45
1:AE:76:GLN:HG3	1:AE:449:GLN:OE1	2.16	0.45
1:AE:166:SER:O	1:AE:383:LEU:HB3	2.17	0.45
1:AH:82:MET:HE1	1:AH:441:ILE:CB	2.46	0.45
1:AH:386:VAL:HG23	1:AH:430:MET:SD	2.55	0.45
1:AJ:35:GLY:C	1:AJ:476:VAL:HG12	2.41	0.45
1:AK:510:LEU:N	1:AK:510:LEU:HD23	2.32	0.45
1:AK:511:ARG:NH2	1:AK:512:LEU:HD13	2.31	0.45
1:AL:352:ARG:HD2	1:AL:356:ARG:O	2.16	0.45
1:AO:60:ASN:HD21	1:AQ:93:LYS:HG2	1.81	0.45
1:AO:201:LYS:HE2	1:AO:201:LYS:HB3	1.74	0.45
1:AP:120:LEU:HD21	1:AP:166:SER:OG	2.15	0.45
1:AP:174:MET:HE3	1:AP:174:MET:HB2	1.86	0.45
1:AR:29:LEU:HD21	1:AR:485:PHE:CE1	2.51	0.45
1:AS:83:ASP:HB2	1:AS:442:ARG:CZ	2.46	0.45
1:AS:190:ALA:O	1:AS:193:LEU:HG	2.16	0.45
1:AS:458:ASN:ND2	1:AT:126:ILE:HG23	2.29	0.45
1:AU:366:SER:HB2	1:AU:374:GLN:OE1	2.17	0.45
1:AV:120:LEU:HD21	1:AV:383:LEU:HD11	1.98	0.45
1:AV:175:GLU:HA	1:AV:377:ALA:O	2.17	0.45
1:AW:281:ASP:OD1	1:AW:283:ARG:HG2	2.16	0.45
1:AX:422:LYS:C	1:AX:426:ILE:HD12	2.38	0.45
1:AX:470:GLU:HA	1:AX:473:ILE:CG2	2.46	0.45
1:A3:342:HIS:CD2	1:A3:343:ALA:N	2.84	0.45
1:A4:269:ILE:O	1:AT:356:ARG:HD2	2.17	0.45

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A5:48:MET:HG3	1:AH:442:ARG:NH1	2.32	0.45
1:A6:421:LEU:HD21	1:AP:146:GLU:CD	2.42	0.45
1:A7:201:LYS:HA	1:A7:208:ASP:CB	2.47	0.45
1:A8:426:ILE:HD12	1:A8:426:ILE:H	1.81	0.45
1:A9:125:ASN:O	1:A9:129:THR:HG23	2.16	0.45
1:A9:183:GLY:O	1:A9:188:ALA:HB3	2.16	0.45
1:A9:218:THR:O	1:A9:315:ARG:HD3	2.16	0.45
1:A9:251:GLY:H	1:A9:332:GLY:CA	2.15	0.45
1:AB:189:ALA:HA	1:AB:192:ASN:ND2	2.31	0.45
1:AC:85:GLN:OE1	1:AC:123:LEU:HG	2.15	0.45
1:AC:189:ALA:HA	1:AC:192:ASN:CG	2.41	0.45
1:AC:206:VAL:HG13	1:AC:207:ASN:OD1	2.16	0.45
1:AC:363:VAL:HG22	1:AC:364:ASN:OD1	2.16	0.45
1:AC:421:LEU:O	1:AC:425:MET:HG2	2.17	0.45
1:AC:458:ASN:HB2	1:AO:84:GLU:HG2	1.97	0.45
1:AF:438:LEU:HD23	1:AF:438:LEU:HA	1.84	0.45
1:AG:212:GLU:OE2	1:AM:253:PRO:HB3	2.15	0.45
1:AH:189:ALA:HA	1:AH:192:ASN:ND2	2.31	0.45
1:AH:281:ASP:OD1	1:AH:283:ARG:HG2	2.16	0.45
1:AI:174:MET:CE	1:AI:398:ALA:HB2	2.46	0.45
1:AI:258:THR:CG2	1:AI:273:ASN:HA	2.27	0.45
1:AK:17:VAL:HG11	1:AN:34:SER:CA	2.43	0.45
1:AL:6:ASN:ND2	1:AT:36:LEU:HD21	2.31	0.45
1:AL:85:GLN:OE1	1:AL:123:LEU:HG	2.16	0.45
1:AL:260:ARG:HH12	1:AL:323:SER:HB2	1.82	0.45
1:AM:258:THR:CG2	1:AM:273:ASN:HA	2.28	0.45
1:AN:422:LYS:HE3	1:AN:422:LYS:HA	1.99	0.45
1:AP:175:GLU:HA	1:AP:377:ALA:O	2.16	0.45
1:AQ:129:THR:CG2	1:AR:155:THR:HG23	2.45	0.45
1:AQ:511:ARG:NH1	1:AQ:512:LEU:HB2	2.31	0.45
1:AR:85:GLN:OE1	1:AR:123:LEU:HG	2.16	0.45
1:AR:262:LEU:CD1	1:AR:319:VAL:HG23	2.46	0.45
1:AS:189:ALA:HB3	1:AS:343:ALA:HB3	1.98	0.45
1:AS:328:VAL:HG12	1:AS:329:PHE:HD1	1.82	0.45
1:AT:97:VAL:HG22	1:AT:428:MET:HE2	1.99	0.45
1:AT:117:GLN:NE2	1:AT:387:ARG:HD2	2.32	0.45
1:AT:149:ILE:HD13	1:AT:157:VAL:CG1	2.46	0.45
1:AT:174:MET:CE	1:AT:398:ALA:HB2	2.46	0.45
1:AX:325:SER:CB	1:AX:330:GLY:HA3	2.47	0.45
1:AX:366:SER:HB2	1:AX:374:GLN:OE1	2.16	0.45
1:A1:214:VAL:HG11	1:A1:227:LEU:HA	1.98	0.45

*Continued on next page...*



*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A3:6:ASN:ND2	1:AS:36:LEU:HD23	2.32	0.45
1:A3:291:VAL:HG23	1:A3:295:THR:HG23	1.99	0.45
1:A5:35:GLY:C	1:A5:476:VAL:HG12	2.42	0.45
1:A5:186:ALA:HB3	1:A5:334:PHE:O	2.16	0.45
1:A5:451:GLU:HG3	1:AK:122:GLU:CG	2.47	0.45
1:A7:5:ILE:HD11	1:A7:510:LEU:HG	1.99	0.45
1:A7:278:ASN:OD1	1:A7:305:GLY:HA3	2.16	0.45
1:A7:337:ILE:HG22	1:A7:342:HIS:HB2	1.97	0.45
1:AB:251:GLY:CA	1:AB:332:GLY:HA3	2.46	0.45
1:AC:118:ARG:HG3	1:AX:447:SER:OG	2.16	0.45
1:AC:470:GLU:HA	1:AC:473:ILE:CG2	2.46	0.45
1:AC:510:LEU:HD12	1:AU:490:ILE:HG23	1.97	0.45
1:AE:42:ALA:HB2	1:AK:449:GLN:NE2	2.32	0.45
1:AE:511:ARG:HG3	1:AE:512:LEU:N	2.31	0.45
1:AG:146:GLU:CD	1:AW:421:LEU:HD21	2.41	0.45
1:AG:225:GLY:HA2	1:AG:244:TYR:CD1	2.51	0.45
1:AG:325:SER:CB	1:AG:330:GLY:HA3	2.46	0.45
1:AH:128:ASN:O	1:AH:136:GLN:NE2	2.42	0.45
1:AJ:447:SER:OG	1:AU:118:ARG:HG3	2.17	0.45
1:AJ:490:ILE:CD1	1:AX:507:GLN:HA	2.47	0.45
1:AK:179:PHE:CD1	1:AK:184:MET:HE2	2.49	0.45
1:AK:512:LEU:HD23	1:AN:496:SER:HB2	1.99	0.45
1:AL:212:GLU:OE1	1:AL:212:GLU:N	2.42	0.45
1:AM:120:LEU:CD2	1:AM:166:SER:HB2	2.46	0.45
1:AO:146:GLU:CD	1:AQ:421:LEU:HD21	2.41	0.45
1:AP:262:LEU:HD12	1:AP:263:THR:N	2.31	0.45
1:AP:352:ARG:HD3	1:AP:354:ASP:OD1	2.16	0.45
1:AQ:184:MET:HA	1:AQ:192:ASN:ND2	2.25	0.45
1:AQ:282:GLY:O	1:AQ:286:ASN:ND2	2.50	0.45
1:AS:386:VAL:HG23	1:AS:430:MET:CE	2.46	0.45
1:AV:470:GLU:HA	1:AV:473:ILE:CG2	2.46	0.45
1:AW:371:HIS:CB	1:AW:374:GLN:HG3	2.32	0.45
1:A1:451:GLU:O	1:AB:122:GLU:OE1	2.34	0.45
1:A1:508:ASN:HD22	1:A1:509:VAL:N	2.14	0.45
1:A2:50:ILE:HD12	1:A2:50:ILE:HA	1.76	0.45
1:A2:129:THR:CG2	1:AM:155:THR:HG23	2.47	0.45
1:A2:422:LYS:HE3	1:A2:422:LYS:HA	1.99	0.45
1:A2:485:PHE:CZ	1:AM:501:GLN:HG3	2.52	0.45
1:A4:80:LYS:HG3	1:AF:461:VAL:CG1	2.47	0.45
1:A4:97:VAL:HG22	1:A4:428:MET:SD	2.57	0.45
1:A4:470:GLU:HA	1:A4:473:ILE:HG22	1.97	0.45

*Continued on next page...*



*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A5:46:SER:OG	1:A9:112:LEU:HD11	2.16	0.45
1:A5:175:GLU:HA	1:A5:377:ALA:O	2.16	0.45
1:A6:167:ASP:HA	1:A6:384:ARG:CB	2.44	0.45
1:A7:6:ASN:HD22	1:AP:36:LEU:HD21	1.80	0.45
1:A7:395:ALA:CB	1:A7:414:ILE:HG23	2.46	0.45
1:A9:122:GLU:HG3	1:AH:451:GLU:HG2	1.98	0.45
1:A9:234:PHE:CD1	1:AA:303:ILE:HG13	2.51	0.45
1:AA:92:ILE:HD12	1:AA:92:ILE:H	1.82	0.45
1:AC:189:ALA:HA	1:AC:192:ASN:ND2	2.32	0.45
1:AC:342:HIS:HE1	1:AC:344:VAL:HG23	1.80	0.45
1:AG:93:LYS:CD	1:AJ:60:ASN:HD21	2.30	0.45
1:AH:179:PHE:HD1	1:AH:184:MET:CE	2.26	0.45
1:AM:104:GLN:HB3	1:AM:108:SER:OG	2.16	0.45
1:AN:201:LYS:HE2	1:AN:201:LYS:HB3	1.75	0.45
1:AN:281:ASP:OD1	1:AN:283:ARG:HG2	2.16	0.45
1:AO:201:LYS:O	1:AO:359:ILE:HD11	2.15	0.45
1:AO:300:SER:C	1:AO:301:LEU:HD23	2.41	0.45
1:AO:302:ASP:C	1:AO:302:ASP:OD1	2.59	0.45
1:AP:117:GLN:HE22	1:AP:387:ARG:CD	2.29	0.45
1:AP:227:LEU:O	1:AP:230:ILE:HG12	2.17	0.45
1:AP:302:ASP:CB	1:AP:308:ASN:HD21	2.24	0.45
1:AQ:187:SER:HB3	1:AQ:335:ALA:HB3	1.99	0.45
1:AR:21:ASN:O	1:AR:21:ASN:ND2	2.50	0.45
1:AS:214:VAL:HG11	1:AS:227:LEU:HB2	1.99	0.45
1:AT:41:ALA:HA	1:AT:48:MET:CE	2.46	0.45
1:AU:233:ARG:HD2	1:AU:234:PHE:HE1	1.82	0.45
1:AU:283:ARG:HG3	1:AU:284:LEU:N	2.31	0.45
1:AV:186:ALA:HB2	1:AV:334:PHE:HB2	1.96	0.45
1:AW:100:ALA:HB2	1:AW:424:ALA:HB1	1.98	0.45
1:AW:189:ALA:HA	1:AW:192:ASN:ND2	2.32	0.45
1:AX:142:PHE:CZ	1:AX:145:LYS:HG3	2.52	0.45
1:A1:155:THR:HG23	1:AB:129:THR:CG2	2.47	0.45
1:A1:281:ASP:OD2	1:A1:283:ARG:HB3	2.17	0.45
1:A1:302:ASP:CB	1:A1:308:ASN:HD21	2.28	0.45
1:A1:371:HIS:CB	1:A1:374:GLN:HG3	2.32	0.45
1:A1:451:GLU:CG	1:AB:122:GLU:OE1	2.65	0.45
1:A2:423:GLY:HA2	1:A2:426:ILE:HD13	1.99	0.45
1:A2:446:GLY:HA3	1:AR:41:ALA:HB3	1.98	0.45
1:A2:478:PHE:HE2	1:AR:5:ILE:CG2	2.29	0.45
1:A4:116:ILE:HD12	1:A4:418:VAL:CG2	2.33	0.45
1:A4:294:ARG:HG3	1:A4:294:ARG:NH1	2.31	0.45

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A5:423:GLY:O	1:A5:427:VAL:HG23	2.16	0.45
1:A6:253:PRO:HB3	1:AT:212:GLU:OE2	2.16	0.45
1:A7:201:LYS:HB2	1:A7:359:ILE:CD1	2.47	0.45
1:A7:291:VAL:HG23	1:A7:295:THR:HG23	1.99	0.45
1:A7:422:LYS:C	1:A7:426:ILE:HD12	2.41	0.45
1:AA:120:LEU:HD22	1:AA:166:SER:HB2	1.97	0.45
1:AB:85:GLN:OE1	1:AB:123:LEU:HG	2.17	0.45
1:AC:353:THR:HG23	1:AC:433:SER:CB	2.40	0.45
1:AC:471:SER:O	1:AC:475:ASP:HB2	2.17	0.45
1:AD:201:LYS:HE2	1:AD:201:LYS:HB3	1.74	0.45
1:AF:395:ALA:CB	1:AF:414:ILE:HG23	2.46	0.45
1:AG:167:ASP:OD1	1:AG:168:LYS:HG3	2.17	0.45
1:AJ:247:MET:HE2	1:AJ:247:MET:HB3	1.82	0.45
1:AK:97:VAL:HG22	1:AK:428:MET:CE	2.42	0.45
1:AK:163:SER:OG	1:AK:168:LYS:HD3	2.16	0.45
1:AL:511:ARG:HG3	1:AL:512:LEU:N	2.31	0.45
1:AO:133:ASN:ND2	1:AQ:105:THR:HG23	2.31	0.45
1:AP:366:SER:HB2	1:AP:374:GLN:OE1	2.17	0.45
1:AQ:5:ILE:CG2	1:AV:478:PHE:HE2	2.30	0.45
1:AQ:117:GLN:NE2	1:AQ:387:ARG:HD2	2.32	0.45
1:AQ:303:ILE:HA	1:AR:234:PHE:CZ	2.52	0.45
1:AR:138:LEU:N	1:AR:138:LEU:HD23	2.32	0.45
1:AS:48:MET:HE3	1:AS:48:MET:HB3	1.85	0.45
1:AS:61:LEU:HD12	1:AS:463:GLN:HA	1.99	0.45
1:AS:146:GLU:HB3	1:AS:158:LYS:HE2	1.98	0.45
1:AT:92:ILE:HD12	1:AT:92:ILE:H	1.82	0.45
1:AT:281:ASP:OD2	1:AT:283:ARG:HB3	2.17	0.45
1:AU:157:VAL:HG22	1:AU:451:GLU:OE2	2.17	0.45
1:AU:300:SER:C	1:AU:301:LEU:HD23	2.41	0.45
1:A2:262:LEU:HD12	1:A2:263:THR:N	2.32	0.45
1:A2:449:GLN:NE2	1:AR:42:ALA:HB2	2.31	0.45
1:A2:461:VAL:CG1	1:AV:80:LYS:HG3	2.46	0.45
1:A2:478:PHE:CE2	1:AR:5:ILE:HG21	2.51	0.45
1:A3:62:GLY:HA2	1:A3:65:ILE:HD12	1.98	0.45
1:A4:195:GLU:HG3	1:A4:215:ARG:HG2	1.99	0.45
1:A4:201:LYS:HB2	1:A4:359:ILE:HG13	1.99	0.45
1:A5:173:ARG:HD2	1:A5:357:ASP:HA	1.96	0.45
1:A6:251:GLY:H	1:A6:332:GLY:CA	2.15	0.45
1:A6:478:PHE:HE2	1:AP:5:ILE:CG2	2.30	0.45
1:A6:495:GLY:O	1:A6:499:MET:HE2	2.17	0.45
1:A7:4:ARG:NH1	1:AP:472:GLN:HG2	2.32	0.45

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A8:65:ILE:HG13	1:A8:459:ILE:HD11	1.99	0.45
1:A8:74:MET:HE2	1:A8:137:MET:HE1	1.98	0.45
1:A8:117:GLN:HE21	1:A8:387:ARG:HD2	1.81	0.45
1:A8:187:SER:HB3	1:A8:335:ALA:HB3	1.99	0.45
1:A8:259:VAL:HA	1:A8:324:ALA:HB2	1.99	0.45
1:A9:478:PHE:HE2	1:AK:5:ILE:CG2	2.30	0.45
1:AC:390:PHE:CE2	1:AC:417:GLY:HA2	2.52	0.45
1:AD:201:LYS:HA	1:AD:208:ASP:HB2	1.99	0.45
1:AD:246:VAL:HB	1:AD:311:SER:HB3	1.99	0.45
1:AD:418:VAL:HG22	1:AD:427:VAL:HG21	1.99	0.45
1:AE:167:ASP:CA	1:AE:384:ARG:HB2	2.45	0.45
1:AE:371:HIS:HB3	1:AE:374:GLN:CG	2.33	0.45
1:AF:189:ALA:HA	1:AF:192:ASN:CG	2.41	0.45
1:AH:120:LEU:HD21	1:AH:383:LEU:CD2	2.47	0.45
1:AI:92:ILE:CG2	1:AI:116:ILE:HG23	2.47	0.45
1:AJ:189:ALA:HA	1:AJ:192:ASN:CG	2.42	0.45
1:AL:62:GLY:HA2	1:AL:65:ILE:HD12	1.98	0.45
1:AL:423:GLY:O	1:AL:427:VAL:HG23	2.16	0.45
1:AM:166:SER:O	1:AM:383:LEU:HB3	2.17	0.45
1:AM:196:VAL:HG23	1:AM:196:VAL:O	2.16	0.45
1:AM:472:GLN:HA	1:AU:4:ARG:HH11	1.81	0.45
1:AN:108:SER:O	1:AN:112:LEU:HD12	2.16	0.45
1:AO:260:ARG:HH12	1:AO:323:SER:HB2	1.80	0.45
1:AO:352:ARG:HD2	1:AO:356:ARG:O	2.16	0.45
1:AO:423:GLY:O	1:AO:427:VAL:HG23	2.17	0.45
1:AP:284:LEU:O	1:AP:288:ILE:HG12	2.16	0.45
1:AR:118:ARG:HG3	1:AU:447:SER:OG	2.17	0.45
1:AR:211:ILE:CG1	1:AR:238:LEU:HD11	2.47	0.45
1:AS:230:ILE:HG13	1:AS:231:ILE:N	2.32	0.45
1:AU:251:GLY:H	1:AU:333:ASN:H	1.64	0.45
1:AU:446:GLY:HA3	1:AX:41:ALA:CB	2.47	0.45
1:AV:249:THR:HB	1:AV:308:ASN:OD1	2.17	0.45
1:AW:107:GLU:OE2	1:AW:107:GLU:N	2.38	0.45
1:AX:99:ALA:HB2	1:AX:112:LEU:CD2	2.30	0.45
1:AX:224:ILE:CD1	1:AX:346:GLY:HA3	2.47	0.45
1:AX:371:HIS:HB3	1:AX:374:GLN:CG	2.32	0.45
1:A1:363:VAL:HG22	1:A1:364:ASN:OD1	2.16	0.45
1:A1:454:THR:HG21	1:AB:88:ILE:CD1	2.43	0.45
1:A2:34:SER:CA	1:AM:17:VAL:HG11	2.42	0.45
1:A2:186:ALA:HB3	1:A2:334:PHE:O	2.16	0.45
1:A2:285:THR:HG23	1:A2:299:ALA:CB	2.46	0.45

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A3:167:ASP:HB3	1:A3:384:ARG:CZ	2.47	0.45
1:A4:281:ASP:OD2	1:A4:283:ARG:HB3	2.16	0.45
1:A5:104:GLN:HB3	1:A5:108:SER:OG	2.17	0.45
1:A5:422:LYS:HA	1:A5:422:LYS:HE3	1.99	0.45
1:A6:438:LEU:HD23	1:A6:438:LEU:HA	1.85	0.45
1:A6:513:LEU:HD23	1:A6:513:LEU:HA	1.85	0.45
1:A7:48:MET:SD	1:AP:442:ARG:HD3	2.57	0.45
1:A7:189:ALA:HA	1:A7:192:ASN:CG	2.42	0.45
1:A8:35:GLY:C	1:A8:476:VAL:HG12	2.42	0.45
1:A9:319:VAL:H	1:A9:342:HIS:HD2	1.65	0.45
1:A9:363:VAL:HG22	1:A9:364:ASN:OD1	2.17	0.45
1:AB:149:ILE:HD12	1:AB:455:THR:HG21	1.98	0.45
1:AC:325:SER:CB	1:AC:330:GLY:HA3	2.46	0.45
1:AD:125:ASN:O	1:AD:129:THR:HG23	2.17	0.45
1:AD:278:ASN:OD1	1:AD:305:GLY:HA3	2.17	0.45
1:AD:422:LYS:O	1:AD:426:ILE:CD1	2.53	0.45
1:AE:363:VAL:HG22	1:AE:364:ASN:OD1	2.17	0.45
1:AG:390:PHE:CE2	1:AG:417:GLY:HA2	2.52	0.45
1:AI:281:ASP:OD1	1:AI:283:ARG:HG2	2.16	0.45
1:AK:231:ILE:HG21	1:AK:242:ALA:HB2	1.98	0.45
1:AN:89:LEU:HA	1:AN:92:ILE:HD12	1.98	0.45
1:AN:117:GLN:C	1:AN:117:GLN:OE1	2.60	0.45
1:AN:260:ARG:HA	1:AN:271:THR:OG1	2.17	0.45
1:AP:163:SER:OG	1:AP:168:LYS:HD3	2.17	0.45
1:AR:92:ILE:HG23	1:AR:116:ILE:CG1	2.32	0.45
1:AR:149:ILE:HD13	1:AR:157:VAL:HG12	1.99	0.45
1:AS:97:VAL:HG22	1:AS:428:MET:CE	2.47	0.45
1:AS:501:GLN:HG3	1:AT:485:PHE:CZ	2.52	0.45
1:AT:196:VAL:O	1:AT:196:VAL:HG23	2.17	0.45
1:AU:170:GLY:HA2	1:AU:434:ALA:N	2.32	0.45
1:AV:75:VAL:O	1:AV:445:MET:HE1	2.16	0.45
1:AW:125:ASN:O	1:AW:129:THR:HG23	2.17	0.45
1:A1:335:ALA:HA	2:A1:606:P8E:O8	2.16	0.45
1:A1:369:GLY:HA2	1:A1:374:GLN:HE22	1.82	0.45
1:A1:449:GLN:NE2	1:AI:42:ALA:HB2	2.32	0.45
1:A1:478:PHE:HE2	1:AI:5:ILE:CG2	2.30	0.45
1:A3:179:PHE:HD2	1:A3:184:MET:HE3	1.82	0.45
1:A3:264:ILE:HD11	1:A3:295:THR:HB	1.98	0.45
1:A5:122:GLU:OE2	1:AD:451:GLU:O	2.34	0.45
1:A5:230:ILE:HG13	1:A5:231:ILE:N	2.31	0.45
1:A6:82:MET:HE1	1:A6:441:ILE:HB	1.99	0.45

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A7:246:VAL:HG12	1:A7:317:ILE:HD12	1.99	0.45
1:A8:300:SER:C	1:A8:301:LEU:HD23	2.41	0.45
1:A8:511:ARG:HG3	1:A8:512:LEU:N	2.32	0.45
1:A9:187:SER:HB3	1:A9:335:ALA:HB3	1.99	0.45
1:A9:231:ILE:HG21	1:A9:242:ALA:HB2	1.98	0.45
1:A9:410:ASN:HD21	1:A9:414:ILE:CG2	2.30	0.45
1:AB:90:ASP:OD2	1:AB:90:ASP:C	2.60	0.45
1:AD:42:ALA:HB2	1:AI:449:GLN:NE2	2.31	0.45
1:AD:246:VAL:HG22	1:AD:346:GLY:HA3	1.98	0.45
1:AD:251:GLY:N	1:AD:333:ASN:H	2.15	0.45
1:AE:269:ILE:HD12	1:AE:269:ILE:HA	1.80	0.45
1:AE:325:SER:CB	1:AE:330:GLY:HA3	2.47	0.45
1:AG:187:SER:HB3	1:AG:335:ALA:HB3	1.99	0.45
1:AG:196:VAL:HG23	1:AG:196:VAL:O	2.17	0.45
1:AG:284:LEU:O	1:AG:284:LEU:HD12	2.17	0.45
1:AI:89:LEU:CA	1:AI:92:ILE:HD12	2.47	0.45
1:AI:92:ILE:HG23	1:AI:116:ILE:HG23	1.99	0.45
1:AI:212:GLU:OE1	1:AI:212:GLU:HA	2.15	0.45
1:AJ:189:ALA:HB3	1:AJ:343:ALA:HB3	1.99	0.45
1:AJ:263:THR:HG22	1:AJ:268:GLU:HG3	1.99	0.45
1:AL:192:ASN:HA	1:AL:367:HIS:CE1	2.52	0.45
1:AM:85:GLN:OE1	1:AM:123:LEU:HG	2.16	0.45
1:AO:249:THR:HB	1:AO:308:ASN:OD1	2.16	0.45
1:AO:251:GLY:N	1:AO:333:ASN:H	2.15	0.45
1:AP:65:ILE:HA	1:AP:459:ILE:HD11	1.99	0.45
1:AR:250:GLY:HA2	1:AR:333:ASN:H	1.82	0.45
1:AS:88:ILE:HG22	1:AS:92:ILE:HD11	1.98	0.45
1:AS:117:GLN:C	1:AS:117:GLN:OE1	2.59	0.45
1:AU:92:ILE:HG23	1:AU:116:ILE:CG1	2.29	0.45
1:AV:189:ALA:HA	1:AV:192:ASN:ND2	2.32	0.45
1:AV:271:THR:HG22	1:AV:273:ASN:OD1	2.17	0.45
1:AX:224:ILE:HD11	1:AX:346:GLY:HA3	1.98	0.45
1:A1:201:LYS:HE2	1:A1:201:LYS:HB3	1.75	0.44
1:A1:398:ALA:HB2	1:A1:426:ILE:HD11	1.99	0.44
1:A2:212:GLU:HG3	1:AV:278:ASN:OD1	2.16	0.44
1:A3:60:ASN:OD1	1:AS:93:LYS:HE2	2.17	0.44
1:A3:230:ILE:HG13	1:A3:231:ILE:N	2.29	0.44
1:A4:363:VAL:HG22	1:A4:364:ASN:OD1	2.16	0.44
1:A4:389:ILE:HG13	1:A4:415:GLY:C	2.42	0.44
1:A4:426:ILE:HD12	1:A4:426:ILE:N	2.32	0.44
1:A5:60:ASN:HD21	1:AH:93:LYS:CE	2.26	0.44

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A5:72:ILE:O	1:A5:76:GLN:HG3	2.17	0.44
1:A5:122:GLU:CG	1:AD:451:GLU:CG	2.90	0.44
1:A5:129:THR:HG21	1:AD:155:THR:HG23	2.00	0.44
1:A5:250:GLY:HA2	1:A5:333:ASN:H	1.82	0.44
1:A6:300:SER:C	1:A6:301:LEU:HD23	2.42	0.44
1:A6:395:ALA:CB	1:A6:414:ILE:HG23	2.46	0.44
1:A8:76:GLN:HG3	1:A8:449:GLN:OE1	2.17	0.44
1:A8:319:VAL:HG12	1:A8:342:HIS:CD2	2.52	0.44
1:A9:8:ASN:HB3	1:A9:11:ALA:HB3	1.99	0.44
1:A9:201:LYS:HE2	1:A9:201:LYS:HB3	1.74	0.44
1:A9:422:LYS:C	1:A9:426:ILE:HD12	2.41	0.44
1:AA:89:LEU:CA	1:AA:92:ILE:HD12	2.47	0.44
1:AB:249:THR:HB	1:AB:308:ASN:OD1	2.17	0.44
1:AC:192:ASN:HA	1:AC:367:HIS:CE1	2.52	0.44
1:AE:259:VAL:HG12	1:AE:262:LEU:HB2	1.98	0.44
1:AE:509:VAL:HG13	1:AE:510:LEU:HD23	1.98	0.44
1:AG:122:GLU:CG	1:AP:451:GLU:HG3	2.47	0.44
1:AG:458:ASN:ND2	1:AM:126:ILE:HG23	2.30	0.44
1:AH:337:ILE:CG2	1:AH:342:HIS:CD2	3.00	0.44
1:AH:490:ILE:HG23	1:AK:510:LEU:HD12	1.98	0.44
1:AI:211:ILE:CG2	1:AI:230:ILE:HD11	2.47	0.44
1:AI:262:LEU:CD1	1:AI:319:VAL:HG23	2.47	0.44
1:AI:366:SER:HB2	1:AI:374:GLN:OE1	2.17	0.44
1:AK:120:LEU:HD21	1:AK:166:SER:OG	2.17	0.44
1:AM:227:LEU:O	1:AM:231:ILE:HG13	2.17	0.44
1:AM:269:ILE:O	1:AU:356:ARG:HD2	2.17	0.44
1:AN:201:LYS:HD3	2:AN:602:P8E:O1A	2.17	0.44
1:AO:86:ILE:HD13	1:AO:439:ASP:OD1	2.17	0.44
1:AR:201:LYS:HA	1:AR:208:ASP:CB	2.47	0.44
1:AR:422:LYS:HA	1:AR:422:LYS:HE3	1.99	0.44
1:AS:283:ARG:HG3	1:AS:284:LEU:N	2.32	0.44
1:AS:356:ARG:HH11	1:AS:356:ARG:HG3	1.82	0.44
1:AS:458:ASN:HB2	1:AT:84:GLU:HG2	1.99	0.44
1:AT:149:ILE:HD12	1:AT:455:THR:HG21	1.99	0.44
1:AU:422:LYS:HA	1:AU:422:LYS:HE3	1.99	0.44
1:AV:259:VAL:HA	1:AV:324:ALA:CB	2.47	0.44
1:AW:61:LEU:HB3	1:AW:463:GLN:HB2	2.00	0.44
1:AW:107:GLU:H	1:AW:107:GLU:CD	2.22	0.44
1:AW:186:ALA:HB3	1:AW:334:PHE:O	2.17	0.44
1:AX:174:MET:HE3	1:AX:398:ALA:HB2	1.98	0.44
1:AX:510:LEU:HD22	1:AX:514:GLN:HE21	1.82	0.44

*Continued on next page...*



*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A1:446:GLY:HA3	1:A1:41:ALA:CB	2.47	0.44
1:A1:510:LEU:HD23	1:A1:510:LEU:N	2.32	0.44
1:A3:214:VAL:HG11	1:A3:227:LEU:HA	1.98	0.44
1:A3:264:ILE:CD1	1:A3:295:THR:HB	2.47	0.44
1:A3:297:VAL:CG1	1:A3:309:LEU:HG	2.47	0.44
1:A4:122:GLU:HG3	1:AF:451:GLU:CG	2.47	0.44
1:A5:167:ASP:CA	1:A5:384:ARG:HB2	2.44	0.44
1:A5:172:VAL:O	1:A5:380:THR:HA	2.17	0.44
1:A5:249:THR:HB	1:A5:308:ASN:OD1	2.16	0.44
1:A5:470:GLU:HA	1:A5:473:ILE:CG2	2.47	0.44
1:A6:218:THR:O	1:A6:315:ARG:HD3	2.17	0.44
1:A6:458:ASN:ND2	1:AW:126:ILE:HG12	2.32	0.44
1:A7:187:SER:HB3	1:A7:335:ALA:HB3	1.98	0.44
1:A7:262:LEU:HD12	1:A7:263:THR:N	2.32	0.44
1:A8:6:ASN:O	1:AK:487:LYS:HD2	2.17	0.44
1:A8:186:ALA:HB3	1:A8:334:PHE:O	2.17	0.44
1:A8:284:LEU:O	1:A8:284:LEU:HD12	2.17	0.44
1:AA:227:LEU:O	1:AA:231:ILE:HG13	2.17	0.44
1:AA:294:ARG:HH21	1:AF:389:ILE:HD11	1.82	0.44
1:AB:105:THR:HG23	1:AH:133:ASN:ND2	2.32	0.44
1:AB:117:GLN:C	1:AB:117:GLN:OE1	2.60	0.44
1:AD:167:ASP:HB3	1:AD:384:ARG:CZ	2.47	0.44
1:AE:201:LYS:HB2	1:AE:359:ILE:HG13	1.99	0.44
1:AE:337:ILE:HG22	1:AE:342:HIS:HB2	1.99	0.44
1:AF:103:GLY:HA2	1:AS:74:MET:SD	2.57	0.44
1:AK:117:GLN:NE2	1:AK:387:ARG:HD2	2.27	0.44
1:AK:446:GLY:O	1:AK:450:MET:HG3	2.16	0.44
1:AL:246:VAL:HB	1:AL:311:SER:HB3	1.99	0.44
1:AM:189:ALA:HA	1:AM:192:ASN:ND2	2.32	0.44
1:AM:214:VAL:HG11	1:AM:227:LEU:CB	2.47	0.44
1:AM:281:ASP:OD1	1:AM:283:ARG:HG2	2.16	0.44
1:AN:328:VAL:C	1:AN:329:PHE:CD1	2.95	0.44
1:AO:125:ASN:O	1:AO:129:THR:HG23	2.17	0.44
1:AO:138:LEU:HB3	1:AO:164:THR:OG1	2.17	0.44
1:AO:174:MET:CE	1:AO:398:ALA:HB2	2.47	0.44
1:AO:263:THR:HG22	1:AO:268:GLU:HG3	1.98	0.44
1:AP:61:LEU:HD23	1:AP:61:LEU:HA	1.82	0.44
1:AP:196:VAL:HG23	1:AP:196:VAL:O	2.18	0.44
1:AQ:60:ASN:HD21	1:AV:93:LYS:CG	2.28	0.44
1:AS:167:ASP:OD1	1:AS:168:LYS:HG3	2.17	0.44
1:AT:260:ARG:HA	1:AT:271:THR:OG1	2.16	0.44

*Continued on next page...*



*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AU:445:MET:HA	1:AU:445:MET:CE	2.36	0.44
1:AU:470:GLU:HA	1:AU:473:ILE:CG2	2.47	0.44
1:AV:321:ALA:HB3	1:AV:337:ILE:HD12	1.99	0.44
1:AX:179:PHE:HD1	1:AX:184:MET:CE	2.30	0.44
1:AX:369:GLY:HA2	1:AX:374:GLN:NE2	2.31	0.44
1:A1:260:ARG:HA	1:A1:271:THR:OG1	2.17	0.44
1:A1:502:ALA:O	1:A1:505:VAL:HG12	2.18	0.44
1:A1:508:ASN:ND2	1:A1:508:ASN:C	2.75	0.44
1:A3:189:ALA:HA	1:A3:192:ASN:CG	2.42	0.44
1:A3:325:SER:CB	1:A3:330:GLY:HA3	2.47	0.44
1:A3:511:ARG:HH22	1:A3:512:LEU:HD22	1.82	0.44
1:A4:122:GLU:CD	1:AF:454:THR:HB	2.42	0.44
1:A6:8:ASN:HB3	1:A6:11:ALA:HB3	1.99	0.44
1:A6:461:VAL:CG1	1:AW:80:LYS:HG3	2.47	0.44
1:A8:90:ASP:OD1	1:A8:90:ASP:C	2.60	0.44
1:A8:201:LYS:HB2	1:A8:359:ILE:HD11	1.98	0.44
1:A9:155:THR:HG23	1:AA:129:THR:CG2	2.48	0.44
1:A9:184:MET:HA	1:A9:192:ASN:ND2	2.19	0.44
1:A9:446:GLY:HA3	1:AK:41:ALA:CB	2.47	0.44
1:AB:319:VAL:H	1:AB:342:HIS:HD2	1.65	0.44
1:AB:426:ILE:HD12	1:AB:426:ILE:H	1.82	0.44
1:AB:470:GLU:O	1:AB:473:ILE:HG23	2.18	0.44
1:AC:445:MET:HA	1:AC:445:MET:CE	2.34	0.44
1:AD:260:ARG:C	1:AD:261:GLU:HG3	2.42	0.44
1:AE:92:ILE:HD12	1:AE:92:ILE:H	1.82	0.44
1:AE:260:ARG:HA	1:AE:271:THR:OG1	2.17	0.44
1:AF:449:GLN:NE2	1:AS:42:ALA:HB2	2.33	0.44
1:AF:491:LEU:HD11	1:AT:6:ASN:OD1	2.17	0.44
1:AG:238:LEU:HA	1:AG:238:LEU:HD23	1.72	0.44
1:AG:259:VAL:O	1:AG:271:THR:HG23	2.17	0.44
1:AG:448:VAL:O	1:AG:452:LEU:HG	2.17	0.44
1:AH:167:ASP:HA	1:AH:384:ARG:CB	2.44	0.44
1:AJ:82:MET:HG3	1:AJ:138:LEU:HD13	1.99	0.44
1:AJ:209:TYR:HE2	1:AJ:237:THR:HG21	1.83	0.44
1:AK:83:ASP:HB2	1:AK:442:ARG:CZ	2.47	0.44
1:AK:337:ILE:HG22	1:AK:342:HIS:CD2	2.52	0.44
1:AK:461:VAL:HG11	1:AN:80:LYS:CB	2.45	0.44
1:AL:187:SER:HB3	1:AL:335:ALA:HB3	1.99	0.44
1:AM:251:GLY:H	1:AM:333:ASN:H	1.65	0.44
1:AO:42:ALA:HB2	1:AQ:449:GLN:NE2	2.32	0.44
1:AO:172:VAL:O	1:AO:380:THR:HA	2.16	0.44

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AP:189:ALA:HA	1:AP:192:ASN:ND2	2.32	0.44
1:AP:470:GLU:HA	1:AP:473:ILE:CG2	2.47	0.44
1:AQ:352:ARG:HB3	1:AQ:358:ILE:HD11	1.99	0.44
1:AR:65:ILE:HG13	1:AR:459:ILE:HD11	1.99	0.44
1:AR:263:THR:HG21	1:AR:268:GLU:HG3	1.99	0.44
1:AS:510:LEU:HD23	1:AS:510:LEU:N	2.33	0.44
1:AW:179:PHE:CD1	1:AW:184:MET:HE2	2.48	0.44
1:AW:300:SER:C	1:AW:301:LEU:HD23	2.42	0.44
1:AX:263:THR:O	1:AX:319:VAL:HA	2.16	0.44
1:A2:155:THR:HG23	1:AV:129:THR:CG2	2.47	0.44
1:A3:125:ASN:O	1:A3:129:THR:HG23	2.17	0.44
1:A3:422:LYS:HA	1:A3:422:LYS:HE3	2.00	0.44
1:A3:423:GLY:O	1:A3:427:VAL:HG23	2.18	0.44
1:A4:15:HIS:HA	1:A4:499:MET:CE	2.47	0.44
1:A5:192:ASN:HA	1:A5:367:HIS:CE1	2.53	0.44
1:A5:224:ILE:CD1	1:A5:346:GLY:HA3	2.47	0.44
1:A6:196:VAL:HG23	1:A6:196:VAL:O	2.18	0.44
1:A7:50:ILE:HD13	1:A7:50:ILE:HA	1.88	0.44
1:A7:90:ASP:OD1	1:A7:90:ASP:C	2.60	0.44
1:A8:211:ILE:HG22	1:A8:212:GLU:N	2.32	0.44
1:A9:117:GLN:OE1	1:A9:117:GLN:O	2.35	0.44
1:A9:225:GLY:HA2	1:A9:244:TYR:CD1	2.53	0.44
1:A9:260:ARG:HA	1:A9:271:THR:OG1	2.17	0.44
1:AA:189:ALA:HB3	1:AA:343:ALA:HB3	2.00	0.44
1:AA:251:GLY:H	1:AA:333:ASN:H	1.65	0.44
1:AA:470:GLU:HA	1:AA:473:ILE:CG2	2.47	0.44
1:AC:352:ARG:HD3	1:AC:354:ASP:OD2	2.18	0.44
1:AD:7:THR:HG21	1:AI:471:SER:HB2	1.99	0.44
1:AE:179:PHE:CZ	1:AE:344:VAL:HG13	2.48	0.44
1:AF:363:VAL:HG22	1:AF:364:ASN:OD1	2.18	0.44
1:AH:189:ALA:HB3	1:AH:343:ALA:HB3	2.00	0.44
1:AJ:421:LEU:O	1:AJ:425:MET:HG2	2.18	0.44
1:AK:203:VAL:HG21	1:AK:209:TYR:CD2	2.46	0.44
1:AK:281:ASP:OD2	1:AK:283:ARG:HB3	2.18	0.44
1:AK:458:ASN:HD21	1:AN:126:ILE:HG23	1.82	0.44
1:AL:508:ASN:HA	1:AL:511:ARG:CG	2.26	0.44
1:AO:187:SER:HB3	1:AO:335:ALA:HB3	1.99	0.44
1:AP:187:SER:HB3	1:AP:335:ALA:HB3	1.99	0.44
1:AQ:80:LYS:CB	1:AR:461:VAL:HG11	2.46	0.44
1:AR:244:TYR:C	1:AR:244:TYR:CD2	2.95	0.44
1:AT:384:ARG:HD2	1:AT:387:ARG:NH2	2.32	0.44

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AU:82:MET:HE1	1:AU:441:ILE:HG22	1.99	0.44
1:AU:281:ASP:OD2	1:AU:283:ARG:HB3	2.18	0.44
1:AU:342:HIS:CE1	1:AU:344:VAL:HG23	2.53	0.44
1:AV:263:THR:CG2	1:AV:268:GLU:HG3	2.47	0.44
1:AV:384:ARG:HD2	1:AV:387:ARG:HH21	1.83	0.44
1:AW:85:GLN:OE1	1:AW:123:LEU:HG	2.17	0.44
1:AX:335:ALA:HA	2:AX:606:P8E:O8	2.17	0.44
1:AX:502:ALA:O	1:AX:505:VAL:HG12	2.17	0.44
1:A1:88:ILE:HD12	1:A1:122:GLU:OE1	2.17	0.44
1:A2:281:ASP:OD2	1:A2:283:ARG:HB3	2.17	0.44
1:A6:122:GLU:OE2	1:AT:454:THR:HB	2.17	0.44
1:A6:460:SER:O	1:A6:464:VAL:HG23	2.18	0.44
1:A8:167:ASP:OD1	1:A8:168:LYS:HG3	2.17	0.44
1:A9:173:ARG:HD2	1:A9:357:ASP:HA	1.99	0.44
1:A9:212:GLU:HG3	1:AA:278:ASN:CG	2.43	0.44
1:A9:294:ARG:NH2	1:AK:206:VAL:HG11	2.32	0.44
1:AA:102:ASP:HA	1:AA:109:ARG:HH22	1.82	0.44
1:AA:300:SER:C	1:AA:301:LEU:HD23	2.43	0.44
1:AC:187:SER:HB3	1:AC:335:ALA:HB3	2.00	0.44
1:AC:251:GLY:N	1:AC:333:ASN:H	2.15	0.44
1:AD:224:ILE:HD11	1:AD:346:GLY:HA3	1.98	0.44
1:AD:262:LEU:HD11	1:AD:319:VAL:CG2	2.48	0.44
1:AD:383:LEU:HA	1:AD:430:MET:CE	2.47	0.44
1:AE:9:ILE:CD1	1:AK:468:ALA:HA	2.46	0.44
1:AE:29:LEU:HD23	1:AE:29:LEU:HA	1.83	0.44
1:AE:259:VAL:O	1:AE:271:THR:HG23	2.17	0.44
1:AF:478:PHE:HE2	1:AS:5:ILE:CG2	2.29	0.44
1:AG:17:VAL:HG11	1:AM:33:SER:C	2.42	0.44
1:AG:129:THR:CG2	1:AP:155:THR:HG23	2.47	0.44
1:AG:146:GLU:HG3	1:AG:156:THR:HG21	1.99	0.44
1:AH:382:ASN:C	1:AH:430:MET:HE3	2.42	0.44
1:AI:305:GLY:CA	1:AO:212:GLU:HG3	2.48	0.44
1:AJ:422:LYS:O	1:AJ:426:ILE:CD1	2.53	0.44
1:AK:211:ILE:HD13	1:AK:234:PHE:HD2	1.81	0.44
1:AM:6:ASN:O	1:AW:487:LYS:HD2	2.18	0.44
1:AM:125:ASN:O	1:AM:129:THR:HG23	2.17	0.44
1:AM:328:VAL:HG12	1:AM:329:PHE:HD1	1.83	0.44
1:AN:211:ILE:HG22	1:AN:212:GLU:N	2.31	0.44
1:AO:216:ILE:HD13	1:AO:223:GLY:HA2	1.99	0.44
1:AP:251:GLY:H	1:AP:333:ASN:H	1.64	0.44
1:AP:300:SER:C	1:AP:301:LEU:HD23	2.42	0.44

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AR:214:VAL:HG11	1:AR:227:LEU:HA	1.99	0.44
1:AR:251:GLY:H	1:AR:333:ASN:H	1.66	0.44
1:AS:84:GLU:OE1	1:AS:84:GLU:HA	2.18	0.44
1:AU:120:LEU:HD21	1:AU:383:LEU:CG	2.33	0.44
1:AU:337:ILE:CG2	1:AU:342:HIS:CD2	3.01	0.44
1:AU:471:SER:O	1:AU:475:ASP:HB2	2.18	0.44
1:AV:179:PHE:CD1	1:AV:184:MET:HE2	2.47	0.44
1:AX:370:PHE:CA	1:AX:376:VAL:HG11	2.39	0.44
1:A2:214:VAL:HG11	1:A2:227:LEU:CB	2.48	0.44
1:A2:448:VAL:HG22	1:AV:118:ARG:NH2	2.32	0.44
1:A2:475:ASP:HB2	1:AR:4:ARG:HG2	1.99	0.44
1:A3:211:ILE:HD11	1:A3:238:LEU:CD1	2.35	0.44
1:A4:65:ILE:HG13	1:A4:459:ILE:HD11	2.00	0.44
1:A4:262:LEU:HD12	1:A4:263:THR:H	1.80	0.44
1:A4:478:PHE:HE2	1:AT:5:ILE:HG21	1.83	0.44
1:A5:84:GLU:HG2	1:AD:458:ASN:HB2	1.98	0.44
1:A5:459:ILE:HG13	1:A5:460:SER:N	2.32	0.44
1:A6:17:VAL:CG2	1:AW:33:SER:HB2	2.45	0.44
1:A6:352:ARG:HB3	1:A6:358:ILE:HD11	2.00	0.44
1:A8:196:VAL:O	1:A8:196:VAL:HG23	2.17	0.44
1:AA:175:GLU:HA	1:AA:377:ALA:O	2.17	0.44
1:AE:5:ILE:HG21	1:AK:478:PHE:CE2	2.52	0.44
1:AE:62:GLY:HA2	1:AE:65:ILE:HD12	1.99	0.44
1:AE:125:ASN:O	1:AE:129:THR:HG23	2.18	0.44
1:AE:247:MET:CE	1:AE:402:ALA:HB2	2.48	0.44
1:AE:251:GLY:N	1:AE:333:ASN:H	2.15	0.44
1:AE:278:ASN:OD1	1:AE:305:GLY:HA3	2.17	0.44
1:AE:422:LYS:HA	1:AE:422:LYS:HE3	1.99	0.44
1:AF:472:GLN:HA	1:AS:4:ARG:HH11	1.80	0.44
1:AH:201:LYS:HA	1:AH:208:ASP:CB	2.47	0.44
1:AK:167:ASP:CA	1:AK:384:ARG:HB2	2.40	0.44
1:AK:175:GLU:HA	1:AK:377:ALA:O	2.17	0.44
1:AM:120:LEU:HD22	1:AM:166:SER:HB2	1.99	0.44
1:AM:418:VAL:HG12	1:AM:418:VAL:O	2.18	0.44
1:AN:201:LYS:HB2	1:AN:359:ILE:HD11	1.98	0.44
1:AP:283:ARG:HG3	1:AP:284:LEU:N	2.33	0.44
1:AP:473:ILE:HD12	1:AP:473:ILE:O	2.18	0.44
1:AQ:120:LEU:HD21	1:AQ:383:LEU:HD11	2.00	0.44
1:AQ:485:PHE:CZ	1:AR:501:GLN:HG3	2.53	0.44
1:AR:186:ALA:HB3	1:AR:334:PHE:O	2.17	0.44
1:AT:157:VAL:HG23	1:AT:451:GLU:OE2	2.17	0.44

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AW:92:ILE:HD12	1:AW:92:ILE:H	1.83	0.44
1:AX:125:ASN:O	1:AX:129:THR:HG23	2.17	0.44
1:A1:103:GLY:HA2	1:AI:74:MET:SD	2.58	0.44
1:A1:451:GLU:HA	1:AB:122:GLU:OE1	2.18	0.44
1:A1:461:VAL:CG1	1:AB:80:LYS:HG3	2.47	0.44
1:A2:175:GLU:HA	1:A2:377:ALA:O	2.17	0.44
1:A2:319:VAL:H	1:A2:342:HIS:HD2	1.65	0.44
1:A3:258:THR:CG2	1:A3:273:ASN:HA	2.32	0.44
1:A3:470:GLU:HA	1:A3:473:ILE:CG2	2.48	0.44
1:A5:133:ASN:HD21	1:AD:50:ILE:HD11	1.82	0.44
1:A5:167:ASP:HB3	1:A5:384:ARG:CZ	2.47	0.44
1:A5:511:ARG:CZ	1:A5:512:LEU:HD13	2.48	0.44
1:A6:65:ILE:HG12	1:A6:459:ILE:CD1	2.48	0.44
1:A7:17:VAL:CG2	1:AJ:33:SER:HB2	2.46	0.44
1:A7:325:SER:CB	1:A7:330:GLY:HA3	2.48	0.44
1:A7:422:LYS:O	1:A7:426:ILE:CD1	2.54	0.44
1:A8:74:MET:HB3	1:A8:137:MET:CE	2.37	0.44
1:A9:17:VAL:HG21	1:AA:33:SER:CB	2.45	0.44
1:A9:68:ALA:CB	1:A9:456:ILE:HD11	2.42	0.44
1:A9:477:ASP:HB2	1:AK:4:ARG:HH12	1.83	0.44
1:AA:246:VAL:HB	1:AA:311:SER:HB3	1.99	0.44
1:AA:369:GLY:HA2	1:AA:374:GLN:HE22	1.83	0.44
1:AA:389:ILE:HA	1:AA:416:ALA:HA	2.00	0.44
1:AB:87:LYS:HZ3	1:AB:87:LYS:HG3	1.73	0.44
1:AD:167:ASP:HA	1:AD:384:ARG:CB	2.47	0.44
1:AD:192:ASN:HA	1:AD:367:HIS:CE1	2.53	0.44
1:AD:263:THR:HG21	1:AD:268:GLU:HG3	2.00	0.44
1:AG:89:LEU:CA	1:AG:92:ILE:HD12	2.48	0.44
1:AG:190:ALA:O	1:AG:193:LEU:HG	2.17	0.44
1:AH:33:SER:OG	1:AI:14:SER:HA	2.18	0.44
1:AH:259:VAL:HA	1:AH:324:ALA:CB	2.47	0.44
1:AH:489:ASN:O	1:AH:493:GLN:HG2	2.18	0.44
1:AK:146:GLU:HG3	1:AK:156:THR:HG21	1.99	0.44
1:AK:196:VAL:HG23	1:AK:196:VAL:O	2.16	0.44
1:AL:390:PHE:CE2	1:AL:417:GLY:HA2	2.52	0.44
1:AM:93:LYS:CD	1:AU:60:ASN:HD21	2.30	0.44
1:AM:179:PHE:CD1	1:AM:184:MET:HE2	2.50	0.44
1:AM:328:VAL:C	1:AM:329:PHE:CD1	2.95	0.44
1:AN:167:ASP:OD1	1:AN:168:LYS:HG3	2.17	0.44
1:AO:284:LEU:O	1:AO:288:ILE:HG12	2.18	0.44
1:AQ:13:THR:O	1:AQ:17:VAL:HG22	2.18	0.44

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AQ:258:THR:CG2	1:AQ:273:ASN:HA	2.27	0.44
1:AQ:328:VAL:C	1:AQ:329:PHE:CD2	2.96	0.44
1:AQ:471:SER:O	1:AQ:475:ASP:HB2	2.17	0.44
1:AU:259:VAL:HB	1:AU:272:VAL:HG22	1.99	0.44
1:AV:184:MET:HA	1:AV:192:ASN:ND2	2.21	0.44
1:AX:214:VAL:HG11	1:AX:227:LEU:HB2	2.00	0.44
1:AX:259:VAL:HA	1:AX:324:ALA:HB1	1.99	0.44
1:AX:298:GLU:HG2	1:AX:310:HIS:HB3	2.00	0.44
1:A1:192:ASN:HA	1:A1:367:HIS:CE1	2.53	0.44
1:A1:244:TYR:C	1:A1:244:TYR:CD2	2.95	0.44
1:A2:93:LYS:CE	1:AR:60:ASN:HD21	2.30	0.44
1:A2:259:VAL:HA	1:A2:324:ALA:HB2	2.00	0.44
1:A3:204:ASN:HD21	1:A3:207:ASN:HB2	1.83	0.44
1:A3:277:LYS:HG2	1:A3:278:ASN:ND2	2.33	0.44
1:A5:50:ILE:HD11	1:AK:133:ASN:HD21	1.83	0.44
1:A5:302:ASP:HB3	1:A5:308:ASN:ND2	2.32	0.44
1:A6:227:LEU:O	1:A6:230:ILE:HG12	2.18	0.44
1:A7:100:ALA:HB2	1:A7:424:ALA:CB	2.48	0.44
1:A7:173:ARG:HD2	1:A7:357:ASP:HA	2.00	0.44
1:A8:146:GLU:CG	1:AN:421:LEU:HD21	2.45	0.44
1:A8:418:VAL:HG22	1:A8:427:VAL:HG21	2.00	0.44
1:A8:470:GLU:HA	1:A8:473:ILE:CG2	2.47	0.44
1:AA:85:GLN:OE1	1:AA:123:LEU:HG	2.18	0.44
1:AB:103:GLY:HA2	1:AH:74:MET:SD	2.58	0.44
1:AB:174:MET:CE	1:AB:398:ALA:HB2	2.48	0.44
1:AB:371:HIS:CB	1:AB:374:GLN:HG3	2.36	0.44
1:AD:35:GLY:C	1:AD:476:VAL:HG12	2.43	0.44
1:AD:189:ALA:HA	1:AD:192:ASN:CG	2.42	0.44
1:AD:201:LYS:HB2	1:AD:359:ILE:CG1	2.48	0.44
1:AF:8:ASN:HB3	1:AF:11:ALA:HB3	1.99	0.44
1:AF:422:LYS:HA	1:AF:422:LYS:HE3	2.00	0.44
1:AH:418:VAL:O	1:AH:418:VAL:HG12	2.18	0.44
1:AH:448:VAL:O	1:AH:452:LEU:HG	2.18	0.44
1:AI:201:LYS:HE2	1:AI:201:LYS:HB3	1.74	0.44
1:AI:235:SER:HB2	1:AI:240:VAL:O	2.17	0.44
1:AI:251:GLY:H	1:AI:333:ASN:H	1.66	0.44
1:AK:14:SER:HA	1:AN:33:SER:OG	2.18	0.44
1:AK:496:SER:HA	1:AK:499:MET:HE3	2.00	0.44
1:AL:167:ASP:CA	1:AL:384:ARG:HB2	2.45	0.44
1:AM:117:GLN:OE1	1:AM:117:GLN:C	2.61	0.44
1:AM:244:TYR:C	1:AM:244:TYR:CD2	2.96	0.44

*Continued on next page...*



*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AM:502:ALA:O	1:AM:505:VAL:HG12	2.17	0.44
1:AO:259:VAL:HG11	1:AO:262:LEU:HB2	1.99	0.44
1:AP:224:ILE:HD11	1:AP:246:VAL:HG22	1.96	0.44
1:AP:246:VAL:HB	1:AP:311:SER:HB3	2.00	0.44
1:AP:395:ALA:CB	1:AP:414:ILE:HG23	2.47	0.44
1:AQ:8:ASN:HA	1:AQ:506:GLN:HE22	1.83	0.44
1:AU:259:VAL:HA	1:AU:324:ALA:HB2	2.00	0.44
1:AV:5:ILE:CD1	1:AV:506:GLN:HG2	2.48	0.44
1:AV:47:GLY:O	1:AV:50:ILE:HG22	2.17	0.44
1:AV:186:ALA:HB3	1:AV:334:PHE:O	2.17	0.44
1:AV:192:ASN:HA	1:AV:367:HIS:CE1	2.52	0.44
1:AX:48:MET:HE3	1:AX:48:MET:HB3	1.87	0.44
1:AX:201:LYS:HA	1:AX:208:ASP:CB	2.48	0.44
1:AX:294:ARG:HD3	1:AX:294:ARG:HA	1.82	0.44
1:AX:390:PHE:CE2	1:AX:417:GLY:HA2	2.52	0.44
1:A1:133:ASN:CG	1:AQ:50:ILE:HD11	2.43	0.44
1:A1:149:ILE:CD1	1:A1:455:THR:HG21	2.45	0.44
1:A1:212:GLU:HG3	1:AB:278:ASN:CG	2.43	0.44
1:A3:89:LEU:HA	1:A3:89:LEU:HD23	1.82	0.44
1:A4:196:VAL:HG23	1:A4:196:VAL:O	2.18	0.44
1:A5:284:LEU:O	1:A5:284:LEU:HD12	2.18	0.44
1:A5:495:GLY:C	1:A5:499:MET:HE3	2.43	0.44
1:A6:300:SER:O	1:A6:301:LEU:HD23	2.18	0.44
1:A6:328:VAL:C	1:A6:329:PHE:CD1	2.96	0.44
1:A7:277:LYS:HG2	1:A7:278:ASN:ND2	2.33	0.44
1:A7:335:ALA:HA	2:A7:606:P8E:O8	2.18	0.44
1:A7:470:GLU:HA	1:A7:473:ILE:CG2	2.47	0.44
1:A8:251:GLY:N	1:A8:333:ASN:H	2.14	0.44
1:A8:421:LEU:O	1:A8:425:MET:HG2	2.18	0.44
1:A8:438:LEU:HD23	1:A8:438:LEU:HA	1.84	0.44
1:A9:166:SER:O	1:A9:383:LEU:HB3	2.17	0.44
1:A9:502:ALA:O	1:A9:505:VAL:HG12	2.17	0.44
1:AA:300:SER:O	1:AA:301:LEU:HD23	2.17	0.44
1:AB:470:GLU:HA	1:AB:473:ILE:CG2	2.47	0.44
1:AD:182:GLU:CG	1:AD:183:GLY:H	2.30	0.44
1:AD:211:ILE:HD12	1:AD:234:PHE:HD2	1.82	0.44
1:AD:259:VAL:HA	1:AD:324:ALA:HB2	2.00	0.44
1:AD:353:THR:HG23	1:AD:433:SER:CB	2.41	0.44
1:AE:145:LYS:HA	1:AK:102:ASP:OD2	2.18	0.44
1:AE:250:GLY:O	1:AE:306:ARG:HD2	2.18	0.44
1:AF:187:SER:HB3	1:AF:335:ALA:HB3	1.99	0.44

*Continued on next page...*



*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AF:212:GLU:OE1	1:AF:212:GLU:CA	2.66	0.44
1:AF:302:ASP:CB	1:AF:308:ASN:HD21	2.26	0.44
1:AG:258:THR:CG2	1:AG:273:ASN:HA	2.29	0.44
1:AG:303:ILE:O	1:AP:234:PHE:HE1	2.01	0.44
1:AK:300:SER:C	1:AK:301:LEU:HD23	2.43	0.44
1:AL:179:PHE:HB2	1:AL:347:ARG:HG2	2.00	0.44
1:AL:189:ALA:HA	1:AL:192:ASN:ND2	2.33	0.44
1:AM:187:SER:HB3	1:AM:335:ALA:HB3	2.00	0.44
1:AM:201:LYS:HA	1:AM:208:ASP:CB	2.48	0.44
1:AN:74:MET:HG3	1:AN:132:PHE:CD1	2.53	0.44
1:AN:196:VAL:HG23	1:AN:196:VAL:O	2.18	0.44
1:AR:108:SER:O	1:AR:112:LEU:HD12	2.17	0.44
1:AS:146:GLU:HB2	1:AS:158:LYS:HD2	1.99	0.44
1:AS:179:PHE:HB2	1:AS:347:ARG:HG2	1.99	0.44
1:AU:83:ASP:HB2	1:AU:442:ARG:CZ	2.48	0.44
1:AU:167:ASP:CA	1:AU:384:ARG:HB2	2.45	0.44
1:AV:389:ILE:HA	1:AV:416:ALA:HA	2.00	0.44
1:AV:470:GLU:O	1:AV:473:ILE:HG23	2.18	0.44
1:AW:189:ALA:HB3	1:AW:343:ALA:HB3	2.00	0.44
1:AX:445:MET:HA	1:AX:445:MET:CE	2.34	0.44
1:A1:211:ILE:HD13	1:A1:234:PHE:HD2	1.83	0.43
1:A1:218:THR:O	1:A1:315:ARG:HD3	2.17	0.43
1:A1:418:VAL:HG12	1:A1:418:VAL:O	2.18	0.43
1:A2:189:ALA:HA	1:A2:192:ASN:CG	2.43	0.43
1:A4:179:PHE:HB2	1:A4:347:ARG:HG2	2.00	0.43
1:A4:188:ALA:HB2	2:A4:606:P8E:O1B	2.18	0.43
1:A6:89:LEU:CA	1:A6:92:ILE:HD12	2.48	0.43
1:A6:187:SER:HB3	1:A6:335:ALA:HB3	2.00	0.43
1:A6:212:GLU:OE1	1:A6:212:GLU:CA	2.67	0.43
1:A6:487:LYS:HE3	1:AG:6:ASN:O	2.18	0.43
1:A7:259:VAL:HG11	1:A7:262:LEU:HB2	2.00	0.43
1:A7:422:LYS:HA	1:A7:422:LYS:HE3	2.00	0.43
1:A9:196:VAL:HG23	1:A9:196:VAL:O	2.17	0.43
1:AA:365:PHE:CD1	1:AA:365:PHE:C	2.96	0.43
1:AB:201:LYS:HE2	1:AB:201:LYS:HB3	1.74	0.43
1:AD:92:ILE:HD12	1:AD:92:ILE:H	1.81	0.43
1:AD:187:SER:HB3	1:AD:335:ALA:HB3	2.00	0.43
1:AD:438:LEU:HD23	1:AD:438:LEU:HA	1.85	0.43
1:AE:188:ALA:HB2	2:AE:606:P8E:O1B	2.18	0.43
1:AE:189:ALA:HA	1:AE:192:ASN:CG	2.43	0.43
1:AF:14:SER:C	1:AF:499:MET:HE3	2.43	0.43

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AH:84:GLU:HG2	1:AI:458:ASN:HB2	2.00	0.43
1:AH:146:GLU:HG3	1:AH:156:THR:HG21	1.98	0.43
1:AI:187:SER:HB3	1:AI:335:ALA:HB3	1.99	0.43
1:AJ:227:LEU:O	1:AJ:231:ILE:HG13	2.18	0.43
1:AJ:395:ALA:CB	1:AJ:414:ILE:HG23	2.48	0.43
1:AK:187:SER:HB3	1:AK:335:ALA:HB3	1.99	0.43
1:AK:247:MET:HE2	1:AK:247:MET:HB3	1.76	0.43
1:AL:82:MET:CE	1:AL:442:ARG:HA	2.48	0.43
1:AL:157:VAL:HG22	1:AL:451:GLU:OE2	2.18	0.43
1:AL:211:ILE:HG23	1:AL:230:ILE:HD12	2.00	0.43
1:AL:293:ASP:OD1	1:AL:294:ARG:HG3	2.16	0.43
1:AM:212:GLU:OE1	1:AM:212:GLU:CA	2.66	0.43
1:AM:422:LYS:HE3	1:AM:422:LYS:CA	2.48	0.43
1:AO:196:VAL:HG23	1:AO:196:VAL:O	2.17	0.43
1:AO:438:LEU:HD23	1:AO:438:LEU:HA	1.83	0.43
1:AS:196:VAL:HG23	1:AS:196:VAL:O	2.18	0.43
1:AT:230:ILE:HG13	1:AT:231:ILE:N	2.33	0.43
1:AU:32:LEU:HD22	1:AU:478:PHE:CE1	2.53	0.43
1:AU:136:GLN:HB3	1:AU:139:SER:OG	2.18	0.43
1:AU:259:VAL:HG13	1:AU:324:ALA:CB	2.48	0.43
1:AV:15:HIS:N	1:AV:499:MET:HE3	2.33	0.43
1:AV:90:ASP:OD1	1:AV:90:ASP:C	2.61	0.43
1:AX:251:GLY:H	1:AX:332:GLY:CA	2.20	0.43
1:A1:65:ILE:CG1	1:A1:459:ILE:HD11	2.47	0.43
1:A1:84:GLU:O	1:A1:88:ILE:HG13	2.18	0.43
1:A1:116:ILE:CD1	1:A1:418:VAL:HG21	2.47	0.43
1:A1:187:SER:HB3	1:A1:335:ALA:HB3	1.99	0.43
1:A2:352:ARG:HD2	1:A2:356:ARG:O	2.18	0.43
1:A3:227:LEU:O	1:A3:231:ILE:HG13	2.18	0.43
1:A3:298:GLU:HG2	1:A3:310:HIS:HB3	1.99	0.43
1:A4:61:LEU:CD2	1:A4:151:ALA:HB2	2.49	0.43
1:A5:89:LEU:HD23	1:A5:92:ILE:HD13	1.99	0.43
1:A5:189:ALA:HA	1:A5:192:ASN:ND2	2.33	0.43
1:A6:418:VAL:O	1:A6:418:VAL:HG12	2.18	0.43
1:A7:5:ILE:CD1	1:A7:510:LEU:HG	2.47	0.43
1:A7:92:ILE:HD12	1:A7:92:ILE:H	1.83	0.43
1:A7:342:HIS:ND1	1:A7:343:ALA:N	2.67	0.43
1:A8:140:GLY:HA3	1:A8:163:SER:HB2	2.00	0.43
1:A8:192:ASN:HA	1:A8:367:HIS:CE1	2.53	0.43
1:A8:430:MET:HE2	1:A8:430:MET:HB3	1.85	0.43
1:A9:179:PHE:CD1	1:A9:184:MET:HE2	2.50	0.43

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A9:284:LEU:O	1:A9:284:LEU:HD12	2.17	0.43
1:AA:116:ILE:CD1	1:AA:418:VAL:HG21	2.40	0.43
1:AA:294:ARG:HH21	1:AF:389:ILE:HD12	1.82	0.43
1:AB:29:LEU:HD23	1:AB:29:LEU:HA	1.86	0.43
1:AC:212:GLU:N	1:AC:212:GLU:OE2	2.51	0.43
1:AC:246:VAL:HG22	1:AC:346:GLY:HA3	2.00	0.43
1:AD:186:ALA:HB3	1:AD:334:PHE:O	2.18	0.43
1:AE:35:GLY:C	1:AE:476:VAL:HG12	2.43	0.43
1:AE:277:LYS:HG2	1:AE:278:ASN:ND2	2.33	0.43
1:AE:279:ASP:CG	1:AE:282:GLY:HA2	2.42	0.43
1:AF:65:ILE:HG13	1:AF:459:ILE:HD11	2.01	0.43
1:AF:471:SER:HB2	1:AF:475:ASP:OD2	2.17	0.43
1:AF:475:ASP:OD1	1:AS:6:ASN:HB2	2.18	0.43
1:AG:42:ALA:HB2	1:AW:449:GLN:NE2	2.33	0.43
1:AG:179:PHE:CD1	1:AG:184:MET:HE2	2.48	0.43
1:AG:458:ASN:HD22	1:AM:126:ILE:HG12	1.82	0.43
1:AG:511:ARG:NH1	1:AG:512:LEU:HB2	2.33	0.43
1:AH:251:GLY:H	1:AH:333:ASN:H	1.66	0.43
1:AI:133:ASN:ND2	1:AO:50:ILE:HD12	2.32	0.43
1:AI:510:LEU:HD23	1:AI:510:LEU:N	2.33	0.43
1:AJ:303:ILE:HD12	1:AJ:303:ILE:HA	1.85	0.43
1:AO:62:GLY:HA2	1:AO:65:ILE:HD12	2.00	0.43
1:AO:167:ASP:CA	1:AO:384:ARG:HB2	2.45	0.43
1:AO:179:PHE:HB2	1:AO:347:ARG:HG2	2.00	0.43
1:AO:206:VAL:HG11	1:AQ:294:ARG:NH2	2.33	0.43
1:AQ:41:ALA:HA	1:AQ:48:MET:CE	2.49	0.43
1:AQ:126:ILE:HG23	1:AR:458:ASN:HD21	1.82	0.43
1:AR:146:GLU:HG3	1:AR:156:THR:HG21	1.99	0.43
1:AR:163:SER:OG	1:AR:168:LYS:HD3	2.17	0.43
1:AR:369:GLY:HA2	1:AR:374:GLN:NE2	2.33	0.43
1:AT:421:LEU:HD12	1:AT:421:LEU:O	2.18	0.43
1:AU:321:ALA:HB3	1:AU:337:ILE:HD12	2.00	0.43
1:AV:24:ASP:HB3	1:AV:488:TYR:CE2	2.54	0.43
1:AV:187:SER:HB3	1:AV:335:ALA:HB3	2.01	0.43
1:AV:224:ILE:HD11	1:AV:245:ASN:H	1.82	0.43
1:AV:386:VAL:HG23	1:AV:430:MET:CE	2.48	0.43
1:AX:179:PHE:HD1	1:AX:184:MET:HE2	1.83	0.43
1:AX:227:LEU:O	1:AX:230:ILE:HG12	2.18	0.43
1:AX:249:THR:HB	1:AX:308:ASN:OD1	2.18	0.43
1:A1:82:MET:HE1	1:A1:442:ARG:N	2.33	0.43
1:A1:97:VAL:HG22	1:A1:428:MET:HE2	2.00	0.43

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A1:117:GLN:OE1	1:A1:117:GLN:O	2.37	0.43
1:A1:470:GLU:HA	1:A1:473:ILE:CG2	2.48	0.43
1:A3:263:THR:HA	1:A3:267:VAL:O	2.17	0.43
1:A4:260:ARG:HA	1:A4:271:THR:OG1	2.18	0.43
1:A4:328:VAL:C	1:A4:329:PHE:CD1	2.97	0.43
1:A5:50:ILE:HD13	1:A5:50:ILE:HA	1.90	0.43
1:A6:88:ILE:HD11	1:AT:454:THR:CG2	2.39	0.43
1:A6:195:GLU:HG3	1:A6:215:ARG:HG2	2.01	0.43
1:A6:201:LYS:HA	1:A6:208:ASP:CB	2.48	0.43
1:A6:352:ARG:HD2	1:A6:356:ARG:O	2.19	0.43
1:A7:89:LEU:CA	1:A7:92:ILE:HD12	2.48	0.43
1:A8:5:ILE:CG2	1:AN:478:PHE:HE2	2.31	0.43
1:A8:369:GLY:HA2	1:A8:374:GLN:NE2	2.33	0.43
1:A9:451:GLU:HG2	1:AA:122:GLU:OE1	2.18	0.43
1:AA:511:ARG:HH12	1:AA:512:LEU:HD13	1.83	0.43
1:AB:20:GLN:HG2	1:AB:23:ARG:NH2	2.33	0.43
1:AD:20:GLN:O	1:AD:24:ASP:OD1	2.35	0.43
1:AD:259:VAL:HA	1:AD:324:ALA:HB1	1.99	0.43
1:AE:167:ASP:HB3	1:AE:384:ARG:CZ	2.47	0.43
1:AF:133:ASN:HD21	1:AN:50:ILE:HD11	1.82	0.43
1:AF:471:SER:HB2	1:AS:7:THR:OG1	2.19	0.43
1:AH:491:LEU:HD23	1:AH:491:LEU:HA	1.89	0.43
1:AI:433:SER:O	1:AI:437:GLN:HG3	2.19	0.43
1:AI:509:VAL:HG13	1:AI:510:LEU:N	2.33	0.43
1:AJ:260:ARG:C	1:AJ:261:GLU:HG3	2.43	0.43
1:AJ:490:ILE:HD11	1:AX:507:GLN:HB2	1.99	0.43
1:AL:491:LEU:HA	1:AL:491:LEU:HD23	1.88	0.43
1:AN:29:LEU:HD21	1:AN:485:PHE:CE1	2.53	0.43
1:AN:146:GLU:HG3	1:AN:156:THR:HG21	1.99	0.43
1:AN:282:GLY:O	1:AN:286:ASN:ND2	2.51	0.43
1:AO:342:HIS:HE1	1:AO:344:VAL:CG2	2.32	0.43
1:AO:437:GLN:O	1:AO:441:ILE:HG13	2.18	0.43
1:AP:471:SER:O	1:AP:475:ASP:HB2	2.19	0.43
1:AQ:8:ASN:CA	1:AQ:506:GLN:HE22	2.32	0.43
1:AQ:251:GLY:H	1:AQ:333:ASN:H	1.66	0.43
1:AQ:337:ILE:HG22	1:AQ:342:HIS:CG	2.52	0.43
1:AR:30:GLU:HG3	1:AU:13:THR:HG21	1.99	0.43
1:AS:201:LYS:HA	1:AS:208:ASP:CB	2.49	0.43
1:AS:260:ARG:HH12	1:AS:323:SER:HB2	1.81	0.43
1:AS:281:ASP:OD2	1:AS:283:ARG:HB3	2.18	0.43
1:AT:29:LEU:HD23	1:AT:29:LEU:HA	1.85	0.43

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AT:174:MET:HE1	1:AT:398:ALA:HB2	2.00	0.43
1:AU:456:ILE:HD13	1:AU:456:ILE:HA	1.79	0.43
1:AW:174:MET:HE2	1:AW:174:MET:HB2	1.82	0.43
1:AW:234:PHE:HB3	1:AW:238:LEU:HD12	1.97	0.43
1:AX:62:GLY:HA2	1:AX:65:ILE:HD12	2.01	0.43
1:AX:89:LEU:HD12	1:AX:438:LEU:HD12	2.00	0.43
1:AX:188:ALA:HB2	2:AX:606:P8E:O1B	2.18	0.43
1:AX:509:VAL:HG13	1:AX:510:LEU:N	2.33	0.43
1:A1:201:LYS:HB2	1:A1:359:ILE:HD11	1.99	0.43
1:A2:187:SER:HB3	1:A2:335:ALA:HB3	1.99	0.43
1:A2:263:THR:HG21	1:A2:268:GLU:HG3	1.99	0.43
1:A4:85:GLN:OE1	1:A4:123:LEU:HG	2.19	0.43
1:A4:89:LEU:CA	1:A4:92:ILE:HD12	2.48	0.43
1:A4:126:ILE:HG23	1:AF:458:ASN:ND2	2.30	0.43
1:A4:186:ALA:HB3	1:A4:334:PHE:O	2.19	0.43
1:A4:371:HIS:CB	1:A4:374:GLN:HG3	2.32	0.43
1:A6:183:GLY:O	1:A6:188:ALA:HB3	2.19	0.43
1:A6:249:THR:HB	1:A6:308:ASN:OD1	2.19	0.43
1:A7:99:ALA:HB2	1:A7:112:LEU:CD2	2.35	0.43
1:A7:423:GLY:O	1:A7:427:VAL:HG23	2.19	0.43
1:A9:75:VAL:HG11	1:A9:449:GLN:HB2	2.01	0.43
1:AC:63:GLN:HG3	1:AR:97:VAL:HG12	2.00	0.43
1:AC:82:MET:HG3	1:AC:138:LEU:HD23	2.01	0.43
1:AC:92:ILE:HD12	1:AC:92:ILE:H	1.83	0.43
1:AC:234:PHE:CD2	1:AO:303:ILE:HD12	2.54	0.43
1:AD:8:ASN:HB3	1:AD:11:ALA:HB3	2.00	0.43
1:AD:120:LEU:HD13	1:AD:387:ARG:CG	2.47	0.43
1:AE:370:PHE:CA	1:AE:376:VAL:HG11	2.40	0.43
1:AF:502:ALA:O	1:AF:505:VAL:HG12	2.18	0.43
1:AG:74:MET:HG2	1:AG:132:PHE:CD1	2.54	0.43
1:AG:218:THR:O	1:AG:315:ARG:HD3	2.18	0.43
1:AG:319:VAL:H	1:AG:342:HIS:HD2	1.65	0.43
1:AH:20:GLN:HG2	1:AH:23:ARG:HH22	1.83	0.43
1:AI:6:ASN:OD1	1:AQ:491:LEU:HD11	2.18	0.43
1:AI:386:VAL:HG22	1:AI:427:VAL:HG22	2.01	0.43
1:AJ:62:GLY:HA2	1:AJ:65:ILE:HD12	2.00	0.43
1:AJ:167:ASP:CA	1:AJ:384:ARG:HB2	2.47	0.43
1:AJ:297:VAL:CG1	1:AJ:309:LEU:HG	2.48	0.43
1:AK:376:VAL:HG23	1:AK:378:GLU:HG3	2.01	0.43
1:AL:144:ASN:HD21	1:AT:247:MET:HE1	1.81	0.43
1:AL:437:GLN:O	1:AL:441:ILE:HG13	2.18	0.43

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AN:138:LEU:HB3	1:AN:164:THR:OG1	2.19	0.43
1:AN:302:ASP:CB	1:AN:308:ASN:HD21	2.29	0.43
1:AQ:88:ILE:CG2	1:AQ:92:ILE:HD11	2.48	0.43
1:AQ:196:VAL:O	1:AQ:196:VAL:HG23	2.18	0.43
1:AQ:253:PRO:HB3	1:AR:212:GLU:OE2	2.19	0.43
1:AR:203:VAL:HG21	1:AR:209:TYR:CD1	2.52	0.43
1:AT:448:VAL:O	1:AT:452:LEU:HG	2.19	0.43
1:AX:261:GLU:OE2	1:AX:322:ALA:HB2	2.18	0.43
1:AX:471:SER:O	1:AX:475:ASP:HB2	2.19	0.43
1:A1:88:ILE:CD1	1:A1:122:GLU:OE1	2.67	0.43
1:A1:173:ARG:HD2	1:A1:357:ASP:HA	2.01	0.43
1:A1:184:MET:HE1	1:A1:345:ILE:CD1	2.47	0.43
1:A3:187:SER:HB3	1:A3:335:ALA:HB3	1.99	0.43
1:A4:174:MET:HE3	1:A4:398:ALA:HB2	2.00	0.43
1:A4:262:LEU:CD1	1:A4:319:VAL:HG23	2.48	0.43
1:A4:422:LYS:HA	1:A4:422:LYS:HE3	2.00	0.43
1:A5:38:ILE:HD11	1:A5:473:ILE:O	2.18	0.43
1:A5:259:VAL:HG13	1:A5:324:ALA:HB3	2.00	0.43
1:A5:300:SER:C	1:A5:301:LEU:HD23	2.43	0.43
1:A6:259:VAL:HA	1:A6:324:ALA:CB	2.49	0.43
1:A7:214:VAL:CG1	1:A7:227:LEU:HD13	2.48	0.43
1:A7:352:ARG:HD2	1:A7:356:ARG:O	2.19	0.43
1:A8:5:ILE:HG21	1:AN:478:PHE:HE2	1.83	0.43
1:A9:410:ASN:HD21	1:A9:414:ILE:HG22	1.83	0.43
1:AB:142:PHE:CZ	1:AB:145:LYS:HG3	2.53	0.43
1:AB:363:VAL:HG22	1:AB:364:ASN:OD1	2.19	0.43
1:AD:120:LEU:HD21	1:AD:166:SER:OG	2.18	0.43
1:AD:188:ALA:HB2	2:AD:606:P8E:O1B	2.18	0.43
1:AD:196:VAL:HG21	1:AD:216:ILE:HD11	2.00	0.43
1:AE:82:MET:HE1	1:AE:442:ARG:N	2.34	0.43
1:AE:263:THR:HA	1:AE:267:VAL:O	2.18	0.43
1:AF:81:ALA:CB	1:AF:138:LEU:HD11	2.49	0.43
1:AF:214:VAL:HG11	1:AF:227:LEU:HA	1.99	0.43
1:AF:384:ARG:HD2	1:AF:387:ARG:NH2	2.34	0.43
1:AG:17:VAL:CG1	1:AM:34:SER:HA	2.47	0.43
1:AJ:24:ASP:HB3	1:AJ:488:TYR:CZ	2.54	0.43
1:AJ:261:GLU:O	1:AJ:263:THR:HG23	2.18	0.43
1:AK:5:ILE:CD1	1:AK:506:GLN:HG2	2.49	0.43
1:AK:328:VAL:C	1:AK:329:PHE:CD1	2.96	0.43
1:AK:337:ILE:HG22	1:AK:342:HIS:CG	2.53	0.43
1:AL:4:ARG:HH11	1:AT:472:GLN:HA	1.82	0.43

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AL:196:VAL:O	1:AL:196:VAL:HG23	2.19	0.43
1:AO:35:GLY:C	1:AO:476:VAL:HG12	2.43	0.43
1:AO:61:LEU:HD12	1:AO:463:GLN:HA	2.00	0.43
1:AO:167:ASP:HB3	1:AO:384:ARG:CZ	2.48	0.43
1:AO:201:LYS:HA	1:AO:208:ASP:HB2	2.00	0.43
1:AQ:61:LEU:HD12	1:AQ:463:GLN:HA	2.00	0.43
1:AQ:175:GLU:HA	1:AQ:377:ALA:O	2.18	0.43
1:AR:179:PHE:HB2	1:AR:347:ARG:HG2	2.01	0.43
1:AS:120:LEU:CD1	1:AS:383:LEU:HG	2.35	0.43
1:AS:212:GLU:HG3	1:AT:278:ASN:CG	2.43	0.43
1:AU:186:ALA:C	1:AU:188:ALA:H	2.27	0.43
1:AV:472:GLN:C	1:AV:472:GLN:OE1	2.62	0.43
1:AW:300:SER:O	1:AW:301:LEU:HD23	2.18	0.43
1:AX:146:GLU:OE1	1:AX:156:THR:HG21	2.18	0.43
1:A1:470:GLU:O	1:A1:473:ILE:HG23	2.19	0.43
1:A2:189:ALA:HA	1:A2:192:ASN:ND2	2.34	0.43
1:A3:369:GLY:HA2	1:A3:374:GLN:HE22	1.84	0.43
1:A4:103:GLY:C	1:AT:74:MET:HE1	2.44	0.43
1:A4:249:THR:HB	1:A4:308:ASN:OD1	2.19	0.43
1:A5:129:THR:CG2	1:AD:155:THR:HG23	2.48	0.43
1:A5:167:ASP:OD1	1:A5:168:LYS:HG3	2.17	0.43
1:A6:511:ARG:NH1	1:A6:512:LEU:HB2	2.34	0.43
1:A7:106:LEU:O	1:A7:110:ARG:HG3	2.19	0.43
1:A7:458:ASN:ND2	1:AJ:126:ILE:HG12	2.34	0.43
1:A8:4:ARG:HH11	1:AN:472:GLN:HA	1.82	0.43
1:A8:120:LEU:HD21	1:A8:166:SER:CB	2.49	0.43
1:A8:172:VAL:O	1:A8:380:THR:HA	2.19	0.43
1:A9:86:ILE:HD13	1:A9:439:ASP:OD1	2.18	0.43
1:AA:449:GLN:NE2	1:AN:42:ALA:HB2	2.33	0.43
1:AB:283:ARG:HG3	1:AB:284:LEU:N	2.34	0.43
1:AB:458:ASN:OD1	1:AB:458:ASN:C	2.61	0.43
1:AE:247:MET:HE2	1:AE:402:ALA:HB2	2.01	0.43
1:AG:167:ASP:HB3	1:AG:384:ARG:CZ	2.49	0.43
1:AG:329:PHE:CG	1:AG:330:GLY:N	2.86	0.43
1:AG:472:GLN:HA	1:AJ:4:ARG:HH11	1.78	0.43
1:AH:75:VAL:CG1	1:AH:445:MET:HG2	2.35	0.43
1:AI:395:ALA:CB	1:AI:414:ILE:HG23	2.47	0.43
1:AJ:186:ALA:HB3	1:AJ:334:PHE:O	2.19	0.43
1:AJ:260:ARG:HH12	1:AJ:323:SER:HB2	1.83	0.43
1:AJ:281:ASP:OD2	1:AJ:283:ARG:HB3	2.17	0.43
1:AJ:319:VAL:H	1:AJ:342:HIS:CD2	2.36	0.43

*Continued on next page...*



*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AL:248:ALA:HB2	1:AL:344:VAL:HG21	2.00	0.43
1:AL:371:HIS:CB	1:AL:374:GLN:HG3	2.33	0.43
1:AM:167:ASP:OD1	1:AM:168:LYS:HG3	2.19	0.43
1:AM:211:ILE:CD1	1:AM:234:PHE:HD1	2.32	0.43
1:AN:189:ALA:CB	1:AN:343:ALA:HB3	2.47	0.43
1:AN:231:ILE:HG21	1:AN:242:ALA:HB2	1.99	0.43
1:AN:234:PHE:CB	1:AN:238:LEU:HD11	2.45	0.43
1:AN:337:ILE:CG2	1:AN:342:HIS:CD2	3.01	0.43
1:AP:204:ASN:HD21	1:AP:207:ASN:HB2	1.82	0.43
1:AP:507:GLN:HB2	1:AT:490:ILE:HD11	2.00	0.43
1:AQ:201:LYS:HE2	1:AQ:201:LYS:HB3	1.75	0.43
1:AR:120:LEU:CD2	1:AR:166:SER:HB3	2.48	0.43
1:AR:235:SER:HB2	1:AR:240:VAL:O	2.19	0.43
1:AS:300:SER:C	1:AS:301:LEU:HD23	2.43	0.43
1:AT:179:PHE:HB2	1:AT:347:ARG:HG2	2.00	0.43
1:AT:300:SER:C	1:AT:301:LEU:HD23	2.44	0.43
1:AU:61:LEU:HD12	1:AU:463:GLN:HA	1.99	0.43
1:AU:175:GLU:HA	1:AU:377:ALA:O	2.19	0.43
1:AV:15:HIS:HA	1:AV:499:MET:CE	2.49	0.43
1:AX:74:MET:HE3	1:AX:74:MET:HB3	1.72	0.43
1:A3:179:PHE:HB2	1:A3:347:ARG:HG2	2.01	0.43
1:A3:189:ALA:HA	1:A3:192:ASN:ND2	2.34	0.43
1:A4:126:ILE:CD1	1:AF:458:ASN:HD22	2.31	0.43
1:A7:418:VAL:O	1:A7:418:VAL:HG12	2.19	0.43
1:A8:422:LYS:HE3	1:A8:422:LYS:CA	2.49	0.43
1:A9:33:SER:C	1:AH:17:VAL:HG11	2.44	0.43
1:A9:34:SER:HA	1:AH:17:VAL:CG1	2.45	0.43
1:A9:192:ASN:HA	1:A9:367:HIS:CE1	2.54	0.43
1:A9:212:GLU:OE1	1:A9:212:GLU:CA	2.66	0.43
1:AA:218:THR:O	1:AA:315:ARG:HD3	2.19	0.43
1:AB:47:GLY:O	1:AB:50:ILE:HG22	2.18	0.43
1:AB:188:ALA:HB2	2:AB:606:P8E:O1B	2.19	0.43
1:AC:157:VAL:HG22	1:AC:451:GLU:OE2	2.18	0.43
1:AC:229:GLU:O	1:AC:233:ARG:HG3	2.18	0.43
1:AC:281:ASP:OD2	1:AC:283:ARG:HB3	2.18	0.43
1:AE:65:ILE:HG13	1:AE:459:ILE:HD11	2.00	0.43
1:AE:170:GLY:HA2	1:AE:434:ALA:N	2.33	0.43
1:AF:29:LEU:HD23	1:AF:29:LEU:HA	1.87	0.43
1:AF:61:LEU:CD2	1:AF:151:ALA:HB2	2.49	0.43
1:AF:83:ASP:HB2	1:AF:442:ARG:CZ	2.49	0.43
1:AF:189:ALA:HB3	1:AF:343:ALA:HB3	2.01	0.43

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AF:319:VAL:H	1:AF:342:HIS:HD2	1.67	0.43
1:AG:201:LYS:HA	1:AG:208:ASP:CB	2.49	0.43
1:AG:214:VAL:HG11	1:AG:227:LEU:HA	1.99	0.43
1:AH:179:PHE:HB2	1:AH:347:ARG:HG2	2.00	0.43
1:AH:201:LYS:HD3	2:AH:602:P8E:O1A	2.19	0.43
1:AJ:456:ILE:HD13	1:AJ:456:ILE:HA	1.78	0.43
1:AJ:470:GLU:HA	1:AJ:473:ILE:CG2	2.48	0.43
1:AK:422:LYS:HE3	1:AK:422:LYS:HA	2.00	0.43
1:AL:250:GLY:HA2	1:AL:333:ASN:H	1.83	0.43
1:AM:249:THR:HB	1:AM:308:ASN:OD1	2.19	0.43
1:AN:418:VAL:O	1:AN:418:VAL:HG12	2.19	0.43
1:AO:157:VAL:HG22	1:AO:451:GLU:OE2	2.18	0.43
1:AO:170:GLY:HA2	1:AO:434:ALA:N	2.34	0.43
1:AO:284:LEU:O	1:AO:284:LEU:HD12	2.19	0.43
1:AP:448:VAL:O	1:AP:452:LEU:HG	2.19	0.43
1:AS:179:PHE:HA	1:AS:184:MET:HE1	2.01	0.43
1:AT:60:ASN:HD22	1:AT:60:ASN:N	2.15	0.43
1:AT:300:SER:O	1:AT:301:LEU:HD23	2.19	0.43
1:AU:92:ILE:HD12	1:AU:92:ILE:H	1.83	0.43
1:AV:75:VAL:HG13	1:AV:445:MET:CE	2.35	0.43
1:AV:201:LYS:HE2	1:AV:201:LYS:HB3	1.75	0.43
1:AV:251:GLY:H	1:AV:333:ASN:H	1.67	0.43
1:AW:203:VAL:HG21	1:AW:209:TYR:CD2	2.54	0.43
1:AW:352:ARG:HD2	1:AW:356:ARG:O	2.18	0.43
1:AX:192:ASN:HA	1:AX:367:HIS:CE1	2.54	0.43
1:AX:247:MET:HE3	1:AX:402:ALA:HB2	2.01	0.43
1:AX:342:HIS:CD2	1:AX:343:ALA:N	2.87	0.43
1:AX:352:ARG:HD3	1:AX:354:ASP:OD2	2.19	0.43
1:A1:80:LYS:HG3	1:AQ:461:VAL:CG1	2.49	0.43
1:A1:196:VAL:HG23	1:A1:196:VAL:O	2.18	0.43
1:A2:227:LEU:O	1:A2:231:ILE:HG13	2.18	0.43
1:A2:369:GLY:HA2	1:A2:374:GLN:HE22	1.84	0.43
1:A3:196:VAL:O	1:A3:213:THR:HA	2.18	0.43
1:A4:120:LEU:HD21	1:A4:383:LEU:HD11	2.00	0.43
1:A5:74:MET:HE1	1:A5:142:PHE:CZ	2.54	0.43
1:A5:179:PHE:HB2	1:A5:347:ARG:HG2	1.99	0.43
1:A5:454:THR:HB	1:AK:122:GLU:OE2	2.19	0.43
1:A6:82:MET:HE1	1:A6:441:ILE:CB	2.48	0.43
1:A7:263:THR:HA	1:A7:267:VAL:O	2.17	0.43
1:A8:29:LEU:HD23	1:A8:29:LEU:HA	1.84	0.43
1:A8:89:LEU:HA	1:A8:89:LEU:HD23	1.87	0.43

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A9:54:LEU:HB3	1:A9:470:GLU:HB2	2.01	0.43
1:A9:365:PHE:O	1:A9:368:VAL:HG12	2.18	0.43
1:AA:184:MET:HE1	1:AA:345:ILE:CD1	2.49	0.43
1:AA:186:ALA:HB3	1:AA:334:PHE:O	2.19	0.43
1:AA:187:SER:HB3	1:AA:335:ALA:HB3	2.01	0.43
1:AA:224:ILE:CD1	1:AA:345:ILE:O	2.66	0.43
1:AB:61:LEU:CD2	1:AB:151:ALA:HB2	2.49	0.43
1:AC:35:GLY:C	1:AC:476:VAL:HG12	2.44	0.43
1:AC:196:VAL:O	1:AC:196:VAL:HG23	2.18	0.43
1:AC:211:ILE:CD1	1:AC:234:PHE:HD2	2.32	0.43
1:AD:418:VAL:O	1:AD:418:VAL:HG12	2.19	0.43
1:AE:123:LEU:HD23	1:AE:123:LEU:C	2.44	0.43
1:AE:250:GLY:HA2	1:AE:333:ASN:H	1.83	0.43
1:AG:468:ALA:CA	1:AJ:9:ILE:HD11	2.46	0.43
1:AH:35:GLY:C	1:AH:476:VAL:HG12	2.43	0.43
1:AI:209:TYR:HB2	1:AI:238:LEU:HD21	2.01	0.43
1:AI:227:LEU:O	1:AI:231:ILE:HG13	2.18	0.43
1:AI:230:ILE:HG13	1:AI:231:ILE:N	2.33	0.43
1:AJ:248:ALA:HB2	1:AJ:344:VAL:HG21	2.00	0.43
1:AK:259:VAL:HA	1:AK:324:ALA:HB2	2.01	0.43
1:AL:42:ALA:HB2	1:AT:449:GLN:NE2	2.34	0.43
1:AL:48:MET:SD	1:AT:442:ARG:HD3	2.59	0.43
1:AM:61:LEU:HD23	1:AM:61:LEU:HA	1.83	0.43
1:AM:487:LYS:HD2	1:AR:6:ASN:O	2.18	0.43
1:AM:502:ALA:HA	1:AM:505:VAL:HG12	2.01	0.43
1:AQ:188:ALA:HB2	2:AQ:606:P8E:O1B	2.18	0.43
1:AQ:382:ASN:O	1:AQ:430:MET:HE1	2.18	0.43
1:AQ:395:ALA:CB	1:AQ:414:ILE:HG23	2.49	0.43
1:AR:190:ALA:O	1:AR:193:LEU:HG	2.19	0.43
1:AR:284:LEU:O	1:AR:284:LEU:HD12	2.19	0.43
1:AS:146:GLU:HG3	1:AS:156:THR:HG21	2.00	0.43
1:AS:214:VAL:HG11	1:AS:227:LEU:HA	2.00	0.43
1:AS:259:VAL:HB	1:AS:272:VAL:HG22	2.01	0.43
1:AS:458:ASN:HD22	1:AT:126:ILE:CD1	2.31	0.43
1:AU:93:LYS:CD	1:AX:60:ASN:HD21	2.31	0.43
1:AV:142:PHE:CZ	1:AV:145:LYS:HG3	2.54	0.43
1:AV:195:GLU:HG3	1:AV:215:ARG:HG2	2.00	0.43
1:AV:261:GLU:OE2	1:AV:322:ALA:HB2	2.19	0.43
1:AV:410:ASN:HD21	1:AV:414:ILE:HG22	1.84	0.43
1:AW:50:ILE:HD12	1:AW:50:ILE:HA	1.81	0.43
1:AW:82:MET:HE3	1:AW:164:THR:CG2	2.45	0.43

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AX:91:THR:O	1:AX:95:LYS:HG3	2.19	0.43
1:AX:386:VAL:HG23	1:AX:430:MET:HE1	2.00	0.43
1:A1:125:ASN:O	1:A1:129:THR:HG23	2.19	0.43
1:A1:211:ILE:HD11	1:A1:238:LEU:HD11	2.00	0.43
1:A1:263:THR:HG21	1:A1:268:GLU:HG3	2.00	0.43
1:A1:337:ILE:HG22	1:A1:342:HIS:CG	2.53	0.43
1:A1:486:SER:O	1:A1:490:ILE:HG12	2.19	0.43
1:A2:271:THR:HG22	1:A2:273:ASN:OD1	2.18	0.43
1:A3:174:MET:HE2	1:A3:174:MET:HB2	1.85	0.43
1:A4:105:THR:HG23	1:AT:133:ASN:ND2	2.34	0.43
1:A5:179:PHE:HD1	1:A5:184:MET:CE	2.25	0.43
1:A5:461:VAL:HG11	1:AK:80:LYS:CB	2.45	0.43
1:A6:161:ILE:CG2	1:A6:445:MET:HE1	2.48	0.43
1:A7:507:GLN:HA	1:AL:490:ILE:CD1	2.48	0.43
1:A8:179:PHE:HD1	1:A8:184:MET:CE	2.23	0.43
1:A8:201:LYS:O	1:A8:359:ILE:HD11	2.18	0.43
1:A8:319:VAL:O	1:A8:342:HIS:HD2	2.02	0.43
1:A9:450:MET:HE1	1:AA:115:ASP:OD1	2.19	0.43
1:AB:389:ILE:HA	1:AB:416:ALA:HA	2.01	0.43
1:AC:248:ALA:HB2	1:AC:344:VAL:HG21	2.00	0.43
1:AC:455:THR:O	1:AC:459:ILE:HG12	2.19	0.43
1:AD:83:ASP:HB2	1:AD:442:ARG:NH2	2.34	0.43
1:AD:89:LEU:HD12	1:AD:438:LEU:HD12	2.01	0.43
1:AD:214:VAL:HG11	1:AD:227:LEU:HA	2.01	0.43
1:AD:369:GLY:HA2	1:AD:374:GLN:HE22	1.83	0.43
1:AF:421:LEU:HD11	1:AF:425:MET:HE2	2.01	0.43
1:AG:84:GLU:HG2	1:AP:458:ASN:HB2	2.00	0.43
1:AG:214:VAL:HG11	1:AG:227:LEU:CB	2.48	0.43
1:AG:366:SER:HB2	1:AG:374:GLN:OE1	2.19	0.43
1:AH:80:LYS:HG3	1:AI:461:VAL:CG1	2.49	0.43
1:AJ:82:MET:HE1	1:AJ:441:ILE:HG22	2.01	0.43
1:AJ:155:THR:CG2	1:AU:129:THR:HG21	2.48	0.43
1:AK:438:LEU:HD23	1:AK:438:LEU:HA	1.88	0.43
1:AL:110:ARG:HB2	1:AL:110:ARG:HH11	1.83	0.43
1:AL:133:ASN:ND2	1:AT:105:THR:HG23	2.34	0.43
1:AL:300:SER:C	1:AL:301:LEU:HD23	2.44	0.43
1:AM:157:VAL:HG22	1:AM:451:GLU:OE2	2.18	0.43
1:AN:74:MET:HE2	1:AN:132:PHE:CE1	2.54	0.43
1:AO:184:MET:SD	1:AO:345:ILE:HD11	2.59	0.43
1:AO:383:LEU:HA	1:AO:430:MET:HE1	1.99	0.43
1:AQ:303:ILE:HG12	1:AR:209:TYR:CD2	2.53	0.43

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AR:133:ASN:HD21	1:AU:50:ILE:HD11	1.84	0.43
1:AR:258:THR:CG2	1:AR:273:ASN:HA	2.28	0.43
1:AS:418:VAL:O	1:AS:418:VAL:HG12	2.18	0.43
1:AU:189:ALA:CB	1:AU:343:ALA:HB3	2.48	0.43
1:AW:62:GLY:HA2	1:AW:65:ILE:HD12	2.01	0.43
1:A2:61:LEU:HB3	1:A2:463:GLN:HB2	2.00	0.43
1:A2:84:GLU:O	1:A2:88:ILE:HG13	2.19	0.43
1:A3:167:ASP:CA	1:A3:384:ARG:HB2	2.48	0.43
1:A3:260:ARG:HA	1:A3:271:THR:OG1	2.18	0.43
1:A3:510:LEU:HD23	1:A3:510:LEU:N	2.33	0.43
1:A4:117:GLN:OE1	1:A4:117:GLN:O	2.36	0.43
1:A4:119:LEU:HD23	1:A4:119:LEU:HA	1.91	0.43
1:A5:196:VAL:O	1:A5:196:VAL:HG23	2.18	0.43
1:A5:369:GLY:HA2	1:A5:374:GLN:NE2	2.34	0.43
1:A5:507:GLN:HA	1:AI:490:ILE:CD1	2.48	0.43
1:A6:167:ASP:OD1	1:A6:168:LYS:HG3	2.19	0.43
1:A7:260:ARG:HA	1:A7:271:THR:OG1	2.18	0.43
1:A8:201:LYS:HE2	1:A8:201:LYS:HB3	1.75	0.43
1:A9:214:VAL:HG11	1:A9:227:LEU:HA	2.01	0.43
1:A9:461:VAL:CG1	1:AA:80:LYS:HG3	2.47	0.43
1:AA:247:MET:HB2	1:AA:402:ALA:HB1	2.01	0.43
1:AA:376:VAL:HG23	1:AA:378:GLU:HG3	2.00	0.43
1:AC:211:ILE:HG22	1:AC:212:GLU:N	2.34	0.43
1:AC:511:ARG:HH12	1:AC:512:LEU:HD13	1.83	0.43
1:AE:74:MET:HE3	1:AE:137:MET:CE	2.44	0.43
1:AE:186:ALA:HB3	1:AE:334:PHE:O	2.19	0.43
1:AE:249:THR:HB	1:AE:308:ASN:OD1	2.19	0.43
1:AE:512:LEU:HD12	1:AE:512:LEU:HA	1.79	0.43
1:AF:33:SER:C	1:AN:17:VAL:HG11	2.44	0.43
1:AF:97:VAL:HG12	1:AS:63:GLN:HG3	2.00	0.43
1:AG:54:LEU:HB3	1:AG:470:GLU:HB2	2.01	0.43
1:AG:184:MET:O	1:AG:184:MET:HE3	2.19	0.43
1:AG:231:ILE:HG21	1:AG:242:ALA:HB2	2.00	0.43
1:AH:99:ALA:CB	1:AH:112:LEU:HD22	2.24	0.43
1:AH:133:ASN:ND2	1:AI:50:ILE:HD11	2.34	0.43
1:AH:196:VAL:HG23	1:AH:196:VAL:O	2.18	0.43
1:AH:200:PHE:HB3	1:AH:203:VAL:HG12	2.01	0.43
1:AH:214:VAL:CG1	1:AH:227:LEU:HD13	2.49	0.43
1:AI:138:LEU:N	1:AI:138:LEU:HD23	2.34	0.43
1:AI:166:SER:O	1:AI:383:LEU:HB3	2.19	0.43
1:AI:179:PHE:HB2	1:AI:347:ARG:HG2	2.01	0.43

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AI:422:LYS:HA	1:AI:422:LYS:HE3	2.01	0.43
1:AJ:9:ILE:HD13	1:AJ:9:ILE:HA	1.79	0.43
1:AJ:189:ALA:HA	1:AJ:192:ASN:ND2	2.34	0.43
1:AJ:192:ASN:HA	1:AJ:367:HIS:CE1	2.54	0.43
1:AJ:259:VAL:HA	1:AJ:324:ALA:HB2	2.01	0.43
1:AK:120:LEU:HD21	1:AK:166:SER:CB	2.49	0.43
1:AK:157:VAL:HG22	1:AK:451:GLU:OE2	2.19	0.43
1:AL:455:THR:O	1:AL:459:ILE:HG23	2.19	0.43
1:AO:136:GLN:HB3	1:AO:139:SER:OG	2.19	0.43
1:AO:171:HIS:CE1	1:AQ:286:ASN:ND2	2.87	0.43
1:AP:125:ASN:O	1:AP:129:THR:HG23	2.19	0.43
1:AP:292:LYS:HD3	1:AP:298:GLU:HB3	2.01	0.43
1:AQ:88:ILE:HG22	1:AQ:92:ILE:HD11	2.01	0.43
1:AS:211:ILE:HD13	1:AS:234:PHE:HD2	1.84	0.43
1:AS:491:LEU:HD23	1:AS:491:LEU:HA	1.88	0.43
1:AT:371:HIS:CB	1:AT:374:GLN:HG3	2.35	0.43
1:AU:273:ASN:HD21	1:AX:173:ARG:HH22	1.65	0.43
1:AU:300:SER:O	1:AU:301:LEU:HD23	2.19	0.43
1:AV:251:GLY:H	1:AV:332:GLY:CA	2.18	0.43
1:AV:284:LEU:O	1:AV:284:LEU:HD12	2.19	0.43
1:AV:297:VAL:CG1	1:AV:309:LEU:HG	2.49	0.43
1:AW:117:GLN:OE1	1:AW:117:GLN:O	2.36	0.43
1:AW:218:THR:O	1:AW:315:ARG:HD3	2.18	0.43
1:AW:389:ILE:HG13	1:AW:415:GLY:C	2.44	0.43
1:A1:61:LEU:HB3	1:A1:463:GLN:HB2	2.00	0.42
1:A1:201:LYS:O	1:A1:359:ILE:HD11	2.19	0.42
1:A3:35:GLY:C	1:A3:476:VAL:HG12	2.44	0.42
1:A3:46:SER:CB	1:AT:112:LEU:CD1	2.82	0.42
1:A3:212:GLU:OE1	1:A3:212:GLU:CA	2.67	0.42
1:A4:161:ILE:HG23	1:A4:445:MET:CE	2.49	0.42
1:A4:328:VAL:HG12	1:A4:329:PHE:CD1	2.51	0.42
1:A5:259:VAL:O	1:A5:271:THR:HG23	2.19	0.42
1:A6:99:ALA:HB3	1:A6:418:VAL:HG11	2.00	0.42
1:A7:279:ASP:CG	1:A7:282:GLY:HA2	2.44	0.42
1:A8:188:ALA:HB2	2:A8:606:P8E:O1B	2.19	0.42
1:A8:511:ARG:NH1	1:A8:512:LEU:HD12	2.22	0.42
1:A9:29:LEU:HD23	1:A9:29:LEU:HA	1.87	0.42
1:A9:120:LEU:CD2	1:A9:166:SER:HB2	2.49	0.42
1:A9:511:ARG:HH12	1:A9:512:LEU:HD13	1.83	0.42
1:AA:475:ASP:OD1	1:AN:6:ASN:HB2	2.19	0.42
1:AB:5:ILE:CD1	1:AB:506:GLN:HG2	2.49	0.42

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AB:251:GLY:H	1:AB:333:ASN:N	2.16	0.42
1:AD:235:SER:HB2	1:AD:240:VAL:O	2.19	0.42
1:AE:41:ALA:CB	1:AK:446:GLY:HA3	2.48	0.42
1:AE:212:GLU:OE1	1:AE:212:GLU:N	2.52	0.42
1:AF:97:VAL:HG22	1:AF:428:MET:SD	2.58	0.42
1:AF:218:THR:O	1:AF:315:ARG:HD3	2.19	0.42
1:AG:167:ASP:HA	1:AG:384:ARG:CB	2.42	0.42
1:AG:352:ARG:HB3	1:AG:358:ILE:HD11	2.01	0.42
1:AH:278:ASN:CG	1:AI:212:GLU:HG3	2.44	0.42
1:AH:342:HIS:CE1	1:AH:344:VAL:HG23	2.54	0.42
1:AI:65:ILE:HA	1:AI:459:ILE:HD11	2.01	0.42
1:AI:186:ALA:C	1:AI:188:ALA:H	2.26	0.42
1:AI:303:ILE:HD12	1:AO:234:PHE:CD1	2.52	0.42
1:AJ:66:ARG:HG2	1:AJ:66:ARG:HH11	1.84	0.42
1:AJ:167:ASP:HA	1:AJ:384:ARG:CB	2.46	0.42
1:AJ:246:VAL:HG22	1:AJ:346:GLY:HA3	2.00	0.42
1:AJ:249:THR:HB	1:AJ:308:ASN:OD1	2.18	0.42
1:AJ:259:VAL:HA	1:AJ:324:ALA:HB1	2.00	0.42
1:AK:50:ILE:HD11	1:AN:133:ASN:HD21	1.84	0.42
1:AL:120:LEU:HD13	1:AL:387:ARG:HG3	2.01	0.42
1:AN:190:ALA:O	1:AN:193:LEU:HG	2.19	0.42
1:AN:284:LEU:O	1:AN:284:LEU:HD12	2.18	0.42
1:AO:167:ASP:OD1	1:AO:168:LYS:HG3	2.18	0.42
1:AO:261:GLU:OE2	1:AO:322:ALA:HB2	2.19	0.42
1:AP:189:ALA:HB3	1:AP:343:ALA:HB3	2.01	0.42
1:AQ:157:VAL:O	1:AQ:157:VAL:HG13	2.19	0.42
1:AQ:259:VAL:HA	1:AQ:324:ALA:HB2	2.01	0.42
1:AR:50:ILE:CG2	1:AR:473:ILE:HG12	2.49	0.42
1:AR:161:ILE:HG12	1:AR:445:MET:SD	2.59	0.42
1:AR:196:VAL:HG23	1:AR:196:VAL:O	2.18	0.42
1:AS:395:ALA:CB	1:AS:414:ILE:HG23	2.48	0.42
1:AU:36:LEU:HD23	1:AX:6:ASN:ND2	2.34	0.42
1:AU:104:GLN:HB3	1:AU:108:SER:HG	1.84	0.42
1:AV:61:LEU:HD23	1:AV:61:LEU:HA	1.87	0.42
1:AV:366:SER:HB2	1:AV:374:GLN:OE1	2.19	0.42
1:AW:196:VAL:O	1:AW:196:VAL:HG23	2.19	0.42
1:AW:470:GLU:O	1:AW:473:ILE:HG23	2.19	0.42
1:AX:186:ALA:HB3	1:AX:334:PHE:O	2.19	0.42
1:A1:167:ASP:HB3	1:A1:384:ARG:CZ	2.48	0.42
1:A4:335:ALA:HA	2:A4:606:P8E:O8	2.19	0.42
1:A5:184:MET:HE1	1:A5:345:ILE:CD1	2.49	0.42

*Continued on next page...*



*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A5:451:GLU:HG3	1:AK:122:GLU:CB	2.48	0.42
1:A5:501:GLN:HG3	1:AK:485:PHE:CZ	2.54	0.42
1:A6:211:ILE:HD11	1:A6:238:LEU:CD2	2.39	0.42
1:A7:140:GLY:HA3	1:A7:163:SER:HB2	2.00	0.42
1:A7:184:MET:O	1:A7:184:MET:HE3	2.18	0.42
1:A8:48:MET:HG3	1:AN:442:ARG:NH1	2.34	0.42
1:A8:144:ASN:HD21	1:AN:247:MET:HE1	1.84	0.42
1:A8:246:VAL:HG22	1:A8:346:GLY:HA3	2.00	0.42
1:A8:249:THR:HB	1:A8:308:ASN:OD1	2.18	0.42
1:A8:300:SER:O	1:A8:301:LEU:HD23	2.19	0.42
1:A8:423:GLY:HA2	1:A8:426:ILE:HD12	2.00	0.42
1:AA:61:LEU:HD23	1:AA:61:LEU:HA	1.84	0.42
1:AB:15:HIS:HA	1:AB:499:MET:CE	2.49	0.42
1:AB:179:PHE:CD1	1:AB:184:MET:HE2	2.48	0.42
1:AB:260:ARG:HA	1:AB:271:THR:OG1	2.18	0.42
1:AB:502:ALA:HA	1:AB:505:VAL:HG12	2.01	0.42
1:AC:186:ALA:HB3	1:AC:334:PHE:O	2.19	0.42
1:AC:300:SER:C	1:AC:301:LEU:HD23	2.44	0.42
1:AC:491:LEU:HD23	1:AC:491:LEU:HA	1.90	0.42
1:AD:189:ALA:HA	1:AD:192:ASN:ND2	2.34	0.42
1:AD:259:VAL:HG11	1:AD:262:LEU:HB2	2.01	0.42
1:AD:352:ARG:NH2	1:AD:356:ARG:HE	2.17	0.42
1:AD:390:PHE:CE2	1:AD:417:GLY:HA2	2.54	0.42
1:AE:227:LEU:O	1:AE:230:ILE:HG12	2.20	0.42
1:AF:215:ARG:HB2	1:AF:215:ARG:NH1	2.34	0.42
1:AG:85:GLN:OE1	1:AG:123:LEU:HG	2.19	0.42
1:AG:281:ASP:OD2	1:AG:283:ARG:HB3	2.19	0.42
1:AG:438:LEU:HD23	1:AG:438:LEU:HA	1.89	0.42
1:AG:468:ALA:HB2	1:AJ:9:ILE:HD12	2.01	0.42
1:AH:37:ARG:HB3	1:AH:474:ARG:O	2.18	0.42
1:AH:110:ARG:HE	1:AH:110:ARG:HB2	1.59	0.42
1:AH:212:GLU:OE1	1:AH:212:GLU:CA	2.66	0.42
1:AI:80:LYS:HG3	1:AO:461:VAL:CG1	2.49	0.42
1:AI:398:ALA:HB1	1:AI:426:ILE:HD11	2.00	0.42
1:AJ:6:ASN:C	1:AP:487:LYS:HD2	2.45	0.42
1:AJ:174:MET:HE3	1:AJ:398:ALA:CA	2.49	0.42
1:AJ:451:GLU:HG3	1:AU:122:GLU:HG3	1.99	0.42
1:AK:234:PHE:CE2	1:AN:303:ILE:HD12	2.54	0.42
1:AK:418:VAL:O	1:AK:418:VAL:HG12	2.19	0.42
1:AL:41:ALA:CB	1:AT:446:GLY:HA3	2.48	0.42
1:AL:155:THR:HG23	1:AP:129:THR:CG2	2.48	0.42

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AL:211:ILE:CD1	1:AL:234:PHE:HD2	2.31	0.42
1:AL:259:VAL:O	1:AL:271:THR:HG23	2.19	0.42
1:AM:84:GLU:O	1:AM:88:ILE:HG13	2.19	0.42
1:AM:215:ARG:CB	1:AM:215:ARG:HH11	2.32	0.42
1:AN:215:ARG:NH1	1:AN:215:ARG:HB2	2.34	0.42
1:AN:356:ARG:HH11	1:AN:356:ARG:HG3	1.83	0.42
1:AO:422:LYS:HA	1:AO:422:LYS:HE3	2.01	0.42
1:AP:146:GLU:HB3	1:AP:158:LYS:HE2	2.01	0.42
1:AQ:41:ALA:HB3	1:AV:446:GLY:CA	2.49	0.42
1:AQ:183:GLY:O	1:AQ:188:ALA:HB3	2.20	0.42
1:AR:126:ILE:HG12	1:AU:458:ASN:ND2	2.32	0.42
1:AT:65:ILE:HG13	1:AT:459:ILE:HD11	2.02	0.42
1:AT:204:ASN:HD21	1:AT:207:ASN:HB2	1.85	0.42
1:AU:302:ASP:CB	1:AU:308:ASN:HD21	2.26	0.42
1:AW:214:VAL:CG1	1:AW:227:LEU:HD13	2.49	0.42
1:AW:438:LEU:HD23	1:AW:438:LEU:HA	1.89	0.42
1:AX:422:LYS:HA	1:AX:422:LYS:HE3	2.01	0.42
1:A1:426:ILE:O	1:A1:430:MET:HG3	2.19	0.42
1:A2:89:LEU:HA	1:A2:89:LEU:HD23	1.83	0.42
1:A2:335:ALA:HA	2:A2:606:P8E:O8	2.19	0.42
1:A3:14:SER:HB2	1:A3:499:MET:HG3	2.01	0.42
1:A3:29:LEU:HD23	1:A3:29:LEU:HA	1.83	0.42
1:A3:146:GLU:CG	1:AS:421:LEU:HD21	2.45	0.42
1:A4:352:ARG:HD2	1:A4:356:ARG:O	2.19	0.42
1:A5:88:ILE:HD11	1:AD:454:THR:CG2	2.33	0.42
1:A6:125:ASN:O	1:A6:129:THR:HG23	2.18	0.42
1:A6:293:ASP:OD2	1:A6:294:ARG:N	2.52	0.42
1:A7:196:VAL:O	1:A7:196:VAL:HG23	2.19	0.42
1:A8:8:ASN:CA	1:A8:506:GLN:HE22	2.32	0.42
1:A8:189:ALA:HA	1:A8:192:ASN:ND2	2.34	0.42
1:A8:212:GLU:OE1	1:A8:212:GLU:HA	2.18	0.42
1:A9:211:ILE:CD1	1:A9:234:PHE:HD1	2.32	0.42
1:A9:395:ALA:CB	1:A9:414:ILE:HG23	2.48	0.42
1:AA:478:PHE:HE2	1:AN:5:ILE:CG2	2.32	0.42
1:AB:15:HIS:N	1:AB:499:MET:HE3	2.34	0.42
1:AB:259:VAL:HA	1:AB:324:ALA:HB2	2.01	0.42
1:AC:174:MET:HE2	1:AC:174:MET:HB2	1.76	0.42
1:AC:234:PHE:CE2	1:AO:303:ILE:HA	2.54	0.42
1:AC:321:ALA:HB3	1:AC:337:ILE:HG13	2.00	0.42
1:AC:369:GLY:HA2	1:AC:374:GLN:HE22	1.85	0.42
1:AC:448:VAL:O	1:AC:452:LEU:HG	2.20	0.42

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AF:173:ARG:HD2	1:AF:357:ASP:HA	2.00	0.42
1:AG:86:ILE:HD13	1:AG:439:ASP:OD1	2.18	0.42
1:AG:144:ASN:ND2	1:AW:247:MET:HE1	2.33	0.42
1:AG:513:LEU:CD1	1:AW:479:ALA:HA	2.49	0.42
1:AH:284:LEU:O	1:AH:284:LEU:HD12	2.19	0.42
1:AI:328:VAL:HG12	1:AI:329:PHE:CD1	2.52	0.42
1:AI:437:GLN:O	1:AI:441:ILE:HG13	2.19	0.42
1:AJ:196:VAL:HG23	1:AJ:196:VAL:O	2.19	0.42
1:AJ:300:SER:C	1:AJ:301:LEU:HD23	2.44	0.42
1:AJ:461:VAL:CG1	1:AU:80:LYS:HG3	2.49	0.42
1:AL:259:VAL:HG13	1:AL:324:ALA:HB3	2.00	0.42
1:AL:356:ARG:HD2	1:AT:269:ILE:O	2.19	0.42
1:AM:513:LEU:O	1:AM:514:GLN:HB3	2.18	0.42
1:AN:201:LYS:HA	1:AN:208:ASP:CB	2.49	0.42
1:AN:259:VAL:HA	1:AN:324:ALA:HB2	2.02	0.42
1:AO:171:HIS:NE2	1:AO:382:ASN:HB3	2.34	0.42
1:AO:371:HIS:CB	1:AO:374:GLN:HG3	2.41	0.42
1:AQ:319:VAL:H	1:AQ:342:HIS:HD2	1.67	0.42
1:AS:177:SER:OG	1:AS:347:ARG:HA	2.20	0.42
1:AS:445:MET:HA	1:AS:445:MET:CE	2.36	0.42
1:AU:65:ILE:HG13	1:AU:459:ILE:HD11	2.01	0.42
1:AU:201:LYS:HB2	1:AU:359:ILE:CD1	2.49	0.42
1:AU:235:SER:HB2	1:AU:240:VAL:O	2.19	0.42
1:AU:251:GLY:N	1:AU:333:ASN:H	2.17	0.42
1:AV:300:SER:O	1:AV:301:LEU:HD23	2.18	0.42
1:AW:106:LEU:HD13	1:AW:106:LEU:HA	1.91	0.42
1:AX:8:ASN:HA	1:AX:506:GLN:HE22	1.83	0.42
1:AX:196:VAL:HG21	1:AX:216:ILE:HD11	2.01	0.42
1:AX:297:VAL:CG1	1:AX:309:LEU:HG	2.50	0.42
1:A1:167:ASP:OD1	1:A1:168:LYS:HG3	2.19	0.42
1:A1:271:THR:HG22	1:A1:273:ASN:OD1	2.19	0.42
1:A1:451:GLU:HG3	1:AB:122:GLU:HB2	2.01	0.42
1:A2:107:GLU:H	1:A2:107:GLU:CD	2.26	0.42
1:A2:423:GLY:O	1:A2:427:VAL:HG23	2.19	0.42
1:A3:92:ILE:HG23	1:A3:116:ILE:CG2	2.46	0.42
1:A3:188:ALA:HB2	2:A3:606:P8E:O1B	2.19	0.42
1:A3:395:ALA:CB	1:A3:414:ILE:HG23	2.48	0.42
1:A4:93:LYS:HE2	1:AT:60:ASN:OD1	2.19	0.42
1:A6:167:ASP:HB3	1:A6:384:ARG:CZ	2.49	0.42
1:A7:177:SER:OG	1:A7:347:ARG:HA	2.20	0.42
1:A8:212:GLU:OE2	1:AS:253:PRO:HB3	2.19	0.42

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AB:395:ALA:CB	1:AB:414:ILE:HG23	2.49	0.42
1:AC:161:ILE:HG12	1:AC:445:MET:SD	2.59	0.42
1:AC:437:GLN:O	1:AC:441:ILE:HG13	2.19	0.42
1:AD:445:MET:HA	1:AD:445:MET:CE	2.46	0.42
1:AD:470:GLU:HA	1:AD:473:ILE:HG22	2.02	0.42
1:AD:511:ARG:HG3	1:AD:512:LEU:N	2.34	0.42
1:AD:513:LEU:O	1:AD:514:GLN:HB3	2.18	0.42
1:AE:91:THR:O	1:AE:95:LYS:HG3	2.20	0.42
1:AE:259:VAL:HG11	1:AE:262:LEU:HB2	2.00	0.42
1:AE:335:ALA:HA	2:AE:606:P8E:O8	2.19	0.42
1:AE:423:GLY:O	1:AE:427:VAL:HG23	2.18	0.42
1:AF:284:LEU:O	1:AF:284:LEU:HD12	2.18	0.42
1:AG:63:GLN:HG3	1:AW:97:VAL:HG12	2.01	0.42
1:AG:104:GLN:HE22	1:AG:112:LEU:HD11	1.85	0.42
1:AH:85:GLN:OE1	1:AH:123:LEU:HG	2.18	0.42
1:AI:300:SER:C	1:AI:301:LEU:HD23	2.44	0.42
1:AJ:5:ILE:CD1	1:AJ:510:LEU:HG	2.49	0.42
1:AJ:216:ILE:HD13	1:AJ:223:GLY:C	2.45	0.42
1:AJ:319:VAL:HG13	1:AJ:342:HIS:CD2	2.55	0.42
1:AJ:418:VAL:HG12	1:AJ:418:VAL:O	2.20	0.42
1:AK:161:ILE:HG12	1:AK:445:MET:SD	2.59	0.42
1:AL:15:HIS:CD2	1:AS:480:GLU:HB2	2.55	0.42
1:AL:78:ALA:O	1:AL:82:MET:HG3	2.19	0.42
1:AL:418:VAL:O	1:AL:418:VAL:HG12	2.19	0.42
1:AM:284:LEU:O	1:AM:284:LEU:HD12	2.20	0.42
1:AM:335:ALA:HA	2:AM:606:P8E:O8	2.20	0.42
1:AO:4:ARG:HH11	1:AQ:472:GLN:HA	1.81	0.42
1:AO:91:THR:HG22	1:AO:119:LEU:CD1	2.50	0.42
1:AO:140:GLY:HA3	1:AO:163:SER:HB2	2.00	0.42
1:AO:211:ILE:HG22	1:AO:212:GLU:N	2.35	0.42
1:AP:4:ARG:HH11	1:AP:4:ARG:HG3	1.84	0.42
1:AR:84:GLU:CD	1:AU:454:THR:HG23	2.45	0.42
1:AS:260:ARG:HA	1:AS:271:THR:OG1	2.19	0.42
1:AS:352:ARG:HD2	1:AS:356:ARG:O	2.19	0.42
1:AV:91:THR:O	1:AV:95:LYS:HG3	2.20	0.42
1:AV:106:LEU:HD13	1:AV:106:LEU:HA	1.92	0.42
1:AV:383:LEU:HA	1:AV:430:MET:HE3	1.98	0.42
1:AW:99:ALA:HB3	1:AW:418:VAL:HG11	2.01	0.42
1:AW:173:ARG:HD2	1:AW:357:ASP:HA	1.99	0.42
1:AW:283:ARG:HG3	1:AW:284:LEU:N	2.34	0.42
1:AX:85:GLN:OE1	1:AX:123:LEU:HG	2.20	0.42

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AX:184:MET:HE1	1:AX:345:ILE:HD11	2.02	0.42
1:A1:238:LEU:O	1:A1:240:VAL:HG23	2.20	0.42
1:A1:259:VAL:O	1:A1:271:THR:HG23	2.20	0.42
1:A2:93:LYS:CG	1:AR:60:ASN:HD21	2.30	0.42
1:A2:211:ILE:HG12	1:A2:234:PHE:HD1	1.84	0.42
1:A2:486:SER:O	1:A2:490:ILE:HG12	2.19	0.42
1:A5:157:VAL:HG11	1:A5:452:LEU:HD21	2.02	0.42
1:A5:262:LEU:HD11	1:A5:319:VAL:HG23	2.00	0.42
1:A6:188:ALA:HB2	2:A6:606:P8E:O1B	2.19	0.42
1:A7:247:MET:CE	1:A7:402:ALA:HB2	2.49	0.42
1:A8:46:SER:HB2	1:AF:112:LEU:CD1	2.50	0.42
1:A8:155:THR:HG23	1:AS:129:THR:CG2	2.48	0.42
1:A9:418:VAL:O	1:A9:418:VAL:HG12	2.20	0.42
1:AA:93:LYS:CG	1:AN:60:ASN:HD21	2.33	0.42
1:AA:352:ARG:HB3	1:AA:358:ILE:HD11	2.01	0.42
1:AD:123:LEU:HD23	1:AD:123:LEU:C	2.45	0.42
1:AE:116:ILE:CD1	1:AE:418:VAL:HG21	2.44	0.42
1:AG:203:VAL:HG21	1:AG:209:TYR:CD2	2.54	0.42
1:AH:157:VAL:HG11	1:AH:452:LEU:HD21	2.01	0.42
1:AH:300:SER:C	1:AH:301:LEU:HD23	2.44	0.42
1:AI:511:ARG:NH1	1:AI:512:LEU:HB2	2.34	0.42
1:AJ:89:LEU:CA	1:AJ:92:ILE:HD12	2.50	0.42
1:AL:35:GLY:C	1:AL:476:VAL:HG12	2.44	0.42
1:AL:186:ALA:HB3	1:AL:334:PHE:O	2.20	0.42
1:AM:65:ILE:CG1	1:AM:459:ILE:HD11	2.48	0.42
1:AO:513:LEU:HD13	1:AQ:479:ALA:HA	2.01	0.42
1:AP:85:GLN:OE1	1:AP:123:LEU:HG	2.19	0.42
1:AQ:153:SER:HB3	1:AV:429:ASP:OD2	2.19	0.42
1:AQ:278:ASN:OD1	1:AR:212:GLU:HG3	2.18	0.42
1:AR:389:ILE:HG13	1:AR:415:GLY:C	2.45	0.42
1:AS:56:SER:O	1:AS:60:ASN:OD1	2.37	0.42
1:AS:422:LYS:HE3	1:AS:422:LYS:CA	2.50	0.42
1:AT:284:LEU:O	1:AT:284:LEU:HD12	2.19	0.42
1:AU:196:VAL:HG22	1:AU:216:ILE:HD12	2.02	0.42
1:AU:337:ILE:HG22	1:AU:342:HIS:CD2	2.55	0.42
1:AV:188:ALA:HB2	2:AV:606:P8E:O1B	2.20	0.42
1:AV:445:MET:HE2	1:AV:445:MET:HB3	1.76	0.42
1:AW:47:GLY:O	1:AW:50:ILE:HG22	2.19	0.42
1:AW:285:THR:HG23	1:AW:299:ALA:CB	2.50	0.42
1:AW:335:ALA:HA	2:AW:606:P8E:O8	2.20	0.42
1:AX:363:VAL:HG22	1:AX:364:ASN:OD1	2.19	0.42

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A1:174:MET:HE3	1:A1:398:ALA:HA	2.01	0.42
1:A1:212:GLU:OE1	1:A1:212:GLU:CA	2.67	0.42
1:A1:446:GLY:HA3	1:AI:41:ALA:HB3	2.02	0.42
1:A3:48:MET:HE2	1:A3:48:MET:HB3	1.89	0.42
1:A3:146:GLU:HB2	1:A3:158:LYS:HD2	2.02	0.42
1:A3:179:PHE:CZ	1:A3:344:VAL:HG13	2.52	0.42
1:A3:415:GLY:HA2	1:A8:294:ARG:HH21	1.85	0.42
1:A4:303:ILE:HG13	1:AF:234:PHE:CD1	2.54	0.42
1:A4:428:MET:HE2	1:A4:428:MET:HB2	1.77	0.42
1:A4:480:GLU:O	1:A4:480:GLU:HG2	2.19	0.42
1:A5:418:VAL:O	1:A5:418:VAL:HG12	2.20	0.42
1:A5:509:VAL:CG2	1:A5:513:LEU:HD12	2.50	0.42
1:A6:61:LEU:HD23	1:A6:61:LEU:HA	1.86	0.42
1:A6:502:ALA:O	1:A6:505:VAL:HG12	2.19	0.42
1:A7:9:ILE:CD1	1:AP:468:ALA:HA	2.45	0.42
1:A7:91:THR:O	1:A7:95:LYS:HG3	2.20	0.42
1:A7:262:LEU:HG	1:A7:269:ILE:CG2	2.50	0.42
1:A8:366:SER:HB2	1:A8:374:GLN:OE1	2.19	0.42
1:A8:423:GLY:O	1:A8:427:VAL:HG23	2.18	0.42
1:AA:102:ASP:OD1	1:AN:145:LYS:HA	2.19	0.42
1:AA:328:VAL:C	1:AA:329:PHE:CD1	2.98	0.42
1:AB:463:GLN:HA	1:AB:466:VAL:CG2	2.50	0.42
1:AC:335:ALA:HA	2:AC:606:P8E:O8	2.20	0.42
1:AD:116:ILE:HD13	1:AD:418:VAL:HG21	2.01	0.42
1:AD:224:ILE:HD11	1:AD:246:VAL:HG23	1.98	0.42
1:AD:248:ALA:HB2	1:AD:344:VAL:HG21	2.01	0.42
1:AD:433:SER:O	1:AD:437:GLN:HG3	2.20	0.42
1:AD:471:SER:O	1:AD:475:ASP:HB2	2.19	0.42
1:AE:187:SER:HB3	1:AE:335:ALA:HB3	2.00	0.42
1:AE:196:VAL:HG23	1:AE:196:VAL:O	2.17	0.42
1:AE:470:GLU:HA	1:AE:473:ILE:CG2	2.49	0.42
1:AF:192:ASN:HA	1:AF:367:HIS:CE1	2.55	0.42
1:AG:74:MET:HE3	1:AG:137:MET:HE1	2.02	0.42
1:AG:133:ASN:HD21	1:AP:50:ILE:HD11	1.84	0.42
1:AH:8:ASN:HA	1:AH:506:GLN:HE22	1.84	0.42
1:AH:167:ASP:OD1	1:AH:168:LYS:HG3	2.19	0.42
1:AH:406:GLN:O	1:AH:409:THR:HG23	2.20	0.42
1:AI:122:GLU:CG	1:AO:451:GLU:HG3	2.50	0.42
1:AJ:187:SER:HB3	1:AJ:335:ALA:HB3	2.01	0.42
1:AJ:251:GLY:H	1:AJ:333:ASN:N	2.17	0.42
1:AJ:302:ASP:CB	1:AJ:308:ASN:HD21	2.27	0.42

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AL:89:LEU:HA	1:AL:89:LEU:HD23	1.86	0.42
1:AM:313:ASP:OD1	1:AM:315:ARG:HG2	2.20	0.42
1:AO:203:VAL:HG21	1:AO:209:TYR:CD1	2.51	0.42
1:AP:41:ALA:HB2	1:AP:48:MET:HE2	2.00	0.42
1:AQ:62:GLY:HA2	1:AQ:65:ILE:HD12	2.02	0.42
1:AQ:259:VAL:HA	1:AQ:324:ALA:HB1	2.01	0.42
1:AR:80:LYS:CB	1:AU:461:VAL:HG11	2.46	0.42
1:AR:395:ALA:CB	1:AR:414:ILE:HG23	2.48	0.42
1:AS:99:ALA:CB	1:AS:112:LEU:HD22	2.28	0.42
1:AT:175:GLU:HA	1:AT:377:ALA:O	2.19	0.42
1:AU:166:SER:O	1:AU:383:LEU:HB3	2.19	0.42
1:AW:187:SER:HB3	1:AW:335:ALA:HB3	2.00	0.42
1:AW:251:GLY:H	1:AW:333:ASN:H	1.66	0.42
1:AW:328:VAL:C	1:AW:329:PHE:CD1	2.97	0.42
1:AW:418:VAL:O	1:AW:418:VAL:HG12	2.20	0.42
1:AW:422:LYS:HA	1:AW:422:LYS:HE3	2.02	0.42
1:AX:418:VAL:HG12	1:AX:418:VAL:O	2.20	0.42
1:A1:251:GLY:H	1:A1:333:ASN:H	1.68	0.42
1:A1:253:PRO:HB3	1:AQ:212:GLU:OE2	2.19	0.42
1:A1:300:SER:O	1:A1:301:LEU:HD23	2.20	0.42
1:A2:259:VAL:HA	1:A2:324:ALA:HB1	2.01	0.42
1:A2:376:VAL:HG23	1:A2:378:GLU:HG3	2.02	0.42
1:A3:224:ILE:HD13	1:A3:345:ILE:O	2.20	0.42
1:A4:33:SER:CB	1:AF:17:VAL:HG21	2.40	0.42
1:A4:92:ILE:HD12	1:A4:92:ILE:H	1.84	0.42
1:A4:112:LEU:HD12	1:AS:46:SER:HB2	2.01	0.42
1:A6:456:ILE:HD13	1:A6:459:ILE:HD11	2.02	0.42
1:A7:173:ARG:HH22	1:AP:273:ASN:HD21	1.67	0.42
1:A7:211:ILE:HG23	1:A7:230:ILE:HD12	2.02	0.42
1:A7:244:TYR:CD2	1:A7:244:TYR:C	2.97	0.42
1:A7:261:GLU:OE2	1:A7:322:ALA:HB2	2.20	0.42
1:A7:262:LEU:HD11	1:A7:319:VAL:CG2	2.48	0.42
1:A8:190:ALA:O	1:A8:193:LEU:HG	2.20	0.42
1:A9:230:ILE:HG13	1:A9:231:ILE:N	2.34	0.42
1:A9:300:SER:C	1:A9:301:LEU:HD23	2.45	0.42
1:A9:446:GLY:HA3	1:AK:41:ALA:HB3	2.02	0.42
1:AA:5:ILE:CD1	1:AA:506:GLN:HG2	2.50	0.42
1:AA:50:ILE:HD12	1:AA:50:ILE:HA	1.82	0.42
1:AA:138:LEU:N	1:AA:138:LEU:HD23	2.34	0.42
1:AA:188:ALA:HB2	2:AA:606:P8E:O1B	2.20	0.42
1:AA:284:LEU:HD12	1:AA:284:LEU:O	2.19	0.42

*Continued on next page...*



*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AB:230:ILE:HG13	1:AB:231:ILE:N	2.34	0.42
1:AB:335:ALA:HA	2:AB:606:P8E:O8	2.19	0.42
1:AC:7:THR:OG1	1:AR:471:SER:HB2	2.19	0.42
1:AC:188:ALA:HB2	2:AC:606:P8E:O1B	2.19	0.42
1:AC:438:LEU:HD23	1:AC:438:LEU:HA	1.86	0.42
1:AD:259:VAL:CG2	1:AD:324:ALA:HB1	2.47	0.42
1:AD:371:HIS:HB3	1:AD:374:GLN:CG	2.34	0.42
1:AD:470:GLU:HA	1:AD:473:ILE:CG2	2.49	0.42
1:AF:80:LYS:HG3	1:AN:461:VAL:CG1	2.50	0.42
1:AF:175:GLU:HA	1:AF:377:ALA:O	2.19	0.42
1:AF:328:VAL:C	1:AF:329:PHE:CD1	2.98	0.42
1:AG:120:LEU:HD22	1:AG:166:SER:HB2	2.02	0.42
1:AG:452:LEU:O	1:AG:456:ILE:HG12	2.19	0.42
1:AG:458:ASN:HD22	1:AM:126:ILE:CD1	2.32	0.42
1:AH:244:TYR:CD2	1:AH:244:TYR:C	2.98	0.42
1:AH:313:ASP:OD1	1:AH:315:ARG:HG2	2.20	0.42
1:AI:104:GLN:HB3	1:AI:108:SER:HG	1.85	0.42
1:AI:122:GLU:CB	1:AO:451:GLU:HG3	2.50	0.42
1:AJ:284:LEU:O	1:AJ:284:LEU:HD12	2.20	0.42
1:AJ:511:ARG:HH12	1:AJ:512:LEU:CD1	2.20	0.42
1:AK:104:GLN:HB3	1:AK:108:SER:HG	1.83	0.42
1:AL:61:LEU:HD12	1:AL:463:GLN:HA	2.01	0.42
1:AL:422:LYS:HA	1:AL:422:LYS:HE3	2.02	0.42
1:AM:179:PHE:HB2	1:AM:347:ARG:HG2	2.02	0.42
1:AM:365:PHE:O	1:AM:368:VAL:HG12	2.19	0.42
1:AN:422:LYS:O	1:AN:426:ILE:HD13	2.19	0.42
1:AP:89:LEU:HA	1:AP:92:ILE:CD1	2.45	0.42
1:AP:352:ARG:HD2	1:AP:356:ARG:O	2.19	0.42
1:AR:502:ALA:O	1:AR:505:VAL:HG12	2.20	0.42
1:AS:201:LYS:HE2	1:AS:201:LYS:HB3	1.74	0.42
1:AS:461:VAL:CG1	1:AT:80:LYS:HG3	2.50	0.42
1:AT:234:PHE:O	1:AT:238:LEU:CD1	2.64	0.42
1:AT:251:GLY:H	1:AT:333:ASN:H	1.66	0.42
1:AU:196:VAL:HG23	1:AU:196:VAL:O	2.19	0.42
1:AU:263:THR:HG21	1:AU:268:GLU:HG3	2.01	0.42
1:AU:513:LEU:HD13	1:AU:513:LEU:HA	1.91	0.42
1:AX:61:LEU:HD12	1:AX:463:GLN:HA	2.02	0.42
1:AX:123:LEU:HD23	1:AX:123:LEU:C	2.45	0.42
1:AX:463:GLN:O	1:AX:466:VAL:HG22	2.19	0.42
1:AX:506:GLN:O	1:AX:509:VAL:CG1	2.64	0.42
1:A2:17:VAL:CG2	1:AV:33:SER:HB2	2.46	0.42

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A2:174:MET:O	1:A2:378:GLU:HA	2.19	0.42
1:A2:450:MET:HE2	1:AV:115:ASP:OD1	2.19	0.42
1:A3:92:ILE:HG21	1:A3:116:ILE:HG23	2.02	0.42
1:A3:123:LEU:HD23	1:A3:123:LEU:C	2.44	0.42
1:A4:129:THR:CG2	1:AF:155:THR:HG23	2.49	0.42
1:A4:187:SER:HB3	1:A4:335:ALA:HB3	2.01	0.42
1:A5:110:ARG:HD3	1:AI:293:ASP:OD1	2.20	0.42
1:A5:262:LEU:CD1	1:A5:319:VAL:HG23	2.50	0.42
1:A6:502:ALA:HA	1:A6:505:VAL:HG12	2.02	0.42
1:A7:259:VAL:HA	1:A7:324:ALA:HB1	2.02	0.42
1:A7:507:GLN:CB	1:AL:490:ILE:HD11	2.50	0.42
1:A8:4:ARG:H	1:A8:4:ARG:HD2	1.85	0.42
1:A8:5:ILE:HG21	1:AN:478:PHE:CE2	2.55	0.42
1:A8:461:VAL:HG11	1:AS:80:LYS:CB	2.47	0.42
1:AA:93:LYS:CE	1:AN:60:ASN:HD21	2.29	0.42
1:AC:50:ILE:HD13	1:AC:50:ILE:HA	1.94	0.42
1:AD:74:MET:HE1	1:AD:142:PHE:CZ	2.54	0.42
1:AE:263:THR:HG21	1:AE:268:GLU:HG3	2.00	0.42
1:AF:448:VAL:O	1:AF:452:LEU:HG	2.20	0.42
1:AF:502:ALA:HA	1:AF:505:VAL:HG12	2.01	0.42
1:AG:157:VAL:HG22	1:AG:451:GLU:OE2	2.19	0.42
1:AH:120:LEU:HD22	1:AH:166:SER:HB2	2.01	0.42
1:AH:281:ASP:OD2	1:AH:283:ARG:HB3	2.20	0.42
1:AH:485:PHE:CZ	1:AI:501:GLN:HG3	2.54	0.42
1:AI:5:ILE:CD1	1:AQ:490:ILE:HG21	2.49	0.42
1:AJ:188:ALA:HB2	2:AJ:606:P8E:O1B	2.19	0.42
1:AJ:283:ARG:HA	1:AJ:286:ASN:ND2	2.35	0.42
1:AL:30:GLU:HA	1:AL:33:SER:OG	2.19	0.42
1:AL:105:THR:OG1	1:AL:107:GLU:HG2	2.19	0.42
1:AL:459:ILE:HG13	1:AL:460:SER:N	2.33	0.42
1:AM:184:MET:O	1:AM:184:MET:HE3	2.20	0.42
1:AN:37:ARG:HB2	1:AN:476:VAL:HA	2.00	0.42
1:AN:189:ALA:C	1:AN:343:ALA:HB3	2.45	0.42
1:AN:214:VAL:HG11	1:AN:227:LEU:CB	2.48	0.42
1:AN:389:ILE:HG13	1:AN:415:GLY:C	2.45	0.42
1:AN:511:ARG:NH1	1:AN:512:LEU:HB2	2.34	0.42
1:AO:186:ALA:C	1:AO:188:ALA:H	2.28	0.42
1:AO:246:VAL:HB	1:AO:311:SER:HB3	2.02	0.42
1:AO:418:VAL:O	1:AO:418:VAL:HG12	2.19	0.42
1:AQ:60:ASN:HD21	1:AV:93:LYS:CE	2.29	0.42
1:AQ:149:ILE:CD1	1:AQ:157:VAL:HB	2.49	0.42

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AR:36:LEU:HD22	1:AR:474:ARG:HD3	2.01	0.42
1:AR:167:ASP:OD1	1:AR:168:LYS:HG3	2.19	0.42
1:AR:502:ALA:HA	1:AR:505:VAL:HG12	2.02	0.42
1:AT:40:LYS:C	1:AT:48:MET:HE1	2.44	0.42
1:AT:157:VAL:O	1:AT:157:VAL:HG13	2.20	0.42
1:AT:313:ASP:OD1	1:AT:315:ARG:HG2	2.19	0.42
1:AX:70:ASP:O	1:AX:74:MET:HG3	2.20	0.42
1:AX:352:ARG:HD2	1:AX:356:ARG:O	2.20	0.42
1:A1:15:HIS:N	1:A1:499:MET:HE3	2.35	0.42
1:A2:104:GLN:HB3	1:A2:108:SER:OG	2.20	0.42
1:A2:502:ALA:HA	1:A2:505:VAL:HG12	2.02	0.42
1:A3:510:LEU:HD12	1:A8:490:ILE:HG22	2.01	0.42
1:A5:48:MET:SD	1:AH:442:ARG:HD3	2.59	0.42
1:A6:446:GLY:HA3	1:AP:41:ALA:CB	2.50	0.42
1:A8:201:LYS:HA	1:A8:208:ASP:CB	2.49	0.42
1:A8:461:VAL:CG1	1:AS:80:LYS:HG3	2.50	0.42
1:A9:167:ASP:OD1	1:A9:168:LYS:HG3	2.20	0.42
1:A9:244:TYR:C	1:A9:244:TYR:CD2	2.97	0.42
1:AA:422:LYS:C	1:AA:426:ILE:HD12	2.40	0.42
1:AA:502:ALA:HA	1:AA:505:VAL:HG12	2.01	0.42
1:AB:78:ALA:CB	1:AB:445:MET:HE1	2.47	0.42
1:AD:371:HIS:CB	1:AD:374:GLN:HG3	2.32	0.42
1:AE:201:LYS:HA	1:AE:208:ASP:CB	2.50	0.42
1:AE:467:LYS:HA	1:AE:467:LYS:HD3	1.84	0.42
1:AG:62:GLY:HA2	1:AG:65:ILE:HD12	2.02	0.42
1:AG:74:MET:SD	1:AW:103:GLY:HA2	2.59	0.42
1:AG:117:GLN:OE1	1:AG:117:GLN:C	2.63	0.42
1:AG:491:LEU:HD23	1:AG:491:LEU:HA	1.88	0.42
1:AJ:337:ILE:HG22	1:AJ:342:HIS:HB2	2.01	0.42
1:AJ:507:GLN:HA	1:AP:490:ILE:CD1	2.50	0.42
1:AK:263:THR:HG21	1:AK:268:GLU:HG3	2.00	0.42
1:AK:470:GLU:HA	1:AK:473:ILE:CG2	2.49	0.42
1:AL:512:LEU:HD23	1:AP:496:SER:HB2	2.01	0.42
1:AM:480:GLU:O	1:AM:480:GLU:HG2	2.16	0.42
1:AN:250:GLY:HA2	1:AN:333:ASN:H	1.84	0.42
1:AN:352:ARG:HD3	1:AN:354:ASP:OD1	2.19	0.42
1:AO:144:ASN:ND2	1:AQ:247:MET:HE1	2.35	0.42
1:AO:174:MET:HE2	1:AO:174:MET:HB2	1.82	0.42
1:AP:422:LYS:HE3	1:AP:422:LYS:CA	2.47	0.42
1:AP:508:ASN:ND2	1:AP:512:LEU:HD12	2.34	0.42
1:AT:60:ASN:N	1:AT:60:ASN:ND2	2.66	0.42

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AT:190:ALA:O	1:AT:193:LEU:HG	2.19	0.42
1:AU:190:ALA:O	1:AU:193:LEU:HG	2.19	0.42
1:AU:284:LEU:O	1:AU:284:LEU:HD12	2.20	0.42
1:AV:24:ASP:CB	1:AV:488:TYR:CE2	3.03	0.42
1:AV:196:VAL:HG23	1:AV:196:VAL:O	2.20	0.42
1:AX:8:ASN:CA	1:AX:506:GLN:HE22	2.33	0.42
1:AX:300:SER:C	1:AX:301:LEU:HD23	2.45	0.42
1:A1:201:LYS:HB2	1:A1:359:ILE:CG1	2.49	0.42
1:A2:196:VAL:O	1:A2:196:VAL:HG23	2.19	0.42
1:A2:251:GLY:H	1:A2:332:GLY:CA	2.16	0.42
1:A3:201:LYS:HE2	1:A3:201:LYS:HB3	1.75	0.42
1:A3:335:ALA:HA	2:A3:606:P8E:O8	2.19	0.42
1:A4:389:ILE:HA	1:A4:416:ALA:HA	2.02	0.42
1:A5:297:VAL:CG1	1:A5:309:LEU:HG	2.50	0.42
1:A5:437:GLN:O	1:A5:441:ILE:HG13	2.19	0.42
1:A6:153:SER:O	1:A6:154:ASN:HB2	2.20	0.42
1:A6:179:PHE:HD1	1:A6:184:MET:CE	2.32	0.42
1:A6:278:ASN:CG	1:AT:212:GLU:HG3	2.45	0.42
1:A7:41:ALA:CB	1:AP:446:GLY:HA3	2.50	0.42
1:A7:214:VAL:HG11	1:A7:227:LEU:HB2	2.02	0.42
1:A7:426:ILE:HD12	1:A7:426:ILE:H	1.85	0.42
1:A9:41:ALA:HA	1:A9:48:MET:CE	2.50	0.42
1:A9:297:VAL:CG1	1:A9:309:LEU:HG	2.50	0.42
1:A9:449:GLN:NE2	1:AK:42:ALA:HB2	2.35	0.42
1:AA:179:PHE:HB2	1:AA:347:ARG:HG2	2.02	0.42
1:AA:234:PHE:HB3	1:AA:238:LEU:HD13	1.98	0.42
1:AD:422:LYS:C	1:AD:426:ILE:HD12	2.43	0.42
1:AF:249:THR:HB	1:AF:308:ASN:OD1	2.20	0.42
1:AF:313:ASP:OD1	1:AF:315:ARG:HG2	2.20	0.42
1:AF:376:VAL:HG23	1:AF:378:GLU:HG3	2.01	0.42
1:AG:212:GLU:HG3	1:AM:278:ASN:CG	2.45	0.42
1:AH:161:ILE:HG23	1:AH:445:MET:CE	2.48	0.42
1:AH:214:VAL:HG11	1:AH:227:LEU:CB	2.49	0.42
1:AI:124:ASP:OD1	1:AI:166:SER:HB3	2.20	0.42
1:AI:300:SER:O	1:AI:301:LEU:HD23	2.20	0.42
1:AJ:247:MET:HB2	1:AJ:402:ALA:HB1	2.02	0.42
1:AJ:335:ALA:HA	2:AJ:606:P8E:O8	2.20	0.42
1:AK:8:ASN:CA	1:AK:506:GLN:HE22	2.33	0.42
1:AL:104:GLN:HB3	1:AL:108:SER:HG	1.84	0.42
1:AL:227:LEU:O	1:AL:231:ILE:HG13	2.20	0.42
1:AL:501:GLN:HG3	1:AP:485:PHE:CZ	2.55	0.42

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AM:82:MET:HE3	1:AM:82:MET:HB2	1.93	0.42
1:AM:174:MET:O	1:AM:378:GLU:HA	2.19	0.42
1:AM:226:ALA:O	1:AM:230:ILE:HG23	2.20	0.42
1:AM:260:ARG:HA	1:AM:271:THR:OG1	2.20	0.42
1:AM:438:LEU:HD23	1:AM:438:LEU:HA	1.86	0.42
1:AN:8:ASN:HA	1:AN:506:GLN:HE22	1.85	0.42
1:AN:170:GLY:HA2	1:AN:434:ALA:N	2.34	0.42
1:AO:300:SER:O	1:AO:301:LEU:HD23	2.20	0.42
1:AP:83:ASP:HB2	1:AP:442:ARG:CZ	2.50	0.42
1:AP:146:GLU:HG3	1:AP:156:THR:HG21	2.02	0.42
1:AP:179:PHE:HB2	1:AP:347:ARG:HG2	2.02	0.42
1:AQ:214:VAL:HG11	1:AQ:227:LEU:CB	2.50	0.42
1:AR:47:GLY:O	1:AR:50:ILE:HG22	2.20	0.42
1:AU:167:ASP:HB3	1:AU:384:ARG:CZ	2.49	0.42
1:AU:386:VAL:CG2	1:AU:427:VAL:HG22	2.44	0.42
1:AV:20:GLN:HA	1:AV:23:ARG:HH12	1.78	0.42
1:AV:410:ASN:HD21	1:AV:414:ILE:CG2	2.33	0.42
1:AW:195:GLU:HG3	1:AW:215:ARG:HG2	2.02	0.42
1:AX:100:ALA:HB2	1:AX:424:ALA:CB	2.48	0.42
1:AX:189:ALA:HA	1:AX:192:ASN:CG	2.45	0.42
1:AX:425:MET:O	1:AX:429:ASP:OD1	2.38	0.42
1:A1:389:ILE:HA	1:A1:416:ALA:HA	2.02	0.41
1:A2:5:ILE:CD1	1:A2:506:GLN:HG2	2.50	0.41
1:A2:84:GLU:OE2	1:AM:457:ASN:HB2	2.20	0.41
1:A2:91:THR:O	1:A2:95:LYS:HG3	2.21	0.41
1:A3:250:GLY:HA2	1:A3:333:ASN:H	1.85	0.41
1:A4:201:LYS:HA	1:A4:208:ASP:CB	2.50	0.41
1:A4:261:GLU:OE2	1:A4:322:ALA:HB2	2.20	0.41
1:A4:278:ASN:OD1	1:AF:212:GLU:HG3	2.20	0.41
1:A4:319:VAL:H	1:A4:342:HIS:HD2	1.68	0.41
1:A5:122:GLU:CD	1:AD:451:GLU:HG2	2.45	0.41
1:A7:422:LYS:HE3	1:A7:422:LYS:CA	2.50	0.41
1:A8:456:ILE:HD13	1:A8:456:ILE:HA	1.91	0.41
1:A9:174:MET:CE	1:A9:398:ALA:HA	2.50	0.41
1:A9:227:LEU:O	1:A9:231:ILE:HG13	2.20	0.41
1:AA:259:VAL:HA	1:AA:324:ALA:HB2	2.02	0.41
1:AA:335:ALA:HA	2:AA:606:P8E:O8	2.19	0.41
1:AA:395:ALA:CB	1:AA:414:ILE:HG23	2.50	0.41
1:AA:463:GLN:HA	1:AA:466:VAL:CG2	2.50	0.41
1:AB:478:PHE:HE2	1:AH:5:ILE:CG2	2.32	0.41
1:AC:8:ASN:CA	1:AC:506:GLN:HE22	2.32	0.41

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AC:89:LEU:CA	1:AC:92:ILE:HD12	2.49	0.41
1:AC:249:THR:HB	1:AC:308:ASN:OD1	2.19	0.41
1:AC:422:LYS:HA	1:AC:422:LYS:HE3	2.02	0.41
1:AD:249:THR:HB	1:AD:308:ASN:OD1	2.20	0.41
1:AE:63:GLN:HG3	1:AK:97:VAL:HG12	2.01	0.41
1:AE:84:GLU:O	1:AE:88:ILE:HG13	2.20	0.41
1:AE:174:MET:HE3	1:AE:398:ALA:HA	2.01	0.41
1:AF:201:LYS:HE2	1:AF:201:LYS:HB3	1.74	0.41
1:AF:259:VAL:HA	1:AF:324:ALA:HB1	2.01	0.41
1:AG:61:LEU:HD12	1:AG:463:GLN:HA	2.01	0.41
1:AG:212:GLU:OE1	1:AG:212:GLU:CA	2.66	0.41
1:AG:328:VAL:O	1:AG:329:PHE:C	2.63	0.41
1:AH:80:LYS:CB	1:AI:461:VAL:HG11	2.47	0.41
1:AH:192:ASN:HA	1:AH:367:HIS:CE1	2.56	0.41
1:AH:502:ALA:O	1:AH:505:VAL:HG12	2.20	0.41
1:AI:85:GLN:OE1	1:AI:123:LEU:HG	2.19	0.41
1:AI:184:MET:O	1:AI:184:MET:HE3	2.19	0.41
1:AJ:157:VAL:HG11	1:AJ:452:LEU:HD21	2.01	0.41
1:AK:260:ARG:HA	1:AK:271:THR:OG1	2.20	0.41
1:AL:167:ASP:OD1	1:AL:168:LYS:HG3	2.20	0.41
1:AL:249:THR:HB	1:AL:308:ASN:OD1	2.19	0.41
1:AN:82:MET:HG3	1:AN:138:LEU:HD13	2.01	0.41
1:AN:120:LEU:HD21	1:AN:166:SER:HB2	2.01	0.41
1:AO:74:MET:SD	1:AQ:103:GLY:HA2	2.59	0.41
1:AO:146:GLU:HG3	1:AO:156:THR:HG21	2.00	0.41
1:AO:502:ALA:HA	1:AO:505:VAL:HG12	2.02	0.41
1:AP:437:GLN:O	1:AP:441:ILE:HG13	2.20	0.41
1:AQ:179:PHE:CD1	1:AQ:184:MET:HE2	2.54	0.41
1:AQ:502:ALA:O	1:AQ:505:VAL:HG12	2.20	0.41
1:AR:129:THR:HG21	1:AU:155:THR:CG2	2.50	0.41
1:AR:259:VAL:HA	1:AR:324:ALA:HB1	2.02	0.41
1:AR:259:VAL:O	1:AR:271:THR:HG23	2.19	0.41
1:AS:189:ALA:C	1:AS:343:ALA:HB3	2.45	0.41
1:AS:203:VAL:CG2	1:AS:209:TYR:HD2	2.28	0.41
1:AT:250:GLY:HA2	1:AT:333:ASN:H	1.85	0.41
1:AT:389:ILE:HG13	1:AT:415:GLY:C	2.45	0.41
1:AU:167:ASP:OD1	1:AU:168:LYS:HG3	2.20	0.41
1:AU:273:ASN:HD21	1:AX:173:ARG:NH2	2.18	0.41
1:AV:184:MET:HE1	1:AV:345:ILE:CD1	2.50	0.41
1:AV:401:ASN:OD1	1:AV:407:ALA:HA	2.20	0.41
1:AW:369:GLY:HA2	1:AW:374:GLN:HE22	1.85	0.41

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AX:20:GLN:O	1:AX:24:ASP:OD1	2.38	0.41
1:AX:196:VAL:HG23	1:AX:196:VAL:O	2.20	0.41
1:A1:61:LEU:CD2	1:A1:151:ALA:HB2	2.50	0.41
1:A1:212:GLU:OE2	1:AB:253:PRO:HB3	2.20	0.41
1:A1:479:ALA:HB3	1:AI:3:PHE:CD2	2.56	0.41
1:A3:177:SER:OG	1:A3:347:ARG:HA	2.20	0.41
1:A3:196:VAL:O	1:A3:196:VAL:HG23	2.20	0.41
1:A3:251:GLY:H	1:A3:333:ASN:N	2.18	0.41
1:A4:91:THR:O	1:A4:95:LYS:HG3	2.20	0.41
1:A6:335:ALA:HA	2:A6:606:P8E:O8	2.20	0.41
1:A7:146:GLU:HG2	1:AP:421:LEU:CD2	2.44	0.41
1:A8:5:ILE:HG12	1:AK:490:ILE:CG2	2.50	0.41
1:A8:216:ILE:HD13	1:A8:223:GLY:C	2.45	0.41
1:A9:65:ILE:HA	1:A9:459:ILE:HD11	2.03	0.41
1:A9:170:GLY:HA2	1:A9:434:ALA:N	2.35	0.41
1:A9:249:THR:HB	1:A9:308:ASN:OD1	2.19	0.41
1:AA:196:VAL:HG23	1:AA:196:VAL:O	2.20	0.41
1:AB:211:ILE:HD13	1:AB:234:PHE:CD2	2.50	0.41
1:AC:179:PHE:HB2	1:AC:347:ARG:HG2	2.02	0.41
1:AC:227:LEU:O	1:AC:231:ILE:HG13	2.19	0.41
1:AC:300:SER:O	1:AC:301:LEU:HD23	2.20	0.41
1:AD:335:ALA:HA	2:AD:606:P8E:O8	2.20	0.41
1:AE:510:LEU:N	1:AE:510:LEU:HD23	2.34	0.41
1:AF:33:SER:O	1:AN:17:VAL:HG11	2.21	0.41
1:AF:61:LEU:HB3	1:AF:463:GLN:HB2	2.01	0.41
1:AF:188:ALA:HB2	2:AF:606:P8E:O1B	2.20	0.41
1:AF:259:VAL:HA	1:AF:324:ALA:HB2	2.02	0.41
1:AF:511:ARG:NH1	1:AF:512:LEU:HB2	2.35	0.41
1:AG:17:VAL:HG11	1:AM:33:SER:O	2.20	0.41
1:AG:56:SER:O	1:AG:60:ASN:OD1	2.38	0.41
1:AH:227:LEU:O	1:AH:230:ILE:HG12	2.19	0.41
1:AH:260:ARG:HH12	1:AH:323:SER:HB2	1.85	0.41
1:AH:487:LYS:HD2	1:AK:6:ASN:C	2.45	0.41
1:AI:5:ILE:HG12	1:AQ:490:ILE:HG22	2.02	0.41
1:AJ:502:ALA:O	1:AJ:505:VAL:HG12	2.18	0.41
1:AK:356:ARG:HH11	1:AK:356:ARG:HG3	1.84	0.41
1:AK:471:SER:O	1:AK:475:ASP:HB2	2.20	0.41
1:AL:142:PHE:CZ	1:AL:145:LYS:HG3	2.55	0.41
1:AL:313:ASP:OD1	1:AL:315:ARG:HG2	2.20	0.41
1:AL:502:ALA:O	1:AL:505:VAL:HG12	2.19	0.41
1:AM:89:LEU:HA	1:AM:89:LEU:HD23	1.84	0.41

*Continued on next page...*



*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AM:246:VAL:HG22	1:AM:346:GLY:HA3	2.01	0.41
1:AM:329:PHE:CG	1:AM:330:GLY:N	2.88	0.41
1:AM:491:LEU:HD23	1:AM:491:LEU:HA	1.88	0.41
1:AM:507:GLN:HB2	1:AW:490:ILE:HD11	2.01	0.41
1:AN:211:ILE:HD11	1:AN:238:LEU:CD2	2.43	0.41
1:AN:259:VAL:HA	1:AN:324:ALA:HB1	2.02	0.41
1:AO:227:LEU:O	1:AO:231:ILE:HG13	2.19	0.41
1:AO:259:VAL:HA	1:AO:324:ALA:HB2	2.02	0.41
1:AP:263:THR:HG21	1:AP:268:GLU:HG3	2.01	0.41
1:AR:179:PHE:HD1	1:AR:184:MET:SD	2.43	0.41
1:AR:448:VAL:O	1:AR:452:LEU:HG	2.20	0.41
1:AR:491:LEU:HD23	1:AR:491:LEU:HA	1.89	0.41
1:AT:74:MET:HE2	1:AT:132:PHE:HD1	1.85	0.41
1:AU:321:ALA:CB	1:AU:337:ILE:HD12	2.50	0.41
1:AV:31:LYS:HE2	1:AV:37:ARG:O	2.20	0.41
1:AV:173:ARG:HD2	1:AV:357:ASP:HA	2.02	0.41
1:AW:74:MET:HE2	1:AW:132:PHE:CE1	2.55	0.41
1:AW:214:VAL:HG11	1:AW:227:LEU:HA	2.02	0.41
1:AX:258:THR:CG2	1:AX:274:ASP:H	2.33	0.41
1:A1:195:GLU:HG3	1:A1:215:ARG:HG2	2.01	0.41
1:A1:422:LYS:HE3	1:A1:422:LYS:CA	2.49	0.41
1:A3:60:ASN:N	1:A3:60:ASN:ND2	2.67	0.41
1:A3:92:ILE:HD12	1:A3:92:ILE:H	1.84	0.41
1:A3:184:MET:O	1:A3:189:ALA:HB2	2.20	0.41
1:A4:259:VAL:HA	1:A4:324:ALA:HB2	2.01	0.41
1:A4:369:GLY:HA2	1:A4:374:GLN:HE22	1.85	0.41
1:A5:61:LEU:HA	1:A5:61:LEU:HD23	1.80	0.41
1:A6:174:MET:HE2	1:A6:174:MET:HB2	1.79	0.41
1:A7:211:ILE:HD13	1:A7:211:ILE:HA	1.97	0.41
1:A7:461:VAL:CG1	1:AJ:80:LYS:HG3	2.50	0.41
1:A9:448:VAL:O	1:A9:452:LEU:HG	2.20	0.41
1:AA:214:VAL:CG1	1:AA:227:LEU:HD13	2.50	0.41
1:AA:418:VAL:O	1:AA:418:VAL:HG12	2.20	0.41
1:AB:91:THR:O	1:AB:95:LYS:HG3	2.20	0.41
1:AB:195:GLU:HG3	1:AB:215:ARG:HG2	2.02	0.41
1:AC:246:VAL:HB	1:AC:311:SER:HB3	2.02	0.41
1:AD:227:LEU:O	1:AD:230:ILE:HG12	2.20	0.41
1:AD:422:LYS:HA	1:AD:422:LYS:HE3	2.02	0.41
1:AD:446:GLY:O	1:AD:450:MET:HG3	2.19	0.41
1:AE:502:ALA:HA	1:AE:505:VAL:CG1	2.49	0.41
1:AG:384:ARG:HD2	1:AG:387:ARG:NH2	2.35	0.41

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AH:61:LEU:HD23	1:AH:61:LEU:HA	1.85	0.41
1:AH:61:LEU:HB3	1:AH:463:GLN:HB2	2.01	0.41
1:AH:292:LYS:O	1:AH:292:LYS:HG2	2.20	0.41
1:AI:140:GLY:HA3	1:AI:163:SER:HB2	2.02	0.41
1:AJ:85:GLN:OE1	1:AJ:123:LEU:HG	2.20	0.41
1:AJ:491:LEU:HD23	1:AJ:491:LEU:HA	1.93	0.41
1:AK:50:ILE:HD13	1:AK:50:ILE:HA	1.91	0.41
1:AK:172:VAL:HG12	1:AK:174:MET:HG3	2.02	0.41
1:AK:401:ASN:OD1	1:AK:410:ASN:HB3	2.21	0.41
1:AM:352:ARG:HD2	1:AM:356:ARG:O	2.19	0.41
1:AN:91:THR:O	1:AN:95:LYS:HG3	2.20	0.41
1:AN:175:GLU:HA	1:AN:377:ALA:O	2.20	0.41
1:AN:456:ILE:HD13	1:AN:456:ILE:HA	1.74	0.41
1:AQ:211:ILE:CD1	1:AQ:234:PHE:HD2	2.33	0.41
1:AQ:212:GLU:OE1	1:AQ:212:GLU:CA	2.67	0.41
1:AQ:502:ALA:HA	1:AQ:505:VAL:HG12	2.02	0.41
1:AR:418:VAL:O	1:AR:418:VAL:HG12	2.20	0.41
1:AS:82:MET:HG2	1:AS:138:LEU:HD13	2.02	0.41
1:AS:203:VAL:HG21	1:AS:209:TYR:CD2	2.46	0.41
1:AT:263:THR:HG21	1:AT:268:GLU:HG3	2.02	0.41
1:AU:227:LEU:O	1:AU:231:ILE:HG13	2.20	0.41
1:AU:437:GLN:O	1:AU:441:ILE:HG13	2.20	0.41
1:AX:263:THR:HA	1:AX:267:VAL:O	2.19	0.41
1:A1:92:ILE:HD12	1:A1:92:ILE:H	1.85	0.41
1:A1:174:MET:CE	1:A1:398:ALA:HB2	2.50	0.41
1:A2:179:PHE:CD1	1:A2:184:MET:HE2	2.52	0.41
1:A2:212:GLU:OE1	1:A2:212:GLU:CA	2.65	0.41
1:A2:249:THR:HB	1:A2:308:ASN:OD1	2.21	0.41
1:A2:389:ILE:HG13	1:A2:415:GLY:C	2.45	0.41
1:A2:410:ASN:HD21	1:A2:414:ILE:CG2	2.33	0.41
1:A4:29:LEU:HD23	1:A4:29:LEU:HA	1.86	0.41
1:A4:214:VAL:HG11	1:A4:227:LEU:HA	2.03	0.41
1:A4:418:VAL:HG12	1:A4:418:VAL:O	2.20	0.41
1:A5:438:LEU:HD23	1:A5:438:LEU:HA	1.86	0.41
1:A6:117:GLN:OE1	1:A6:117:GLN:C	2.64	0.41
1:A7:50:ILE:CD1	1:AJ:133:ASN:HD21	2.33	0.41
1:A7:363:VAL:HG22	1:A7:364:ASN:OD1	2.20	0.41
1:A8:214:VAL:CG1	1:A8:227:LEU:HD13	2.50	0.41
1:A8:437:GLN:O	1:A8:441:ILE:HG13	2.20	0.41
1:A8:448:VAL:O	1:A8:452:LEU:HG	2.21	0.41
1:A8:509:VAL:HG22	1:A8:510:LEU:HD23	2.02	0.41

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A8:511:ARG:HH12	1:A8:512:LEU:CD1	2.23	0.41
1:A9:422:LYS:HA	1:A9:422:LYS:HE3	2.02	0.41
1:A9:442:ARG:HG2	1:AK:48:MET:CE	2.51	0.41
1:A9:511:ARG:NH1	1:A9:512:LEU:HB2	2.35	0.41
1:AC:201:LYS:HE2	1:AC:201:LYS:HB3	1.75	0.41
1:AC:259:VAL:O	1:AC:271:THR:HG23	2.20	0.41
1:AD:319:VAL:H	1:AD:342:HIS:CE1	2.37	0.41
1:AD:328:VAL:O	1:AD:329:PHE:C	2.64	0.41
1:AE:66:ARG:HG2	1:AE:66:ARG:HH11	1.85	0.41
1:AE:214:VAL:CG1	1:AE:227:LEU:HD13	2.50	0.41
1:AE:229:GLU:O	1:AE:233:ARG:HG3	2.21	0.41
1:AE:300:SER:C	1:AE:301:LEU:HD23	2.45	0.41
1:AF:80:LYS:CB	1:AN:461:VAL:HG11	2.47	0.41
1:AF:151:ALA:O	1:AF:152:TYR:HD1	2.02	0.41
1:AG:186:ALA:C	1:AG:188:ALA:H	2.28	0.41
1:AH:253:PRO:HB3	1:AI:212:GLU:OE2	2.21	0.41
1:AI:129:THR:CG2	1:AO:155:THR:HG23	2.47	0.41
1:AI:249:THR:HB	1:AI:308:ASN:OD1	2.20	0.41
1:AJ:174:MET:CE	1:AJ:398:ALA:HB2	2.48	0.41
1:AJ:259:VAL:HG13	1:AJ:324:ALA:CB	2.51	0.41
1:AK:35:GLY:C	1:AK:476:VAL:HG12	2.46	0.41
1:AK:166:SER:O	1:AK:383:LEU:HB3	2.20	0.41
1:AK:249:THR:HB	1:AK:308:ASN:OD1	2.20	0.41
1:AL:451:GLU:HG3	1:AP:122:GLU:HB2	2.02	0.41
1:AM:233:ARG:HG2	1:AM:234:PHE:CD2	2.55	0.41
1:AO:5:ILE:CG2	1:AQ:478:PHE:HE2	2.33	0.41
1:AO:6:ASN:HB3	1:AQ:475:ASP:OD2	2.21	0.41
1:AO:382:ASN:C	1:AO:430:MET:HE3	2.46	0.41
1:AP:251:GLY:N	1:AP:333:ASN:H	2.17	0.41
1:AQ:42:ALA:HB2	1:AV:449:GLN:HB3	2.02	0.41
1:AQ:260:ARG:HA	1:AQ:271:THR:OG1	2.20	0.41
1:AR:46:SER:HB2	1:AV:112:LEU:HD12	2.03	0.41
1:AR:445:MET:HA	1:AR:445:MET:CE	2.35	0.41
1:AS:88:ILE:CG2	1:AS:92:ILE:HD11	2.50	0.41
1:AS:300:SER:O	1:AS:301:LEU:HD23	2.21	0.41
1:AU:418:VAL:O	1:AU:418:VAL:HG12	2.21	0.41
1:AV:224:ILE:HG13	1:AV:244:TYR:HB2	2.02	0.41
1:AV:335:ALA:HA	2:AV:606:P8E:O8	2.20	0.41
1:AW:65:ILE:CG1	1:AW:459:ILE:HD11	2.50	0.41
1:AW:89:LEU:CA	1:AW:92:ILE:HD12	2.50	0.41
1:AW:511:ARG:HH12	1:AW:512:LEU:CD1	2.34	0.41

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AX:418:VAL:HG22	1:AX:427:VAL:HG21	2.01	0.41
1:AX:430:MET:HE3	1:AX:430:MET:HB3	1.93	0.41
1:A1:75:VAL:O	1:A1:445:MET:HE1	2.19	0.41
1:A1:511:ARG:NH1	1:A1:512:LEU:HB2	2.35	0.41
1:A2:92:ILE:HD12	1:A2:92:ILE:H	1.84	0.41
1:A2:234:PHE:HB3	1:A2:238:LEU:HD13	2.02	0.41
1:A3:91:THR:O	1:A3:95:LYS:HG3	2.20	0.41
1:A3:319:VAL:HG12	1:A3:342:HIS:HE1	1.77	0.41
1:A4:253:PRO:HB3	1:AF:212:GLU:OE2	2.20	0.41
1:A4:286:ASN:ND2	1:AT:437:GLN:HE22	2.19	0.41
1:A4:470:GLU:O	1:A4:473:ILE:HG22	2.20	0.41
1:A6:175:GLU:HA	1:A6:377:ALA:O	2.21	0.41
1:A6:251:GLY:H	1:A6:333:ASN:H	1.67	0.41
1:A6:302:ASP:CB	1:A6:308:ASN:HD21	2.33	0.41
1:A7:41:ALA:HB2	1:A7:48:MET:CE	2.50	0.41
1:A7:188:ALA:HB2	2:A7:606:P8E:O1B	2.20	0.41
1:A7:235:SER:HB2	1:A7:240:VAL:O	2.20	0.41
1:A7:423:GLY:HA2	1:A7:426:ILE:HD12	2.00	0.41
1:A7:489:ASN:O	1:A7:493:GLN:HG2	2.20	0.41
1:A8:133:ASN:HD21	1:AE:50:ILE:HD11	1.86	0.41
1:A8:196:VAL:HG12	1:A8:364:ASN:HB3	2.03	0.41
1:A8:211:ILE:CD1	1:A8:238:LEU:HD21	2.42	0.41
1:A9:5:ILE:CD1	1:A9:506:GLN:HG2	2.51	0.41
1:AA:463:GLN:O	1:AA:466:VAL:HG22	2.21	0.41
1:AA:470:GLU:O	1:AA:473:ILE:HG23	2.20	0.41
1:AB:187:SER:HB3	1:AB:335:ALA:HB3	2.03	0.41
1:AB:192:ASN:HA	1:AB:367:HIS:CE1	2.56	0.41
1:AB:297:VAL:CG1	1:AB:309:LEU:HG	2.51	0.41
1:AB:369:GLY:HA2	1:AB:374:GLN:HE22	1.83	0.41
1:AC:294:ARG:HA	1:AC:294:ARG:HD2	1.87	0.41
1:AD:260:ARG:HH12	1:AD:323:SER:HB2	1.84	0.41
1:AD:284:LEU:O	1:AD:284:LEU:HD12	2.20	0.41
1:AD:342:HIS:CD2	1:AD:343:ALA:N	2.88	0.41
1:AE:41:ALA:HB2	1:AE:48:MET:CE	2.51	0.41
1:AE:247:MET:HE3	1:AE:402:ALA:CB	2.50	0.41
1:AF:167:ASP:OD1	1:AF:168:LYS:HG3	2.21	0.41
1:AF:300:SER:O	1:AF:301:LEU:HD23	2.20	0.41
1:AG:251:GLY:H	1:AG:333:ASN:H	1.68	0.41
1:AH:259:VAL:O	1:AH:271:THR:HG23	2.20	0.41
1:AI:224:ILE:CD1	1:AI:345:ILE:O	2.68	0.41
1:AI:263:THR:HG21	1:AI:268:GLU:HG3	2.01	0.41

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AI:445:MET:HA	1:AI:445:MET:CE	2.48	0.41
1:AJ:224:ILE:HG13	1:AJ:244:TYR:HB2	2.02	0.41
1:AL:170:GLY:HA2	1:AL:434:ALA:N	2.36	0.41
1:AL:188:ALA:HB2	2:AL:606:P8E:O1B	2.20	0.41
1:AL:454:THR:HB	1:AP:122:GLU:CD	2.46	0.41
1:AM:74:MET:HG2	1:AM:132:PHE:CD1	2.55	0.41
1:AM:83:ASP:HB2	1:AM:442:ARG:CZ	2.51	0.41
1:AM:300:SER:O	1:AM:301:LEU:HD23	2.21	0.41
1:AN:249:THR:HB	1:AN:308:ASN:OD1	2.19	0.41
1:AN:502:ALA:HA	1:AN:505:VAL:HG12	2.02	0.41
1:AN:502:ALA:O	1:AN:505:VAL:HG12	2.19	0.41
1:AR:184:MET:HE1	1:AR:345:ILE:HD11	2.01	0.41
1:AR:201:LYS:HB3	1:AR:201:LYS:HE2	1.74	0.41
1:AR:211:ILE:HG22	1:AR:212:GLU:N	2.35	0.41
1:AT:167:ASP:OD1	1:AT:168:LYS:HG3	2.21	0.41
1:AV:214:VAL:CG1	1:AV:227:LEU:HD13	2.50	0.41
1:A1:328:VAL:C	1:A1:329:PHE:CD1	2.98	0.41
1:A2:88:ILE:HD11	1:AM:454:THR:CG2	2.37	0.41
1:A3:211:ILE:HD11	1:A3:238:LEU:HD21	2.01	0.41
1:A3:300:SER:C	1:A3:301:LEU:HD23	2.46	0.41
1:A4:284:LEU:O	1:A4:284:LEU:HD12	2.20	0.41
1:A5:106:LEU:HD13	1:A5:106:LEU:HA	1.93	0.41
1:A5:300:SER:O	1:A5:301:LEU:HD23	2.21	0.41
1:A6:78:ALA:O	1:A6:82:MET:HG3	2.21	0.41
1:A6:214:VAL:HG11	1:A6:227:LEU:HA	2.01	0.41
1:A7:116:ILE:HD13	1:A7:418:VAL:HG21	2.03	0.41
1:A7:167:ASP:HB3	1:A7:384:ARG:CZ	2.51	0.41
1:A7:471:SER:O	1:A7:475:ASP:HB2	2.21	0.41
1:A8:337:ILE:CG2	1:A8:342:HIS:CD2	3.04	0.41
1:A9:513:LEU:HD23	1:A9:513:LEU:HA	1.81	0.41
1:AB:418:VAL:O	1:AB:418:VAL:HG12	2.21	0.41
1:AC:88:ILE:HD11	1:AX:454:THR:CG2	2.30	0.41
1:AC:89:LEU:HA	1:AC:89:LEU:HD23	1.85	0.41
1:AD:212:GLU:OE1	1:AD:212:GLU:CA	2.67	0.41
1:AD:230:ILE:HG13	1:AD:231:ILE:N	2.35	0.41
1:AE:5:ILE:CG2	1:AK:478:PHE:HE2	2.33	0.41
1:AE:98:GLN:HG2	1:AE:112:LEU:HD21	2.02	0.41
1:AE:157:VAL:HG22	1:AE:451:GLU:OE2	2.21	0.41
1:AF:84:GLU:HG2	1:AN:458:ASN:HB2	2.03	0.41
1:AF:422:LYS:HE3	1:AF:422:LYS:CA	2.50	0.41
1:AF:460:SER:O	1:AF:464:VAL:HG23	2.20	0.41

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AG:126:ILE:CG1	1:AP:458:ASN:HD22	2.33	0.41
1:AG:244:TYR:CD2	1:AG:244:TYR:C	2.99	0.41
1:AH:230:ILE:HG13	1:AH:231:ILE:N	2.35	0.41
1:AI:50:ILE:HD13	1:AI:50:ILE:HA	1.94	0.41
1:AI:201:LYS:HA	1:AI:208:ASP:CB	2.50	0.41
1:AI:418:VAL:O	1:AI:418:VAL:HG12	2.20	0.41
1:AJ:91:THR:O	1:AJ:95:LYS:HG3	2.20	0.41
1:AJ:119:LEU:HD23	1:AJ:119:LEU:HA	1.90	0.41
1:AJ:163:SER:OG	1:AJ:168:LYS:HD3	2.21	0.41
1:AL:6:ASN:OD1	1:AS:491:LEU:HD11	2.20	0.41
1:AN:338:SER:H	2:AN:608:P8E:C1	2.34	0.41
1:AN:389:ILE:HA	1:AN:416:ALA:HA	2.03	0.41
1:AN:470:GLU:O	1:AN:473:ILE:HG23	2.20	0.41
1:AO:106:LEU:HD13	1:AO:106:LEU:HA	1.95	0.41
1:AO:247:MET:HB2	1:AO:402:ALA:HB1	2.01	0.41
1:AP:35:GLY:C	1:AP:476:VAL:HG12	2.46	0.41
1:AP:313:ASP:OD1	1:AP:315:ARG:HG2	2.21	0.41
1:AQ:300:SER:C	1:AQ:301:LEU:HD23	2.45	0.41
1:AR:80:LYS:HG3	1:AU:461:VAL:CG1	2.49	0.41
1:AR:200:PHE:CD1	1:AR:238:LEU:HD13	2.55	0.41
1:AS:259:VAL:HA	1:AS:324:ALA:CB	2.50	0.41
1:AT:201:LYS:HB3	1:AT:201:LYS:HE2	1.75	0.41
1:AU:117:GLN:HE21	1:AU:387:ARG:CD	2.28	0.41
1:AV:328:VAL:O	1:AV:329:PHE:C	2.63	0.41
1:AX:35:GLY:C	1:AX:476:VAL:HG12	2.45	0.41
1:AX:277:LYS:HG2	1:AX:278:ASN:ND2	2.36	0.41
1:AX:384:ARG:HG2	1:AX:384:ARG:HH11	1.85	0.41
1:A1:8:ASN:HB3	1:A1:11:ALA:HB3	2.03	0.41
1:A1:297:VAL:CG1	1:A1:309:LEU:HG	2.50	0.41
1:A3:461:VAL:CG1	1:AL:80:LYS:HG3	2.51	0.41
1:A4:218:THR:O	1:A4:315:ARG:HD3	2.21	0.41
1:A4:392:ALA:HB2	1:A4:411:SER:O	2.20	0.41
1:A4:421:LEU:O	1:A4:424:ALA:HB3	2.20	0.41
1:A4:449:GLN:NE2	1:AT:42:ALA:HB2	2.36	0.41
1:A6:313:ASP:OD1	1:A6:315:ARG:HG2	2.21	0.41
1:A7:153:SER:HB3	1:AP:429:ASP:OD2	2.21	0.41
1:A7:249:THR:HB	1:A7:308:ASN:OD1	2.20	0.41
1:A8:38:ILE:HD12	1:A8:474:ARG:HA	2.02	0.41
1:A8:224:ILE:CG1	1:A8:244:TYR:HB2	2.42	0.41
1:A9:33:SER:O	1:AH:17:VAL:HG11	2.20	0.41
1:A9:184:MET:O	1:A9:184:MET:HE3	2.20	0.41

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A9:452:LEU:O	1:A9:455:THR:HG23	2.20	0.41
1:AB:170:GLY:HA2	1:AB:434:ALA:N	2.35	0.41
1:AB:302:ASP:CB	1:AB:308:ASN:HD21	2.29	0.41
1:AC:423:GLY:HA2	1:AC:426:ILE:HD12	2.01	0.41
1:AD:489:ASN:O	1:AD:493:GLN:HG2	2.21	0.41
1:AF:89:LEU:HA	1:AF:89:LEU:HD23	1.86	0.41
1:AF:174:MET:HE3	1:AF:398:ALA:HB2	2.02	0.41
1:AG:80:LYS:HG3	1:AP:461:VAL:CG1	2.51	0.41
1:AG:90:ASP:OD2	1:AG:90:ASP:C	2.64	0.41
1:AG:206:VAL:HG13	1:AG:207:ASN:N	2.36	0.41
1:AH:161:ILE:CG2	1:AH:445:MET:HE1	2.50	0.41
1:AH:422:LYS:HE3	1:AH:422:LYS:HA	2.03	0.41
1:AI:8:ASN:HA	1:AI:506:GLN:HE22	1.85	0.41
1:AJ:422:LYS:HA	1:AJ:422:LYS:HE3	2.02	0.41
1:AK:184:MET:O	1:AK:184:MET:HE3	2.20	0.41
1:AL:84:GLU:HA	1:AL:84:GLU:OE2	2.20	0.41
1:AL:161:ILE:HG12	1:AL:445:MET:SD	2.61	0.41
1:AL:258:THR:CG2	1:AL:274:ASP:H	2.34	0.41
1:AL:335:ALA:HA	2:AL:606:P8E:O8	2.20	0.41
1:AL:438:LEU:HD23	1:AL:438:LEU:HA	1.87	0.41
1:AL:450:MET:HE1	1:AP:115:ASP:OD1	2.21	0.41
1:AM:153:SER:O	1:AM:154:ASN:HB2	2.20	0.41
1:AM:214:VAL:HG11	1:AM:227:LEU:HA	2.02	0.41
1:AM:300:SER:C	1:AM:301:LEU:HD23	2.45	0.41
1:AN:261:GLU:OE2	1:AN:322:ALA:HB2	2.21	0.41
1:AN:390:PHE:CE2	1:AN:417:GLY:HA2	2.56	0.41
1:AO:264:ILE:CD1	1:AO:295:THR:HG21	2.51	0.41
1:AO:422:LYS:HE3	1:AO:422:LYS:CA	2.51	0.41
1:AO:448:VAL:O	1:AO:452:LEU:HG	2.21	0.41
1:AR:41:ALA:HA	1:AR:48:MET:CE	2.50	0.41
1:AR:262:LEU:HD11	1:AR:319:VAL:HG23	2.02	0.41
1:AR:300:SER:O	1:AR:301:LEU:HD23	2.21	0.41
1:AU:90:ASP:OD2	1:AU:90:ASP:C	2.64	0.41
1:AU:201:LYS:HE2	1:AU:201:LYS:HB3	1.74	0.41
1:AU:491:LEU:HD23	1:AU:491:LEU:HA	1.87	0.41
1:AU:511:ARG:HH12	1:AU:512:LEU:CD1	2.24	0.41
1:AV:61:LEU:HB3	1:AV:463:GLN:HB2	2.02	0.41
1:AW:188:ALA:HB2	2:AW:606:P8E:O1B	2.20	0.41
1:AX:138:LEU:N	1:AX:138:LEU:HD23	2.36	0.41
1:A1:214:VAL:HG11	1:A1:227:LEU:CB	2.51	0.41
1:A1:502:ALA:HA	1:A1:505:VAL:HG12	2.03	0.41

*Continued on next page...*



*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A2:201:LYS:HE2	1:A2:201:LYS:HB3	1.74	0.41
1:A2:278:ASN:CG	1:AM:212:GLU:HG3	2.46	0.41
1:A3:60:ASN:N	1:A3:60:ASN:HD22	2.17	0.41
1:A4:418:VAL:HG22	1:A4:427:VAL:HG21	2.01	0.41
1:A4:473:ILE:HD12	1:A4:473:ILE:O	2.20	0.41
1:A5:29:LEU:HD23	1:A5:29:LEU:HA	1.87	0.41
1:A6:157:VAL:HG22	1:A6:451:GLU:OE2	2.20	0.41
1:A6:259:VAL:HB	1:A6:272:VAL:HG22	2.02	0.41
1:A6:395:ALA:HB1	1:A6:410:ASN:OD1	2.20	0.41
1:A6:470:GLU:O	1:A6:473:ILE:HG23	2.21	0.41
1:A7:258:THR:CG2	1:A7:274:ASP:H	2.34	0.41
1:A8:212:GLU:OE1	1:A8:212:GLU:CA	2.69	0.41
1:A8:260:ARG:HH12	1:A8:323:SER:HB2	1.84	0.41
1:A9:29:LEU:HD21	1:A9:485:PHE:CE1	2.55	0.41
1:A9:211:ILE:CG2	1:A9:212:GLU:N	2.84	0.41
1:AB:173:ARG:HD2	1:AB:357:ASP:HA	2.02	0.41
1:AB:261:GLU:OE2	1:AB:322:ALA:HB2	2.21	0.41
1:AB:352:ARG:HB3	1:AB:358:ILE:HD11	2.01	0.41
1:AB:421:LEU:O	1:AB:424:ALA:HB3	2.21	0.41
1:AB:422:LYS:HE3	1:AB:422:LYS:CA	2.49	0.41
1:AC:48:MET:HE1	1:AR:442:ARG:HB3	2.03	0.41
1:AC:167:ASP:HA	1:AC:384:ARG:CB	2.44	0.41
1:AC:214:VAL:CG1	1:AC:227:LEU:HD13	2.51	0.41
1:AC:319:VAL:O	1:AC:319:VAL:HG13	2.21	0.41
1:AC:368:VAL:O	1:AC:368:VAL:HG22	2.21	0.41
1:AC:371:HIS:HB3	1:AC:374:GLN:CG	2.34	0.41
1:AD:167:ASP:CA	1:AD:384:ARG:HB2	2.48	0.41
1:AD:423:GLY:O	1:AD:427:VAL:HG23	2.20	0.41
1:AE:422:LYS:HE3	1:AE:422:LYS:CA	2.51	0.41
1:AF:478:PHE:HE2	1:AS:5:ILE:HG21	1.86	0.41
1:AH:122:GLU:CG	1:AI:451:GLU:HG3	2.48	0.41
1:AI:238:LEU:HD23	1:AI:238:LEU:HA	1.74	0.41
1:AI:426:ILE:HG22	1:AI:430:MET:SD	2.60	0.41
1:AJ:458:ASN:HB2	1:AU:84:GLU:HG3	2.03	0.41
1:AJ:502:ALA:HA	1:AJ:505:VAL:HG12	2.03	0.41
1:AK:461:VAL:CG1	1:AN:80:LYS:HG3	2.50	0.41
1:AK:495:GLY:C	1:AK:499:MET:HE3	2.45	0.41
1:AL:190:ALA:O	1:AL:193:LEU:HG	2.20	0.41
1:AN:74:MET:HG2	1:AN:137:MET:CE	2.51	0.41
1:AN:83:ASP:HB2	1:AN:442:ARG:CZ	2.51	0.41
1:AP:8:ASN:CA	1:AP:506:GLN:HE22	2.34	0.41

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AP:212:GLU:OE1	1:AP:212:GLU:CA	2.69	0.41
1:AR:89:LEU:HA	1:AR:89:LEU:HD23	1.88	0.41
1:AT:82:MET:HE1	1:AT:442:ARG:N	2.35	0.41
1:AT:259:VAL:O	1:AT:271:THR:HG23	2.20	0.41
1:AT:502:ALA:HA	1:AT:505:VAL:HG12	2.03	0.41
1:AU:513:LEU:O	1:AU:514:GLN:HB3	2.21	0.41
1:AV:93:LYS:O	1:AV:97:VAL:HG23	2.21	0.41
1:AV:313:ASP:OD1	1:AV:315:ARG:HG2	2.21	0.41
1:AW:120:LEU:CD2	1:AW:166:SER:HB2	2.51	0.41
1:AW:422:LYS:HE3	1:AW:422:LYS:CA	2.51	0.41
1:AX:198:LEU:HD22	1:AX:227:LEU:HD11	2.02	0.41
1:A1:188:ALA:HB2	2:A1:606:P8E:O1B	2.20	0.41
1:A1:249:THR:HB	1:A1:308:ASN:OD1	2.20	0.41
1:A1:286:ASN:OD1	1:A1:286:ASN:C	2.64	0.41
1:A1:319:VAL:H	1:A1:342:HIS:HD2	1.69	0.41
1:A1:458:ASN:HD22	1:AB:126:ILE:CG1	2.34	0.41
1:A2:188:ALA:HB2	2:A2:606:P8E:O1B	2.20	0.41
1:A2:429:ASP:OD1	1:AR:153:SER:HB3	2.21	0.41
1:A3:65:ILE:HG12	1:A3:459:ILE:CD1	2.51	0.41
1:A3:471:SER:O	1:A3:475:ASP:HB2	2.21	0.41
1:A4:122:GLU:CG	1:AF:451:GLU:HG3	2.51	0.41
1:A4:283:ARG:HG3	1:A4:284:LEU:N	2.35	0.41
1:A4:502:ALA:HA	1:A4:505:VAL:HG12	2.01	0.41
1:A5:188:ALA:HB2	2:A5:606:P8E:O1B	2.20	0.41
1:A5:262:LEU:HD12	1:A5:263:THR:N	2.36	0.41
1:A5:489:ASN:O	1:A5:493:GLN:HG2	2.20	0.41
1:A5:490:ILE:HG22	1:AE:510:LEU:HD12	2.01	0.41
1:A6:90:ASP:OD2	1:A6:90:ASP:C	2.64	0.41
1:A6:247:MET:HE3	1:A6:310:HIS:ND1	2.35	0.41
1:A6:422:LYS:HE3	1:A6:422:LYS:CA	2.48	0.41
1:A7:60:ASN:HD21	1:AP:93:LYS:CD	2.33	0.41
1:A7:79:ASP:HA	1:A7:82:MET:HE3	2.03	0.41
1:A7:123:LEU:HD23	1:A7:123:LEU:C	2.45	0.41
1:A7:249:THR:HG21	1:A7:405:ALA:HB3	2.02	0.41
1:A7:300:SER:C	1:A7:301:LEU:HD23	2.46	0.41
1:A7:370:PHE:CA	1:A7:376:VAL:HG11	2.48	0.41
1:A7:418:VAL:HG22	1:A7:427:VAL:HG21	2.03	0.41
1:A8:41:ALA:CB	1:AN:446:GLY:HA3	2.50	0.41
1:A8:133:ASN:ND2	1:AN:105:THR:HG23	2.36	0.41
1:A8:422:LYS:C	1:A8:426:ILE:HD12	2.43	0.41
1:A8:507:GLN:HA	1:AK:490:ILE:CD1	2.51	0.41

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A9:80:LYS:CB	1:AH:461:VAL:HG11	2.48	0.41
1:AA:89:LEU:HA	1:AA:89:LEU:HD23	1.84	0.41
1:AA:184:MET:HA	1:AA:192:ASN:ND2	2.20	0.41
1:AA:201:LYS:HE2	1:AA:201:LYS:HB3	1.74	0.41
1:AA:229:GLU:O	1:AA:233:ARG:HG3	2.21	0.41
1:AA:259:VAL:HA	1:AA:324:ALA:HB1	2.02	0.41
1:AA:261:GLU:OE2	1:AA:322:ALA:HB2	2.21	0.41
1:AA:263:THR:HG21	1:AA:268:GLU:HG3	2.03	0.41
1:AA:352:ARG:HD2	1:AA:356:ARG:O	2.21	0.41
1:AA:384:ARG:HG2	1:AA:384:ARG:HH11	1.86	0.41
1:AA:384:ARG:HD2	1:AA:387:ARG:NH2	2.35	0.41
1:AA:422:LYS:HA	1:AA:422:LYS:HE3	2.03	0.41
1:AA:422:LYS:HE3	1:AA:422:LYS:HB3	1.85	0.41
1:AB:93:LYS:CE	1:AH:60:ASN:HD21	2.30	0.41
1:AB:106:LEU:HD13	1:AB:106:LEU:HA	1.91	0.41
1:AB:214:VAL:HG11	1:AB:227:LEU:HA	2.03	0.41
1:AB:214:VAL:CG1	1:AB:227:LEU:HD13	2.51	0.41
1:AB:247:MET:HE2	1:AB:310:HIS:ND1	2.36	0.41
1:AB:382:ASN:C	1:AB:430:MET:HE3	2.46	0.41
1:AC:91:THR:O	1:AC:95:LYS:HG3	2.21	0.41
1:AC:163:SER:OG	1:AC:168:LYS:HD3	2.21	0.41
1:AC:259:VAL:HA	1:AC:324:ALA:HB1	2.01	0.41
1:AC:291:VAL:HG23	1:AC:295:THR:HG23	1.99	0.41
1:AD:196:VAL:O	1:AD:196:VAL:HG23	2.20	0.41
1:AF:93:LYS:CE	1:AS:60:ASN:HD21	2.33	0.41
1:AF:428:MET:HE2	1:AF:428:MET:HB2	1.89	0.41
1:AG:8:ASN:CA	1:AG:506:GLN:HE22	2.34	0.41
1:AG:50:ILE:HD13	1:AG:50:ILE:HA	1.94	0.41
1:AG:106:LEU:HD13	1:AG:106:LEU:HA	1.93	0.41
1:AG:175:GLU:HA	1:AG:377:ALA:O	2.21	0.41
1:AG:203:VAL:HG23	1:AG:204:ASN:N	2.36	0.41
1:AG:234:PHE:CE2	1:AM:303:ILE:HD12	2.55	0.41
1:AG:235:SER:HB2	1:AG:240:VAL:O	2.21	0.41
1:AG:269:ILE:O	1:AJ:356:ARG:HD2	2.21	0.41
1:AG:283:ARG:HG3	1:AG:284:LEU:N	2.35	0.41
1:AG:468:ALA:HA	1:AJ:9:ILE:CD1	2.47	0.41
1:AG:513:LEU:O	1:AG:514:GLN:HB3	2.21	0.41
1:AH:8:ASN:CA	1:AH:506:GLN:HE22	2.34	0.41
1:AH:117:GLN:C	1:AH:117:GLN:OE1	2.63	0.41
1:AH:297:VAL:CG1	1:AH:309:LEU:HG	2.51	0.41
1:AH:325:SER:O	1:AH:329:PHE:O	2.39	0.41

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AI:74:MET:HB3	1:AI:137:MET:HE1	2.03	0.41
1:AI:86:ILE:HD13	1:AI:439:ASP:OD1	2.21	0.41
1:AI:438:LEU:HD23	1:AI:438:LEU:HA	1.87	0.41
1:AI:448:VAL:O	1:AI:452:LEU:HG	2.20	0.41
1:AJ:4:ARG:H	1:AJ:4:ARG:HD2	1.85	0.41
1:AJ:337:ILE:HG22	1:AJ:342:HIS:CD2	2.56	0.41
1:AJ:422:LYS:C	1:AJ:426:ILE:HD12	2.43	0.41
1:AK:89:LEU:HA	1:AK:89:LEU:HD23	1.86	0.41
1:AK:262:LEU:CD1	1:AK:319:VAL:HG23	2.51	0.41
1:AK:501:GLN:HG3	1:AN:485:PHE:CZ	2.56	0.41
1:AL:17:VAL:HG21	1:AP:33:SER:HB2	2.02	0.41
1:AL:50:ILE:HD13	1:AL:50:ILE:HA	1.84	0.41
1:AL:174:MET:HE3	1:AL:398:ALA:CA	2.51	0.41
1:AL:201:LYS:HA	1:AL:208:ASP:CB	2.50	0.41
1:AL:283:ARG:HG3	1:AL:284:LEU:N	2.35	0.41
1:AM:188:ALA:HB2	2:AM:606:P8E:O1B	2.21	0.41
1:AN:201:LYS:O	1:AN:359:ILE:HD11	2.20	0.41
1:AN:352:ARG:HD2	1:AN:356:ARG:O	2.21	0.41
1:AN:382:ASN:O	1:AN:430:MET:HE1	2.21	0.41
1:AN:438:LEU:HD23	1:AN:438:LEU:HA	1.86	0.41
1:AN:486:SER:O	1:AN:490:ILE:HG12	2.21	0.41
1:AO:137:MET:C	1:AO:138:LEU:HD23	2.46	0.41
1:AO:389:ILE:HA	1:AO:416:ALA:HA	2.03	0.41
1:AP:5:ILE:HD11	1:AP:506:GLN:HG2	2.03	0.41
1:AP:48:MET:HE3	1:AP:48:MET:HB3	1.85	0.41
1:AP:184:MET:SD	1:AP:345:ILE:HD11	2.61	0.41
1:AP:249:THR:HB	1:AP:308:ASN:OD1	2.21	0.41
1:AP:259:VAL:HG13	1:AP:324:ALA:CB	2.51	0.41
1:AP:335:ALA:HA	2:AP:606:P8E:O8	2.21	0.41
1:AP:418:VAL:HG12	1:AP:418:VAL:O	2.21	0.41
1:AP:511:ARG:HG3	1:AP:512:LEU:N	2.35	0.41
1:AQ:173:ARG:HD2	1:AQ:357:ASP:HA	2.01	0.41
1:AQ:259:VAL:HG13	1:AQ:324:ALA:HB3	2.02	0.41
1:AQ:371:HIS:CB	1:AQ:374:GLN:HG3	2.34	0.41
1:AS:186:ALA:C	1:AS:188:ALA:H	2.28	0.41
1:AS:212:GLU:OE1	1:AS:212:GLU:CA	2.69	0.41
1:AS:227:LEU:O	1:AS:231:ILE:HG13	2.21	0.41
1:AT:8:ASN:HA	1:AT:506:GLN:HE22	1.86	0.41
1:AT:450:MET:HE2	1:AT:450:MET:HB2	1.94	0.41
1:AT:491:LEU:HD23	1:AT:491:LEU:HA	1.90	0.41
1:AU:74:MET:HG3	1:AU:132:PHE:CG	2.56	0.41

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AU:247:MET:HB3	1:AU:247:MET:HE2	1.81	0.41
1:AU:406:GLN:O	1:AU:409:THR:HG23	2.21	0.41
1:AU:422:LYS:HE3	1:AU:422:LYS:CA	2.51	0.41
1:AV:157:VAL:HG11	1:AV:452:LEU:CD2	2.51	0.41
1:AV:232:ASN:HA	1:AV:235:SER:HB3	2.03	0.41
1:AV:283:ARG:HG3	1:AV:284:LEU:N	2.36	0.41
1:AV:362:GLY:O	1:AV:365:PHE:HB3	2.21	0.41
1:AV:438:LEU:HD23	1:AV:438:LEU:HA	1.88	0.41
1:AW:5:ILE:CD1	1:AW:506:GLN:HG2	2.50	0.41
1:AW:263:THR:HG22	1:AW:268:GLU:HG3	2.02	0.41
1:AW:502:ALA:HA	1:AW:505:VAL:HG12	2.02	0.41
1:A1:99:ALA:HB3	1:A1:418:VAL:HG11	2.03	0.41
1:A1:300:SER:C	1:A1:301:LEU:HD23	2.45	0.41
1:A1:313:ASP:OD1	1:A1:315:ARG:HG2	2.21	0.41
1:A2:371:HIS:CB	1:A2:374:GLN:HG3	2.30	0.41
1:A3:249:THR:HB	1:A3:308:ASN:OD1	2.20	0.41
1:A5:84:GLU:O	1:A5:88:ILE:HG13	2.21	0.41
1:A5:89:LEU:HA	1:A5:89:LEU:HD23	1.87	0.41
1:A7:186:ALA:HB3	1:A7:334:PHE:O	2.21	0.41
1:A7:246:VAL:HB	1:A7:311:SER:HB3	2.02	0.41
1:A7:454:THR:CG2	1:AJ:88:ILE:HD11	2.41	0.41
1:A8:247:MET:HB2	1:A8:402:ALA:HB1	2.03	0.41
1:A9:285:THR:HG23	1:A9:299:ALA:CB	2.51	0.41
1:A9:489:ASN:O	1:A9:493:GLN:HG2	2.21	0.41
1:AA:36:LEU:HD21	1:AN:6:ASN:ND2	2.35	0.41
1:AA:65:ILE:CG1	1:AA:459:ILE:HD11	2.51	0.41
1:AB:179:PHE:HB2	1:AB:347:ARG:HG2	2.02	0.41
1:AB:248:ALA:HA	1:AB:334:PHE:HE2	1.83	0.41
1:AC:254:VAL:HG23	1:AC:254:VAL:O	2.21	0.41
1:AE:4:ARG:HG2	1:AK:475:ASP:HB2	2.03	0.41
1:AE:89:LEU:HA	1:AE:89:LEU:HD23	1.84	0.41
1:AG:122:GLU:OE2	1:AP:455:THR:N	2.54	0.41
1:AG:433:SER:O	1:AG:437:GLN:HG3	2.21	0.41
1:AG:490:ILE:HD11	1:AU:507:GLN:HB2	2.03	0.41
1:AH:14:SER:HB2	1:AH:499:MET:HG2	2.03	0.41
1:AI:122:GLU:OE2	1:AO:455:THR:N	2.54	0.41
1:AI:196:VAL:O	1:AI:196:VAL:HG23	2.20	0.41
1:AJ:279:ASP:CG	1:AJ:282:GLY:HA2	2.46	0.41
1:AK:214:VAL:CG1	1:AK:227:LEU:HD13	2.51	0.41
1:AK:251:GLY:H	1:AK:333:ASN:H	1.69	0.41
1:AL:201:LYS:HE2	1:AL:201:LYS:HB3	1.74	0.41

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AL:212:GLU:OE1	1:AL:234:PHE:HE2	2.04	0.41
1:AL:284:LEU:O	1:AL:284:LEU:HD12	2.21	0.41
1:AN:65:ILE:HG13	1:AN:459:ILE:HD11	2.03	0.41
1:AN:251:GLY:H	1:AN:333:ASN:H	1.68	0.41
1:AO:471:SER:O	1:AO:475:ASP:HB2	2.21	0.41
1:AP:262:LEU:HD11	1:AP:319:VAL:HG23	2.02	0.41
1:AQ:284:LEU:O	1:AQ:284:LEU:HD12	2.21	0.41
1:AR:249:THR:HB	1:AR:308:ASN:OD1	2.21	0.41
1:AU:371:HIS:CB	1:AU:374:GLN:HG3	2.38	0.41
1:AV:89:LEU:HA	1:AV:89:LEU:HD23	1.85	0.41
1:AV:423:GLY:HA2	1:AV:426:ILE:CD1	2.50	0.41
1:AW:459:ILE:CA	1:AW:462:THR:HG22	2.49	0.41
1:AX:224:ILE:HD13	1:AX:345:ILE:O	2.20	0.41
1:AX:313:ASP:OD1	1:AX:315:ARG:HG2	2.21	0.41
1:A1:211:ILE:CG2	1:A1:212:GLU:N	2.84	0.40
1:A1:461:VAL:HG11	1:AB:80:LYS:CB	2.49	0.40
1:A2:33:SER:C	1:AM:17:VAL:HG11	2.46	0.40
1:A2:438:LEU:HD23	1:A2:438:LEU:HA	1.86	0.40
1:A3:192:ASN:HA	1:A3:367:HIS:CE1	2.56	0.40
1:A3:313:ASP:OD1	1:A3:315:ARG:HG2	2.21	0.40
1:A4:173:ARG:HD2	1:A4:357:ASP:HA	2.03	0.40
1:A4:174:MET:O	1:A4:378:GLU:HA	2.20	0.40
1:A4:201:LYS:HD3	2:A4:602:P8E:O1A	2.21	0.40
1:A4:430:MET:HE2	1:A4:430:MET:HB3	1.89	0.40
1:A5:512:LEU:CD2	1:AK:496:SER:OG	2.69	0.40
1:A6:80:LYS:HG3	1:AT:461:VAL:CG1	2.51	0.40
1:A6:133:ASN:HD21	1:AT:50:ILE:HD11	1.86	0.40
1:A9:328:VAL:C	1:A9:329:PHE:CD1	3.00	0.40
1:AA:174:MET:O	1:AA:378:GLU:HA	2.21	0.40
1:AA:227:LEU:O	1:AA:230:ILE:HG12	2.20	0.40
1:AA:260:ARG:HA	1:AA:271:THR:OG1	2.21	0.40
1:AA:421:LEU:HD12	1:AA:421:LEU:C	2.46	0.40
1:AB:198:LEU:HD22	1:AB:227:LEU:HD11	2.03	0.40
1:AC:50:ILE:HD11	1:AO:133:ASN:HD21	1.86	0.40
1:AC:104:GLN:HB3	1:AC:108:SER:HG	1.87	0.40
1:AC:154:ASN:HA	1:AR:425:MET:CE	2.51	0.40
1:AC:297:VAL:CG1	1:AC:309:LEU:HG	2.51	0.40
1:AD:91:THR:O	1:AD:95:LYS:HG3	2.21	0.40
1:AD:174:MET:HE3	1:AD:174:MET:HB2	1.88	0.40
1:AD:250:GLY:O	1:AD:306:ARG:HD2	2.20	0.40
1:AD:297:VAL:CG1	1:AD:309:LEU:HG	2.50	0.40

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AE:48:MET:CE	1:AK:442:ARG:HG2	2.51	0.40
1:AE:100:ALA:HB2	1:AE:424:ALA:CB	2.49	0.40
1:AE:456:ILE:HD13	1:AE:456:ILE:HA	1.85	0.40
1:AF:371:HIS:CB	1:AF:374:GLN:HG3	2.34	0.40
1:AG:319:VAL:HG12	1:AG:342:HIS:HD2	1.83	0.40
1:AH:173:ARG:HD2	1:AH:357:ASP:HA	2.00	0.40
1:AI:285:THR:HG23	1:AI:299:ALA:CB	2.51	0.40
1:AJ:146:GLU:HB3	1:AJ:158:LYS:HD3	2.03	0.40
1:AK:61:LEU:HD12	1:AK:463:GLN:HA	2.03	0.40
1:AK:86:ILE:HD13	1:AK:439:ASP:OD1	2.20	0.40
1:AK:117:GLN:HE22	1:AK:387:ARG:CD	2.26	0.40
1:AK:406:GLN:O	1:AK:409:THR:HG23	2.22	0.40
1:AL:5:ILE:CG2	1:AT:478:PHE:HE2	2.34	0.40
1:AL:224:ILE:HG13	1:AL:244:TYR:HB2	2.02	0.40
1:AM:79:ASP:HA	1:AM:82:MET:HE3	2.02	0.40
1:AM:293:ASP:OD1	1:AM:294:ARG:HG2	2.21	0.40
1:AM:480:GLU:HB2	1:AR:15:HIS:CE1	2.56	0.40
1:AN:186:ALA:C	1:AN:188:ALA:H	2.28	0.40
1:AO:4:ARG:HG2	1:AQ:475:ASP:HB2	2.02	0.40
1:AP:89:LEU:HA	1:AP:89:LEU:HD23	1.86	0.40
1:AQ:61:LEU:CD2	1:AQ:151:ALA:HB2	2.51	0.40
1:AQ:192:ASN:HA	1:AQ:367:HIS:CE1	2.56	0.40
1:AQ:300:SER:O	1:AQ:301:LEU:HD23	2.21	0.40
1:AR:157:VAL:HG23	1:AR:451:GLU:OE2	2.21	0.40
1:AS:4:ARG:N	1:AS:4:ARG:HD2	2.37	0.40
1:AS:329:PHE:CG	1:AS:330:GLY:N	2.87	0.40
1:AS:455:THR:N	1:AT:122:GLU:OE2	2.54	0.40
1:AS:461:VAL:HG11	1:AT:80:LYS:CB	2.45	0.40
1:AT:35:GLY:C	1:AT:476:VAL:HG12	2.46	0.40
1:AT:146:GLU:HG3	1:AT:156:THR:HG21	2.02	0.40
1:AU:146:GLU:CB	1:AU:158:LYS:HD3	2.50	0.40
1:AV:167:ASP:HB3	1:AV:384:ARG:NH1	2.36	0.40
1:AV:376:VAL:HG23	1:AV:378:GLU:HG3	2.02	0.40
1:AW:227:LEU:O	1:AW:230:ILE:HG12	2.20	0.40
1:AW:249:THR:HB	1:AW:308:ASN:OD1	2.21	0.40
1:AW:392:ALA:HB2	1:AW:411:SER:O	2.21	0.40
1:AW:463:GLN:O	1:AW:466:VAL:HG22	2.21	0.40
1:AX:4:ARG:HG2	1:AX:4:ARG:NH1	2.35	0.40
1:AX:4:ARG:N	1:AX:4:ARG:HD3	2.37	0.40
1:AX:227:LEU:O	1:AX:231:ILE:HG13	2.21	0.40
1:A1:89:LEU:HA	1:A1:89:LEU:HD23	1.84	0.40

*Continued on next page...*



*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A1:93:LYS:HG2	1:A1:60:ASN:ND2	2.23	0.40
1:A1:174:MET:O	1:A1:378:GLU:HA	2.21	0.40
1:A1:283:ARG:HG3	1:A1:284:LEU:N	2.35	0.40
1:A1:352:ARG:HD2	1:A1:356:ARG:O	2.20	0.40
1:A2:82:MET:CE	1:A2:438:LEU:HD22	2.52	0.40
1:A2:253:PRO:HB3	1:AM:212:GLU:OE2	2.21	0.40
1:A2:283:ARG:HG3	1:A2:284:LEU:N	2.35	0.40
1:A2:418:VAL:O	1:A2:418:VAL:HG12	2.20	0.40
1:A3:5:ILE:CD1	1:A3:510:LEU:HD21	2.51	0.40
1:A4:142:PHE:CZ	1:A4:145:LYS:HG3	2.56	0.40
1:A4:259:VAL:HA	1:A4:324:ALA:HB1	2.02	0.40
1:A4:395:ALA:CB	1:A4:414:ILE:HG23	2.52	0.40
1:A4:438:LEU:HA	1:A4:438:LEU:HD23	1.88	0.40
1:A5:235:SER:HB2	1:A5:240:VAL:O	2.21	0.40
1:A6:142:PHE:CZ	1:A6:145:LYS:HG3	2.57	0.40
1:A6:192:ASN:HA	1:A6:367:HIS:CE1	2.56	0.40
1:A6:477:ASP:HB2	1:AP:4:ARG:HH12	1.86	0.40
1:A7:20:GLN:O	1:A7:24:ASP:OD1	2.39	0.40
1:A7:155:THR:CG2	1:AJ:129:THR:HG21	2.51	0.40
1:A8:471:SER:O	1:A8:475:ASP:HB2	2.21	0.40
1:A9:89:LEU:HA	1:A9:89:LEU:HD23	1.83	0.40
1:A9:227:LEU:O	1:A9:230:ILE:HG12	2.21	0.40
1:AA:106:LEU:HD13	1:AA:106:LEU:HA	1.91	0.40
1:AA:112:LEU:HG	1:AK:46:SER:HB2	2.02	0.40
1:AA:429:ASP:OD1	1:AN:153:SER:HB2	2.21	0.40
1:AA:437:GLN:O	1:AA:441:ILE:HG13	2.21	0.40
1:AA:484:ASN:OD1	1:AA:488:TYR:HE2	2.05	0.40
1:AB:108:SER:O	1:AB:112:LEU:CD1	2.70	0.40
1:AB:392:ALA:HB2	1:AB:411:SER:O	2.22	0.40
1:AB:479:ALA:HB3	1:AH:3:PHE:CD2	2.57	0.40
1:AC:80:LYS:HG3	1:AX:461:VAL:CG1	2.51	0.40
1:AC:284:LEU:O	1:AC:284:LEU:HD12	2.21	0.40
1:AD:41:ALA:HB2	1:AD:48:MET:HE2	2.02	0.40
1:AD:74:MET:HB3	1:AD:137:MET:HE1	2.03	0.40
1:AD:196:VAL:O	1:AD:213:THR:HA	2.21	0.40
1:AD:348:LEU:HG	1:AD:349:THR:N	2.36	0.40
1:AD:352:ARG:HH22	1:AD:356:ARG:NE	2.19	0.40
1:AE:20:GLN:O	1:AE:24:ASP:OD1	2.39	0.40
1:AE:189:ALA:HA	1:AE:192:ASN:ND2	2.36	0.40
1:AE:246:VAL:HB	1:AE:311:SER:HB3	2.03	0.40
1:AE:248:ALA:HB2	1:AE:344:VAL:HG21	2.03	0.40

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AF:300:SER:C	1:AF:301:LEU:HD23	2.46	0.40
1:AF:418:VAL:HG12	1:AF:418:VAL:O	2.21	0.40
1:AF:446:GLY:HA3	1:AS:41:ALA:CB	2.51	0.40
1:AG:115:ASP:OD1	1:AP:450:MET:HE1	2.21	0.40
1:AG:487:LYS:HE3	1:AU:6:ASN:O	2.21	0.40
1:AJ:82:MET:HG3	1:AJ:138:LEU:CD1	2.51	0.40
1:AJ:116:ILE:HD12	1:AJ:418:VAL:HG21	2.03	0.40
1:AJ:389:ILE:HG13	1:AJ:415:GLY:C	2.46	0.40
1:AJ:454:THR:HG21	1:AU:88:ILE:CD1	2.51	0.40
1:AK:186:ALA:C	1:AK:188:ALA:H	2.28	0.40
1:AK:284:LEU:O	1:AK:284:LEU:HD12	2.20	0.40
1:AL:60:ASN:HD21	1:AT:93:LYS:CD	2.34	0.40
1:AL:195:GLU:CD	1:AL:215:ARG:HG2	2.47	0.40
1:AL:471:SER:O	1:AL:475:ASP:HB2	2.21	0.40
1:AM:234:PHE:CB	1:AM:238:LEU:HD11	2.49	0.40
1:AN:89:LEU:HA	1:AN:89:LEU:HD23	1.86	0.40
1:AN:177:SER:HA	1:AN:369:GLY:O	2.20	0.40
1:AO:84:GLU:O	1:AO:88:ILE:HG13	2.22	0.40
1:AO:230:ILE:HG13	1:AO:231:ILE:N	2.37	0.40
1:AP:284:LEU:O	1:AP:284:LEU:HD12	2.21	0.40
1:AP:450:MET:HE2	1:AP:450:MET:HB2	1.89	0.40
1:AQ:89:LEU:HA	1:AQ:89:LEU:HD23	1.86	0.40
1:AT:170:GLY:HA2	1:AT:434:ALA:N	2.36	0.40
1:AT:179:PHE:HD1	1:AT:184:MET:CE	2.28	0.40
1:AT:186:ALA:C	1:AT:188:ALA:H	2.29	0.40
1:AT:458:ASN:OD1	1:AT:458:ASN:C	2.64	0.40
1:AU:32:LEU:HD22	1:AU:478:PHE:HE1	1.85	0.40
1:AU:196:VAL:HG12	1:AU:364:ASN:HB3	2.03	0.40
1:AU:268:GLU:HB3	1:AX:202:GLN:HG2	2.03	0.40
1:AV:108:SER:O	1:AV:112:LEU:CD1	2.69	0.40
1:AV:384:ARG:HD2	1:AV:387:ARG:NH2	2.36	0.40
1:AV:430:MET:HE3	1:AV:430:MET:HB3	1.90	0.40
1:AV:463:GLN:HA	1:AV:466:VAL:CG2	2.51	0.40
1:AV:491:LEU:HD23	1:AV:491:LEU:HA	1.92	0.40
1:AW:39:ASN:N	1:AW:39:ASN:HD22	2.20	0.40
1:A1:234:PHE:HE2	1:AB:303:ILE:O	2.04	0.40
1:A1:284:LEU:O	1:A1:284:LEU:HD12	2.20	0.40
1:A2:446:GLY:CA	1:AR:41:ALA:HB3	2.52	0.40
1:A3:5:ILE:HD12	1:AS:478:PHE:CD2	2.56	0.40
1:A3:41:ALA:CB	1:AS:446:GLY:HA3	2.50	0.40
1:A3:294:ARG:HD3	1:A3:294:ARG:HA	1.95	0.40

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A5:76:GLN:HG2	1:A5:449:GLN:OE1	2.21	0.40
1:A5:366:SER:HB2	1:A5:374:GLN:OE1	2.22	0.40
1:A5:511:ARG:NH2	1:A5:512:LEU:HD13	2.36	0.40
1:A7:116:ILE:HD12	1:A7:418:VAL:HG21	2.02	0.40
1:A7:463:GLN:O	1:A7:466:VAL:HG22	2.21	0.40
1:A8:91:THR:O	1:A8:95:LYS:HG3	2.22	0.40
1:A8:146:GLU:HG3	1:A8:156:THR:OG1	2.22	0.40
1:A8:418:VAL:HG12	1:A8:418:VAL:O	2.22	0.40
1:A9:15:HIS:HA	1:A9:499:MET:HE3	2.04	0.40
1:A9:99:ALA:HB3	1:A9:418:VAL:HG11	2.01	0.40
1:A9:214:VAL:HG11	1:A9:227:LEU:CB	2.50	0.40
1:A9:251:GLY:H	1:A9:333:ASN:H	1.69	0.40
1:AA:161:ILE:CG1	1:AA:445:MET:HE2	2.51	0.40
1:AA:192:ASN:HA	1:AA:367:HIS:CE1	2.57	0.40
1:AB:406:GLN:O	1:AB:409:THR:HG23	2.22	0.40
1:AB:410:ASN:HD21	1:AB:414:ILE:HG22	1.86	0.40
1:AC:292:LYS:HE3	1:AC:292:LYS:HB3	1.84	0.40
1:AC:461:VAL:CG1	1:AO:80:LYS:HB3	2.48	0.40
1:AD:29:LEU:HD23	1:AD:29:LEU:HA	1.84	0.40
1:AD:163:SER:OG	1:AD:168:LYS:HD3	2.20	0.40
1:AD:491:LEU:HD23	1:AD:491:LEU:HA	1.91	0.40
1:AE:184:MET:SD	1:AE:345:ILE:HD11	2.61	0.40
1:AF:91:THR:O	1:AF:95:LYS:HG3	2.21	0.40
1:AF:174:MET:HE2	1:AF:174:MET:HB2	1.87	0.40
1:AF:214:VAL:CG1	1:AF:227:LEU:HD13	2.50	0.40
1:AG:313:ASP:OD1	1:AG:315:ARG:HG2	2.22	0.40
1:AH:78:ALA:HB2	1:AH:137:MET:HE3	2.03	0.40
1:AH:470:GLU:HA	1:AH:473:ILE:HG22	2.04	0.40
1:AI:259:VAL:HA	1:AI:324:ALA:HB2	2.03	0.40
1:AJ:4:ARG:HD2	1:AJ:4:ARG:N	2.36	0.40
1:AJ:184:MET:HE1	1:AJ:345:ILE:CD1	2.51	0.40
1:AJ:254:VAL:HG23	1:AJ:254:VAL:O	2.22	0.40
1:AJ:423:GLY:O	1:AJ:427:VAL:HG23	2.21	0.40
1:AK:300:SER:O	1:AK:301:LEU:HD23	2.21	0.40
1:AK:389:ILE:HG13	1:AK:415:GLY:C	2.47	0.40
1:AL:29:LEU:HD23	1:AL:29:LEU:HA	1.91	0.40
1:AL:91:THR:O	1:AL:95:LYS:HG3	2.21	0.40
1:AM:79:ASP:OD1	1:AM:442:ARG:NE	2.55	0.40
1:AM:184:MET:HE1	1:AM:345:ILE:CD1	2.52	0.40
1:AM:369:GLY:HA2	1:AM:374:GLN:HE22	1.85	0.40
1:AM:471:SER:OG	1:AU:7:THR:HG21	2.22	0.40

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AN:35:GLY:C	1:AN:476:VAL:HG12	2.47	0.40
1:AN:82:MET:HE1	1:AN:442:ARG:CA	2.52	0.40
1:AN:117:GLN:OE1	1:AN:117:GLN:O	2.39	0.40
1:AN:300:SER:C	1:AN:301:LEU:HD23	2.46	0.40
1:AO:41:ALA:CB	1:AQ:446:GLY:HA3	2.51	0.40
1:AO:502:ALA:O	1:AO:505:VAL:HG12	2.22	0.40
1:AP:406:GLN:O	1:AP:409:THR:HG23	2.22	0.40
1:AQ:41:ALA:CA	1:AQ:48:MET:HE1	2.52	0.40
1:AQ:42:ALA:HB2	1:AV:449:GLN:NE2	2.35	0.40
1:AQ:50:ILE:CG2	1:AQ:473:ILE:HG12	2.51	0.40
1:AQ:335:ALA:HA	2:AQ:606:P8E:O8	2.21	0.40
1:AQ:418:VAL:O	1:AQ:418:VAL:HG12	2.20	0.40
1:AR:79:ASP:OD1	1:AR:442:ARG:NE	2.55	0.40
1:AR:406:GLN:O	1:AR:409:THR:HG23	2.21	0.40
1:AS:50:ILE:HD11	1:AT:133:ASN:HD21	1.86	0.40
1:AT:406:GLN:O	1:AT:409:THR:HG23	2.21	0.40
1:AU:74:MET:HG3	1:AU:132:PHE:CD1	2.56	0.40
1:AU:338:SER:H	2:AU:608:P8E:C1	2.34	0.40
1:AU:468:ALA:HA	1:AX:9:ILE:CD1	2.46	0.40
1:AV:254:VAL:HG23	1:AV:254:VAL:O	2.22	0.40
1:AV:422:LYS:HE3	1:AV:422:LYS:HA	2.03	0.40
1:AW:376:VAL:HG23	1:AW:378:GLU:HG3	2.02	0.40
1:AW:395:ALA:CB	1:AW:414:ILE:HG23	2.51	0.40
1:AX:187:SER:HB3	1:AX:335:ALA:HB3	2.00	0.40
1:AX:438:LEU:HD23	1:AX:438:LEU:HA	1.86	0.40
1:A1:395:ALA:CB	1:A1:414:ILE:HG23	2.51	0.40
1:A3:142:PHE:CZ	1:A3:145:LYS:HG3	2.57	0.40
1:A4:490:ILE:HG23	1:A6:510:LEU:HD12	2.01	0.40
1:A5:80:LYS:HG3	1:AD:461:VAL:CG1	2.51	0.40
1:A6:214:VAL:HG11	1:A6:227:LEU:CB	2.51	0.40
1:A7:74:MET:HE3	1:A7:137:MET:CE	2.51	0.40
1:A7:92:ILE:CG2	1:A7:116:ILE:HG12	2.32	0.40
1:A7:509:VAL:HG13	1:A7:510:LEU:N	2.36	0.40
1:A9:188:ALA:HB2	2:A9:606:P8E:O1B	2.21	0.40
1:A9:281:ASP:OD1	1:A9:283:ARG:HG2	2.20	0.40
1:A9:325:SER:O	1:A9:329:PHE:O	2.40	0.40
1:A9:335:ALA:HA	2:A9:606:P8E:O8	2.21	0.40
1:A9:406:GLN:O	1:A9:409:THR:HG23	2.22	0.40
1:A9:470:GLU:O	1:A9:473:ILE:HG23	2.21	0.40
1:A9:502:ALA:HA	1:A9:505:VAL:HG12	2.02	0.40
1:AA:90:ASP:OD2	1:AA:90:ASP:C	2.64	0.40

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AA:288:ILE:HG21	1:AA:299:ALA:HB2	2.02	0.40
1:AB:89:LEU:HA	1:AB:89:LEU:HD23	1.86	0.40
1:AB:449:GLN:NE2	1:AH:42:ALA:HB2	2.33	0.40
1:AC:62:GLY:HA2	1:AC:65:ILE:HD12	2.04	0.40
1:AD:198:LEU:HD22	1:AD:227:LEU:HD11	2.03	0.40
1:AD:313:ASP:OD1	1:AD:315:ARG:HG2	2.22	0.40
1:AD:386:VAL:HG22	1:AD:427:VAL:HG22	2.02	0.40
1:AE:298:GLU:HG2	1:AE:310:HIS:HB3	2.04	0.40
1:AE:418:VAL:HG12	1:AE:418:VAL:O	2.22	0.40
1:AE:513:LEU:O	1:AE:514:GLN:HB3	2.22	0.40
1:AF:24:ASP:HB3	1:AF:488:TYR:CZ	2.55	0.40
1:AF:283:ARG:HG3	1:AF:284:LEU:N	2.36	0.40
1:AF:352:ARG:HD2	1:AF:356:ARG:O	2.21	0.40
1:AF:421:LEU:O	1:AF:424:ALA:HB3	2.21	0.40
1:AG:471:SER:HB2	1:AJ:7:THR:OG1	2.21	0.40
1:AH:175:GLU:HA	1:AH:377:ALA:O	2.22	0.40
1:AH:328:VAL:O	1:AH:329:PHE:C	2.65	0.40
1:AI:284:LEU:O	1:AI:284:LEU:HD12	2.21	0.40
1:AJ:201:LYS:HB3	1:AJ:201:LYS:HE2	1.75	0.40
1:AK:79:ASP:OD1	1:AK:442:ARG:NE	2.54	0.40
1:AK:91:THR:O	1:AK:95:LYS:HG3	2.22	0.40
1:AK:491:LEU:HD23	1:AK:491:LEU:HA	1.89	0.40
1:AL:6:ASN:HB3	1:AT:475:ASP:OD1	2.22	0.40
1:AL:116:ILE:HD12	1:AL:116:ILE:H	1.86	0.40
1:AL:448:VAL:O	1:AL:452:LEU:HG	2.21	0.40
1:AM:110:ARG:HE	1:AM:110:ARG:HB2	1.77	0.40
1:AM:328:VAL:O	1:AM:329:PHE:C	2.64	0.40
1:AO:89:LEU:HA	1:AO:89:LEU:HD23	1.84	0.40
1:AO:167:ASP:HA	1:AO:384:ARG:CB	2.48	0.40
1:AO:259:VAL:O	1:AO:271:THR:HG23	2.20	0.40
1:AP:140:GLY:HA3	1:AP:163:SER:HB2	2.03	0.40
1:AP:201:LYS:HE2	1:AP:201:LYS:HB3	1.74	0.40
1:AQ:302:ASP:CB	1:AQ:308:ASN:HD21	2.34	0.40
1:AR:91:THR:O	1:AR:95:LYS:HG3	2.22	0.40
1:AR:177:SER:OG	1:AR:347:ARG:HA	2.21	0.40
1:AS:65:ILE:HG13	1:AS:459:ILE:HD11	2.03	0.40
1:AT:149:ILE:HD13	1:AT:157:VAL:HG12	2.04	0.40
1:AU:56:SER:O	1:AU:60:ASN:OD1	2.40	0.40
1:AV:88:ILE:C	1:AV:92:ILE:HD12	2.44	0.40
1:AW:184:MET:O	1:AW:184:MET:HE3	2.22	0.40
1:AX:189:ALA:HA	1:AX:192:ASN:ND2	2.36	0.40

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AX:214:VAL:CG1	1:AX:227:LEU:HD13	2.51	0.40
1:A1:97:VAL:HG21	1:AI:60:ASN:HD22	1.87	0.40
1:A1:138:LEU:HB3	1:A1:164:THR:OG1	2.22	0.40
1:A1:507:GLN:O	1:A1:508:ASN:C	2.65	0.40
1:A2:218:THR:HG21	1:A2:318:SER:HB3	2.04	0.40
1:A2:463:GLN:HA	1:A2:466:VAL:CG2	2.51	0.40
1:A2:470:GLU:O	1:A2:473:ILE:HG23	2.22	0.40
1:A2:471:SER:O	1:A2:475:ASP:HB2	2.21	0.40
1:A2:475:ASP:OD1	1:AR:6:ASN:CB	2.70	0.40
1:A3:9:ILE:CD1	1:AS:468:ALA:HA	2.50	0.40
1:A3:16:ALA:O	1:A3:19:VAL:HG12	2.21	0.40
1:A3:418:VAL:HG12	1:A3:418:VAL:O	2.21	0.40
1:A4:108:SER:O	1:A4:112:LEU:CD1	2.69	0.40
1:A4:471:SER:CB	1:AT:7:THR:HG1	2.35	0.40
1:A5:82:MET:HG3	1:A5:138:LEU:CD2	2.50	0.40
1:A5:155:THR:CG2	1:AK:129:THR:HG21	2.50	0.40
1:A5:259:VAL:HA	1:A5:324:ALA:HB1	2.01	0.40
1:A5:264:ILE:HD11	1:A5:295:THR:HG21	2.04	0.40
1:A5:507:GLN:HB2	1:AI:490:ILE:HD11	2.03	0.40
1:A6:173:ARG:HD2	1:A6:357:ASP:HA	2.03	0.40
1:A6:271:THR:HG22	1:A6:273:ASN:OD1	2.22	0.40
1:A7:174:MET:CE	1:A7:398:ALA:HB2	2.45	0.40
1:A8:144:ASN:ND2	1:AN:247:MET:HE1	2.36	0.40
1:A9:175:GLU:HA	1:A9:377:ALA:O	2.21	0.40
1:A9:278:ASN:OD1	1:AH:212:GLU:HG3	2.22	0.40
1:AA:184:MET:O	1:AA:184:MET:HE3	2.21	0.40
1:AA:438:LEU:HA	1:AA:438:LEU:HD23	1.88	0.40
1:AB:227:LEU:O	1:AB:230:ILE:HG12	2.22	0.40
1:AC:84:GLU:HG2	1:AX:458:ASN:HB2	2.03	0.40
1:AC:418:VAL:O	1:AC:418:VAL:HG12	2.21	0.40
1:AC:509:VAL:HG22	1:AC:510:LEU:HD23	2.04	0.40
1:AE:294:ARG:HA	1:AE:294:ARG:HD2	1.84	0.40
1:AE:489:ASN:O	1:AE:493:GLN:HG2	2.22	0.40
1:AG:261:GLU:OE2	1:AG:322:ALA:HB2	2.21	0.40
1:AH:29:LEU:HD13	1:AI:502:ALA:HB2	2.03	0.40
1:AH:211:ILE:HD13	1:AH:211:ILE:HA	1.90	0.40
1:AI:8:ASN:CA	1:AI:506:GLN:HE22	2.34	0.40
1:AI:29:LEU:HD23	1:AI:29:LEU:HA	1.84	0.40
1:AI:313:ASP:OD1	1:AI:315:ARG:HG2	2.22	0.40
1:AJ:198:LEU:HD22	1:AJ:227:LEU:HD11	2.03	0.40
1:AJ:300:SER:O	1:AJ:301:LEU:HD23	2.22	0.40

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AK:61:LEU:HD23	1:AK:61:LEU:HA	1.78	0.40
1:AK:174:MET:HE3	1:AK:398:ALA:CA	2.49	0.40
1:AK:201:LYS:O	1:AK:359:ILE:HD11	2.21	0.40
1:AK:319:VAL:CG1	1:AK:342:HIS:HD2	2.34	0.40
1:AL:38:ILE:O	1:AL:38:ILE:HG22	2.21	0.40
1:AL:300:SER:O	1:AL:301:LEU:HD23	2.22	0.40
1:AL:511:ARG:HH12	1:AL:512:LEU:CD1	2.23	0.40
1:AO:6:ASN:OD1	1:AR:491:LEU:HD11	2.21	0.40
1:AO:258:THR:CG2	1:AO:274:ASP:H	2.34	0.40
1:AO:313:ASP:OD1	1:AO:315:ARG:HG2	2.22	0.40
1:AO:422:LYS:C	1:AO:426:ILE:HD12	2.44	0.40
1:AP:91:THR:O	1:AP:95:LYS:HG3	2.22	0.40
1:AQ:4:ARG:HG2	1:AV:475:ASP:HB2	2.02	0.40
1:AQ:80:LYS:HG3	1:AR:461:VAL:CG1	2.51	0.40
1:AQ:89:LEU:CA	1:AQ:92:ILE:HD12	2.51	0.40
1:AQ:227:LEU:O	1:AQ:230:ILE:HG12	2.21	0.40
1:AR:65:ILE:HG13	1:AR:459:ILE:CD1	2.52	0.40
1:AR:201:LYS:O	1:AR:359:ILE:HD11	2.21	0.40
1:AS:61:LEU:HD23	1:AS:61:LEU:HA	1.87	0.40
1:AS:251:GLY:H	1:AS:333:ASN:H	1.68	0.40
1:AT:371:HIS:CD2	1:AT:373:ALA:HB3	2.57	0.40
1:AU:100:ALA:HB2	1:AU:424:ALA:HB1	2.03	0.40
1:AU:386:VAL:HG23	1:AU:430:MET:HE1	2.04	0.40
1:AV:9:ILE:H	1:AV:9:ILE:HG13	1.62	0.40
1:AV:82:MET:HE2	1:AV:82:MET:HB3	1.97	0.40
1:AV:300:SER:C	1:AV:301:LEU:HD23	2.46	0.40
1:AV:458:ASN:OD1	1:AV:458:ASN:C	2.64	0.40
1:AW:65:ILE:HG12	1:AW:459:ILE:HD11	2.03	0.40
1:AW:261:GLU:OE2	1:AW:322:ALA:HB2	2.22	0.40
1:AX:71:ALA:HB3	1:AX:452:LEU:HD13	2.04	0.40
1:AX:177:SER:OG	1:AX:347:ARG:HA	2.21	0.40
1:AX:353:THR:HG23	1:AX:433:SER:CB	2.40	0.40

There are no symmetry-related clashes.

## 5.3 Torsion angles

### 5.3.1 Protein backbone

In the following table, the Percentiles column shows the percent Ramachandran outliers of the chain as a percentile score with respect to all PDB entries followed by that with respect to all EM



entries.

The Analysed column shows the number of residues for which the backbone conformation was analysed, and the total number of residues.

Mol	Chain	Analysed	Favoured	Allowed	Outliers	Percentiles	
1	A1	511/513 (100%)	476 (93%)	35 (7%)	0	100	100
1	A2	511/513 (100%)	478 (94%)	33 (6%)	0	100	100
1	A3	511/513 (100%)	478 (94%)	33 (6%)	0	100	100
1	A4	511/513 (100%)	478 (94%)	33 (6%)	0	100	100
1	A5	511/513 (100%)	478 (94%)	32 (6%)	1 (0%)	43	73
1	A6	511/513 (100%)	479 (94%)	32 (6%)	0	100	100
1	A7	511/513 (100%)	480 (94%)	30 (6%)	1 (0%)	43	73
1	A8	511/513 (100%)	482 (94%)	28 (6%)	1 (0%)	43	73
1	A9	511/513 (100%)	476 (93%)	35 (7%)	0	100	100
1	AA	511/513 (100%)	477 (93%)	34 (7%)	0	100	100
1	AB	511/513 (100%)	483 (94%)	28 (6%)	0	100	100
1	AC	511/513 (100%)	480 (94%)	30 (6%)	1 (0%)	43	73
1	AD	511/513 (100%)	482 (94%)	28 (6%)	1 (0%)	43	73
1	AE	511/513 (100%)	479 (94%)	32 (6%)	0	100	100
1	AF	511/513 (100%)	479 (94%)	32 (6%)	0	100	100
1	AG	511/513 (100%)	481 (94%)	29 (6%)	1 (0%)	43	73
1	AH	511/513 (100%)	477 (93%)	33 (6%)	1 (0%)	43	73
1	AI	511/513 (100%)	478 (94%)	32 (6%)	1 (0%)	43	73
1	AJ	511/513 (100%)	480 (94%)	30 (6%)	1 (0%)	43	73
1	AK	511/513 (100%)	476 (93%)	34 (7%)	1 (0%)	43	73
1	AL	511/513 (100%)	479 (94%)	31 (6%)	1 (0%)	43	73
1	AM	511/513 (100%)	479 (94%)	31 (6%)	1 (0%)	43	73
1	AN	511/513 (100%)	479 (94%)	31 (6%)	1 (0%)	43	73
1	AO	511/513 (100%)	479 (94%)	31 (6%)	1 (0%)	43	73
1	AP	511/513 (100%)	477 (93%)	33 (6%)	1 (0%)	43	73
1	AQ	511/513 (100%)	476 (93%)	35 (7%)	0	100	100
1	AR	511/513 (100%)	477 (93%)	34 (7%)	0	100	100
1	AS	511/513 (100%)	479 (94%)	31 (6%)	1 (0%)	43	73
1	AT	511/513 (100%)	478 (94%)	33 (6%)	0	100	100

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Analysed	Favoured	Allowed	Outliers	Percentiles	
1	AU	511/513 (100%)	478 (94%)	32 (6%)	1 (0%)	43	73
1	AV	511/513 (100%)	477 (93%)	33 (6%)	1 (0%)	43	73
1	AW	511/513 (100%)	476 (93%)	35 (7%)	0	100	100
1	AX	511/513 (100%)	480 (94%)	30 (6%)	1 (0%)	43	73
All	All	16863/16929 (100%)	15791 (94%)	1053 (6%)	19 (0%)	49	78

All (19) Ramachandran outliers are listed below:

Mol	Chain	Res	Type
1	AG	329	PHE
1	AP	329	PHE
1	AV	329	PHE
1	AC	329	PHE
1	AD	329	PHE
1	AH	329	PHE
1	AJ	329	PHE
1	AL	329	PHE
1	AS	329	PHE
1	AU	329	PHE
1	A5	329	PHE
1	A7	329	PHE
1	A8	329	PHE
1	AI	329	PHE
1	AK	329	PHE
1	AM	329	PHE
1	AN	329	PHE
1	AO	329	PHE
1	AX	329	PHE

### 5.3.2 Protein sidechains ⓘ

In the following table, the Percentiles column shows the percent sidechain outliers of the chain as a percentile score with respect to all PDB entries followed by that with respect to all EM entries.

The Analysed column shows the number of residues for which the sidechain conformation was analysed, and the total number of residues.

Mol	Chain	Analysed	Rotameric	Outliers	Percentiles	
1	A1	404/404 (100%)	392 (97%)	12 (3%)	36	64

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Analysed	Rotameric	Outliers	Percentiles		
1	A2	404/404 (100%)	389 (96%)	15 (4%)	30	60	
1	A3	404/404 (100%)	389 (96%)	15 (4%)	30	60	
1	A4	404/404 (100%)	395 (98%)	9 (2%)	45	69	
1	A5	404/404 (100%)	392 (97%)	12 (3%)	36	64	
1	A6	404/404 (100%)	395 (98%)	9 (2%)	45	69	
1	A7	404/404 (100%)	393 (97%)	11 (3%)	39	66	
1	A8	404/404 (100%)	392 (97%)	12 (3%)	36	64	
1	A9	404/404 (100%)	395 (98%)	9 (2%)	45	69	
1	AA	404/404 (100%)	391 (97%)	13 (3%)	34	63	
1	AB	404/404 (100%)	396 (98%)	8 (2%)	48	70	
1	AC	404/404 (100%)	393 (97%)	11 (3%)	39	66	
1	AD	404/404 (100%)	389 (96%)	15 (4%)	30	60	
1	AE	404/404 (100%)	390 (96%)	14 (4%)	32	61	
1	AF	404/404 (100%)	395 (98%)	9 (2%)	45	69	
1	AG	404/404 (100%)	393 (97%)	11 (3%)	39	66	
1	AH	404/404 (100%)	393 (97%)	11 (3%)	39	66	
1	AI	404/404 (100%)	394 (98%)	10 (2%)	42	67	
1	AJ	404/404 (100%)	394 (98%)	10 (2%)	42	67	
1	AK	404/404 (100%)	395 (98%)	9 (2%)	45	69	
1	AL	404/404 (100%)	395 (98%)	9 (2%)	45	69	
1	AM	404/404 (100%)	395 (98%)	9 (2%)	45	69	
1	AN	404/404 (100%)	392 (97%)	12 (3%)	36	64	
1	AO	404/404 (100%)	397 (98%)	7 (2%)	53	72	
1	AP	404/404 (100%)	396 (98%)	8 (2%)	48	70	
1	AQ	404/404 (100%)	394 (98%)	10 (2%)	42	67	
1	AR	404/404 (100%)	392 (97%)	12 (3%)	36	64	
1	AS	404/404 (100%)	397 (98%)	7 (2%)	53	72	
1	AT	404/404 (100%)	396 (98%)	8 (2%)	48	70	
1	AU	404/404 (100%)	396 (98%)	8 (2%)	48	70	
1	AV	404/404 (100%)	394 (98%)	10 (2%)	42	67	
1	AW	404/404 (100%)	392 (97%)	12 (3%)	36	64	

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Analysed	Rotameric	Outliers	Percentiles
1	AX	404/404 (100%)	389 (96%)	15 (4%)	30 60
All	All	13332/13332 (100%)	12980 (97%)	352 (3%)	41 66

All (352) residues with a non-rotameric sidechain are listed below:

Mol	Chain	Res	Type
1	A1	88	ILE
1	A1	212	GLU
1	A1	215	ARG
1	A1	230	ILE
1	A1	319	VAL
1	A1	328	VAL
1	A1	359	ILE
1	A1	376	VAL
1	A1	456	ILE
1	A1	473	ILE
1	A1	493	GLN
1	A1	508	ASN
1	A2	38	ILE
1	A2	50	ILE
1	A2	141	SER
1	A2	153	SER
1	A2	174	MET
1	A2	211	ILE
1	A2	212	GLU
1	A2	229	GLU
1	A2	286	ASN
1	A2	319	VAL
1	A2	328	VAL
1	A2	351	THR
1	A2	356	ARG
1	A2	493	GLN
1	A2	508	ASN
1	A3	9	ILE
1	A3	33	SER
1	A3	34	SER
1	A3	66	ARG
1	A3	82	MET
1	A3	88	ILE
1	A3	126	ILE
1	A3	174	MET
1	A3	212	GLU

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Res	Type
1	A3	328	VAL
1	A3	367	HIS
1	A3	396	SER
1	A3	496	SER
1	A3	508	ASN
1	A3	512	LEU
1	A4	141	SER
1	A4	153	SER
1	A4	212	GLU
1	A4	328	VAL
1	A4	351	THR
1	A4	356	ARG
1	A4	359	ILE
1	A4	406	GLN
1	A4	508	ASN
1	A5	6	ASN
1	A5	34	SER
1	A5	39	ASN
1	A5	88	ILE
1	A5	157	VAL
1	A5	328	VAL
1	A5	351	THR
1	A5	359	ILE
1	A5	367	HIS
1	A5	409	THR
1	A5	456	ILE
1	A5	508	ASN
1	A6	33	SER
1	A6	112	LEU
1	A6	212	GLU
1	A6	233	ARG
1	A6	262	LEU
1	A6	268	GLU
1	A6	351	THR
1	A6	359	ILE
1	A6	508	ASN
1	A7	34	SER
1	A7	39	ASN
1	A7	66	ARG
1	A7	126	ILE
1	A7	157	VAL
1	A7	328	VAL

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Res	Type
1	A7	359	ILE
1	A7	367	HIS
1	A7	396	SER
1	A7	480	GLU
1	A7	508	ASN
1	A8	34	SER
1	A8	84	GLU
1	A8	88	ILE
1	A8	174	MET
1	A8	212	GLU
1	A8	353	THR
1	A8	367	HIS
1	A8	409	THR
1	A8	456	ILE
1	A8	508	ASN
1	A8	512	LEU
1	A8	513	LEU
1	A9	39	ASN
1	A9	112	LEU
1	A9	212	GLU
1	A9	230	ILE
1	A9	262	LEU
1	A9	268	GLU
1	A9	286	ASN
1	A9	456	ILE
1	A9	508	ASN
1	AA	38	ILE
1	AA	88	ILE
1	AA	112	LEU
1	AA	141	SER
1	AA	262	LEU
1	AA	268	GLU
1	AA	303	ILE
1	AA	356	ARG
1	AA	359	ILE
1	AA	367	HIS
1	AA	452	LEU
1	AA	493	GLN
1	AA	508	ASN
1	AB	88	ILE
1	AB	356	ARG
1	AB	365	PHE

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Res	Type
1	AB	367	HIS
1	AB	452	LEU
1	AB	456	ILE
1	AB	475	ASP
1	AB	508	ASN
1	AC	82	MET
1	AC	88	ILE
1	AC	174	MET
1	AC	233	ARG
1	AC	328	VAL
1	AC	351	THR
1	AC	359	ILE
1	AC	367	HIS
1	AC	456	ILE
1	AC	508	ASN
1	AC	513	LEU
1	AD	33	SER
1	AD	88	ILE
1	AD	157	VAL
1	AD	212	GLU
1	AD	214	VAL
1	AD	233	ARG
1	AD	264	ILE
1	AD	292	LYS
1	AD	359	ILE
1	AD	367	HIS
1	AD	396	SER
1	AD	471	SER
1	AD	480	GLU
1	AD	508	ASN
1	AD	512	LEU
1	AE	88	ILE
1	AE	112	LEU
1	AE	126	ILE
1	AE	213	THR
1	AE	233	ARG
1	AE	269	ILE
1	AE	307	ILE
1	AE	328	VAL
1	AE	359	ILE
1	AE	367	HIS
1	AE	471	SER

*Continued on next page...*



*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Res	Type
1	AE	480	GLU
1	AE	508	ASN
1	AE	512	LEU
1	AF	84	GLU
1	AF	139	SER
1	AF	212	GLU
1	AF	268	GLU
1	AF	356	ARG
1	AF	359	ILE
1	AF	409	THR
1	AF	471	SER
1	AF	508	ASN
1	AG	39	ASN
1	AG	48	MET
1	AG	138	LEU
1	AG	153	SER
1	AG	212	GLU
1	AG	262	LEU
1	AG	268	GLU
1	AG	367	HIS
1	AG	471	SER
1	AG	508	ASN
1	AG	510	LEU
1	AH	39	ASN
1	AH	112	LEU
1	AH	212	GLU
1	AH	233	ARG
1	AH	268	GLU
1	AH	273	ASN
1	AH	319	VAL
1	AH	328	VAL
1	AH	376	VAL
1	AH	471	SER
1	AH	508	ASN
1	AI	6	ASN
1	AI	174	MET
1	AI	212	GLU
1	AI	319	VAL
1	AI	328	VAL
1	AI	359	ILE
1	AI	409	THR
1	AI	471	SER

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Res	Type
1	AI	508	ASN
1	AI	513	LEU
1	AJ	34	SER
1	AJ	88	ILE
1	AJ	157	VAL
1	AJ	174	MET
1	AJ	198	LEU
1	AJ	259	VAL
1	AJ	319	VAL
1	AJ	367	HIS
1	AJ	471	SER
1	AJ	508	ASN
1	AK	39	ASN
1	AK	141	SER
1	AK	262	LEU
1	AK	268	GLU
1	AK	328	VAL
1	AK	359	ILE
1	AK	409	THR
1	AK	456	ILE
1	AK	508	ASN
1	AL	38	ILE
1	AL	39	ASN
1	AL	88	ILE
1	AL	157	VAL
1	AL	174	MET
1	AL	303	ILE
1	AL	367	HIS
1	AL	409	THR
1	AL	508	ASN
1	AM	39	ASN
1	AM	139	SER
1	AM	174	MET
1	AM	212	GLU
1	AM	268	GLU
1	AM	359	ILE
1	AM	409	THR
1	AM	507	GLN
1	AM	508	ASN
1	AN	6	ASN
1	AN	38	ILE
1	AN	84	GLU

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Res	Type
1	AN	122	GLU
1	AN	174	MET
1	AN	229	GLU
1	AN	262	LEU
1	AN	268	GLU
1	AN	319	VAL
1	AN	456	ILE
1	AN	507	GLN
1	AN	508	ASN
1	AO	153	SER
1	AO	157	VAL
1	AO	174	MET
1	AO	328	VAL
1	AO	367	HIS
1	AO	456	ILE
1	AO	508	ASN
1	AP	6	ASN
1	AP	88	ILE
1	AP	212	GLU
1	AP	268	GLU
1	AP	319	VAL
1	AP	367	HIS
1	AP	508	ASN
1	AP	512	LEU
1	AQ	6	ASN
1	AQ	39	ASN
1	AQ	48	MET
1	AQ	212	GLU
1	AQ	229	GLU
1	AQ	268	GLU
1	AQ	328	VAL
1	AQ	409	THR
1	AQ	507	GLN
1	AQ	508	ASN
1	AR	5	ILE
1	AR	6	ASN
1	AR	48	MET
1	AR	182	GLU
1	AR	212	GLU
1	AR	328	VAL
1	AR	367	HIS
1	AR	426	ILE

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Res	Type
1	AR	456	ILE
1	AR	471	SER
1	AR	480	GLU
1	AR	508	ASN
1	AS	174	MET
1	AS	212	GLU
1	AS	247	MET
1	AS	273	ASN
1	AS	367	HIS
1	AS	456	ILE
1	AS	508	ASN
1	AT	6	ASN
1	AT	39	ASN
1	AT	174	MET
1	AT	212	GLU
1	AT	268	GLU
1	AT	328	VAL
1	AT	456	ILE
1	AT	508	ASN
1	AU	6	ASN
1	AU	319	VAL
1	AU	367	HIS
1	AU	409	THR
1	AU	456	ILE
1	AU	471	SER
1	AU	508	ASN
1	AU	513	LEU
1	AV	29	LEU
1	AV	88	ILE
1	AV	174	MET
1	AV	212	GLU
1	AV	224	ILE
1	AV	286	ASN
1	AV	328	VAL
1	AV	351	THR
1	AV	359	ILE
1	AV	493	GLN
1	AW	39	ASN
1	AW	48	MET
1	AW	88	ILE
1	AW	112	LEU
1	AW	262	LEU

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Res	Type
1	AW	328	VAL
1	AW	356	ARG
1	AW	359	ILE
1	AW	376	VAL
1	AW	450	MET
1	AW	452	LEU
1	AW	456	ILE
1	AX	4	ARG
1	AX	33	SER
1	AX	34	SER
1	AX	88	ILE
1	AX	144	ASN
1	AX	184	MET
1	AX	233	ARG
1	AX	247	MET
1	AX	292	LYS
1	AX	359	ILE
1	AX	396	SER
1	AX	456	ILE
1	AX	480	GLU
1	AX	496	SER
1	AX	508	ASN

Sometimes sidechains can be flipped to improve hydrogen bonding and reduce clashes. All (387) such sidechains are listed below:

Mol	Chain	Res	Type
1	A1	8	ASN
1	A1	22	ASN
1	A1	98	GLN
1	A1	117	GLN
1	A1	192	ASN
1	A1	374	GLN
1	A1	401	ASN
1	A1	410	ASN
1	A1	458	ASN
1	A1	493	GLN
1	A1	508	ASN
1	A2	8	ASN
1	A2	22	ASN
1	A2	192	ASN
1	A2	374	GLN
1	A2	401	ASN

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Res	Type
1	A2	410	ASN
1	A2	458	ASN
1	A2	493	GLN
1	A3	8	ASN
1	A3	22	ASN
1	A3	101	GLN
1	A3	117	GLN
1	A3	192	ASN
1	A3	278	ASN
1	A3	374	GLN
1	A3	382	ASN
1	A3	401	ASN
1	A3	410	ASN
1	A3	458	ASN
1	A3	508	ASN
1	A4	8	ASN
1	A4	22	ASN
1	A4	117	GLN
1	A4	133	ASN
1	A4	192	ASN
1	A4	286	ASN
1	A4	374	GLN
1	A4	401	ASN
1	A4	493	GLN
1	A5	8	ASN
1	A5	39	ASN
1	A5	60	ASN
1	A5	133	ASN
1	A5	135	GLN
1	A5	171	HIS
1	A5	192	ASN
1	A5	308	ASN
1	A5	341	GLN
1	A5	342	HIS
1	A5	401	ASN
1	A5	410	ASN
1	A5	458	ASN
1	A5	484	ASN
1	A6	8	ASN
1	A6	133	ASN
1	A6	192	ASN
1	A6	308	ASN

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Res	Type
1	A6	341	GLN
1	A6	374	GLN
1	A6	401	ASN
1	A6	410	ASN
1	A6	458	ASN
1	A6	501	GLN
1	A7	8	ASN
1	A7	22	ASN
1	A7	60	ASN
1	A7	63	GLN
1	A7	101	GLN
1	A7	117	GLN
1	A7	135	GLN
1	A7	136	GLN
1	A7	192	ASN
1	A7	278	ASN
1	A7	341	GLN
1	A7	342	HIS
1	A7	374	GLN
1	A7	401	ASN
1	A7	410	ASN
1	A7	458	ASN
1	A7	508	ASN
1	A7	514	GLN
1	A8	8	ASN
1	A8	39	ASN
1	A8	63	GLN
1	A8	101	GLN
1	A8	133	ASN
1	A8	135	GLN
1	A8	192	ASN
1	A8	278	ASN
1	A8	308	ASN
1	A8	342	HIS
1	A8	374	GLN
1	A8	401	ASN
1	A8	410	ASN
1	A8	493	GLN
1	A9	8	ASN
1	A9	22	ASN
1	A9	39	ASN
1	A9	117	GLN

*Continued on next page...*



*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Res	Type
1	A9	136	GLN
1	A9	192	ASN
1	A9	374	GLN
1	A9	401	ASN
1	A9	410	ASN
1	A9	458	ASN
1	AA	8	ASN
1	AA	22	ASN
1	AA	133	ASN
1	AA	136	GLN
1	AA	192	ASN
1	AA	308	ASN
1	AA	374	GLN
1	AA	401	ASN
1	AB	8	ASN
1	AB	101	GLN
1	AB	113	GLN
1	AB	136	GLN
1	AB	192	ASN
1	AB	374	GLN
1	AB	401	ASN
1	AB	410	ASN
1	AB	493	GLN
1	AC	6	ASN
1	AC	8	ASN
1	AC	60	ASN
1	AC	101	GLN
1	AC	135	GLN
1	AC	154	ASN
1	AC	192	ASN
1	AC	278	ASN
1	AC	308	ASN
1	AC	341	GLN
1	AC	342	HIS
1	AC	374	GLN
1	AC	401	ASN
1	AC	410	ASN
1	AC	458	ASN
1	AC	514	GLN
1	AD	8	ASN
1	AD	22	ASN
1	AD	101	GLN

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Res	Type
1	AD	192	ASN
1	AD	278	ASN
1	AD	374	GLN
1	AD	401	ASN
1	AD	410	ASN
1	AE	8	ASN
1	AE	15	HIS
1	AE	22	ASN
1	AE	60	ASN
1	AE	63	GLN
1	AE	117	GLN
1	AE	171	HIS
1	AE	192	ASN
1	AE	278	ASN
1	AE	342	HIS
1	AE	374	GLN
1	AE	401	ASN
1	AE	410	ASN
1	AE	458	ASN
1	AF	8	ASN
1	AF	22	ASN
1	AF	117	GLN
1	AF	133	ASN
1	AF	192	ASN
1	AF	286	ASN
1	AF	341	GLN
1	AF	374	GLN
1	AF	401	ASN
1	AF	458	ASN
1	AF	484	ASN
1	AF	508	ASN
1	AG	60	ASN
1	AG	63	GLN
1	AG	286	ASN
1	AG	310	HIS
1	AG	342	HIS
1	AG	374	GLN
1	AG	401	ASN
1	AG	410	ASN
1	AG	458	ASN
1	AG	508	ASN
1	AH	8	ASN

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Res	Type
1	AH	22	ASN
1	AH	60	ASN
1	AH	63	GLN
1	AH	192	ASN
1	AH	286	ASN
1	AH	308	ASN
1	AH	342	HIS
1	AH	374	GLN
1	AH	382	ASN
1	AH	401	ASN
1	AH	410	ASN
1	AH	458	ASN
1	AI	6	ASN
1	AI	8	ASN
1	AI	60	ASN
1	AI	63	GLN
1	AI	69	ASN
1	AI	133	ASN
1	AI	278	ASN
1	AI	308	ASN
1	AI	341	GLN
1	AI	342	HIS
1	AI	374	GLN
1	AI	401	ASN
1	AI	410	ASN
1	AI	508	ASN
1	AJ	8	ASN
1	AJ	60	ASN
1	AJ	63	GLN
1	AJ	101	GLN
1	AJ	133	ASN
1	AJ	135	GLN
1	AJ	192	ASN
1	AJ	278	ASN
1	AJ	286	ASN
1	AJ	308	ASN
1	AJ	342	HIS
1	AJ	374	GLN
1	AJ	401	ASN
1	AJ	410	ASN
1	AJ	437	GLN
1	AJ	458	ASN

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Res	Type
1	AK	8	ASN
1	AK	60	ASN
1	AK	63	GLN
1	AK	117	GLN
1	AK	133	ASN
1	AK	286	ASN
1	AK	308	ASN
1	AK	310	HIS
1	AK	342	HIS
1	AK	374	GLN
1	AK	401	ASN
1	AK	458	ASN
1	AL	6	ASN
1	AL	8	ASN
1	AL	39	ASN
1	AL	60	ASN
1	AL	101	GLN
1	AL	133	ASN
1	AL	135	GLN
1	AL	192	ASN
1	AL	342	HIS
1	AL	374	GLN
1	AL	401	ASN
1	AL	410	ASN
1	AL	458	ASN
1	AL	508	ASN
1	AM	8	ASN
1	AM	133	ASN
1	AM	136	GLN
1	AM	192	ASN
1	AM	308	ASN
1	AM	341	GLN
1	AM	374	GLN
1	AM	401	ASN
1	AM	410	ASN
1	AM	458	ASN
1	AN	8	ASN
1	AN	60	ASN
1	AN	63	GLN
1	AN	69	ASN
1	AN	98	GLN
1	AN	133	ASN

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Res	Type
1	AN	135	GLN
1	AN	286	ASN
1	AN	308	ASN
1	AN	342	HIS
1	AN	374	GLN
1	AN	401	ASN
1	AN	410	ASN
1	AN	458	ASN
1	AN	506	GLN
1	AO	6	ASN
1	AO	8	ASN
1	AO	60	ASN
1	AO	101	GLN
1	AO	135	GLN
1	AO	278	ASN
1	AO	308	ASN
1	AO	342	HIS
1	AO	374	GLN
1	AO	401	ASN
1	AO	410	ASN
1	AP	8	ASN
1	AP	60	ASN
1	AP	63	GLN
1	AP	69	ASN
1	AP	117	GLN
1	AP	133	ASN
1	AP	192	ASN
1	AP	278	ASN
1	AP	308	ASN
1	AP	342	HIS
1	AP	374	GLN
1	AP	401	ASN
1	AP	410	ASN
1	AP	458	ASN
1	AP	508	ASN
1	AQ	6	ASN
1	AQ	22	ASN
1	AQ	60	ASN
1	AQ	135	GLN
1	AQ	192	ASN
1	AQ	286	ASN
1	AQ	308	ASN

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Res	Type
1	AQ	374	GLN
1	AQ	401	ASN
1	AQ	410	ASN
1	AQ	458	ASN
1	AR	6	ASN
1	AR	21	ASN
1	AR	60	ASN
1	AR	117	GLN
1	AR	278	ASN
1	AR	308	ASN
1	AR	341	GLN
1	AR	342	HIS
1	AR	374	GLN
1	AR	401	ASN
1	AR	410	ASN
1	AR	458	ASN
1	AR	508	ASN
1	AS	8	ASN
1	AS	308	ASN
1	AS	341	GLN
1	AS	342	HIS
1	AS	374	GLN
1	AS	401	ASN
1	AS	458	ASN
1	AS	514	GLN
1	AT	6	ASN
1	AT	8	ASN
1	AT	22	ASN
1	AT	133	ASN
1	AT	286	ASN
1	AT	374	GLN
1	AT	401	ASN
1	AT	410	ASN
1	AT	458	ASN
1	AU	8	ASN
1	AU	60	ASN
1	AU	63	GLN
1	AU	69	ASN
1	AU	117	GLN
1	AU	133	ASN
1	AU	135	GLN
1	AU	278	ASN

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Res	Type
1	AU	308	ASN
1	AU	342	HIS
1	AU	374	GLN
1	AU	401	ASN
1	AU	410	ASN
1	AU	458	ASN
1	AU	508	ASN
1	AV	8	ASN
1	AV	22	ASN
1	AV	192	ASN
1	AV	286	ASN
1	AV	401	ASN
1	AV	406	GLN
1	AV	410	ASN
1	AW	8	ASN
1	AW	22	ASN
1	AW	117	GLN
1	AW	192	ASN
1	AW	286	ASN
1	AW	374	GLN
1	AW	401	ASN
1	AW	410	ASN
1	AW	465	ASN
1	AW	493	GLN
1	AX	8	ASN
1	AX	22	ASN
1	AX	60	ASN
1	AX	101	GLN
1	AX	135	GLN
1	AX	192	ASN
1	AX	278	ASN
1	AX	341	GLN
1	AX	374	GLN
1	AX	401	ASN
1	AX	410	ASN

### 5.3.3 RNA ⓘ

There are no RNA molecules in this entry.



## 5.4 Non-standard residues in protein, DNA, RNA chains [i](#)

There are no non-standard protein/DNA/RNA residues in this entry.

## 5.5 Carbohydrates [i](#)

There are no oligosaccharides in this entry.

## 5.6 Ligand geometry [i](#)

297 ligands are modelled in this entry.

In the following table, the Counts columns list the number of bonds (or angles) for which Mogul statistics could be retrieved, the number of bonds (or angles) that are observed in the model and the number of bonds (or angles) that are defined in the Chemical Component Dictionary. The Link column lists molecule types, if any, to which the group is linked. The Z score for a bond length (or angle) is the number of standard deviations the observed value is removed from the expected value. A bond length (or angle) with  $|Z| > 2$  is considered an outlier worth inspection. RMSZ is the root-mean-square of all Z scores of the bond lengths (or angles).

Mol	Type	Chain	Res	Link	Bond lengths			Bond angles		
					Counts	RMSZ	$\# Z  > 2$	Counts	RMSZ	$\# Z  > 2$
2	P8E	AD	607	-	15,16,17	1.05	1 (6%)	17,23,26	2.13	3 (17%)
2	P8E	AN	608	-	15,16,17	1.09	1 (6%)	17,23,26	2.01	3 (17%)
2	P8E	AC	603	-	15,16,17	1.07	1 (6%)	17,23,26	2.02	3 (17%)
2	P8E	AP	607	-	15,16,17	1.05	1 (6%)	17,23,26	2.13	3 (17%)
2	P8E	AL	602	-	15,16,17	1.07	1 (6%)	17,23,26	2.23	4 (23%)
2	P8E	AA	603	-	15,16,17	1.07	1 (6%)	17,23,26	2.02	3 (17%)
2	P8E	AK	608	-	15,16,17	1.08	1 (6%)	17,23,26	2.03	3 (17%)
2	P8E	A7	609	-	15,16,17	1.07	1 (6%)	17,23,26	2.11	3 (17%)
2	P8E	AD	605	-	15,16,17	1.11	1 (6%)	17,23,26	2.05	3 (17%)
2	P8E	A6	603	-	15,16,17	1.07	1 (6%)	17,23,26	2.01	3 (17%)
2	P8E	AE	609	-	15,16,17	1.08	1 (6%)	17,23,26	2.09	3 (17%)
2	P8E	AI	606	-	15,16,17	1.10	1 (6%)	17,23,26	1.95	3 (17%)
2	P8E	AT	607	-	15,16,17	1.05	1 (6%)	17,23,26	2.12	3 (17%)
2	P8E	AQ	608	-	15,16,17	1.07	1 (6%)	17,23,26	2.04	3 (17%)
2	P8E	AA	602	-	15,16,17	1.06	1 (6%)	17,23,26	2.21	4 (23%)
2	P8E	AM	608	-	15,16,17	1.07	1 (6%)	17,23,26	2.05	3 (17%)
2	P8E	AX	606	-	15,16,17	1.08	1 (6%)	17,23,26	1.90	3 (17%)
2	P8E	AJ	607	-	15,16,17	1.04	1 (6%)	17,23,26	2.13	3 (17%)

Mol	Type	Chain	Res	Link	Bond lengths			Bond angles		
					Counts	RMSZ	# Z  > 2	Counts	RMSZ	# Z  > 2
2	P8E	AW	604	-	15,16,17	1.11	1 (6%)	17,23,26	2.27	3 (17%)
2	P8E	AN	609	-	15,16,17	1.08	1 (6%)	17,23,26	2.10	3 (17%)
2	P8E	AL	601	-	15,16,17	1.06	1 (6%)	17,23,26	1.94	3 (17%)
2	P8E	A9	605	-	15,16,17	1.11	1 (6%)	17,23,26	1.99	3 (17%)
2	P8E	AU	603	-	15,16,17	1.08	1 (6%)	17,23,26	2.01	3 (17%)
2	P8E	AD	604	-	15,16,17	1.10	1 (6%)	17,23,26	2.30	4 (23%)
2	P8E	AW	602	-	15,16,17	1.06	1 (6%)	17,23,26	2.21	4 (23%)
2	P8E	A2	602	-	15,16,17	1.06	1 (6%)	17,23,26	2.20	4 (23%)
2	P8E	AA	607	-	15,16,17	1.07	1 (6%)	17,23,26	2.10	3 (17%)
2	P8E	AF	604	-	15,16,17	1.11	1 (6%)	17,23,26	2.28	3 (17%)
2	P8E	AO	606	-	15,16,17	1.09	1 (6%)	17,23,26	1.93	3 (17%)
2	P8E	A9	603	-	15,16,17	1.08	1 (6%)	17,23,26	2.00	3 (17%)
2	P8E	AS	607	-	15,16,17	1.05	1 (6%)	17,23,26	2.12	3 (17%)
2	P8E	AL	604	-	15,16,17	1.10	1 (6%)	17,23,26	2.30	4 (23%)
2	P8E	A2	609	-	15,16,17	1.08	1 (6%)	17,23,26	2.11	3 (17%)
2	P8E	A8	608	-	15,16,17	1.08	1 (6%)	17,23,26	2.02	3 (17%)
2	P8E	AE	607	-	15,16,17	1.05	1 (6%)	17,23,26	2.14	3 (17%)
2	P8E	AT	602	-	15,16,17	1.07	1 (6%)	17,23,26	2.22	4 (23%)
2	P8E	A5	606	-	15,16,17	1.09	1 (6%)	17,23,26	1.90	3 (17%)
2	P8E	AT	601	-	15,16,17	1.06	1 (6%)	17,23,26	1.94	3 (17%)
2	P8E	AG	605	-	15,16,17	1.11	1 (6%)	17,23,26	2.01	2 (11%)
2	P8E	A6	602	-	15,16,17	1.07	1 (6%)	17,23,26	2.21	4 (23%)
2	P8E	A6	608	-	15,16,17	1.07	1 (6%)	17,23,26	2.05	3 (17%)
2	P8E	A9	601	-	15,16,17	1.06	1 (6%)	17,23,26	1.93	3 (17%)
2	P8E	AE	605	-	15,16,17	1.11	1 (6%)	17,23,26	2.05	2 (11%)
2	P8E	AJ	601	-	15,16,17	1.06	1 (6%)	17,23,26	1.94	3 (17%)
2	P8E	A8	602	-	15,16,17	1.07	1 (6%)	17,23,26	2.21	4 (23%)
2	P8E	AM	606	-	15,16,17	1.09	1 (6%)	17,23,26	1.91	3 (17%)
2	P8E	A1	606	-	15,16,17	1.09	1 (6%)	17,23,26	1.90	3 (17%)
2	P8E	AI	601	-	15,16,17	1.06	1 (6%)	17,23,26	1.94	3 (17%)
2	P8E	AT	604	-	15,16,17	1.11	1 (6%)	17,23,26	2.26	3 (17%)
2	P8E	A4	605	-	15,16,17	1.11	1 (6%)	17,23,26	1.98	2 (11%)
2	P8E	AU	601	-	15,16,17	1.06	1 (6%)	17,23,26	1.94	3 (17%)
2	P8E	A6	605	-	15,16,17	1.11	1 (6%)	17,23,26	1.99	3 (17%)
2	P8E	AD	601	-	15,16,17	1.06	1 (6%)	17,23,26	1.93	3 (17%)

Mol	Type	Chain	Res	Link	Bond lengths			Bond angles		
					Counts	RMSZ	# Z  > 2	Counts	RMSZ	# Z  > 2
2	P8E	AO	602	-	15,16,17	1.07	1 (6%)	17,23,26	2.22	4 (23%)
2	P8E	A3	604	-	15,16,17	1.10	1 (6%)	17,23,26	2.32	4 (23%)
2	P8E	AJ	604	-	15,16,17	1.10	1 (6%)	17,23,26	2.31	4 (23%)
2	P8E	A6	601	-	15,16,17	1.06	1 (6%)	17,23,26	1.94	3 (17%)
2	P8E	A1	608	-	15,16,17	1.07	1 (6%)	17,23,26	2.05	3 (17%)
2	P8E	A5	602	-	15,16,17	1.07	1 (6%)	17,23,26	2.21	4 (23%)
2	P8E	AE	603	-	15,16,17	1.07	1 (6%)	17,23,26	2.06	3 (17%)
2	P8E	AS	601	-	15,16,17	1.06	1 (6%)	17,23,26	1.95	3 (17%)
2	P8E	AB	609	-	15,16,17	1.08	1 (6%)	17,23,26	2.13	3 (17%)
2	P8E	AO	605	-	15,16,17	1.11	1 (6%)	17,23,26	2.02	2 (11%)
2	P8E	AH	607	-	15,16,17	1.06	1 (6%)	17,23,26	2.12	3 (17%)
2	P8E	AE	601	-	15,16,17	1.06	1 (6%)	17,23,26	1.93	3 (17%)
2	P8E	AQ	601	-	15,16,17	1.06	1 (6%)	17,23,26	1.95	3 (17%)
2	P8E	A9	607	-	15,16,17	1.06	1 (6%)	17,23,26	2.10	3 (17%)
2	P8E	AM	609	-	15,16,17	1.09	1 (6%)	17,23,26	2.08	3 (17%)
2	P8E	A4	607	-	15,16,17	1.07	1 (6%)	17,23,26	2.10	3 (17%)
2	P8E	AF	605	-	15,16,17	1.11	1 (6%)	17,23,26	2.00	3 (17%)
2	P8E	A5	609	-	15,16,17	1.08	1 (6%)	17,23,26	2.12	3 (17%)
2	P8E	A4	601	-	15,16,17	1.06	1 (6%)	17,23,26	1.94	3 (17%)
2	P8E	AN	606	-	15,16,17	1.09	1 (6%)	17,23,26	1.93	3 (17%)
2	P8E	AG	609	-	15,16,17	1.08	1 (6%)	17,23,26	2.11	3 (17%)
2	P8E	AW	609	-	15,16,17	1.08	1 (6%)	17,23,26	2.11	3 (17%)
2	P8E	A5	601	-	15,16,17	1.06	1 (6%)	17,23,26	1.94	3 (17%)
2	P8E	AF	603	-	15,16,17	1.08	1 (6%)	17,23,26	2.01	3 (17%)
2	P8E	AC	609	-	15,16,17	1.08	1 (6%)	17,23,26	2.10	3 (17%)
2	P8E	A6	604	-	15,16,17	1.11	1 (6%)	17,23,26	2.26	3 (17%)
2	P8E	AS	605	-	15,16,17	1.11	1 (6%)	17,23,26	2.03	2 (11%)
2	P8E	AC	608	-	15,16,17	1.08	1 (6%)	17,23,26	2.04	3 (17%)
2	P8E	AU	608	-	15,16,17	1.08	1 (6%)	17,23,26	2.02	3 (17%)
2	P8E	AB	602	-	15,16,17	1.06	1 (6%)	17,23,26	2.21	4 (23%)
2	P8E	AV	604	-	15,16,17	1.16	1 (6%)	17,23,26	2.21	3 (17%)
2	P8E	A5	604	-	15,16,17	1.10	1 (6%)	17,23,26	2.30	4 (23%)
2	P8E	AB	607	-	15,16,17	1.07	1 (6%)	17,23,26	2.11	3 (17%)
2	P8E	A7	602	-	15,16,17	1.07	1 (6%)	17,23,26	2.22	4 (23%)
2	P8E	A8	606	-	15,16,17	1.09	1 (6%)	17,23,26	1.90	3 (17%)

Mol	Type	Chain	Res	Link	Bond lengths			Bond angles		
					Counts	RMSZ	# Z  > 2	Counts	RMSZ	# Z  > 2
2	P8E	A4	603	-	15,16,17	1.08	1 (6%)	17,23,26	2.01	3 (17%)
2	P8E	AE	602	-	15,16,17	1.07	1 (6%)	17,23,26	2.21	4 (23%)
2	P8E	AU	602	-	15,16,17	1.07	1 (6%)	17,23,26	2.22	4 (23%)
2	P8E	AG	606	-	15,16,17	1.09	1 (6%)	17,23,26	1.93	3 (17%)
2	P8E	A3	601	-	15,16,17	1.07	1 (6%)	17,23,26	1.93	3 (17%)
2	P8E	A4	606	-	15,16,17	1.09	1 (6%)	17,23,26	1.91	3 (17%)
2	P8E	AS	609	-	15,16,17	1.08	1 (6%)	17,23,26	2.11	3 (17%)
2	P8E	A7	605	-	15,16,17	1.10	1 (6%)	17,23,26	2.04	3 (17%)
2	P8E	AQ	605	-	15,16,17	1.11	1 (6%)	17,23,26	1.99	2 (11%)
2	P8E	A7	601	-	15,16,17	1.07	1 (6%)	17,23,26	1.94	3 (17%)
2	P8E	A2	607	-	15,16,17	1.07	1 (6%)	17,23,26	2.11	3 (17%)
2	P8E	A3	609	-	15,16,17	1.08	1 (6%)	17,23,26	2.10	3 (17%)
2	P8E	A8	601	-	15,16,17	1.06	1 (6%)	17,23,26	1.95	3 (17%)
2	P8E	AH	605	-	15,16,17	1.11	1 (6%)	17,23,26	2.00	2 (11%)
2	P8E	AC	607	-	15,16,17	1.05	1 (6%)	17,23,26	2.14	3 (17%)
2	P8E	AA	608	-	15,16,17	1.07	1 (6%)	17,23,26	2.05	3 (17%)
2	P8E	AP	609	-	15,16,17	1.08	1 (6%)	17,23,26	2.11	3 (17%)
2	P8E	AQ	603	-	15,16,17	1.08	1 (6%)	17,23,26	2.03	3 (17%)
2	P8E	AR	602	-	15,16,17	1.07	1 (6%)	17,23,26	2.23	4 (23%)
2	P8E	A4	608	-	15,16,17	1.07	1 (6%)	17,23,26	2.05	3 (17%)
2	P8E	A6	606	-	15,16,17	1.09	1 (6%)	17,23,26	1.91	3 (17%)
2	P8E	AA	605	-	15,16,17	1.11	1 (6%)	17,23,26	1.98	2 (11%)
2	P8E	A6	607	-	15,16,17	1.06	1 (6%)	17,23,26	2.10	3 (17%)
2	P8E	AH	602	-	15,16,17	1.07	1 (6%)	17,23,26	2.21	4 (23%)
2	P8E	AJ	602	-	15,16,17	1.07	1 (6%)	17,23,26	2.21	4 (23%)
2	P8E	AW	606	-	15,16,17	1.09	1 (6%)	17,23,26	1.91	3 (17%)
2	P8E	AG	603	-	15,16,17	1.08	1 (6%)	17,23,26	2.03	3 (17%)
2	P8E	AC	602	-	15,16,17	1.07	1 (6%)	17,23,26	2.21	4 (23%)
2	P8E	AP	603	-	15,16,17	1.08	1 (6%)	17,23,26	2.02	3 (17%)
2	P8E	AR	605	-	15,16,17	1.11	1 (6%)	17,23,26	2.03	3 (17%)
2	P8E	AK	601	-	15,16,17	1.06	1 (6%)	17,23,26	1.94	3 (17%)
2	P8E	A1	603	-	15,16,17	1.08	1 (6%)	17,23,26	2.01	3 (17%)
2	P8E	A3	606	-	15,16,17	1.09	1 (6%)	17,23,26	1.90	3 (17%)
2	P8E	AN	605	-	15,16,17	1.11	1 (6%)	17,23,26	2.02	2 (11%)
2	P8E	AB	608	-	15,16,17	1.07	1 (6%)	17,23,26	2.05	3 (17%)

Mol	Type	Chain	Res	Link	Bond lengths			Bond angles		
					Counts	RMSZ	# Z  > 2	Counts	RMSZ	# Z  > 2
2	P8E	A2	601	-	15,16,17	1.06	1 (6%)	17,23,26	1.95	3 (17%)
2	P8E	AT	606	-	15,16,17	1.09	1 (6%)	17,23,26	1.93	3 (17%)
2	P8E	AC	601	-	15,16,17	1.06	1 (6%)	17,23,26	1.95	3 (17%)
2	P8E	AB	603	-	15,16,17	1.07	1 (6%)	17,23,26	2.02	3 (17%)
2	P8E	AK	605	-	15,16,17	1.11	1 (6%)	17,23,26	2.00	2 (11%)
2	P8E	AB	601	-	15,16,17	1.06	1 (6%)	17,23,26	1.95	3 (17%)
2	P8E	AF	607	-	15,16,17	1.06	1 (6%)	17,23,26	2.12	3 (17%)
2	P8E	AU	606	-	15,16,17	1.11	1 (6%)	17,23,26	1.93	3 (17%)
2	P8E	AL	609	-	15,16,17	1.07	1 (6%)	17,23,26	2.11	3 (17%)
2	P8E	AV	609	-	15,16,17	1.08	1 (6%)	17,23,26	2.12	3 (17%)
2	P8E	A2	604	-	15,16,17	1.11	1 (6%)	17,23,26	2.26	3 (17%)
2	P8E	A2	605	-	15,16,17	1.11	1 (6%)	17,23,26	2.00	2 (11%)
2	P8E	AW	605	-	15,16,17	1.11	1 (6%)	17,23,26	1.99	2 (11%)
2	P8E	AX	607	-	15,16,17	1.05	1 (6%)	17,23,26	2.13	3 (17%)
2	P8E	AH	608	-	15,16,17	1.08	1 (6%)	17,23,26	2.03	3 (17%)
2	P8E	AX	603	-	15,16,17	1.07	1 (6%)	17,23,26	2.02	3 (17%)
2	P8E	AM	602	-	15,16,17	1.07	1 (6%)	17,23,26	2.19	4 (23%)
2	P8E	A1	607	-	15,16,17	1.06	1 (6%)	17,23,26	2.10	3 (17%)
2	P8E	AC	604	-	15,16,17	1.10	1 (6%)	17,23,26	2.31	4 (23%)
2	P8E	AK	603	-	15,16,17	1.08	1 (6%)	17,23,26	2.00	3 (17%)
2	P8E	A9	608	-	15,16,17	1.07	1 (6%)	17,23,26	2.05	3 (17%)
2	P8E	AG	602	-	15,16,17	1.07	1 (6%)	17,23,26	2.22	4 (23%)
2	P8E	AG	608	-	15,16,17	1.07	1 (6%)	17,23,26	2.06	3 (17%)
2	P8E	A2	603	-	15,16,17	1.08	1 (6%)	17,23,26	2.00	3 (17%)
2	P8E	A5	608	-	15,16,17	1.08	1 (6%)	17,23,26	2.04	3 (17%)
2	P8E	AK	606	-	15,16,17	1.10	1 (6%)	17,23,26	1.93	3 (17%)
2	P8E	AH	603	-	15,16,17	1.08	1 (6%)	17,23,26	2.00	3 (17%)
2	P8E	AQ	606	-	15,16,17	1.09	1 (6%)	17,23,26	1.92	3 (17%)
2	P8E	AT	609	-	15,16,17	1.08	1 (6%)	17,23,26	2.11	3 (17%)
2	P8E	A9	609	-	15,16,17	1.09	1 (6%)	17,23,26	2.09	3 (17%)
2	P8E	A4	602	-	15,16,17	1.06	1 (6%)	17,23,26	2.22	4 (23%)
2	P8E	AM	607	-	15,16,17	1.06	1 (6%)	17,23,26	2.11	3 (17%)
2	P8E	AJ	609	-	15,16,17	1.08	1 (6%)	17,23,26	2.11	3 (17%)
2	P8E	AV	606	-	15,16,17	1.09	1 (6%)	17,23,26	1.89	3 (17%)
2	P8E	AI	609	-	15,16,17	1.08	1 (6%)	17,23,26	2.12	3 (17%)

Mol	Type	Chain	Res	Link	Bond lengths			Bond angles		
					Counts	RMSZ	# Z  > 2	Counts	RMSZ	# Z  > 2
2	P8E	AP	606	-	15,16,17	1.09	1 (6%)	17,23,26	1.91	3 (17%)
2	P8E	A7	607	-	15,16,17	1.05	1 (6%)	17,23,26	2.14	3 (17%)
2	P8E	AU	609	-	15,16,17	1.08	1 (6%)	17,23,26	2.11	3 (17%)
2	P8E	AQ	604	-	15,16,17	1.11	1 (6%)	17,23,26	2.26	3 (17%)
2	P8E	AD	609	-	15,16,17	1.08	1 (6%)	17,23,26	2.09	3 (17%)
2	P8E	A1	601	-	15,16,17	1.06	1 (6%)	17,23,26	1.95	3 (17%)
2	P8E	AP	605	-	15,16,17	1.11	1 (6%)	17,23,26	2.00	2 (11%)
2	P8E	AX	605	-	15,16,17	1.10	1 (6%)	17,23,26	2.04	3 (17%)
2	P8E	A3	608	-	15,16,17	1.08	1 (6%)	17,23,26	2.03	3 (17%)
2	P8E	A5	605	-	15,16,17	1.11	1 (6%)	17,23,26	2.02	2 (11%)
2	P8E	AP	604	-	15,16,17	1.10	1 (6%)	17,23,26	2.28	3 (17%)
2	P8E	AT	605	-	15,16,17	1.11	1 (6%)	17,23,26	2.00	2 (11%)
2	P8E	AP	608	-	15,16,17	1.07	1 (6%)	17,23,26	2.04	3 (17%)
2	P8E	AM	605	-	15,16,17	1.11	1 (6%)	17,23,26	2.00	2 (11%)
2	P8E	AQ	609	-	15,16,17	1.08	1 (6%)	17,23,26	2.11	3 (17%)
2	P8E	AA	601	-	15,16,17	1.06	1 (6%)	17,23,26	1.94	3 (17%)
2	P8E	A1	604	-	15,16,17	1.11	1 (6%)	17,23,26	2.25	3 (17%)
2	P8E	A1	605	-	15,16,17	1.11	1 (6%)	17,23,26	1.99	3 (17%)
2	P8E	A3	602	-	15,16,17	1.07	1 (6%)	17,23,26	2.21	4 (23%)
2	P8E	A2	608	-	15,16,17	1.07	1 (6%)	17,23,26	2.05	3 (17%)
2	P8E	A5	603	-	15,16,17	1.07	1 (6%)	17,23,26	2.03	3 (17%)
2	P8E	A8	604	-	15,16,17	1.11	1 (6%)	17,23,26	2.30	4 (23%)
2	P8E	AB	606	-	15,16,17	1.09	1 (6%)	17,23,26	1.88	3 (17%)
2	P8E	AV	603	-	15,16,17	1.07	1 (6%)	17,23,26	2.01	3 (17%)
2	P8E	AW	608	-	15,16,17	1.07	1 (6%)	17,23,26	2.06	3 (17%)
2	P8E	AD	606	-	15,16,17	1.09	1 (6%)	17,23,26	1.90	3 (17%)
2	P8E	AI	607	-	15,16,17	1.05	1 (6%)	17,23,26	2.13	3 (17%)
2	P8E	AA	609	-	15,16,17	1.09	1 (6%)	17,23,26	2.11	3 (17%)
2	P8E	A1	609	-	15,16,17	1.08	1 (6%)	17,23,26	2.11	3 (17%)
2	P8E	AB	604	-	15,16,17	1.12	1 (6%)	17,23,26	2.25	3 (17%)
2	P8E	AB	605	-	15,16,17	1.11	1 (6%)	17,23,26	1.98	2 (11%)
2	P8E	AS	604	-	15,16,17	1.10	1 (6%)	17,23,26	2.28	3 (17%)
2	P8E	AG	604	-	15,16,17	1.11	1 (6%)	17,23,26	2.27	3 (17%)
2	P8E	A9	606	-	15,16,17	1.09	1 (6%)	17,23,26	1.90	3 (17%)
2	P8E	AK	604	-	15,16,17	1.10	1 (6%)	17,23,26	2.28	3 (17%)



Mol	Type	Chain	Res	Link	Bond lengths			Bond angles		
					Counts	RMSZ	# Z  > 2	Counts	RMSZ	# Z  > 2
2	P8E	AL	607	-	15,16,17	1.04	1 (6%)	17,23,26	2.14	3 (17%)
2	P8E	AC	606	-	15,16,17	1.09	1 (6%)	17,23,26	1.91	3 (17%)
2	P8E	AJ	606	-	15,16,17	1.09	1 (6%)	17,23,26	1.91	3 (17%)
2	P8E	AS	608	-	15,16,17	1.08	1 (6%)	17,23,26	2.03	3 (17%)
2	P8E	AM	604	-	15,16,17	1.11	1 (6%)	17,23,26	2.27	3 (17%)
2	P8E	AO	608	-	15,16,17	1.07	1 (6%)	17,23,26	2.04	3 (17%)
2	P8E	AR	601	-	15,16,17	1.06	1 (6%)	17,23,26	1.94	3 (17%)
2	P8E	A7	603	-	15,16,17	1.07	1 (6%)	17,23,26	2.03	3 (17%)
2	P8E	AO	603	-	15,16,17	1.07	1 (6%)	17,23,26	2.02	3 (17%)
2	P8E	AV	602	-	15,16,17	1.06	1 (6%)	17,23,26	2.23	4 (23%)
2	P8E	A9	604	-	15,16,17	1.11	1 (6%)	17,23,26	2.26	3 (17%)
2	P8E	A5	607	-	15,16,17	1.04	1 (6%)	17,23,26	2.13	3 (17%)
2	P8E	AF	608	-	15,16,17	1.07	1 (6%)	17,23,26	2.05	3 (17%)
2	P8E	AK	609	-	15,16,17	1.08	1 (6%)	17,23,26	2.12	3 (17%)
2	P8E	AO	609	-	15,16,17	1.08	1 (6%)	17,23,26	2.12	3 (17%)
2	P8E	AG	607	-	15,16,17	1.05	1 (6%)	17,23,26	2.11	3 (17%)
2	P8E	AN	601	-	15,16,17	1.06	1 (6%)	17,23,26	1.94	3 (17%)
2	P8E	A9	602	-	15,16,17	1.06	1 (6%)	17,23,26	2.21	4 (23%)
2	P8E	AS	606	-	15,16,17	1.09	1 (6%)	17,23,26	1.94	3 (17%)
2	P8E	AR	604	-	15,16,17	1.11	1 (6%)	17,23,26	2.28	3 (17%)
2	P8E	AT	603	-	15,16,17	1.08	1 (6%)	17,23,26	2.02	3 (17%)
2	P8E	AU	607	-	15,16,17	1.05	1 (6%)	17,23,26	2.13	3 (17%)
2	P8E	AX	608	-	15,16,17	1.08	1 (6%)	17,23,26	2.02	3 (17%)
2	P8E	AH	609	-	15,16,17	1.09	1 (6%)	17,23,26	2.10	3 (17%)
2	P8E	AV	601	-	15,16,17	1.06	1 (6%)	17,23,26	1.95	3 (17%)
2	P8E	AN	604	-	15,16,17	1.11	1 (6%)	17,23,26	2.25	3 (17%)
2	P8E	AA	604	-	15,16,17	1.12	1 (6%)	17,23,26	2.25	3 (17%)
2	P8E	AR	603	-	15,16,17	1.08	1 (6%)	17,23,26	2.04	3 (17%)
2	P8E	A3	603	-	15,16,17	1.07	1 (6%)	17,23,26	2.03	3 (17%)
2	P8E	AS	603	-	15,16,17	1.08	1 (6%)	17,23,26	2.02	3 (17%)
2	P8E	A4	604	-	15,16,17	1.11	1 (6%)	17,23,26	2.26	3 (17%)
2	P8E	A2	606	-	15,16,17	1.09	1 (6%)	17,23,26	1.90	3 (17%)
2	P8E	AR	609	-	15,16,17	1.08	1 (6%)	17,23,26	2.11	3 (17%)
2	P8E	AI	602	-	15,16,17	1.07	1 (6%)	17,23,26	2.22	4 (23%)
2	P8E	AK	607	-	15,16,17	1.05	1 (6%)	17,23,26	2.12	3 (17%)



Mol	Type	Chain	Res	Link	Bond lengths			Bond angles		
					Counts	RMSZ	# Z  > 2	Counts	RMSZ	# Z  > 2
2	P8E	AN	603	-	15,16,17	1.08	1 (6%)	17,23,26	2.03	3 (17%)
2	P8E	AJ	608	-	15,16,17	1.08	1 (6%)	17,23,26	2.03	3 (17%)
2	P8E	AL	605	-	15,16,17	1.11	1 (6%)	17,23,26	2.03	2 (11%)
2	P8E	AR	608	-	15,16,17	1.08	1 (6%)	17,23,26	2.06	3 (17%)
2	P8E	AV	608	-	15,16,17	1.07	1 (6%)	17,23,26	2.05	3 (17%)
2	P8E	AF	606	-	15,16,17	1.09	1 (6%)	17,23,26	1.91	3 (17%)
2	P8E	AQ	607	-	15,16,17	1.05	1 (6%)	17,23,26	2.12	3 (17%)
2	P8E	AO	607	-	15,16,17	1.05	1 (6%)	17,23,26	2.13	3 (17%)
2	P8E	A8	603	-	15,16,17	1.08	1 (6%)	17,23,26	2.03	3 (17%)
2	P8E	AA	606	-	15,16,17	1.09	1 (6%)	17,23,26	1.90	3 (17%)
2	P8E	AF	601	-	15,16,17	1.06	1 (6%)	17,23,26	1.95	3 (17%)
2	P8E	AI	604	-	15,16,17	1.11	1 (6%)	17,23,26	2.27	3 (17%)
2	P8E	AL	603	-	15,16,17	1.07	1 (6%)	17,23,26	2.02	3 (17%)
2	P8E	A3	607	-	15,16,17	1.05	1 (6%)	17,23,26	2.15	3 (17%)
2	P8E	AK	602	-	15,16,17	1.07	1 (6%)	17,23,26	2.23	4 (23%)
2	P8E	AS	602	-	15,16,17	1.07	1 (6%)	17,23,26	2.22	4 (23%)
2	P8E	AQ	602	-	15,16,17	1.06	1 (6%)	17,23,26	2.20	4 (23%)
2	P8E	AE	606	-	15,16,17	1.09	1 (6%)	17,23,26	1.90	3 (17%)
2	P8E	AX	602	-	15,16,17	1.07	1 (6%)	17,23,26	2.22	4 (23%)
2	P8E	A8	609	-	15,16,17	1.07	1 (6%)	17,23,26	2.11	3 (17%)
2	P8E	AF	602	-	15,16,17	1.07	1 (6%)	17,23,26	2.20	4 (23%)
2	P8E	AJ	605	-	15,16,17	1.11	1 (6%)	17,23,26	2.06	2 (11%)
2	P8E	AM	601	-	15,16,17	1.06	1 (6%)	17,23,26	1.93	3 (17%)
2	P8E	A8	607	-	15,16,17	1.04	1 (6%)	17,23,26	2.13	3 (17%)
2	P8E	A7	604	-	15,16,17	1.10	1 (6%)	17,23,26	2.31	4 (23%)
2	P8E	AM	603	-	15,16,17	1.07	1 (6%)	17,23,26	2.02	3 (17%)
2	P8E	AO	604	-	15,16,17	1.10	1 (6%)	17,23,26	2.30	4 (23%)
2	P8E	AU	605	-	15,16,17	1.11	1 (6%)	17,23,26	2.00	3 (17%)
2	P8E	AW	601	-	15,16,17	1.06	1 (6%)	17,23,26	1.94	3 (17%)
2	P8E	AC	605	-	15,16,17	1.10	1 (6%)	17,23,26	2.04	3 (17%)
2	P8E	AI	608	-	15,16,17	1.08	1 (6%)	17,23,26	2.04	3 (17%)
2	P8E	AE	608	-	15,16,17	1.08	1 (6%)	17,23,26	2.03	3 (17%)
2	P8E	AF	609	-	15,16,17	1.09	1 (6%)	17,23,26	2.08	3 (17%)
2	P8E	AI	605	-	15,16,17	1.11	1 (6%)	17,23,26	2.00	3 (17%)
2	P8E	AO	601	-	15,16,17	1.06	1 (6%)	17,23,26	1.94	3 (17%)

Mol	Type	Chain	Res	Link	Bond lengths			Bond angles		
					Counts	RMSZ	# Z  > 2	Counts	RMSZ	# Z  > 2
2	P8E	AU	604	-	15,16,17	1.10	1 (6%)	17,23,26	2.30	3 (17%)
2	P8E	AD	608	-	15,16,17	1.08	1 (6%)	17,23,26	2.04	3 (17%)
2	P8E	A6	609	-	15,16,17	1.09	1 (6%)	17,23,26	2.09	3 (17%)
2	P8E	AI	603	-	15,16,17	1.08	1 (6%)	17,23,26	2.02	3 (17%)
2	P8E	AN	607	-	15,16,17	1.05	1 (6%)	17,23,26	2.12	3 (17%)
2	P8E	AP	601	-	15,16,17	1.06	1 (6%)	17,23,26	1.94	3 (17%)
2	P8E	AW	603	-	15,16,17	1.08	1 (6%)	17,23,26	2.00	3 (17%)
2	P8E	AX	601	-	15,16,17	1.06	1 (6%)	17,23,26	1.94	3 (17%)
2	P8E	AD	603	-	15,16,17	1.07	1 (6%)	17,23,26	2.02	3 (17%)
2	P8E	AH	601	-	15,16,17	1.06	1 (6%)	17,23,26	1.94	3 (17%)
2	P8E	AL	608	-	15,16,17	1.08	1 (6%)	17,23,26	2.04	3 (17%)
2	P8E	AV	607	-	15,16,17	1.07	1 (6%)	17,23,26	2.10	3 (17%)
2	P8E	AH	606	-	15,16,17	1.09	1 (6%)	17,23,26	1.92	3 (17%)
2	P8E	AE	604	-	15,16,17	1.10	1 (6%)	17,23,26	2.32	4 (23%)
2	P8E	A4	609	-	15,16,17	1.08	1 (6%)	17,23,26	2.11	3 (17%)
2	P8E	AN	602	-	15,16,17	1.07	1 (6%)	17,23,26	2.21	4 (23%)
2	P8E	AG	601	-	15,16,17	1.06	1 (6%)	17,23,26	1.93	3 (17%)
2	P8E	AV	605	-	15,16,17	1.11	1 (6%)	17,23,26	1.98	2 (11%)
2	P8E	AX	604	-	15,16,17	1.10	1 (6%)	17,23,26	2.31	4 (23%)
2	P8E	AH	604	-	15,16,17	1.11	1 (6%)	17,23,26	2.25	3 (17%)
2	P8E	AW	607	-	15,16,17	1.07	1 (6%)	17,23,26	2.11	3 (17%)
2	P8E	AR	606	-	15,16,17	1.10	1 (6%)	17,23,26	1.93	3 (17%)
2	P8E	A7	606	-	15,16,17	1.08	1 (6%)	17,23,26	1.90	3 (17%)
2	P8E	AJ	603	-	15,16,17	1.07	1 (6%)	17,23,26	2.02	3 (17%)
2	P8E	AT	608	-	15,16,17	1.08	1 (6%)	17,23,26	2.05	3 (17%)
2	P8E	A3	605	-	15,16,17	1.10	1 (6%)	17,23,26	2.04	3 (17%)
2	P8E	AL	606	-	15,16,17	1.09	1 (6%)	17,23,26	1.91	3 (17%)
2	P8E	AR	607	-	15,16,17	1.05	1 (6%)	17,23,26	2.12	3 (17%)
2	P8E	A8	605	-	15,16,17	1.11	1 (6%)	17,23,26	2.04	2 (11%)
2	P8E	AX	609	-	15,16,17	1.07	1 (6%)	17,23,26	2.11	3 (17%)
2	P8E	AP	602	-	15,16,17	1.07	1 (6%)	17,23,26	2.23	4 (23%)
2	P8E	A1	602	-	15,16,17	1.06	1 (6%)	17,23,26	2.20	4 (23%)
2	P8E	A7	608	-	15,16,17	1.08	1 (6%)	17,23,26	2.03	3 (17%)
2	P8E	AD	602	-	15,16,17	1.07	1 (6%)	17,23,26	2.20	4 (23%)

In the following table, the Chirals column lists the number of chiral outliers, the number of chiral centers analysed, the number of these observed in the model and the number defined in the Chemical Component Dictionary. Similar counts are reported in the Torsion and Rings columns. '-' means no outliers of that kind were identified.

Mol	Type	Chain	Res	Link	Chirals	Torsions	Rings
2	P8E	AD	607	-	-	6/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AN	608	-	-	1/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AC	603	-	-	2/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AP	607	-	-	6/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AL	602	-	-	0/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AA	603	-	-	3/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AK	608	-	-	1/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	A7	609	-	-	3/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AD	605	-	-	3/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	A6	603	-	-	2/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AE	609	-	-	3/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AI	606	-	-	2/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AT	607	-	-	6/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AQ	608	-	-	1/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AA	602	-	-	0/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AM	608	-	-	1/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AX	606	-	-	2/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AJ	607	-	-	6/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AW	604	-	1/1/7/7	9/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AN	609	-	-	3/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AL	601	-	-	0/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	A9	605	-	-	3/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AU	603	-	-	2/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AD	604	-	1/1/7/7	8/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AW	602	-	-	0/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	A2	602	-	-	0/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AA	607	-	-	6/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AF	604	-	1/1/7/7	8/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AO	606	-	-	2/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	A9	603	-	-	3/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AS	607	-	-	6/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AL	604	-	1/1/7/7	9/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	A2	609	-	-	3/11/28/32	0/1/1/1

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Type	Chain	Res	Link	Chirals	Torsions	Rings
2	P8E	A8	608	-	-	1/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AE	607	-	-	6/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AT	602	-	-	0/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	A5	606	-	-	2/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AT	601	-	-	0/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AG	605	-	-	3/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	A6	602	-	-	0/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	A6	608	-	-	1/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	A9	601	-	-	0/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AE	605	-	-	3/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AJ	601	-	-	0/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	A8	602	-	-	0/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AM	606	-	-	2/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	A1	606	-	-	2/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AT	604	-	1/1/7/7	9/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AI	601	-	-	0/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	A4	605	-	-	3/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AU	601	-	-	0/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	A6	605	-	-	3/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AD	601	-	-	0/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AO	602	-	-	0/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	A3	604	-	1/1/7/7	9/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AJ	604	-	1/1/7/7	9/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	A6	601	-	-	0/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	A1	608	-	-	2/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	A5	602	-	-	0/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AE	603	-	-	2/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AS	601	-	-	0/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AB	609	-	-	3/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AO	605	-	-	3/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AH	607	-	-	6/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AE	601	-	-	0/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AQ	601	-	-	0/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	A9	607	-	-	6/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AM	609	-	-	3/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	A4	607	-	-	6/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AF	605	-	-	3/11/28/32	0/1/1/1

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Type	Chain	Res	Link	Chirals	Torsions	Rings
2	P8E	A5	609	-	-	3/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	A4	601	-	-	0/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AN	606	-	-	2/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AG	609	-	-	3/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AW	609	-	-	3/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	A5	601	-	-	0/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AF	603	-	-	2/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AC	609	-	-	3/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AS	605	-	-	3/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AV	604	-	1/1/7/7	8/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AC	608	-	-	1/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AB	602	-	-	0/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AU	608	-	-	1/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	A5	604	-	1/1/7/7	9/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AB	607	-	-	6/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	A7	602	-	-	0/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	A8	606	-	-	2/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	A4	603	-	-	3/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AE	602	-	-	0/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AU	602	-	-	0/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AG	606	-	-	2/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	A3	601	-	-	0/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	A4	606	-	-	2/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AS	609	-	-	3/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	A7	605	-	-	3/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AQ	605	-	-	3/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	A7	601	-	-	0/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	A2	607	-	-	6/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	A3	609	-	-	3/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	A8	601	-	-	0/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AH	605	-	-	3/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AC	607	-	-	6/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AA	608	-	-	1/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AP	609	-	-	3/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AQ	603	-	-	3/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AR	602	-	-	0/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	A4	608	-	-	1/11/28/32	0/1/1/1

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Type	Chain	Res	Link	Chirals	Torsions	Rings
2	P8E	A6	606	-	-	2/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AA	605	-	-	3/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	A6	607	-	-	6/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AH	602	-	-	0/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AJ	602	-	-	0/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AW	606	-	-	2/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AG	603	-	-	2/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AC	602	-	-	0/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AP	603	-	-	2/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AR	605	-	-	3/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AK	601	-	-	0/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	A1	603	-	-	3/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	A3	606	-	-	2/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AN	605	-	-	3/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AB	608	-	-	1/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	A2	601	-	-	0/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AT	606	-	-	2/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AC	601	-	-	0/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AB	603	-	-	3/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AK	605	-	-	3/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AB	601	-	-	0/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AF	607	-	-	6/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AU	606	-	-	2/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AL	609	-	-	3/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AV	609	-	-	3/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	A2	604	-	1/1/7/7	9/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	A2	605	-	-	3/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AW	605	-	-	3/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AX	607	-	-	6/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AH	608	-	-	0/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AX	603	-	-	2/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AM	602	-	-	0/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AC	604	-	1/1/7/7	9/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	A1	607	-	-	6/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AK	603	-	-	2/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	A9	608	-	-	1/11/28/32	0/1/1/1

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Type	Chain	Res	Link	Chirals	Torsions	Rings
2	P8E	AG	602	-	-	0/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AG	608	-	-	0/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	A2	603	-	-	2/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	A5	608	-	-	1/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AK	606	-	-	2/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AH	603	-	-	2/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AQ	606	-	-	2/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AT	609	-	-	3/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	A9	609	-	-	3/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	A4	602	-	-	0/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AM	607	-	-	6/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AJ	609	-	-	3/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AV	606	-	-	2/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AI	609	-	-	3/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AP	606	-	-	2/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	A7	607	-	-	6/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AU	609	-	-	3/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AQ	604	-	1/1/7/7	9/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AD	609	-	-	3/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	A1	601	-	-	0/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AP	605	-	-	3/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AX	605	-	-	3/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	A3	608	-	-	0/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AP	604	-	1/1/7/7	9/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	A5	605	-	-	3/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	A7	608	-	-	0/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AT	605	-	-	3/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AP	608	-	-	1/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AM	605	-	-	3/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AQ	609	-	-	3/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AA	601	-	-	0/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	A1	604	-	1/1/7/7	8/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	A1	605	-	-	3/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	A3	602	-	-	0/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	A2	608	-	-	1/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	A5	603	-	-	3/11/28/32	0/1/1/1

*Continued on next page...*



*Continued from previous page...*

Mol	Type	Chain	Res	Link	Chirals	Torsions	Rings
2	P8E	A8	604	-	1/1/7/7	9/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AB	606	-	-	2/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AV	603	-	-	2/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AW	608	-	-	1/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AD	606	-	-	2/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AI	607	-	-	6/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AA	609	-	-	3/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	A1	609	-	-	3/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AB	604	-	1/1/7/7	9/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AB	605	-	-	3/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AS	604	-	1/1/7/7	9/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AG	604	-	1/1/7/7	9/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AK	604	-	1/1/7/7	9/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	A9	606	-	-	2/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AL	607	-	-	6/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AC	606	-	-	2/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AJ	606	-	-	2/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AS	608	-	-	1/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AM	604	-	1/1/7/7	8/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AO	608	-	-	1/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AR	601	-	-	0/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	A7	603	-	-	2/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AO	603	-	-	3/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AV	602	-	-	0/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	A9	604	-	1/1/7/7	8/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	A5	607	-	-	6/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AF	608	-	-	1/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AK	609	-	-	3/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AO	609	-	-	3/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AG	607	-	-	6/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AN	601	-	-	0/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	A9	602	-	-	0/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AS	606	-	-	2/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AR	604	-	1/1/7/7	9/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AT	603	-	-	2/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AU	607	-	-	6/11/28/32	0/1/1/1

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Type	Chain	Res	Link	Chirals	Torsions	Rings
2	P8E	AX	608	-	-	0/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AH	609	-	-	3/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AV	601	-	-	0/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AN	604	-	1/1/7/7	9/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AA	604	-	1/1/7/7	9/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AR	603	-	-	2/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	A3	603	-	-	2/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AS	603	-	-	2/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	A4	604	-	1/1/7/7	9/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	A2	606	-	-	2/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AR	609	-	-	3/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AI	602	-	-	0/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AK	607	-	-	6/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AN	603	-	-	3/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AJ	608	-	-	1/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AL	605	-	-	3/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AR	608	-	-	1/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AV	608	-	-	1/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AF	606	-	-	2/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AQ	607	-	-	6/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AO	607	-	-	6/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	A8	603	-	-	2/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AA	606	-	-	2/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AF	601	-	-	0/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AI	604	-	1/1/7/7	9/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AL	603	-	-	2/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	A3	607	-	-	6/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AK	602	-	-	0/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AS	602	-	-	0/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AQ	602	-	-	0/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AE	606	-	-	2/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AX	602	-	-	0/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	A8	609	-	-	3/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AF	602	-	-	0/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AJ	605	-	-	3/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AM	601	-	-	0/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	A8	607	-	-	6/11/28/32	0/1/1/1

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Type	Chain	Res	Link	Chirals	Torsions	Rings
2	P8E	A7	604	-	1/1/7/7	8/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AM	603	-	-	2/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AO	604	-	1/1/7/7	9/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AU	605	-	-	3/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AW	601	-	-	0/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AC	605	-	-	3/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AU	604	-	1/1/7/7	8/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AE	608	-	-	1/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AF	609	-	-	3/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AI	605	-	-	3/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AI	608	-	-	1/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AO	601	-	-	0/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AD	608	-	-	1/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	A6	609	-	-	3/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AI	603	-	-	2/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AN	607	-	-	6/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AP	601	-	-	0/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AW	603	-	-	2/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AX	601	-	-	0/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AD	603	-	-	2/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AH	601	-	-	0/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AL	608	-	-	1/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AV	607	-	-	6/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AH	606	-	-	2/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AE	604	-	1/1/7/7	9/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	A4	609	-	-	3/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AN	602	-	-	0/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AG	601	-	-	0/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AX	604	-	1/1/7/7	8/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AV	605	-	-	3/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AH	604	-	1/1/7/7	9/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AW	607	-	-	6/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AR	606	-	-	2/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	A7	606	-	-	2/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AJ	603	-	-	2/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AT	608	-	-	1/11/28/32	0/1/1/1

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Type	Chain	Res	Link	Chirals	Torsions	Rings
2	P8E	A3	605	-	-	3/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AL	606	-	-	2/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AR	607	-	-	6/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	A8	605	-	-	3/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AX	609	-	-	3/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AP	602	-	-	0/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	A1	602	-	-	0/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	A6	604	-	1/1/7/7	8/11/28/32	0/1/1/1
2	P8E	AD	602	-	-	0/11/28/32	0/1/1/1

All (297) bond length outliers are listed below:

Mol	Chain	Res	Type	Atoms	Z	Observed(Å)	Ideal(Å)
2	AV	604	P8E	O6-C6	-2.59	1.40	1.44
2	AK	605	P8E	O6-C6	-2.48	1.40	1.44
2	AF	605	P8E	O6-C6	-2.48	1.40	1.44
2	AR	605	P8E	O6-C6	-2.47	1.40	1.44
2	AI	605	P8E	O6-C6	-2.47	1.40	1.44
2	AA	605	P8E	O6-C6	-2.47	1.40	1.44
2	AB	605	P8E	O6-C6	-2.47	1.40	1.44
2	A5	605	P8E	O6-C6	-2.47	1.40	1.44
2	AM	605	P8E	O6-C6	-2.47	1.40	1.44
2	AW	605	P8E	O6-C6	-2.47	1.40	1.44
2	AQ	605	P8E	O6-C6	-2.46	1.40	1.44
2	A9	605	P8E	O6-C6	-2.46	1.40	1.44
2	A6	605	P8E	O6-C6	-2.46	1.40	1.44
2	AO	605	P8E	O6-C6	-2.46	1.40	1.44
2	AH	605	P8E	O6-C6	-2.46	1.40	1.44
2	AA	604	P8E	O6-C6	-2.46	1.40	1.44
2	A4	605	P8E	O6-C6	-2.46	1.40	1.44
2	AB	604	P8E	O6-C6	-2.45	1.40	1.44
2	A2	605	P8E	O6-C6	-2.45	1.40	1.44
2	AN	605	P8E	O6-C6	-2.45	1.40	1.44
2	A8	605	P8E	O6-C6	-2.45	1.40	1.44
2	A1	605	P8E	O6-C6	-2.45	1.40	1.44
2	AG	605	P8E	O6-C6	-2.45	1.40	1.44
2	AS	605	P8E	O6-C6	-2.45	1.40	1.44
2	AV	605	P8E	O6-C6	-2.45	1.40	1.44
2	AT	605	P8E	O6-C6	-2.45	1.40	1.44
2	AU	606	P8E	O6-C6	-2.45	1.40	1.44
2	AU	605	P8E	O6-C6	-2.44	1.40	1.44

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Res	Type	Atoms	Z	Observed(Å)	Ideal(Å)
2	AJ	605	P8E	O6-C6	-2.44	1.40	1.44
2	AP	605	P8E	O6-C6	-2.44	1.40	1.44
2	AT	604	P8E	O6-C6	-2.43	1.40	1.44
2	AQ	604	P8E	O6-C6	-2.43	1.40	1.44
2	AL	605	P8E	O6-C6	-2.43	1.40	1.44
2	A1	604	P8E	O6-C6	-2.42	1.40	1.44
2	AR	606	P8E	O6-C6	-2.42	1.40	1.44
2	A3	605	P8E	O6-C6	-2.42	1.40	1.44
2	A6	604	P8E	O6-C6	-2.42	1.40	1.44
2	AE	605	P8E	O6-C6	-2.42	1.40	1.44
2	AI	606	P8E	O6-C6	-2.42	1.40	1.44
2	AD	605	P8E	O6-C6	-2.41	1.40	1.44
2	AK	606	P8E	O6-C6	-2.41	1.40	1.44
2	AN	604	P8E	O6-C6	-2.41	1.40	1.44
2	A9	604	P8E	O6-C6	-2.41	1.40	1.44
2	AH	604	P8E	O6-C6	-2.41	1.40	1.44
2	AC	605	P8E	O6-C6	-2.41	1.40	1.44
2	AG	604	P8E	O6-C6	-2.41	1.40	1.44
2	AM	604	P8E	O6-C6	-2.41	1.40	1.44
2	AX	605	P8E	O6-C6	-2.41	1.40	1.44
2	A2	604	P8E	O6-C6	-2.41	1.40	1.44
2	A7	605	P8E	O6-C6	-2.41	1.40	1.44
2	AI	604	P8E	O6-C6	-2.41	1.40	1.44
2	AW	604	P8E	O6-C6	-2.41	1.40	1.44
2	A4	604	P8E	O6-C6	-2.41	1.40	1.44
2	AF	604	P8E	O6-C6	-2.41	1.40	1.44
2	AU	604	P8E	O6-C6	-2.41	1.40	1.44
2	A8	604	P8E	O6-C6	-2.40	1.40	1.44
2	AF	606	P8E	O6-C6	-2.40	1.40	1.44
2	AL	604	P8E	O6-C6	-2.40	1.40	1.44
2	A5	604	P8E	O6-C6	-2.40	1.40	1.44
2	AR	604	P8E	O6-C6	-2.40	1.40	1.44
2	AO	604	P8E	O6-C6	-2.40	1.40	1.44
2	AG	606	P8E	O6-C6	-2.40	1.40	1.44
2	A9	606	P8E	O6-C6	-2.40	1.40	1.44
2	AP	604	P8E	O6-C6	-2.40	1.40	1.44
2	A6	606	P8E	O6-C6	-2.40	1.40	1.44
2	AS	604	P8E	O6-C6	-2.40	1.40	1.44
2	AN	606	P8E	O6-C6	-2.40	1.40	1.44
2	AT	606	P8E	O6-C6	-2.40	1.40	1.44
2	AK	604	P8E	O6-C6	-2.40	1.40	1.44
2	AJ	604	P8E	O6-C6	-2.39	1.40	1.44

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Res	Type	Atoms	Z	Observed(Å)	Ideal(Å)
2	AS	606	P8E	O6-C6	-2.39	1.40	1.44
2	A7	604	P8E	O6-C6	-2.39	1.40	1.44
2	AC	604	P8E	O6-C6	-2.39	1.40	1.44
2	AX	604	P8E	O6-C6	-2.39	1.40	1.44
2	AM	606	P8E	O6-C6	-2.39	1.40	1.44
2	A1	606	P8E	O6-C6	-2.39	1.40	1.44
2	AE	604	P8E	O6-C6	-2.39	1.40	1.44
2	AB	606	P8E	O6-C6	-2.39	1.40	1.44
2	A2	606	P8E	O6-C6	-2.39	1.40	1.44
2	AP	606	P8E	O6-C6	-2.39	1.40	1.44
2	AQ	606	P8E	O6-C6	-2.39	1.40	1.44
2	A5	606	P8E	O6-C6	-2.39	1.40	1.44
2	A3	604	P8E	O6-C6	-2.38	1.40	1.44
2	AH	606	P8E	O6-C6	-2.38	1.40	1.44
2	AV	606	P8E	O6-C6	-2.38	1.40	1.44
2	AD	606	P8E	O6-C6	-2.38	1.40	1.44
2	A4	606	P8E	O6-C6	-2.38	1.40	1.44
2	A8	606	P8E	O6-C6	-2.38	1.40	1.44
2	AD	604	P8E	O6-C6	-2.38	1.40	1.44
2	AJ	606	P8E	O6-C6	-2.38	1.40	1.44
2	AW	606	P8E	O6-C6	-2.37	1.40	1.44
2	AO	606	P8E	O6-C6	-2.37	1.40	1.44
2	AA	606	P8E	O6-C6	-2.37	1.40	1.44
2	AL	606	P8E	O6-C6	-2.37	1.40	1.44
2	AC	606	P8E	O6-C6	-2.36	1.40	1.44
2	AE	606	P8E	O6-C6	-2.36	1.40	1.44
2	A3	606	P8E	O6-C6	-2.36	1.40	1.44
2	AM	609	P8E	O6-C6	-2.36	1.40	1.44
2	A6	609	P8E	O6-C6	-2.35	1.40	1.44
2	A9	609	P8E	O6-C6	-2.35	1.40	1.44
2	AF	609	P8E	O6-C6	-2.35	1.40	1.44
2	AA	609	P8E	O6-C6	-2.35	1.40	1.44
2	AQ	609	P8E	O6-C6	-2.35	1.40	1.44
2	AX	606	P8E	O6-C6	-2.35	1.40	1.44
2	AH	609	P8E	O6-C6	-2.35	1.40	1.44
2	A4	609	P8E	O6-C6	-2.34	1.40	1.44
2	A7	606	P8E	O6-C6	-2.34	1.40	1.44
2	A1	609	P8E	O6-C6	-2.33	1.40	1.44
2	AN	609	P8E	O6-C6	-2.33	1.40	1.44
2	A2	609	P8E	O6-C6	-2.33	1.40	1.44
2	A1	603	P8E	O6-C6	-2.33	1.40	1.44
2	AK	603	P8E	O6-C6	-2.33	1.40	1.44

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Res	Type	Atoms	Z	Observed(Å)	Ideal(Å)
2	AV	609	P8E	O6-C6	-2.33	1.40	1.44
2	AT	609	P8E	O6-C6	-2.33	1.40	1.44
2	AG	609	P8E	O6-C6	-2.33	1.40	1.44
2	AQ	603	P8E	O6-C6	-2.33	1.40	1.44
2	AS	603	P8E	O6-C6	-2.33	1.40	1.44
2	A2	603	P8E	O6-C6	-2.32	1.40	1.44
2	AR	609	P8E	O6-C6	-2.32	1.40	1.44
2	AW	609	P8E	O6-C6	-2.32	1.40	1.44
2	AD	609	P8E	O6-C6	-2.32	1.40	1.44
2	AK	602	P8E	O6-C6	-2.32	1.40	1.44
2	AP	609	P8E	O6-C6	-2.32	1.40	1.44
2	A4	603	P8E	O6-C6	-2.32	1.40	1.44
2	AR	602	P8E	O6-C6	-2.32	1.40	1.44
2	AU	609	P8E	O6-C6	-2.32	1.40	1.44
2	AW	603	P8E	O6-C6	-2.32	1.40	1.44
2	AG	602	P8E	O6-C6	-2.31	1.40	1.44
2	AN	603	P8E	O6-C6	-2.31	1.40	1.44
2	AF	603	P8E	O6-C6	-2.31	1.40	1.44
2	AB	609	P8E	O6-C6	-2.31	1.40	1.44
2	A9	603	P8E	O6-C6	-2.31	1.40	1.44
2	AH	603	P8E	O6-C6	-2.31	1.40	1.44
2	AI	609	P8E	O6-C6	-2.31	1.40	1.44
2	AL	602	P8E	O6-C6	-2.31	1.40	1.44
2	AI	602	P8E	O6-C6	-2.31	1.40	1.44
2	A6	602	P8E	O6-C6	-2.31	1.40	1.44
2	AT	602	P8E	O6-C6	-2.31	1.40	1.44
2	A9	602	P8E	O6-C6	-2.31	1.40	1.44
2	AI	603	P8E	O6-C6	-2.31	1.40	1.44
2	A7	608	P8E	O6-C6	-2.31	1.40	1.44
2	AF	602	P8E	O6-C6	-2.31	1.40	1.44
2	AH	602	P8E	O6-C6	-2.31	1.40	1.44
2	AK	609	P8E	O6-C6	-2.31	1.40	1.44
2	A8	602	P8E	O6-C6	-2.31	1.40	1.44
2	AM	602	P8E	O6-C6	-2.31	1.40	1.44
2	AP	603	P8E	O6-C6	-2.31	1.40	1.44
2	AX	608	P8E	O6-C6	-2.31	1.40	1.44
2	A3	608	P8E	O6-C6	-2.31	1.40	1.44
2	AO	609	P8E	O6-C6	-2.31	1.40	1.44
2	AS	602	P8E	O6-C6	-2.31	1.40	1.44
2	AX	602	P8E	O6-C6	-2.31	1.40	1.44
2	AS	609	P8E	O6-C6	-2.30	1.40	1.44
2	AB	602	P8E	O6-C6	-2.30	1.40	1.44

*Continued on next page...*



*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Res	Type	Atoms	Z	Observed(Å)	Ideal(Å)
2	AD	602	P8E	O6-C6	-2.30	1.40	1.44
2	A6	603	P8E	O6-C6	-2.30	1.40	1.44
2	AC	609	P8E	O6-C6	-2.30	1.40	1.44
2	AE	608	P8E	O6-C6	-2.30	1.40	1.44
2	AE	609	P8E	O6-C6	-2.30	1.40	1.44
2	AN	608	P8E	O6-C6	-2.30	1.40	1.44
2	AP	602	P8E	O6-C6	-2.30	1.40	1.44
2	AO	602	P8E	O6-C6	-2.30	1.40	1.44
2	A5	602	P8E	O6-C6	-2.30	1.40	1.44
2	AR	603	P8E	O6-C6	-2.30	1.40	1.44
2	AC	602	P8E	O6-C6	-2.30	1.40	1.44
2	AJ	602	P8E	O6-C6	-2.30	1.40	1.44
2	AJ	609	P8E	O6-C6	-2.30	1.40	1.44
2	A1	602	P8E	O6-C6	-2.30	1.40	1.44
2	A2	602	P8E	O6-C6	-2.30	1.40	1.44
2	AG	603	P8E	O6-C6	-2.30	1.40	1.44
2	A3	602	P8E	O6-C6	-2.30	1.40	1.44
2	AA	602	P8E	O6-C6	-2.30	1.40	1.44
2	AN	602	P8E	O6-C6	-2.30	1.40	1.44
2	AT	603	P8E	O6-C6	-2.30	1.40	1.44
2	A5	609	P8E	O6-C6	-2.30	1.40	1.44
2	A8	608	P8E	O6-C6	-2.30	1.40	1.44
2	AQ	602	P8E	O6-C6	-2.30	1.40	1.44
2	AV	603	P8E	O6-C6	-2.30	1.40	1.44
2	AJ	608	P8E	O6-C6	-2.29	1.40	1.44
2	A4	602	P8E	O6-C6	-2.29	1.40	1.44
2	A8	609	P8E	O6-C6	-2.29	1.40	1.44
2	AV	602	P8E	O6-C6	-2.29	1.40	1.44
2	A7	602	P8E	O6-C6	-2.29	1.40	1.44
2	AU	608	P8E	O6-C6	-2.29	1.40	1.44
2	AU	602	P8E	O6-C6	-2.29	1.40	1.44
2	A8	603	P8E	O6-C6	-2.29	1.40	1.44
2	AA	603	P8E	O6-C6	-2.29	1.40	1.44
2	A3	609	P8E	O6-C6	-2.29	1.40	1.44
2	AD	608	P8E	O6-C6	-2.29	1.40	1.44
2	AK	608	P8E	O6-C6	-2.29	1.40	1.44
2	AL	608	P8E	O6-C6	-2.29	1.40	1.44
2	AM	603	P8E	O6-C6	-2.29	1.40	1.44
2	AU	603	P8E	O6-C6	-2.29	1.40	1.44
2	AW	602	P8E	O6-C6	-2.29	1.40	1.44
2	AS	608	P8E	O6-C6	-2.29	1.40	1.44
2	AJ	603	P8E	O6-C6	-2.29	1.40	1.44

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Res	Type	Atoms	Z	Observed(Å)	Ideal(Å)
2	AE	602	P8E	O6-C6	-2.29	1.40	1.44
2	AL	603	P8E	O6-C6	-2.28	1.40	1.44
2	AL	609	P8E	O6-C6	-2.28	1.40	1.44
2	AB	603	P8E	O6-C6	-2.28	1.40	1.44
2	AC	608	P8E	O6-C6	-2.28	1.40	1.44
2	A5	608	P8E	O6-C6	-2.28	1.40	1.44
2	A7	609	P8E	O6-C6	-2.28	1.40	1.44
2	AO	603	P8E	O6-C6	-2.27	1.40	1.44
2	AX	609	P8E	O6-C6	-2.27	1.40	1.44
2	AC	603	P8E	O6-C6	-2.27	1.40	1.44
2	AD	603	P8E	O6-C6	-2.27	1.40	1.44
2	AE	603	P8E	O6-C6	-2.27	1.40	1.44
2	A5	603	P8E	O6-C6	-2.27	1.40	1.44
2	AO	608	P8E	O6-C6	-2.27	1.40	1.44
2	AA	607	P8E	O6-C6	-2.27	1.40	1.44
2	AI	608	P8E	O6-C6	-2.27	1.40	1.44
2	A3	601	P8E	O6-C6	-2.26	1.40	1.44
2	A3	603	P8E	O6-C6	-2.26	1.40	1.44
2	AR	608	P8E	O6-C6	-2.26	1.40	1.44
2	AE	601	P8E	O6-C6	-2.26	1.40	1.44
2	A4	607	P8E	O6-C6	-2.26	1.40	1.44
2	A7	601	P8E	O6-C6	-2.26	1.40	1.44
2	AB	607	P8E	O6-C6	-2.26	1.40	1.44
2	AG	608	P8E	O6-C6	-2.26	1.40	1.44
2	AQ	608	P8E	O6-C6	-2.26	1.40	1.44
2	AH	608	P8E	O6-C6	-2.26	1.40	1.44
2	AP	608	P8E	O6-C6	-2.26	1.40	1.44
2	AT	608	P8E	O6-C6	-2.26	1.40	1.44
2	AX	603	P8E	O6-C6	-2.26	1.40	1.44
2	AB	608	P8E	O6-C6	-2.25	1.40	1.44
2	AV	608	P8E	O6-C6	-2.25	1.40	1.44
2	AV	607	P8E	O6-C6	-2.25	1.40	1.44
2	A1	608	P8E	O6-C6	-2.25	1.40	1.44
2	A4	608	P8E	O6-C6	-2.25	1.40	1.44
2	AD	601	P8E	O6-C6	-2.25	1.40	1.44
2	A9	608	P8E	O6-C6	-2.25	1.40	1.44
2	A7	603	P8E	O6-C6	-2.25	1.40	1.44
2	AF	608	P8E	O6-C6	-2.25	1.40	1.44
2	A2	608	P8E	O6-C6	-2.25	1.40	1.44
2	AA	608	P8E	O6-C6	-2.25	1.40	1.44
2	AW	607	P8E	O6-C6	-2.24	1.40	1.44
2	AX	601	P8E	O6-C6	-2.24	1.40	1.44

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Res	Type	Atoms	Z	Observed(Å)	Ideal(Å)
2	AM	608	P8E	O6-C6	-2.24	1.40	1.44
2	AP	601	P8E	O6-C6	-2.24	1.40	1.44
2	AW	608	P8E	O6-C6	-2.24	1.40	1.44
2	A6	608	P8E	O6-C6	-2.24	1.40	1.44
2	A2	607	P8E	O6-C6	-2.24	1.40	1.44
2	A9	601	P8E	O6-C6	-2.23	1.40	1.44
2	AW	601	P8E	O6-C6	-2.23	1.40	1.44
2	A5	601	P8E	O6-C6	-2.23	1.40	1.44
2	AC	601	P8E	O6-C6	-2.23	1.40	1.44
2	AG	601	P8E	O6-C6	-2.23	1.40	1.44
2	AS	601	P8E	O6-C6	-2.23	1.40	1.44
2	AO	601	P8E	O6-C6	-2.23	1.40	1.44
2	AL	601	P8E	O6-C6	-2.23	1.40	1.44
2	AM	601	P8E	O6-C6	-2.23	1.40	1.44
2	AU	601	P8E	O6-C6	-2.23	1.40	1.44
2	A1	607	P8E	O6-C6	-2.23	1.40	1.44
2	A6	601	P8E	O6-C6	-2.23	1.40	1.44
2	A1	601	P8E	O6-C6	-2.23	1.40	1.44
2	AA	601	P8E	O6-C6	-2.22	1.40	1.44
2	AK	601	P8E	O6-C6	-2.22	1.40	1.44
2	A9	607	P8E	O6-C6	-2.22	1.40	1.44
2	AF	601	P8E	O6-C6	-2.22	1.40	1.44
2	A2	601	P8E	O6-C6	-2.22	1.40	1.44
2	A4	601	P8E	O6-C6	-2.22	1.40	1.44
2	A6	607	P8E	O6-C6	-2.22	1.40	1.44
2	AN	601	P8E	O6-C6	-2.22	1.40	1.44
2	AB	601	P8E	O6-C6	-2.22	1.40	1.44
2	AI	601	P8E	O6-C6	-2.22	1.40	1.44
2	AT	601	P8E	O6-C6	-2.22	1.40	1.44
2	A8	601	P8E	O6-C6	-2.22	1.40	1.44
2	AJ	601	P8E	O6-C6	-2.22	1.40	1.44
2	AF	607	P8E	O6-C6	-2.22	1.40	1.44
2	AQ	601	P8E	O6-C6	-2.21	1.40	1.44
2	AV	601	P8E	O6-C6	-2.21	1.40	1.44
2	AH	601	P8E	O6-C6	-2.21	1.40	1.44
2	AR	601	P8E	O6-C6	-2.21	1.40	1.44
2	AM	607	P8E	O6-C6	-2.20	1.40	1.44
2	AS	607	P8E	O6-C6	-2.19	1.40	1.44
2	AH	607	P8E	O6-C6	-2.19	1.40	1.44
2	AQ	607	P8E	O6-C6	-2.19	1.40	1.44
2	AT	607	P8E	O6-C6	-2.18	1.40	1.44
2	AN	607	P8E	O6-C6	-2.18	1.40	1.44

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Res	Type	Atoms	Z	Observed(Å)	Ideal(Å)
2	AG	607	P8E	O6-C6	-2.17	1.40	1.44
2	AX	607	P8E	O6-C6	-2.17	1.40	1.44
2	AU	607	P8E	O6-C6	-2.15	1.40	1.44
2	AE	607	P8E	O6-C6	-2.15	1.40	1.44
2	AI	607	P8E	O6-C6	-2.15	1.40	1.44
2	AK	607	P8E	O6-C6	-2.14	1.40	1.44
2	AR	607	P8E	O6-C6	-2.14	1.40	1.44
2	AP	607	P8E	O6-C6	-2.14	1.40	1.44
2	AD	607	P8E	O6-C6	-2.14	1.40	1.44
2	A3	607	P8E	O6-C6	-2.14	1.40	1.44
2	AO	607	P8E	O6-C6	-2.14	1.40	1.44
2	A8	607	P8E	O6-C6	-2.13	1.40	1.44
2	A7	607	P8E	O6-C6	-2.12	1.40	1.44
2	AC	607	P8E	O6-C6	-2.12	1.40	1.44
2	AJ	607	P8E	O6-C6	-2.12	1.40	1.44
2	A5	607	P8E	O6-C6	-2.12	1.40	1.44
2	AL	607	P8E	O6-C6	-2.11	1.40	1.44

All (914) bond angle outliers are listed below:

Mol	Chain	Res	Type	Atoms	Z	Observed(°)	Ideal(°)
2	AE	604	P8E	O6-C2-C1	8.22	123.23	107.72
2	A3	604	P8E	O6-C2-C1	8.22	123.23	107.72
2	AJ	604	P8E	O6-C2-C1	8.21	123.22	107.72
2	AC	604	P8E	O6-C2-C1	8.20	123.21	107.72
2	AU	604	P8E	O6-C2-C1	8.20	123.21	107.72
2	AD	604	P8E	O6-C2-C1	8.20	123.20	107.72
2	AO	604	P8E	O6-C2-C1	8.19	123.18	107.72
2	A5	604	P8E	O6-C2-C1	8.19	123.18	107.72
2	A7	604	P8E	O6-C2-C1	8.18	123.17	107.72
2	AX	604	P8E	O6-C2-C1	8.18	123.16	107.72
2	A8	604	P8E	O6-C2-C1	8.18	123.16	107.72
2	AL	604	P8E	O6-C2-C1	8.17	123.14	107.72
2	AK	604	P8E	O6-C2-C1	8.15	123.11	107.72
2	AP	604	P8E	O6-C2-C1	8.15	123.10	107.72
2	AS	604	P8E	O6-C2-C1	8.13	123.08	107.72
2	AF	604	P8E	O6-C2-C1	8.12	123.04	107.72
2	AR	604	P8E	O6-C2-C1	8.11	123.03	107.72
2	AI	604	P8E	O6-C2-C1	8.09	123.00	107.72
2	AM	604	P8E	O6-C2-C1	8.09	122.99	107.72
2	AT	604	P8E	O6-C2-C1	8.09	122.98	107.72
2	AW	604	P8E	O6-C2-C1	8.08	122.97	107.72

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Res	Type	Atoms	Z	Observed(°)	Ideal(°)
2	A9	604	P8E	O6-C2-C1	8.08	122.97	107.72
2	AG	604	P8E	O6-C2-C1	8.08	122.97	107.72
2	A2	604	P8E	O6-C2-C1	8.06	122.94	107.72
2	A6	604	P8E	O6-C2-C1	8.06	122.94	107.72
2	A1	604	P8E	O6-C2-C1	8.05	122.92	107.72
2	A4	604	P8E	O6-C2-C1	8.04	122.90	107.72
2	AQ	604	P8E	O6-C2-C1	8.04	122.89	107.72
2	AN	604	P8E	O6-C2-C1	8.03	122.88	107.72
2	AH	604	P8E	O6-C2-C1	8.02	122.85	107.72
2	AB	604	P8E	O6-C2-C1	8.01	122.83	107.72
2	AA	604	P8E	O6-C2-C1	8.01	122.83	107.72
2	AV	604	P8E	O6-C2-C1	7.91	122.66	107.72
2	AV	602	P8E	O6-C2-C1	7.58	122.03	107.72
2	A3	607	P8E	O6-C2-C1	7.55	121.96	107.72
2	A4	602	P8E	O6-C2-C1	7.54	121.95	107.72
2	AL	607	P8E	O6-C2-C1	7.54	121.95	107.72
2	AC	607	P8E	O6-C2-C1	7.53	121.93	107.72
2	A7	607	P8E	O6-C2-C1	7.53	121.93	107.72
2	AW	602	P8E	O6-C2-C1	7.52	121.92	107.72
2	AB	602	P8E	O6-C2-C1	7.51	121.89	107.72
2	A9	602	P8E	O6-C2-C1	7.51	121.89	107.72
2	AA	602	P8E	O6-C2-C1	7.51	121.89	107.72
2	AO	607	P8E	O6-C2-C1	7.50	121.89	107.72
2	A7	602	P8E	O6-C2-C1	7.50	121.87	107.72
2	AX	602	P8E	O6-C2-C1	7.50	121.87	107.72
2	AK	602	P8E	O6-C2-C1	7.49	121.87	107.72
2	A5	607	P8E	O6-C2-C1	7.49	121.86	107.72
2	AP	602	P8E	O6-C2-C1	7.49	121.86	107.72
2	AE	607	P8E	O6-C2-C1	7.49	121.86	107.72
2	AP	607	P8E	O6-C2-C1	7.49	121.85	107.72
2	AJ	607	P8E	O6-C2-C1	7.48	121.85	107.72
2	AU	602	P8E	O6-C2-C1	7.48	121.84	107.72
2	AR	602	P8E	O6-C2-C1	7.48	121.83	107.72
2	A3	602	P8E	O6-C2-C1	7.48	121.83	107.72
2	AL	602	P8E	O6-C2-C1	7.47	121.83	107.72
2	AE	602	P8E	O6-C2-C1	7.47	121.83	107.72
2	A6	602	P8E	O6-C2-C1	7.47	121.82	107.72
2	AS	602	P8E	O6-C2-C1	7.47	121.82	107.72
2	AT	602	P8E	O6-C2-C1	7.47	121.82	107.72
2	AU	607	P8E	O6-C2-C1	7.47	121.82	107.72
2	A2	602	P8E	O6-C2-C1	7.47	121.81	107.72
2	AF	602	P8E	O6-C2-C1	7.47	121.81	107.72

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Res	Type	Atoms	Z	Observed(°)	Ideal(°)
2	AX	607	P8E	O6-C2-C1	7.46	121.81	107.72
2	A8	607	P8E	O6-C2-C1	7.46	121.80	107.72
2	AC	602	P8E	O6-C2-C1	7.46	121.80	107.72
2	AI	602	P8E	O6-C2-C1	7.46	121.80	107.72
2	AO	602	P8E	O6-C2-C1	7.46	121.80	107.72
2	A1	602	P8E	O6-C2-C1	7.46	121.80	107.72
2	AD	607	P8E	O6-C2-C1	7.46	121.80	107.72
2	AG	602	P8E	O6-C2-C1	7.45	121.79	107.72
2	AJ	602	P8E	O6-C2-C1	7.45	121.78	107.72
2	AN	602	P8E	O6-C2-C1	7.45	121.78	107.72
2	AI	607	P8E	O6-C2-C1	7.44	121.76	107.72
2	AQ	602	P8E	O6-C2-C1	7.44	121.76	107.72
2	AH	602	P8E	O6-C2-C1	7.43	121.75	107.72
2	AD	602	P8E	O6-C2-C1	7.43	121.75	107.72
2	A5	602	P8E	O6-C2-C1	7.43	121.75	107.72
2	A8	602	P8E	O6-C2-C1	7.42	121.73	107.72
2	AK	607	P8E	O6-C2-C1	7.42	121.73	107.72
2	AH	607	P8E	O6-C2-C1	7.42	121.72	107.72
2	AB	609	P8E	O6-C2-C1	7.41	121.72	107.72
2	AT	607	P8E	O6-C2-C1	7.41	121.72	107.72
2	AQ	607	P8E	O6-C2-C1	7.41	121.71	107.72
2	AN	607	P8E	O6-C2-C1	7.41	121.71	107.72
2	AM	607	P8E	O6-C2-C1	7.40	121.70	107.72
2	AM	602	P8E	O6-C2-C1	7.40	121.70	107.72
2	AF	607	P8E	O6-C2-C1	7.40	121.69	107.72
2	AR	607	P8E	O6-C2-C1	7.40	121.69	107.72
2	AG	607	P8E	O6-C2-C1	7.40	121.68	107.72
2	AI	609	P8E	O6-C2-C1	7.39	121.67	107.72
2	AO	609	P8E	O6-C2-C1	7.38	121.66	107.72
2	AS	607	P8E	O6-C2-C1	7.38	121.64	107.72
2	AK	609	P8E	O6-C2-C1	7.38	121.64	107.72
2	AR	609	P8E	O6-C2-C1	7.37	121.63	107.72
2	A2	607	P8E	O6-C2-C1	7.37	121.63	107.72
2	AB	607	P8E	O6-C2-C1	7.36	121.62	107.72
2	AW	609	P8E	O6-C2-C1	7.36	121.61	107.72
2	A5	609	P8E	O6-C2-C1	7.36	121.61	107.72
2	AW	607	P8E	O6-C2-C1	7.36	121.61	107.72
2	AA	607	P8E	O6-C2-C1	7.36	121.61	107.72
2	AP	609	P8E	O6-C2-C1	7.36	121.61	107.72
2	AG	609	P8E	O6-C2-C1	7.36	121.61	107.72
2	A6	607	P8E	O6-C2-C1	7.35	121.60	107.72
2	AV	609	P8E	O6-C2-C1	7.35	121.60	107.72

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Res	Type	Atoms	Z	Observed(°)	Ideal(°)
2	A1	609	P8E	O6-C2-C1	7.35	121.60	107.72
2	AL	609	P8E	O6-C2-C1	7.35	121.60	107.72
2	AU	609	P8E	O6-C2-C1	7.35	121.60	107.72
2	A2	609	P8E	O6-C2-C1	7.35	121.59	107.72
2	A9	607	P8E	O6-C2-C1	7.35	121.59	107.72
2	A7	609	P8E	O6-C2-C1	7.34	121.58	107.72
2	A8	609	P8E	O6-C2-C1	7.34	121.58	107.72
2	AA	609	P8E	O6-C2-C1	7.34	121.57	107.72
2	AS	609	P8E	O6-C2-C1	7.33	121.56	107.72
2	AT	609	P8E	O6-C2-C1	7.33	121.56	107.72
2	A4	609	P8E	O6-C2-C1	7.33	121.56	107.72
2	AJ	609	P8E	O6-C2-C1	7.33	121.56	107.72
2	AQ	609	P8E	O6-C2-C1	7.33	121.55	107.72
2	AV	607	P8E	O6-C2-C1	7.32	121.54	107.72
2	A1	607	P8E	O6-C2-C1	7.32	121.54	107.72
2	A4	607	P8E	O6-C2-C1	7.32	121.54	107.72
2	AX	609	P8E	O6-C2-C1	7.32	121.53	107.72
2	A3	609	P8E	O6-C2-C1	7.30	121.49	107.72
2	AC	609	P8E	O6-C2-C1	7.30	121.49	107.72
2	AN	609	P8E	O6-C2-C1	7.28	121.47	107.72
2	AH	609	P8E	O6-C2-C1	7.27	121.44	107.72
2	AE	609	P8E	O6-C2-C1	7.27	121.44	107.72
2	A9	609	P8E	O6-C2-C1	7.26	121.43	107.72
2	AD	609	P8E	O6-C2-C1	7.23	121.38	107.72
2	A6	609	P8E	O6-C2-C1	7.22	121.35	107.72
2	AF	609	P8E	O6-C2-C1	7.21	121.33	107.72
2	AM	609	P8E	O6-C2-C1	7.20	121.31	107.72
2	AE	603	P8E	O6-C2-C1	7.14	121.20	107.72
2	AG	608	P8E	O6-C2-C1	7.09	121.10	107.72
2	AR	608	P8E	O6-C2-C1	7.09	121.10	107.72
2	AR	603	P8E	O6-C2-C1	7.08	121.08	107.72
2	AP	608	P8E	O6-C2-C1	7.07	121.06	107.72
2	AW	608	P8E	O6-C2-C1	7.05	121.03	107.72
2	AM	608	P8E	O6-C2-C1	7.05	121.03	107.72
2	AT	608	P8E	O6-C2-C1	7.04	121.01	107.72
2	AA	608	P8E	O6-C2-C1	7.04	121.00	107.72
2	A3	603	P8E	O6-C2-C1	7.03	121.00	107.72
2	AO	608	P8E	O6-C2-C1	7.03	121.00	107.72
2	A8	603	P8E	O6-C2-C1	7.03	120.98	107.72
2	A5	603	P8E	O6-C2-C1	7.03	120.98	107.72
2	AN	603	P8E	O6-C2-C1	7.03	120.98	107.72
2	A6	608	P8E	O6-C2-C1	7.02	120.98	107.72

*Continued on next page...*



*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Res	Type	Atoms	Z	Observed(°)	Ideal(°)
2	A5	608	P8E	O6-C2-C1	7.02	120.97	107.72
2	AL	608	P8E	O6-C2-C1	7.02	120.97	107.72
2	AI	608	P8E	O6-C2-C1	7.02	120.97	107.72
2	AC	608	P8E	O6-C2-C1	7.02	120.97	107.72
2	AQ	603	P8E	O6-C2-C1	7.02	120.97	107.72
2	A1	608	P8E	O6-C2-C1	7.02	120.97	107.72
2	A4	608	P8E	O6-C2-C1	7.02	120.96	107.72
2	A7	603	P8E	O6-C2-C1	7.01	120.96	107.72
2	AX	603	P8E	O6-C2-C1	7.01	120.96	107.72
2	AF	608	P8E	O6-C2-C1	7.01	120.96	107.72
2	AB	608	P8E	O6-C2-C1	7.01	120.95	107.72
2	A9	608	P8E	O6-C2-C1	7.01	120.95	107.72
2	AV	608	P8E	O6-C2-C1	7.01	120.95	107.72
2	A2	608	P8E	O6-C2-C1	7.00	120.94	107.72
2	AQ	608	P8E	O6-C2-C1	6.99	120.92	107.72
2	AS	608	P8E	O6-C2-C1	6.99	120.92	107.72
2	AG	603	P8E	O6-C2-C1	6.99	120.92	107.72
2	AD	608	P8E	O6-C2-C1	6.99	120.91	107.72
2	AJ	603	P8E	O6-C2-C1	6.99	120.91	107.72
2	AO	603	P8E	O6-C2-C1	6.99	120.91	107.72
2	AS	603	P8E	O6-C2-C1	6.99	120.91	107.72
2	AC	603	P8E	O6-C2-C1	6.98	120.90	107.72
2	A3	608	P8E	O6-C2-C1	6.98	120.89	107.72
2	AD	603	P8E	O6-C2-C1	6.98	120.89	107.72
2	AL	603	P8E	O6-C2-C1	6.98	120.89	107.72
2	AK	608	P8E	O6-C2-C1	6.97	120.89	107.72
2	AJ	608	P8E	O6-C2-C1	6.97	120.88	107.72
2	A7	608	P8E	O6-C2-C1	6.97	120.88	107.72
2	AT	603	P8E	O6-C2-C1	6.97	120.87	107.72
2	AM	603	P8E	O6-C2-C1	6.96	120.86	107.72
2	AB	603	P8E	O6-C2-C1	6.96	120.86	107.72
2	AI	603	P8E	O6-C2-C1	6.96	120.86	107.72
2	AU	608	P8E	O6-C2-C1	6.96	120.86	107.72
2	AA	603	P8E	O6-C2-C1	6.96	120.86	107.72
2	A4	603	P8E	O6-C2-C1	6.94	120.83	107.72
2	AE	608	P8E	O6-C2-C1	6.94	120.82	107.72
2	AH	608	P8E	O6-C2-C1	6.93	120.81	107.72
2	A8	608	P8E	O6-C2-C1	6.93	120.81	107.72
2	AP	603	P8E	O6-C2-C1	6.93	120.80	107.72
2	AU	603	P8E	O6-C2-C1	6.93	120.80	107.72
2	AV	603	P8E	O6-C2-C1	6.93	120.80	107.72
2	AX	608	P8E	O6-C2-C1	6.91	120.77	107.72

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Res	Type	Atoms	Z	Observed(°)	Ideal(°)
2	AF	603	P8E	O6-C2-C1	6.89	120.73	107.72
2	AH	603	P8E	O6-C2-C1	6.89	120.73	107.72
2	AK	603	P8E	O6-C2-C1	6.89	120.73	107.72
2	A9	603	P8E	O6-C2-C1	6.89	120.72	107.72
2	A6	603	P8E	O6-C2-C1	6.88	120.71	107.72
2	A1	603	P8E	O6-C2-C1	6.87	120.69	107.72
2	AN	608	P8E	O6-C2-C1	6.87	120.68	107.72
2	AW	603	P8E	O6-C2-C1	6.86	120.66	107.72
2	AE	605	P8E	O6-C2-C1	6.84	120.64	107.72
2	A2	603	P8E	O6-C2-C1	6.84	120.63	107.72
2	AJ	605	P8E	O6-C2-C1	6.81	120.58	107.72
2	AN	605	P8E	O6-C2-C1	6.78	120.52	107.72
2	A8	605	P8E	O6-C2-C1	6.78	120.52	107.72
2	AD	605	P8E	O6-C2-C1	6.78	120.52	107.72
2	AS	605	P8E	O6-C2-C1	6.77	120.49	107.72
2	AR	605	P8E	O6-C2-C1	6.76	120.48	107.72
2	AL	605	P8E	O6-C2-C1	6.76	120.48	107.72
2	AC	605	P8E	O6-C2-C1	6.75	120.45	107.72
2	AO	605	P8E	O6-C2-C1	6.73	120.43	107.72
2	A7	605	P8E	O6-C2-C1	6.72	120.40	107.72
2	AX	605	P8E	O6-C2-C1	6.69	120.35	107.72
2	A3	605	P8E	O6-C2-C1	6.69	120.34	107.72
2	AG	605	P8E	O6-C2-C1	6.68	120.33	107.72
2	A5	605	P8E	O6-C2-C1	6.67	120.31	107.72
2	AH	605	P8E	O6-C2-C1	6.67	120.31	107.72
2	AT	605	P8E	O6-C2-C1	6.66	120.29	107.72
2	A2	605	P8E	O6-C2-C1	6.64	120.26	107.72
2	AW	605	P8E	O6-C2-C1	6.64	120.26	107.72
2	AK	605	P8E	O6-C2-C1	6.64	120.26	107.72
2	AF	605	P8E	O6-C2-C1	6.64	120.25	107.72
2	AM	605	P8E	O6-C2-C1	6.63	120.23	107.72
2	A9	605	P8E	O6-C2-C1	6.63	120.23	107.72
2	AQ	605	P8E	O6-C2-C1	6.63	120.23	107.72
2	AV	601	P8E	O6-C2-C1	6.63	120.23	107.72
2	AP	605	P8E	O6-C2-C1	6.62	120.21	107.72
2	AA	605	P8E	O6-C2-C1	6.59	120.16	107.72
2	AB	601	P8E	O6-C2-C1	6.59	120.16	107.72
2	A6	605	P8E	O6-C2-C1	6.59	120.15	107.72
2	AU	605	P8E	O6-C2-C1	6.58	120.14	107.72
2	A2	601	P8E	O6-C2-C1	6.58	120.14	107.72
2	A4	605	P8E	O6-C2-C1	6.58	120.14	107.72
2	AA	601	P8E	O6-C2-C1	6.58	120.14	107.72

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Res	Type	Atoms	Z	Observed(°)	Ideal(°)
2	AI	605	P8E	O6-C2-C1	6.58	120.13	107.72
2	A1	605	P8E	O6-C2-C1	6.58	120.13	107.72
2	AF	601	P8E	O6-C2-C1	6.58	120.13	107.72
2	AS	601	P8E	O6-C2-C1	6.57	120.13	107.72
2	AQ	601	P8E	O6-C2-C1	6.57	120.13	107.72
2	AC	601	P8E	O6-C2-C1	6.57	120.12	107.72
2	AB	605	P8E	O6-C2-C1	6.57	120.12	107.72
2	A1	601	P8E	O6-C2-C1	6.57	120.12	107.72
2	A8	601	P8E	O6-C2-C1	6.57	120.11	107.72
2	A4	601	P8E	O6-C2-C1	6.57	120.11	107.72
2	AO	601	P8E	O6-C2-C1	6.55	120.08	107.72
2	AT	601	P8E	O6-C2-C1	6.54	120.07	107.72
2	AJ	601	P8E	O6-C2-C1	6.54	120.07	107.72
2	AL	601	P8E	O6-C2-C1	6.54	120.06	107.72
2	AH	601	P8E	O6-C2-C1	6.54	120.06	107.72
2	AX	601	P8E	O6-C2-C1	6.54	120.06	107.72
2	AR	601	P8E	O6-C2-C1	6.54	120.06	107.72
2	A7	601	P8E	O6-C2-C1	6.54	120.06	107.72
2	AW	601	P8E	O6-C2-C1	6.54	120.06	107.72
2	AN	601	P8E	O6-C2-C1	6.53	120.05	107.72
2	AI	601	P8E	O6-C2-C1	6.53	120.05	107.72
2	A5	601	P8E	O6-C2-C1	6.53	120.05	107.72
2	AV	605	P8E	O6-C2-C1	6.53	120.05	107.72
2	AU	601	P8E	O6-C2-C1	6.53	120.04	107.72
2	AK	601	P8E	O6-C2-C1	6.52	120.03	107.72
2	AP	601	P8E	O6-C2-C1	6.52	120.03	107.72
2	AD	601	P8E	O6-C2-C1	6.51	120.01	107.72
2	A3	601	P8E	O6-C2-C1	6.51	120.01	107.72
2	AI	606	P8E	O6-C2-C1	6.51	120.00	107.72
2	A9	601	P8E	O6-C2-C1	6.51	120.00	107.72
2	A6	601	P8E	O6-C2-C1	6.50	120.00	107.72
2	AM	601	P8E	O6-C2-C1	6.50	120.00	107.72
2	AS	606	P8E	O6-C2-C1	6.49	119.97	107.72
2	AE	601	P8E	O6-C2-C1	6.49	119.96	107.72
2	AG	601	P8E	O6-C2-C1	6.48	119.96	107.72
2	AN	606	P8E	O6-C2-C1	6.42	119.84	107.72
2	AU	606	P8E	O6-C2-C1	6.42	119.84	107.72
2	AR	606	P8E	O6-C2-C1	6.42	119.83	107.72
2	AO	606	P8E	O6-C2-C1	6.41	119.82	107.72
2	AT	606	P8E	O6-C2-C1	6.41	119.82	107.72
2	AG	606	P8E	O6-C2-C1	6.40	119.81	107.72
2	AK	606	P8E	O6-C2-C1	6.40	119.80	107.72

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Res	Type	Atoms	Z	Observed(°)	Ideal(°)
2	AQ	606	P8E	O6-C2-C1	6.38	119.76	107.72
2	AH	606	P8E	O6-C2-C1	6.35	119.70	107.72
2	AJ	606	P8E	O6-C2-C1	6.34	119.68	107.72
2	AW	606	P8E	O6-C2-C1	6.33	119.68	107.72
2	A4	606	P8E	O6-C2-C1	6.33	119.67	107.72
2	AL	606	P8E	O6-C2-C1	6.33	119.66	107.72
2	AM	606	P8E	O6-C2-C1	6.33	119.66	107.72
2	AC	606	P8E	O6-C2-C1	6.32	119.65	107.72
2	A6	606	P8E	O6-C2-C1	6.32	119.65	107.72
2	A9	606	P8E	O6-C2-C1	6.31	119.64	107.72
2	AA	606	P8E	O6-C2-C1	6.31	119.63	107.72
2	AF	606	P8E	O6-C2-C1	6.31	119.63	107.72
2	A2	606	P8E	O6-C2-C1	6.31	119.63	107.72
2	AD	606	P8E	O6-C2-C1	6.31	119.63	107.72
2	AE	606	P8E	O6-C2-C1	6.31	119.62	107.72
2	A7	606	P8E	O6-C2-C1	6.30	119.61	107.72
2	A1	606	P8E	O6-C2-C1	6.30	119.61	107.72
2	AP	606	P8E	O6-C2-C1	6.30	119.61	107.72
2	A8	606	P8E	O6-C2-C1	6.29	119.59	107.72
2	AX	606	P8E	O6-C2-C1	6.29	119.58	107.72
2	A3	606	P8E	O6-C2-C1	6.28	119.57	107.72
2	A5	606	P8E	O6-C2-C1	6.26	119.54	107.72
2	AV	606	P8E	O6-C2-C1	6.24	119.49	107.72
2	AB	606	P8E	O6-C2-C1	6.22	119.46	107.72
2	A1	603	P8E	O1B-C1-C2	2.87	120.18	112.71
2	AB	608	P8E	O1B-C1-C2	2.86	120.15	112.71
2	A8	608	P8E	O1B-C1-C2	2.86	120.15	112.71
2	A4	608	P8E	O1B-C1-C2	2.86	120.15	112.71
2	AV	608	P8E	O1B-C1-C2	2.86	120.15	112.71
2	A6	603	P8E	O1B-C1-C2	2.86	120.15	112.71
2	AP	603	P8E	O1B-C1-C2	2.86	120.14	112.71
2	A2	603	P8E	O1B-C1-C2	2.86	120.14	112.71
2	A2	608	P8E	O1B-C1-C2	2.85	120.13	112.71
2	AE	608	P8E	O1B-C1-C2	2.85	120.13	112.71
2	AO	606	P8E	O1B-C1-C2	2.85	120.13	112.71
2	AK	603	P8E	O1B-C1-C2	2.85	120.13	112.71
2	AU	606	P8E	O1B-C1-C2	2.85	120.13	112.71
2	AG	603	P8E	O1B-C1-C2	2.85	120.12	112.71
2	AJ	608	P8E	O1B-C1-C2	2.85	120.12	112.71
2	AA	608	P8E	O1B-C1-C2	2.85	120.12	112.71
2	AW	603	P8E	O1B-C1-C2	2.85	120.12	112.71
2	AC	608	P8E	O1B-C1-C2	2.85	120.12	112.71

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Res	Type	Atoms	Z	Observed(°)	Ideal(°)
2	AW	608	P8E	O1B-C1-C2	2.85	120.12	112.71
2	AD	608	P8E	O1B-C1-C2	2.85	120.12	112.71
2	AI	603	P8E	O1B-C1-C2	2.85	120.12	112.71
2	AN	602	P8E	O1B-C1-C2	2.85	120.12	112.71
2	AN	608	P8E	O1B-C1-C2	2.85	120.12	112.71
2	AF	603	P8E	O1B-C1-C2	2.85	120.11	112.71
2	A7	603	P8E	O1B-C1-C2	2.85	120.11	112.71
2	A9	603	P8E	O1B-C1-C2	2.85	120.11	112.71
2	A9	608	P8E	O1B-C1-C2	2.84	120.11	112.71
2	AV	603	P8E	O1B-C1-C2	2.84	120.11	112.71
2	AC	603	P8E	O1B-C1-C2	2.84	120.11	112.71
2	AS	608	P8E	O1B-C1-C2	2.84	120.11	112.71
2	AT	602	P8E	O1B-C1-C2	2.84	120.10	112.71
2	AT	603	P8E	O1B-C1-C2	2.84	120.10	112.71
2	A5	606	P8E	O1B-C1-C2	2.84	120.10	112.71
2	A3	603	P8E	O1B-C1-C2	2.84	120.10	112.71
2	A5	608	P8E	O1B-C1-C2	2.84	120.10	112.71
2	AS	603	P8E	O1B-C1-C2	2.84	120.10	112.71
2	AG	602	P8E	O1B-C1-C2	2.84	120.10	112.71
2	AS	606	P8E	O1B-C1-C2	2.84	120.10	112.71
2	AD	603	P8E	O1B-C1-C2	2.84	120.10	112.71
2	AP	606	P8E	O1B-C1-C2	2.84	120.10	112.71
2	A3	608	P8E	O1B-C1-C2	2.84	120.09	112.71
2	AR	608	P8E	O1B-C1-C2	2.84	120.09	112.71
2	AT	608	P8E	O1B-C1-C2	2.84	120.09	112.71
2	AU	603	P8E	O1B-C1-C2	2.84	120.09	112.71
2	A4	603	P8E	O1B-C1-C2	2.84	120.09	112.71
2	A1	608	P8E	O1B-C1-C2	2.84	120.09	112.71
2	AX	603	P8E	O1B-C1-C2	2.84	120.09	112.71
2	AH	603	P8E	O1B-C1-C2	2.84	120.09	112.71
2	AL	608	P8E	O1B-C1-C2	2.84	120.09	112.71
2	AI	608	P8E	O1B-C1-C2	2.84	120.09	112.71
2	AA	603	P8E	O1B-C1-C2	2.84	120.09	112.71
2	AM	602	P8E	O1B-C1-C2	2.84	120.09	112.71
2	AN	603	P8E	O1B-C1-C2	2.84	120.08	112.71
2	AQ	603	P8E	O1B-C1-C2	2.84	120.08	112.71
2	AK	608	P8E	O1B-C1-C2	2.83	120.08	112.71
2	AI	606	P8E	O1B-C1-C2	2.83	120.08	112.71
2	AQ	608	P8E	O1B-C1-C2	2.83	120.08	112.71
2	A8	606	P8E	O1B-C1-C2	2.83	120.08	112.71
2	AR	603	P8E	O1B-C1-C2	2.83	120.08	112.71
2	AB	603	P8E	O1B-C1-C2	2.83	120.08	112.71

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Res	Type	Atoms	Z	Observed(°)	Ideal(°)
2	AQ	602	P8E	O1B-C1-C2	2.83	120.08	112.71
2	A8	603	P8E	O1B-C1-C2	2.83	120.08	112.71
2	AF	608	P8E	O1B-C1-C2	2.83	120.08	112.71
2	AH	608	P8E	O1B-C1-C2	2.83	120.08	112.71
2	AK	606	P8E	O1B-C1-C2	2.83	120.08	112.71
2	AE	603	P8E	O1B-C1-C2	2.83	120.08	112.71
2	AU	608	P8E	O1B-C1-C2	2.83	120.08	112.71
2	A5	602	P8E	O1B-C1-C2	2.83	120.07	112.71
2	AX	608	P8E	O1B-C1-C2	2.83	120.07	112.71
2	A6	608	P8E	O1B-C1-C2	2.83	120.07	112.71
2	AR	602	P8E	O1B-C1-C2	2.83	120.07	112.71
2	AM	608	P8E	O1B-C1-C2	2.83	120.07	112.71
2	A7	606	P8E	O1B-C1-C2	2.83	120.07	112.71
2	A7	608	P8E	O1B-C1-C2	2.83	120.07	112.71
2	AG	608	P8E	O1B-C1-C2	2.83	120.07	112.71
2	AI	602	P8E	O1B-C1-C2	2.83	120.07	112.71
2	AO	603	P8E	O1B-C1-C2	2.83	120.07	112.71
2	AN	606	P8E	O1B-C1-C2	2.83	120.07	112.71
2	AX	606	P8E	O1B-C1-C2	2.83	120.07	112.71
2	AC	606	P8E	O1B-C1-C2	2.83	120.06	112.71
2	AH	602	P8E	O1B-C1-C2	2.83	120.06	112.71
2	AO	608	P8E	O1B-C1-C2	2.82	120.06	112.71
2	AM	603	P8E	O1B-C1-C2	2.82	120.06	112.71
2	AR	606	P8E	O1B-C1-C2	2.82	120.06	112.71
2	AJ	606	P8E	O1B-C1-C2	2.82	120.05	112.71
2	AL	606	P8E	O1B-C1-C2	2.82	120.05	112.71
2	AK	602	P8E	O1B-C1-C2	2.82	120.05	112.71
2	AG	606	P8E	O1B-C1-C2	2.82	120.05	112.71
2	AJ	603	P8E	O1B-C1-C2	2.82	120.05	112.71
2	AU	602	P8E	O1B-C1-C2	2.82	120.05	112.71
2	AT	606	P8E	O1B-C1-C2	2.82	120.04	112.71
2	AF	602	P8E	O1B-C1-C2	2.82	120.04	112.71
2	A3	606	P8E	O1B-C1-C2	2.82	120.04	112.71
2	A5	603	P8E	O1B-C1-C2	2.82	120.04	112.71
2	AP	608	P8E	O1B-C1-C2	2.82	120.04	112.71
2	A1	602	P8E	O1B-C1-C2	2.82	120.04	112.71
2	A6	602	P8E	O1B-C1-C2	2.82	120.04	112.71
2	AL	602	P8E	O1B-C1-C2	2.82	120.03	112.71
2	AO	602	P8E	O1B-C1-C2	2.82	120.03	112.71
2	A9	602	P8E	O1B-C1-C2	2.81	120.03	112.71
2	AS	602	P8E	O1B-C1-C2	2.81	120.03	112.71
2	AJ	602	P8E	O1B-C1-C2	2.81	120.03	112.71

*Continued on next page...*



*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Res	Type	Atoms	Z	Observed(°)	Ideal(°)
2	AP	602	P8E	O1B-C1-C2	2.81	120.03	112.71
2	A4	602	P8E	O1B-C1-C2	2.81	120.02	112.71
2	AD	606	P8E	O1B-C1-C2	2.81	120.02	112.71
2	A2	602	P8E	O1B-C1-C2	2.81	120.02	112.71
2	AL	603	P8E	O1B-C1-C2	2.81	120.01	112.71
2	A8	602	P8E	O1B-C1-C2	2.81	120.01	112.71
2	AC	602	P8E	O1B-C1-C2	2.80	120.00	112.71
2	AE	606	P8E	O1B-C1-C2	2.80	120.00	112.71
2	AV	602	P8E	O1B-C1-C2	2.80	120.00	112.71
2	AB	602	P8E	O1B-C1-C2	2.80	120.00	112.71
2	AA	602	P8E	O1B-C1-C2	2.80	120.00	112.71
2	AH	606	P8E	O1B-C1-C2	2.80	120.00	112.71
2	AW	602	P8E	O1B-C1-C2	2.80	120.00	112.71
2	AB	606	P8E	O1B-C1-C2	2.80	119.99	112.71
2	AQ	606	P8E	O1B-C1-C2	2.80	119.99	112.71
2	AV	606	P8E	O1B-C1-C2	2.80	119.98	112.71
2	AE	602	P8E	O1B-C1-C2	2.80	119.98	112.71
2	A6	606	P8E	O1B-C1-C2	2.79	119.97	112.71
2	AD	609	P8E	O1B-C1-C2	2.79	119.97	112.71
2	AF	609	P8E	O1B-C1-C2	2.79	119.97	112.71
2	AX	602	P8E	O1B-C1-C2	2.79	119.97	112.71
2	AF	606	P8E	O1B-C1-C2	2.79	119.97	112.71
2	AN	601	P8E	O1B-C1-C2	2.79	119.96	112.71
2	AM	606	P8E	O1B-C1-C2	2.79	119.96	112.71
2	AG	609	P8E	O1B-C1-C2	2.79	119.96	112.71
2	A6	609	P8E	O1B-C1-C2	2.79	119.96	112.71
2	AD	602	P8E	O1B-C1-C2	2.79	119.96	112.71
2	AU	601	P8E	O1B-C1-C2	2.79	119.96	112.71
2	A3	609	P8E	O1B-C1-C2	2.79	119.95	112.71
2	AH	601	P8E	O1B-C1-C2	2.78	119.95	112.71
2	A1	606	P8E	O1B-C1-C2	2.78	119.95	112.71
2	AM	609	P8E	O1B-C1-C2	2.78	119.95	112.71
2	AT	609	P8E	O1B-C1-C2	2.78	119.95	112.71
2	AX	609	P8E	O1B-C1-C2	2.78	119.94	112.71
2	AG	601	P8E	O1B-C1-C2	2.78	119.94	112.71
2	AA	606	P8E	O1B-C1-C2	2.78	119.94	112.71
2	AK	609	P8E	O1B-C1-C2	2.78	119.94	112.71
2	AR	601	P8E	O1B-C1-C2	2.78	119.94	112.71
2	A3	602	P8E	O1B-C1-C2	2.78	119.94	112.71
2	AE	609	P8E	O1B-C1-C2	2.78	119.94	112.71
2	A7	602	P8E	O1B-C1-C2	2.78	119.94	112.71
2	AK	601	P8E	O1B-C1-C2	2.78	119.94	112.71

*Continued on next page...*



*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Res	Type	Atoms	Z	Observed(°)	Ideal(°)
2	A7	609	P8E	O1B-C1-C2	2.78	119.93	112.71
2	AQ	601	P8E	O1B-C1-C2	2.78	119.93	112.71
2	AR	609	P8E	O1B-C1-C2	2.78	119.93	112.71
2	AT	601	P8E	O1B-C1-C2	2.78	119.93	112.71
2	A4	606	P8E	O1B-C1-C2	2.78	119.93	112.71
2	AS	609	P8E	O1B-C1-C2	2.78	119.93	112.71
2	A2	606	P8E	O1B-C1-C2	2.78	119.93	112.71
2	AU	609	P8E	O1B-C1-C2	2.78	119.93	112.71
2	AP	609	P8E	O1B-C1-C2	2.78	119.93	112.71
2	A9	606	P8E	O1B-C1-C2	2.78	119.93	112.71
2	AI	609	P8E	O1B-C1-C2	2.78	119.93	112.71
2	AC	609	P8E	O1B-C1-C2	2.78	119.93	112.71
2	AH	609	P8E	O1B-C1-C2	2.77	119.93	112.71
2	A9	609	P8E	O1B-C1-C2	2.77	119.92	112.71
2	AP	601	P8E	O1B-C1-C2	2.77	119.92	112.71
2	AQ	609	P8E	O1B-C1-C2	2.77	119.92	112.71
2	A6	601	P8E	O1B-C1-C2	2.77	119.92	112.71
2	AM	601	P8E	O1B-C1-C2	2.77	119.92	112.71
2	AA	609	P8E	O1B-C1-C2	2.77	119.92	112.71
2	AN	609	P8E	O1B-C1-C2	2.77	119.92	112.71
2	AF	601	P8E	O1B-C1-C2	2.77	119.92	112.71
2	AJ	609	P8E	O1B-C1-C2	2.77	119.91	112.71
2	AO	601	P8E	O1B-C1-C2	2.77	119.91	112.71
2	AI	601	P8E	O1B-C1-C2	2.77	119.91	112.71
2	A9	601	P8E	O1B-C1-C2	2.77	119.91	112.71
2	AB	609	P8E	O1B-C1-C2	2.77	119.91	112.71
2	A1	609	P8E	O1B-C1-C2	2.77	119.90	112.71
2	AO	609	P8E	O1B-C1-C2	2.76	119.90	112.71
2	AW	606	P8E	O1B-C1-C2	2.76	119.90	112.71
2	A1	601	P8E	O1B-C1-C2	2.76	119.90	112.71
2	AS	601	P8E	O1B-C1-C2	2.76	119.90	112.71
2	AL	609	P8E	O1B-C1-C2	2.76	119.90	112.71
2	A5	609	P8E	O1B-C1-C2	2.76	119.90	112.71
2	AW	609	P8E	O1B-C1-C2	2.76	119.90	112.71
2	A5	601	P8E	O1B-C1-C2	2.76	119.90	112.71
2	A8	601	P8E	O1B-C1-C2	2.76	119.90	112.71
2	A8	609	P8E	O1B-C1-C2	2.76	119.90	112.71
2	AL	601	P8E	O1B-C1-C2	2.76	119.89	112.71
2	AV	609	P8E	O1B-C1-C2	2.76	119.89	112.71
2	A4	601	P8E	O1B-C1-C2	2.76	119.88	112.71
2	A4	609	P8E	O1B-C1-C2	2.76	119.88	112.71
2	A7	601	P8E	O1B-C1-C2	2.76	119.88	112.71

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Res	Type	Atoms	Z	Observed(°)	Ideal(°)
2	AC	601	P8E	O1B-C1-C2	2.76	119.88	112.71
2	A2	609	P8E	O1B-C1-C2	2.76	119.88	112.71
2	AJ	601	P8E	O1B-C1-C2	2.76	119.88	112.71
2	AE	601	P8E	O1B-C1-C2	2.75	119.87	112.71
2	A2	601	P8E	O1B-C1-C2	2.75	119.87	112.71
2	AD	601	P8E	O1B-C1-C2	2.75	119.87	112.71
2	AX	601	P8E	O1B-C1-C2	2.75	119.87	112.71
2	AA	601	P8E	O1B-C1-C2	2.75	119.86	112.71
2	A3	601	P8E	O1B-C1-C2	2.75	119.86	112.71
2	AW	601	P8E	O1B-C1-C2	2.74	119.84	112.71
2	A3	605	P8E	O1B-C1-C2	2.74	119.84	112.71
2	AB	601	P8E	O1B-C1-C2	2.74	119.83	112.71
2	AE	605	P8E	O1B-C1-C2	2.73	119.82	112.71
2	AX	605	P8E	O1B-C1-C2	2.72	119.79	112.71
2	AD	605	P8E	O1B-C1-C2	2.72	119.79	112.71
2	A7	605	P8E	O1B-C1-C2	2.72	119.79	112.71
2	AP	605	P8E	O1B-C1-C2	2.72	119.78	112.71
2	AV	601	P8E	O1B-C1-C2	2.72	119.78	112.71
2	AL	605	P8E	O1B-C1-C2	2.72	119.78	112.71
2	AU	605	P8E	O1B-C1-C2	2.72	119.78	112.71
2	AC	605	P8E	O1B-C1-C2	2.71	119.77	112.71
2	AJ	605	P8E	O1B-C1-C2	2.71	119.77	112.71
2	A8	605	P8E	O1B-C1-C2	2.71	119.75	112.71
2	A5	605	P8E	O1B-C1-C2	2.70	119.73	112.71
2	AS	605	P8E	O1B-C1-C2	2.69	119.72	112.71
2	AS	607	P8E	O1B-C1-C2	2.69	119.71	112.71
2	AG	605	P8E	O1B-C1-C2	2.69	119.70	112.71
2	AV	605	P8E	O1B-C1-C2	2.69	119.70	112.71
2	AO	605	P8E	O1B-C1-C2	2.69	119.70	112.71
2	AB	607	P8E	O1B-C1-C2	2.69	119.69	112.71
2	AR	605	P8E	O1B-C1-C2	2.68	119.69	112.71
2	A4	607	P8E	O1B-C1-C2	2.68	119.68	112.71
2	A8	607	P8E	O1B-C1-C2	2.68	119.67	112.71
2	AW	607	P8E	O1B-C1-C2	2.68	119.67	112.71
2	A1	607	P8E	O1B-C1-C2	2.68	119.67	112.71
2	AQ	604	P8E	O1B-C1-C2	2.68	119.67	112.71
2	AH	604	P8E	O1B-C1-C2	2.67	119.67	112.71
2	AB	604	P8E	O1B-C1-C2	2.67	119.67	112.71
2	A6	607	P8E	O1B-C1-C2	2.67	119.66	112.71
2	AV	607	P8E	O1B-C1-C2	2.67	119.66	112.71
2	AK	605	P8E	O1B-C1-C2	2.67	119.66	112.71
2	AE	607	P8E	O1B-C1-C2	2.67	119.65	112.71

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Res	Type	Atoms	Z	Observed(°)	Ideal(°)
2	AT	605	P8E	O1B-C1-C2	2.67	119.65	112.71
2	A2	604	P8E	O1B-C1-C2	2.67	119.65	112.71
2	AA	607	P8E	O1B-C1-C2	2.67	119.65	112.71
2	AF	604	P8E	O1B-C1-C2	2.67	119.65	112.71
2	A3	607	P8E	O1B-C1-C2	2.67	119.64	112.71
2	AD	607	P8E	O1B-C1-C2	2.67	119.64	112.71
2	AX	607	P8E	O1B-C1-C2	2.66	119.64	112.71
2	A2	607	P8E	O1B-C1-C2	2.66	119.63	112.71
2	A9	604	P8E	O1B-C1-C2	2.66	119.63	112.71
2	A5	607	P8E	O1B-C1-C2	2.66	119.63	112.71
2	A7	607	P8E	O1B-C1-C2	2.66	119.63	112.71
2	A9	607	P8E	O1B-C1-C2	2.66	119.63	112.71
2	A4	604	P8E	O1B-C1-C2	2.66	119.63	112.71
2	AM	604	P8E	O1B-C1-C2	2.66	119.63	112.71
2	AN	604	P8E	O1B-C1-C2	2.66	119.63	112.71
2	A2	605	P8E	O1B-C1-C2	2.66	119.62	112.71
2	AA	604	P8E	O1B-C1-C2	2.66	119.62	112.71
2	AI	607	P8E	O1B-C1-C2	2.66	119.62	112.71
2	A6	604	P8E	O1B-C1-C2	2.66	119.62	112.71
2	AI	605	P8E	O1B-C1-C2	2.66	119.62	112.71
2	AJ	607	P8E	O1B-C1-C2	2.66	119.62	112.71
2	AL	607	P8E	O1B-C1-C2	2.66	119.62	112.71
2	AG	604	P8E	O1B-C1-C2	2.66	119.62	112.71
2	AB	605	P8E	O1B-C1-C2	2.65	119.61	112.71
2	AK	607	P8E	O1B-C1-C2	2.65	119.61	112.71
2	AF	605	P8E	O1B-C1-C2	2.65	119.61	112.71
2	AH	607	P8E	O1B-C1-C2	2.65	119.61	112.71
2	AR	607	P8E	O1B-C1-C2	2.65	119.61	112.71
2	AF	607	P8E	O1B-C1-C2	2.65	119.61	112.71
2	AM	607	P8E	O1B-C1-C2	2.65	119.61	112.71
2	AO	607	P8E	O1B-C1-C2	2.65	119.61	112.71
2	AT	607	P8E	O1B-C1-C2	2.65	119.61	112.71
2	AC	607	P8E	O1B-C1-C2	2.65	119.61	112.71
2	A1	604	P8E	O1B-C1-C2	2.65	119.61	112.71
2	AR	604	P8E	O1B-C1-C2	2.65	119.61	112.71
2	AG	607	P8E	O1B-C1-C2	2.65	119.61	112.71
2	AU	607	P8E	O1B-C1-C2	2.65	119.60	112.71
2	A1	605	P8E	O1B-C1-C2	2.65	119.60	112.71
2	AI	604	P8E	O1B-C1-C2	2.65	119.59	112.71
2	AW	604	P8E	O1B-C1-C2	2.65	119.59	112.71
2	A9	605	P8E	O1B-C1-C2	2.65	119.59	112.71
2	AN	605	P8E	O1B-C1-C2	2.64	119.58	112.71

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Res	Type	Atoms	Z	Observed(°)	Ideal(°)
2	AA	605	P8E	O1B-C1-C2	2.64	119.58	112.71
2	AQ	607	P8E	O1B-C1-C2	2.64	119.58	112.71
2	A4	605	P8E	O1B-C1-C2	2.64	119.58	112.71
2	AP	607	P8E	O1B-C1-C2	2.64	119.58	112.71
2	A6	605	P8E	O1B-C1-C2	2.64	119.58	112.71
2	AM	605	P8E	O1B-C1-C2	2.64	119.57	112.71
2	AN	607	P8E	O1B-C1-C2	2.64	119.56	112.71
2	AQ	605	P8E	O1B-C1-C2	2.63	119.56	112.71
2	A7	604	P8E	O1B-C1-C2	2.63	119.56	112.71
2	AK	604	P8E	O1B-C1-C2	2.63	119.55	112.71
2	AH	605	P8E	O1B-C1-C2	2.63	119.54	112.71
2	AX	604	P8E	O1B-C1-C2	2.62	119.53	112.71
2	A5	604	P8E	O1B-C1-C2	2.62	119.53	112.71
2	AW	605	P8E	O1B-C1-C2	2.62	119.52	112.71
2	AS	604	P8E	O1B-C1-C2	2.62	119.52	112.71
2	AT	604	P8E	O1B-C1-C2	2.62	119.52	112.71
2	AP	604	P8E	O1B-C1-C2	2.61	119.51	112.71
2	AL	604	P8E	O1B-C1-C2	2.61	119.51	112.71
2	A8	604	P8E	O1B-C1-C2	2.61	119.50	112.71
2	AE	604	P8E	O1B-C1-C2	2.61	119.50	112.71
2	AU	604	P8E	O1B-C1-C2	2.61	119.49	112.71
2	A3	604	P8E	O1B-C1-C2	2.60	119.48	112.71
2	AJ	604	P8E	O1B-C1-C2	2.60	119.48	112.71
2	AD	604	P8E	O1B-C1-C2	2.60	119.47	112.71
2	AO	604	P8E	O1B-C1-C2	2.60	119.46	112.71
2	AC	604	P8E	O1B-C1-C2	2.59	119.44	112.71
2	AK	602	P8E	O6-C2-C3	2.57	114.01	110.56
2	AL	602	P8E	O6-C2-C3	2.55	113.99	110.56
2	AR	602	P8E	O6-C2-C3	2.54	113.97	110.56
2	A8	602	P8E	O6-C2-C3	2.53	113.95	110.56
2	AP	602	P8E	O6-C2-C3	2.53	113.95	110.56
2	AS	602	P8E	O6-C2-C3	2.52	113.94	110.56
2	AX	602	P8E	O6-C2-C3	2.52	113.94	110.56
2	AI	602	P8E	O6-C2-C3	2.52	113.94	110.56
2	A5	602	P8E	O6-C2-C3	2.51	113.93	110.56
2	A7	602	P8E	O6-C2-C3	2.50	113.92	110.56
2	A3	602	P8E	O6-C2-C3	2.50	113.92	110.56
2	AO	602	P8E	O6-C2-C3	2.49	113.91	110.56
2	AV	604	P8E	O1B-C1-C2	2.48	119.17	112.71
2	AC	602	P8E	O6-C2-C3	2.48	113.89	110.56
2	AU	602	P8E	O6-C2-C3	2.47	113.88	110.56
2	AD	602	P8E	O6-C2-C3	2.46	113.87	110.56

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Res	Type	Atoms	Z	Observed(°)	Ideal(°)
2	AJ	602	P8E	O6-C2-C3	2.45	113.85	110.56
2	AE	602	P8E	O6-C2-C3	2.45	113.85	110.56
2	AG	602	P8E	O6-C2-C3	2.44	113.84	110.56
2	AT	602	P8E	O6-C2-C3	2.44	113.84	110.56
2	A6	608	P8E	C9-C8-C7	-2.40	108.86	112.66
2	A1	608	P8E	C9-C8-C7	-2.40	108.87	112.66
2	A2	608	P8E	C9-C8-C7	-2.40	108.87	112.66
2	AB	608	P8E	C9-C8-C7	-2.39	108.88	112.66
2	AW	608	P8E	C9-C8-C7	-2.39	108.88	112.66
2	AH	602	P8E	O6-C2-C3	2.39	113.77	110.56
2	A6	602	P8E	O6-C2-C3	2.38	113.76	110.56
2	AF	608	P8E	C9-C8-C7	-2.38	108.90	112.66
2	A9	608	P8E	C9-C8-C7	-2.38	108.91	112.66
2	A4	608	P8E	C9-C8-C7	-2.38	108.91	112.66
2	AM	608	P8E	C9-C8-C7	-2.37	108.92	112.66
2	AA	608	P8E	C9-C8-C7	-2.36	108.93	112.66
2	AQ	608	P8E	C9-C8-C7	-2.36	108.94	112.66
2	A7	608	P8E	C9-C8-C7	-2.35	108.94	112.66
2	AH	608	P8E	C9-C8-C7	-2.35	108.95	112.66
2	AV	608	P8E	C9-C8-C7	-2.35	108.95	112.66
2	AN	602	P8E	O6-C2-C3	2.34	113.71	110.56
2	AV	602	P8E	O6-C2-C3	2.34	113.71	110.56
2	A4	602	P8E	O6-C2-C3	2.33	113.69	110.56
2	AX	608	P8E	C9-C8-C7	-2.33	108.98	112.66
2	AN	608	P8E	C9-C8-C7	-2.33	108.98	112.66
2	A3	608	P8E	C9-C8-C7	-2.33	108.98	112.66
2	A9	602	P8E	O6-C2-C3	2.32	113.68	110.56
2	AA	602	P8E	O6-C2-C3	2.32	113.68	110.56
2	AX	604	P8E	C9-C8-C7	-2.32	108.99	112.66
2	A3	604	P8E	C9-C8-C7	-2.32	108.99	112.66
2	AM	602	P8E	O6-C2-C3	2.32	113.67	110.56
2	AJ	604	P8E	C9-C8-C7	-2.32	109.00	112.66
2	AE	604	P8E	C9-C8-C7	-2.32	109.00	112.66
2	AW	602	P8E	O6-C2-C3	2.31	113.67	110.56
2	AD	608	P8E	C9-C8-C7	-2.31	109.01	112.66
2	AT	608	P8E	C9-C8-C7	-2.31	109.01	112.66
2	AE	608	P8E	C9-C8-C7	-2.31	109.01	112.66
2	A7	604	P8E	C9-C8-C7	-2.31	109.02	112.66
2	AC	604	P8E	C9-C8-C7	-2.30	109.02	112.66
2	AU	606	P8E	C9-C8-C7	-2.30	109.02	112.66
2	AR	608	P8E	C9-C8-C7	-2.30	109.02	112.66
2	AO	604	P8E	C9-C8-C7	-2.30	109.02	112.66

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Res	Type	Atoms	Z	Observed(°)	Ideal(°)
2	AG	608	P8E	C9-C8-C7	-2.30	109.03	112.66
2	AF	602	P8E	O6-C2-C3	2.29	113.64	110.56
2	AQ	602	P8E	O6-C2-C3	2.29	113.64	110.56
2	A5	604	P8E	C9-C8-C7	-2.29	109.04	112.66
2	AB	602	P8E	O6-C2-C3	2.29	113.64	110.56
2	A8	604	P8E	C9-C8-C7	-2.29	109.05	112.66
2	AL	604	P8E	C9-C8-C7	-2.29	109.05	112.66
2	AI	608	P8E	C9-C8-C7	-2.28	109.06	112.66
2	AT	606	P8E	C9-C8-C7	-2.28	109.06	112.66
2	AO	608	P8E	C9-C8-C7	-2.27	109.07	112.66
2	AN	606	P8E	C9-C8-C7	-2.27	109.08	112.66
2	AU	604	P8E	C9-C8-C7	-2.27	109.08	112.66
2	AG	606	P8E	C9-C8-C7	-2.26	109.08	112.66
2	AK	608	P8E	C9-C8-C7	-2.26	109.09	112.66
2	AS	604	P8E	C9-C8-C7	-2.26	109.09	112.66
2	AJ	608	P8E	C9-C8-C7	-2.26	109.09	112.66
2	A6	606	P8E	C9-C8-C7	-2.26	109.10	112.66
2	AS	608	P8E	C9-C8-C7	-2.26	109.10	112.66
2	AM	606	P8E	C9-C8-C7	-2.25	109.10	112.66
2	AP	604	P8E	C9-C8-C7	-2.25	109.10	112.66
2	AQ	606	P8E	C9-C8-C7	-2.25	109.11	112.66
2	AC	608	P8E	C9-C8-C7	-2.25	109.11	112.66
2	AR	606	P8E	C9-C8-C7	-2.25	109.11	112.66
2	A5	608	P8E	C9-C8-C7	-2.24	109.12	112.66
2	A8	608	P8E	C9-C8-C7	-2.24	109.12	112.66
2	AD	606	P8E	C9-C8-C7	-2.24	109.12	112.66
2	AH	606	P8E	C9-C8-C7	-2.24	109.12	112.66
2	AL	606	P8E	C9-C8-C7	-2.24	109.13	112.66
2	AR	604	P8E	C9-C8-C7	-2.24	109.13	112.66
2	AL	608	P8E	C9-C8-C7	-2.23	109.13	112.66
2	AP	608	P8E	C9-C8-C7	-2.23	109.13	112.66
2	A3	606	P8E	C9-C8-C7	-2.23	109.13	112.66
2	AK	604	P8E	C9-C8-C7	-2.23	109.13	112.66
2	A8	606	P8E	C9-C8-C7	-2.23	109.13	112.66
2	AK	606	P8E	C9-C8-C7	-2.23	109.14	112.66
2	AU	608	P8E	C9-C8-C7	-2.23	109.14	112.66
2	AF	606	P8E	C9-C8-C7	-2.23	109.14	112.66
2	AP	606	P8E	C9-C8-C7	-2.23	109.14	112.66
2	AA	606	P8E	C9-C8-C7	-2.22	109.15	112.66
2	AC	606	P8E	C9-C8-C7	-2.22	109.15	112.66
2	A2	602	P8E	O6-C2-C3	2.22	113.55	110.56
2	AX	604	P8E	O6-C2-C3	2.22	113.54	110.56

*Continued on next page...*



*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Res	Type	Atoms	Z	Observed(°)	Ideal(°)
2	A4	606	P8E	C9-C8-C7	-2.22	109.15	112.66
2	AI	609	P8E	C9-C8-C7	-2.22	109.15	112.66
2	AJ	606	P8E	C9-C8-C7	-2.22	109.15	112.66
2	A6	609	P8E	C9-C8-C7	-2.22	109.15	112.66
2	AI	604	P8E	C9-C8-C7	-2.22	109.15	112.66
2	A7	604	P8E	O6-C2-C3	2.22	113.54	110.56
2	AG	604	P8E	C9-C8-C7	-2.22	109.16	112.66
2	A5	606	P8E	C9-C8-C7	-2.22	109.16	112.66
2	A1	602	P8E	O6-C2-C3	2.22	113.53	110.56
2	A1	606	P8E	C9-C8-C7	-2.21	109.16	112.66
2	AV	609	P8E	C9-C8-C7	-2.21	109.16	112.66
2	AF	604	P8E	C9-C8-C7	-2.21	109.17	112.66
2	AE	606	P8E	C9-C8-C7	-2.21	109.17	112.66
2	AD	604	P8E	O6-C2-C3	2.21	113.53	110.56
2	AV	606	P8E	C9-C8-C7	-2.21	109.17	112.66
2	AF	609	P8E	C9-C8-C7	-2.21	109.17	112.66
2	AH	609	P8E	C9-C8-C7	-2.21	109.17	112.66
2	AO	606	P8E	C9-C8-C7	-2.21	109.17	112.66
2	A5	609	P8E	C9-C8-C7	-2.21	109.18	112.66
2	AI	607	P8E	C9-C8-C7	-2.21	109.18	112.66
2	AT	604	P8E	C9-C8-C7	-2.21	109.18	112.66
2	A7	606	P8E	C9-C8-C7	-2.20	109.18	112.66
2	AN	607	P8E	C9-C8-C7	-2.20	109.18	112.66
2	AS	609	P8E	C9-C8-C7	-2.20	109.18	112.66
2	AT	607	P8E	C9-C8-C7	-2.20	109.18	112.66
2	A2	606	P8E	C9-C8-C7	-2.20	109.18	112.66
2	AI	606	P8E	C9-C8-C7	-2.20	109.18	112.66
2	AH	607	P8E	C9-C8-C7	-2.20	109.18	112.66
2	AK	609	P8E	C9-C8-C7	-2.20	109.18	112.66
2	AO	609	P8E	C9-C8-C7	-2.20	109.19	112.66
2	AB	606	P8E	C9-C8-C7	-2.20	109.19	112.66
2	AU	609	P8E	C9-C8-C7	-2.20	109.19	112.66
2	AR	609	P8E	C9-C8-C7	-2.20	109.19	112.66
2	AT	609	P8E	C9-C8-C7	-2.20	109.19	112.66
2	A9	609	P8E	C9-C8-C7	-2.20	109.19	112.66
2	AG	607	P8E	C9-C8-C7	-2.20	109.19	112.66
2	AM	609	P8E	C9-C8-C7	-2.20	109.19	112.66
2	AX	606	P8E	C9-C8-C7	-2.20	109.19	112.66
2	A2	609	P8E	C9-C8-C7	-2.20	109.19	112.66
2	AJ	607	P8E	C9-C8-C7	-2.20	109.19	112.66
2	AG	609	P8E	C9-C8-C7	-2.20	109.19	112.66
2	AR	607	P8E	C9-C8-C7	-2.19	109.19	112.66

*Continued on next page...*



*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Res	Type	Atoms	Z	Observed(°)	Ideal(°)
2	AS	606	P8E	C9-C8-C7	-2.19	109.19	112.66
2	A7	609	P8E	C9-C8-C7	-2.19	109.19	112.66
2	AN	604	P8E	C9-C8-C7	-2.19	109.19	112.66
2	AU	607	P8E	C9-C8-C7	-2.19	109.19	112.66
2	AP	607	P8E	C9-C8-C7	-2.19	109.19	112.66
2	AW	606	P8E	C9-C8-C7	-2.19	109.20	112.66
2	AB	609	P8E	C9-C8-C7	-2.19	109.20	112.66
2	AQ	609	P8E	C9-C8-C7	-2.19	109.20	112.66
2	A1	609	P8E	C9-C8-C7	-2.19	109.20	112.66
2	AL	607	P8E	C9-C8-C7	-2.19	109.20	112.66
2	AP	609	P8E	C9-C8-C7	-2.19	109.20	112.66
2	A3	607	P8E	C9-C8-C7	-2.19	109.20	112.66
2	A4	604	P8E	C9-C8-C7	-2.19	109.20	112.66
2	AW	609	P8E	C9-C8-C7	-2.19	109.21	112.66
2	A3	609	P8E	C9-C8-C7	-2.19	109.21	112.66
2	A7	607	P8E	C9-C8-C7	-2.18	109.21	112.66
2	A8	607	P8E	C9-C8-C7	-2.18	109.21	112.66
2	AE	607	P8E	C9-C8-C7	-2.18	109.21	112.66
2	AK	607	P8E	C9-C8-C7	-2.18	109.21	112.66
2	AQ	607	P8E	C9-C8-C7	-2.18	109.21	112.66
2	A4	609	P8E	C9-C8-C7	-2.18	109.21	112.66
2	AC	607	P8E	C9-C8-C7	-2.18	109.22	112.66
2	A5	607	P8E	C9-C8-C7	-2.18	109.22	112.66
2	AH	604	P8E	C9-C8-C7	-2.18	109.22	112.66
2	AD	607	P8E	C9-C8-C7	-2.18	109.22	112.66
2	AO	607	P8E	C9-C8-C7	-2.18	109.22	112.66
2	A1	607	P8E	C9-C8-C7	-2.18	109.22	112.66
2	AN	609	P8E	C9-C8-C7	-2.18	109.22	112.66
2	A3	604	P8E	O6-C2-C3	2.18	113.48	110.56
2	A2	607	P8E	C9-C8-C7	-2.18	109.22	112.66
2	A9	606	P8E	C9-C8-C7	-2.18	109.22	112.66
2	AF	607	P8E	C9-C8-C7	-2.17	109.23	112.66
2	AM	604	P8E	C9-C8-C7	-2.17	109.23	112.66
2	A8	609	P8E	C9-C8-C7	-2.17	109.23	112.66
2	AC	604	P8E	O6-C2-C3	2.17	113.47	110.56
2	A6	604	P8E	C9-C8-C7	-2.17	109.23	112.66
2	AX	607	P8E	C9-C8-C7	-2.17	109.23	112.66
2	AB	604	P8E	C9-C8-C7	-2.17	109.24	112.66
2	AC	609	P8E	C9-C8-C7	-2.17	109.24	112.66
2	AJ	609	P8E	C9-C8-C7	-2.16	109.24	112.66
2	A8	602	P8E	C9-C8-C7	-2.16	109.24	112.66
2	AM	607	P8E	C9-C8-C7	-2.16	109.24	112.66

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Res	Type	Atoms	Z	Observed(°)	Ideal(°)
2	AW	604	P8E	C9-C8-C7	-2.16	109.25	112.66
2	AL	609	P8E	C9-C8-C7	-2.16	109.25	112.66
2	AA	609	P8E	C9-C8-C7	-2.16	109.25	112.66
2	AQ	604	P8E	C9-C8-C7	-2.16	109.25	112.66
2	AX	609	P8E	C9-C8-C7	-2.16	109.25	112.66
2	AL	602	P8E	C9-C8-C7	-2.16	109.25	112.66
2	A5	602	P8E	C9-C8-C7	-2.16	109.25	112.66
2	AD	609	P8E	C9-C8-C7	-2.16	109.25	112.66
2	AE	604	P8E	O6-C2-C3	2.16	113.45	110.56
2	AS	607	P8E	C9-C8-C7	-2.16	109.25	112.66
2	AE	609	P8E	C9-C8-C7	-2.16	109.25	112.66
2	AO	602	P8E	C9-C8-C7	-2.15	109.26	112.66
2	A6	603	P8E	C9-C8-C7	-2.15	109.26	112.66
2	AA	604	P8E	C9-C8-C7	-2.15	109.26	112.66
2	A6	607	P8E	C9-C8-C7	-2.15	109.26	112.66
2	A9	604	P8E	C9-C8-C7	-2.15	109.26	112.66
2	AW	607	P8E	C9-C8-C7	-2.15	109.26	112.66
2	A9	607	P8E	C9-C8-C7	-2.15	109.27	112.66
2	AG	603	P8E	C9-C8-C7	-2.15	109.27	112.66
2	AU	602	P8E	C9-C8-C7	-2.15	109.27	112.66
2	AJ	602	P8E	C9-C8-C7	-2.15	109.27	112.66
2	A4	607	P8E	C9-C8-C7	-2.14	109.27	112.66
2	AI	603	P8E	C9-C8-C7	-2.14	109.28	112.66
2	AM	603	P8E	C9-C8-C7	-2.14	109.28	112.66
2	AR	602	P8E	C9-C8-C7	-2.14	109.28	112.66
2	AR	603	P8E	C9-C8-C7	-2.14	109.28	112.66
2	AS	601	P8E	C9-C8-C7	-2.14	109.28	112.66
2	AS	602	P8E	C9-C8-C7	-2.14	109.28	112.66
2	AJ	604	P8E	O6-C2-C3	2.14	113.43	110.56
2	AT	603	P8E	C9-C8-C7	-2.14	109.29	112.66
2	A2	604	P8E	C9-C8-C7	-2.13	109.29	112.66
2	AA	607	P8E	C9-C8-C7	-2.13	109.29	112.66
2	AG	602	P8E	C9-C8-C7	-2.13	109.29	112.66
2	AK	602	P8E	C9-C8-C7	-2.13	109.29	112.66
2	A1	604	P8E	C9-C8-C7	-2.13	109.29	112.66
2	AP	603	P8E	C9-C8-C7	-2.13	109.29	112.66
2	AK	601	P8E	C9-C8-C7	-2.13	109.29	112.66
2	AB	607	P8E	C9-C8-C7	-2.13	109.30	112.66
2	AN	603	P8E	C9-C8-C7	-2.13	109.30	112.66
2	AQ	603	P8E	C9-C8-C7	-2.13	109.30	112.66
2	AD	604	P8E	C9-C8-C7	-2.13	109.30	112.66
2	AB	603	P8E	C9-C8-C7	-2.13	109.30	112.66

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Res	Type	Atoms	Z	Observed(°)	Ideal(°)
2	AP	602	P8E	C9-C8-C7	-2.13	109.30	112.66
2	AT	602	P8E	C9-C8-C7	-2.12	109.30	112.66
2	AH	603	P8E	C9-C8-C7	-2.12	109.31	112.66
2	AI	602	P8E	C9-C8-C7	-2.12	109.31	112.66
2	AF	603	P8E	C9-C8-C7	-2.12	109.31	112.66
2	AI	601	P8E	C9-C8-C7	-2.12	109.31	112.66
2	AV	604	P8E	C9-C8-C7	-2.12	109.31	112.66
2	A1	603	P8E	C9-C8-C7	-2.12	109.31	112.66
2	AA	603	P8E	C9-C8-C7	-2.12	109.31	112.66
2	AU	601	P8E	C9-C8-C7	-2.12	109.31	112.66
2	AV	607	P8E	C9-C8-C7	-2.12	109.31	112.66
2	AS	603	P8E	C9-C8-C7	-2.12	109.31	112.66
2	A2	603	P8E	C9-C8-C7	-2.12	109.32	112.66
2	A9	603	P8E	C9-C8-C7	-2.11	109.32	112.66
2	AE	602	P8E	C9-C8-C7	-2.11	109.32	112.66
2	AO	603	P8E	C9-C8-C7	-2.11	109.32	112.66
2	AX	602	P8E	C9-C8-C7	-2.11	109.33	112.66
2	AR	601	P8E	C9-C8-C7	-2.11	109.33	112.66
2	AU	603	P8E	C9-C8-C7	-2.11	109.33	112.66
2	A7	602	P8E	C9-C8-C7	-2.11	109.33	112.66
2	A8	601	P8E	C9-C8-C7	-2.11	109.33	112.66
2	A8	604	P8E	O6-C2-C3	2.10	113.39	110.56
2	AC	602	P8E	C9-C8-C7	-2.10	109.34	112.66
2	A3	602	P8E	C9-C8-C7	-2.10	109.34	112.66
2	AP	601	P8E	C9-C8-C7	-2.10	109.34	112.66
2	AF	602	P8E	C9-C8-C7	-2.10	109.34	112.66
2	AD	602	P8E	C9-C8-C7	-2.10	109.34	112.66
2	AV	603	P8E	C9-C8-C7	-2.10	109.34	112.66
2	AX	601	P8E	C9-C8-C7	-2.10	109.34	112.66
2	AO	601	P8E	C9-C8-C7	-2.10	109.35	112.66
2	AG	601	P8E	C9-C8-C7	-2.10	109.35	112.66
2	AH	602	P8E	C9-C8-C7	-2.10	109.35	112.66
2	AI	605	P8E	C9-C8-C7	-2.10	109.35	112.66
2	A6	602	P8E	C9-C8-C7	-2.10	109.35	112.66
2	AQ	602	P8E	C9-C8-C7	-2.10	109.35	112.66
2	AK	603	P8E	C9-C8-C7	-2.09	109.35	112.66
2	A5	601	P8E	C9-C8-C7	-2.09	109.35	112.66
2	AN	602	P8E	C9-C8-C7	-2.09	109.35	112.66
2	AL	604	P8E	O6-C2-C3	2.09	113.37	110.56
2	A4	603	P8E	C9-C8-C7	-2.09	109.35	112.66
2	A5	603	P8E	C9-C8-C7	-2.09	109.35	112.66
2	AW	603	P8E	C9-C8-C7	-2.09	109.35	112.66

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Res	Type	Atoms	Z	Observed(°)	Ideal(°)
2	AL	603	P8E	C9-C8-C7	-2.09	109.36	112.66
2	AM	601	P8E	C9-C8-C7	-2.09	109.36	112.66
2	AJ	601	P8E	C9-C8-C7	-2.09	109.36	112.66
2	AL	601	P8E	C9-C8-C7	-2.09	109.36	112.66
2	A3	601	P8E	C9-C8-C7	-2.09	109.37	112.66
2	A8	603	P8E	C9-C8-C7	-2.08	109.37	112.66
2	AE	601	P8E	C9-C8-C7	-2.08	109.37	112.66
2	A7	601	P8E	C9-C8-C7	-2.08	109.37	112.66
2	AC	601	P8E	C9-C8-C7	-2.08	109.37	112.66
2	AD	601	P8E	C9-C8-C7	-2.08	109.38	112.66
2	AF	601	P8E	C9-C8-C7	-2.08	109.38	112.66
2	AJ	603	P8E	C9-C8-C7	-2.08	109.38	112.66
2	AE	603	P8E	C9-C8-C7	-2.08	109.38	112.66
2	A5	604	P8E	O6-C2-C3	2.07	113.34	110.56
2	AQ	601	P8E	C9-C8-C7	-2.07	109.38	112.66
2	AM	602	P8E	C9-C8-C7	-2.07	109.39	112.66
2	AD	603	P8E	C9-C8-C7	-2.07	109.39	112.66
2	A9	602	P8E	C9-C8-C7	-2.07	109.39	112.66
2	A6	601	P8E	C9-C8-C7	-2.07	109.39	112.66
2	AC	603	P8E	C9-C8-C7	-2.07	109.40	112.66
2	AH	601	P8E	C9-C8-C7	-2.06	109.40	112.66
2	AW	602	P8E	C9-C8-C7	-2.06	109.41	112.66
2	A2	602	P8E	C9-C8-C7	-2.06	109.41	112.66
2	A7	603	P8E	C9-C8-C7	-2.06	109.41	112.66
2	AN	601	P8E	C9-C8-C7	-2.06	109.41	112.66
2	A1	605	P8E	C9-C8-C7	-2.06	109.41	112.66
2	A3	603	P8E	C9-C8-C7	-2.06	109.41	112.66
2	A1	602	P8E	C9-C8-C7	-2.06	109.41	112.66
2	AB	602	P8E	C9-C8-C7	-2.06	109.41	112.66
2	A1	601	P8E	C9-C8-C7	-2.06	109.41	112.66
2	A2	601	P8E	C9-C8-C7	-2.06	109.41	112.66
2	A9	601	P8E	C9-C8-C7	-2.06	109.41	112.66
2	A4	602	P8E	C9-C8-C7	-2.05	109.42	112.66
2	AA	602	P8E	C9-C8-C7	-2.05	109.42	112.66
2	AT	601	P8E	C9-C8-C7	-2.05	109.42	112.66
2	A6	605	P8E	C9-C8-C7	-2.04	109.43	112.66
2	AO	604	P8E	O6-C2-C3	2.04	113.30	110.56
2	AV	602	P8E	C9-C8-C7	-2.04	109.43	112.66
2	AV	601	P8E	C9-C8-C7	-2.03	109.45	112.66
2	AA	601	P8E	C9-C8-C7	-2.02	109.46	112.66
2	AX	603	P8E	C9-C8-C7	-2.02	109.47	112.66
2	A3	605	P8E	C9-C8-C7	-2.02	109.47	112.66

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Res	Type	Atoms	Z	Observed(°)	Ideal(°)
2	AX	605	P8E	C9-C8-C7	-2.02	109.47	112.66
2	A9	605	P8E	C9-C8-C7	-2.02	109.47	112.66
2	AB	601	P8E	C9-C8-C7	-2.02	109.47	112.66
2	AU	605	P8E	C9-C8-C7	-2.02	109.48	112.66
2	A7	605	P8E	C9-C8-C7	-2.01	109.48	112.66
2	AF	605	P8E	C9-C8-C7	-2.01	109.48	112.66
2	A4	601	P8E	C9-C8-C7	-2.01	109.49	112.66
2	AC	605	P8E	C9-C8-C7	-2.01	109.49	112.66
2	AR	605	P8E	C9-C8-C7	-2.01	109.49	112.66
2	AW	601	P8E	C9-C8-C7	-2.01	109.49	112.66
2	AD	605	P8E	C9-C8-C7	-2.00	109.50	112.66

All (33) chirality outliers are listed below:

Mol	Chain	Res	Type	Atom
2	A1	604	P8E	C2
2	A2	604	P8E	C2
2	A3	604	P8E	C2
2	A4	604	P8E	C2
2	A5	604	P8E	C2
2	A6	604	P8E	C2
2	A7	604	P8E	C2
2	A8	604	P8E	C2
2	A9	604	P8E	C2
2	AA	604	P8E	C2
2	AB	604	P8E	C2
2	AC	604	P8E	C2
2	AD	604	P8E	C2
2	AE	604	P8E	C2
2	AF	604	P8E	C2
2	AG	604	P8E	C2
2	AH	604	P8E	C2
2	AI	604	P8E	C2
2	AJ	604	P8E	C2
2	AK	604	P8E	C2
2	AL	604	P8E	C2
2	AM	604	P8E	C2
2	AN	604	P8E	C2
2	AO	604	P8E	C2
2	AP	604	P8E	C2
2	AQ	604	P8E	C2
2	AR	604	P8E	C2

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Res	Type	Atom
2	AS	604	P8E	C2
2	AT	604	P8E	C2
2	AU	604	P8E	C2
2	AV	604	P8E	C2
2	AW	604	P8E	C2
2	AX	604	P8E	C2

All (853) torsion outliers are listed below:

Mol	Chain	Res	Type	Atoms
2	A1	604	P8E	N7-C7-C8-C9
2	A1	604	P8E	C6-C7-C8-O8
2	A1	604	P8E	O6-C6-C7-N7
2	A1	604	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	A1	604	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	A1	605	P8E	O6-C6-C7-C8
2	A1	607	P8E	C6-C7-C8-C9
2	A1	607	P8E	N7-C7-C8-C9
2	A1	607	P8E	C6-C7-C8-O8
2	A1	607	P8E	N7-C7-C8-O8
2	A1	607	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	A1	607	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	A1	609	P8E	O6-C6-C7-N7
2	A2	604	P8E	N7-C7-C8-C9
2	A2	604	P8E	C6-C7-C8-O8
2	A2	604	P8E	O6-C6-C7-N7
2	A2	604	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	A2	604	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	A2	607	P8E	C6-C7-C8-C9
2	A2	607	P8E	N7-C7-C8-C9
2	A2	607	P8E	C6-C7-C8-O8
2	A2	607	P8E	N7-C7-C8-O8
2	A2	607	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	A2	607	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	A2	609	P8E	O6-C6-C7-N7
2	A3	604	P8E	N7-C7-C8-C9
2	A3	604	P8E	C6-C7-C8-O8
2	A3	604	P8E	O6-C6-C7-N7
2	A3	604	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	A3	607	P8E	C6-C7-C8-C9
2	A3	607	P8E	N7-C7-C8-C9
2	A3	607	P8E	C6-C7-C8-O8

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Res	Type	Atoms
2	A3	607	P8E	N7-C7-C8-O8
2	A3	607	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	A3	609	P8E	O6-C6-C7-N7
2	A4	604	P8E	N7-C7-C8-C9
2	A4	604	P8E	C6-C7-C8-O8
2	A4	604	P8E	O6-C6-C7-N7
2	A4	604	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	A4	605	P8E	O6-C6-C7-C8
2	A4	607	P8E	C6-C7-C8-C9
2	A4	607	P8E	N7-C7-C8-C9
2	A4	607	P8E	C6-C7-C8-O8
2	A4	607	P8E	N7-C7-C8-O8
2	A4	607	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	A4	607	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	A4	609	P8E	O6-C6-C7-N7
2	A5	604	P8E	N7-C7-C8-C9
2	A5	604	P8E	C6-C7-C8-O8
2	A5	604	P8E	O6-C6-C7-N7
2	A5	604	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	A5	604	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	A5	607	P8E	C6-C7-C8-C9
2	A5	607	P8E	N7-C7-C8-C9
2	A5	607	P8E	C6-C7-C8-O8
2	A5	607	P8E	N7-C7-C8-O8
2	A5	607	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	A5	609	P8E	O6-C6-C7-N7
2	A6	604	P8E	N7-C7-C8-C9
2	A6	604	P8E	C6-C7-C8-O8
2	A6	604	P8E	O6-C6-C7-N7
2	A6	604	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	A6	604	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	A6	605	P8E	O6-C6-C7-C8
2	A6	607	P8E	C6-C7-C8-C9
2	A6	607	P8E	N7-C7-C8-C9
2	A6	607	P8E	C6-C7-C8-O8
2	A6	607	P8E	N7-C7-C8-O8
2	A6	607	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	A6	607	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	A6	609	P8E	O6-C6-C7-N7
2	A7	604	P8E	N7-C7-C8-C9
2	A7	604	P8E	C6-C7-C8-O8
2	A7	604	P8E	O6-C6-C7-N7

*Continued on next page...*



*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Res	Type	Atoms
2	A7	607	P8E	C6-C7-C8-C9
2	A7	607	P8E	N7-C7-C8-C9
2	A7	607	P8E	C6-C7-C8-O8
2	A7	607	P8E	N7-C7-C8-O8
2	A7	607	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	A7	609	P8E	O6-C6-C7-N7
2	A8	604	P8E	N7-C7-C8-C9
2	A8	604	P8E	C6-C7-C8-O8
2	A8	604	P8E	O6-C6-C7-N7
2	A8	604	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	A8	607	P8E	C6-C7-C8-C9
2	A8	607	P8E	N7-C7-C8-C9
2	A8	607	P8E	C6-C7-C8-O8
2	A8	607	P8E	N7-C7-C8-O8
2	A8	607	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	A8	609	P8E	O6-C6-C7-N7
2	A9	604	P8E	N7-C7-C8-C9
2	A9	604	P8E	C6-C7-C8-O8
2	A9	604	P8E	O6-C6-C7-N7
2	A9	604	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	A9	604	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	A9	605	P8E	O6-C6-C7-C8
2	A9	607	P8E	C6-C7-C8-C9
2	A9	607	P8E	N7-C7-C8-C9
2	A9	607	P8E	C6-C7-C8-O8
2	A9	607	P8E	N7-C7-C8-O8
2	A9	607	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	A9	607	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	A9	609	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AA	604	P8E	N7-C7-C8-C9
2	AA	604	P8E	C6-C7-C8-O8
2	AA	604	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AA	605	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AA	607	P8E	C6-C7-C8-C9
2	AA	607	P8E	N7-C7-C8-C9
2	AA	607	P8E	C6-C7-C8-O8
2	AA	607	P8E	N7-C7-C8-O8
2	AA	607	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	AA	607	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	AA	609	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AB	604	P8E	N7-C7-C8-C9
2	AB	604	P8E	C6-C7-C8-O8

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Res	Type	Atoms
2	AB	604	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AB	605	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AB	607	P8E	C6-C7-C8-C9
2	AB	607	P8E	N7-C7-C8-C9
2	AB	607	P8E	C6-C7-C8-O8
2	AB	607	P8E	N7-C7-C8-O8
2	AB	607	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	AB	607	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	AB	609	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AC	604	P8E	N7-C7-C8-C9
2	AC	604	P8E	C6-C7-C8-O8
2	AC	604	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AC	607	P8E	C6-C7-C8-C9
2	AC	607	P8E	N7-C7-C8-C9
2	AC	607	P8E	C6-C7-C8-O8
2	AC	607	P8E	N7-C7-C8-O8
2	AC	607	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	AC	609	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AD	604	P8E	N7-C7-C8-C9
2	AD	604	P8E	C6-C7-C8-O8
2	AD	604	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AD	607	P8E	C6-C7-C8-C9
2	AD	607	P8E	N7-C7-C8-C9
2	AD	607	P8E	C6-C7-C8-O8
2	AD	607	P8E	N7-C7-C8-O8
2	AD	607	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	AD	607	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	AD	609	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AE	604	P8E	N7-C7-C8-C9
2	AE	604	P8E	C6-C7-C8-O8
2	AE	604	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AE	604	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	AE	607	P8E	C6-C7-C8-C9
2	AE	607	P8E	N7-C7-C8-C9
2	AE	607	P8E	C6-C7-C8-O8
2	AE	607	P8E	N7-C7-C8-O8
2	AE	607	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	AE	609	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AF	604	P8E	N7-C7-C8-C9
2	AF	604	P8E	C6-C7-C8-O8
2	AF	604	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AF	604	P8E	O1A-C1-C2-C3

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Res	Type	Atoms
2	AF	604	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	AF	605	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AF	607	P8E	C6-C7-C8-C9
2	AF	607	P8E	N7-C7-C8-C9
2	AF	607	P8E	C6-C7-C8-O8
2	AF	607	P8E	N7-C7-C8-O8
2	AF	607	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	AF	607	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	AF	609	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AG	604	P8E	N7-C7-C8-C9
2	AG	604	P8E	C6-C7-C8-O8
2	AG	604	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AG	604	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	AG	604	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	AG	605	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AG	607	P8E	C6-C7-C8-C9
2	AG	607	P8E	N7-C7-C8-C9
2	AG	607	P8E	C6-C7-C8-O8
2	AG	607	P8E	N7-C7-C8-O8
2	AG	607	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	AG	609	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AH	604	P8E	N7-C7-C8-C9
2	AH	604	P8E	C6-C7-C8-O8
2	AH	604	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AH	604	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	AH	604	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	AH	605	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AH	607	P8E	C6-C7-C8-C9
2	AH	607	P8E	N7-C7-C8-C9
2	AH	607	P8E	C6-C7-C8-O8
2	AH	607	P8E	N7-C7-C8-O8
2	AH	607	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	AH	607	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	AH	609	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AI	604	P8E	N7-C7-C8-C9
2	AI	604	P8E	C6-C7-C8-O8
2	AI	604	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AI	604	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	AI	604	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	AI	605	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AI	607	P8E	C6-C7-C8-C9
2	AI	607	P8E	N7-C7-C8-C9

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Res	Type	Atoms
2	AI	607	P8E	C6-C7-C8-O8
2	AI	607	P8E	N7-C7-C8-O8
2	AI	607	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	AI	609	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AJ	604	P8E	N7-C7-C8-C9
2	AJ	604	P8E	C6-C7-C8-O8
2	AJ	604	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AJ	607	P8E	C6-C7-C8-C9
2	AJ	607	P8E	N7-C7-C8-C9
2	AJ	607	P8E	C6-C7-C8-O8
2	AJ	607	P8E	N7-C7-C8-O8
2	AJ	607	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	AJ	609	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AK	604	P8E	N7-C7-C8-C9
2	AK	604	P8E	C6-C7-C8-O8
2	AK	604	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AK	604	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	AK	604	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	AK	607	P8E	C6-C7-C8-C9
2	AK	607	P8E	N7-C7-C8-C9
2	AK	607	P8E	C6-C7-C8-O8
2	AK	607	P8E	N7-C7-C8-O8
2	AK	607	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	AK	609	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AL	604	P8E	N7-C7-C8-C9
2	AL	604	P8E	C6-C7-C8-O8
2	AL	604	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AL	607	P8E	C6-C7-C8-C9
2	AL	607	P8E	N7-C7-C8-C9
2	AL	607	P8E	C6-C7-C8-O8
2	AL	607	P8E	N7-C7-C8-O8
2	AL	607	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	AL	609	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AM	604	P8E	N7-C7-C8-C9
2	AM	604	P8E	C6-C7-C8-O8
2	AM	604	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AM	604	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	AM	604	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	AM	605	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AM	607	P8E	C6-C7-C8-C9
2	AM	607	P8E	N7-C7-C8-C9
2	AM	607	P8E	C6-C7-C8-O8

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Res	Type	Atoms
2	AM	607	P8E	N7-C7-C8-O8
2	AM	607	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	AM	607	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	AM	609	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AN	604	P8E	N7-C7-C8-C9
2	AN	604	P8E	C6-C7-C8-O8
2	AN	604	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AN	604	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	AN	604	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	AN	605	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AN	607	P8E	C6-C7-C8-C9
2	AN	607	P8E	N7-C7-C8-C9
2	AN	607	P8E	C6-C7-C8-O8
2	AN	607	P8E	N7-C7-C8-O8
2	AN	607	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	AN	609	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AO	604	P8E	N7-C7-C8-C9
2	AO	604	P8E	C6-C7-C8-O8
2	AO	604	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AO	604	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	AO	607	P8E	C6-C7-C8-C9
2	AO	607	P8E	N7-C7-C8-C9
2	AO	607	P8E	C6-C7-C8-O8
2	AO	607	P8E	N7-C7-C8-O8
2	AO	607	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	AO	609	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AP	604	P8E	N7-C7-C8-C9
2	AP	604	P8E	C6-C7-C8-O8
2	AP	604	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AP	604	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	AP	604	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	AP	605	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AP	607	P8E	C6-C7-C8-C9
2	AP	607	P8E	N7-C7-C8-C9
2	AP	607	P8E	C6-C7-C8-O8
2	AP	607	P8E	N7-C7-C8-O8
2	AP	607	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	AP	609	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AQ	604	P8E	N7-C7-C8-C9
2	AQ	604	P8E	C6-C7-C8-O8
2	AQ	604	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AQ	604	P8E	O1A-C1-C2-C3

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Res	Type	Atoms
2	AQ	604	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	AQ	605	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AQ	607	P8E	C6-C7-C8-C9
2	AQ	607	P8E	N7-C7-C8-C9
2	AQ	607	P8E	C6-C7-C8-O8
2	AQ	607	P8E	N7-C7-C8-O8
2	AQ	607	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	AQ	609	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AR	604	P8E	N7-C7-C8-C9
2	AR	604	P8E	C6-C7-C8-O8
2	AR	604	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AR	604	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	AR	604	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	AR	607	P8E	C6-C7-C8-C9
2	AR	607	P8E	N7-C7-C8-C9
2	AR	607	P8E	C6-C7-C8-O8
2	AR	607	P8E	N7-C7-C8-O8
2	AR	607	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	AR	609	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AS	604	P8E	N7-C7-C8-C9
2	AS	604	P8E	C6-C7-C8-O8
2	AS	604	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AS	604	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	AS	604	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	AS	607	P8E	C6-C7-C8-C9
2	AS	607	P8E	N7-C7-C8-C9
2	AS	607	P8E	C6-C7-C8-O8
2	AS	607	P8E	N7-C7-C8-O8
2	AS	607	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	AS	609	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AT	604	P8E	N7-C7-C8-C9
2	AT	604	P8E	C6-C7-C8-O8
2	AT	604	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AT	604	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	AT	604	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	AT	605	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AT	607	P8E	C6-C7-C8-C9
2	AT	607	P8E	N7-C7-C8-C9
2	AT	607	P8E	C6-C7-C8-O8
2	AT	607	P8E	N7-C7-C8-O8
2	AT	607	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	AT	607	P8E	O1B-C1-C2-C3

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Res	Type	Atoms
2	AT	609	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AU	604	P8E	N7-C7-C8-C9
2	AU	604	P8E	C6-C7-C8-O8
2	AU	604	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AU	604	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	AU	604	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	AU	607	P8E	C6-C7-C8-C9
2	AU	607	P8E	N7-C7-C8-C9
2	AU	607	P8E	C6-C7-C8-O8
2	AU	607	P8E	N7-C7-C8-O8
2	AU	607	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	AU	609	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AV	604	P8E	N7-C7-C8-C9
2	AV	604	P8E	C6-C7-C8-O8
2	AV	604	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AV	607	P8E	C6-C7-C8-C9
2	AV	607	P8E	N7-C7-C8-C9
2	AV	607	P8E	C6-C7-C8-O8
2	AV	607	P8E	N7-C7-C8-O8
2	AV	607	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	AV	607	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	AV	609	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AW	604	P8E	N7-C7-C8-C9
2	AW	604	P8E	C6-C7-C8-O8
2	AW	604	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AW	604	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	AW	604	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	AW	605	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AW	607	P8E	C6-C7-C8-C9
2	AW	607	P8E	N7-C7-C8-C9
2	AW	607	P8E	C6-C7-C8-O8
2	AW	607	P8E	N7-C7-C8-O8
2	AW	607	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	AW	607	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	AW	609	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AX	604	P8E	N7-C7-C8-C9
2	AX	604	P8E	C6-C7-C8-O8
2	AX	604	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AX	607	P8E	C6-C7-C8-C9
2	AX	607	P8E	N7-C7-C8-C9
2	AX	607	P8E	C6-C7-C8-O8
2	AX	607	P8E	N7-C7-C8-O8

*Continued on next page...*



*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Res	Type	Atoms
2	AX	607	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	AX	609	P8E	O6-C6-C7-N7
2	A2	605	P8E	O6-C6-C7-C8
2	A3	605	P8E	O6-C6-C7-C8
2	A5	605	P8E	O6-C6-C7-C8
2	A7	605	P8E	O6-C6-C7-C8
2	A8	605	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AC	605	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AD	605	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AE	605	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AJ	605	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AK	605	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AL	605	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AO	605	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AR	605	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AS	605	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AU	605	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AV	605	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AX	605	P8E	O6-C6-C7-C8
2	A1	604	P8E	O6-C6-C7-C8
2	A1	609	P8E	O6-C6-C7-C8
2	A2	604	P8E	O6-C6-C7-C8
2	A2	609	P8E	O6-C6-C7-C8
2	A3	604	P8E	O6-C6-C7-C8
2	A3	609	P8E	O6-C6-C7-C8
2	A4	604	P8E	O6-C6-C7-C8
2	A4	609	P8E	O6-C6-C7-C8
2	A5	604	P8E	O6-C6-C7-C8
2	A5	609	P8E	O6-C6-C7-C8
2	A6	604	P8E	O6-C6-C7-C8
2	A6	609	P8E	O6-C6-C7-C8
2	A7	604	P8E	O6-C6-C7-C8
2	A7	609	P8E	O6-C6-C7-C8
2	A8	604	P8E	O6-C6-C7-C8
2	A8	609	P8E	O6-C6-C7-C8
2	A9	604	P8E	O6-C6-C7-C8
2	A9	609	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AA	604	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AA	609	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AB	604	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AB	609	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AC	604	P8E	O6-C6-C7-C8

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Res	Type	Atoms
2	AC	609	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AD	604	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AD	609	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AE	604	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AE	609	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AF	604	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AF	609	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AG	604	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AG	609	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AH	604	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AH	609	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AI	604	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AI	609	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AJ	604	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AJ	609	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AK	604	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AK	609	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AL	604	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AL	609	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AM	604	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AM	609	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AN	604	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AN	609	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AO	604	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AO	609	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AP	604	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AP	609	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AQ	604	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AQ	609	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AR	604	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AR	609	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AS	604	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AS	609	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AT	604	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AT	609	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AU	604	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AU	609	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AV	604	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AV	609	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AW	604	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AW	609	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AX	604	P8E	O6-C6-C7-C8

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Res	Type	Atoms
2	AX	609	P8E	O6-C6-C7-C8
2	A1	604	P8E	C5-C6-C7-C8
2	A1	605	P8E	C5-C6-C7-C8
2	A1	609	P8E	C5-C6-C7-C8
2	A2	604	P8E	C5-C6-C7-C8
2	A2	605	P8E	C5-C6-C7-C8
2	A2	609	P8E	C5-C6-C7-C8
2	A3	604	P8E	C5-C6-C7-C8
2	A3	605	P8E	C5-C6-C7-C8
2	A3	609	P8E	C5-C6-C7-C8
2	A4	604	P8E	C5-C6-C7-C8
2	A4	605	P8E	C5-C6-C7-C8
2	A4	609	P8E	C5-C6-C7-C8
2	A5	604	P8E	C5-C6-C7-C8
2	A5	605	P8E	C5-C6-C7-C8
2	A5	609	P8E	C5-C6-C7-C8
2	A6	604	P8E	C5-C6-C7-C8
2	A6	605	P8E	C5-C6-C7-C8
2	A6	609	P8E	C5-C6-C7-C8
2	A7	604	P8E	C5-C6-C7-C8
2	A7	605	P8E	C5-C6-C7-C8
2	A7	609	P8E	C5-C6-C7-C8
2	A8	604	P8E	C5-C6-C7-C8
2	A8	605	P8E	C5-C6-C7-C8
2	A8	609	P8E	C5-C6-C7-C8
2	A9	604	P8E	C5-C6-C7-C8
2	A9	605	P8E	C5-C6-C7-C8
2	A9	609	P8E	C5-C6-C7-C8
2	AA	604	P8E	C5-C6-C7-C8
2	AA	605	P8E	C5-C6-C7-C8
2	AA	609	P8E	C5-C6-C7-C8
2	AB	604	P8E	C5-C6-C7-C8
2	AB	605	P8E	C5-C6-C7-C8
2	AB	609	P8E	C5-C6-C7-C8
2	AC	604	P8E	C5-C6-C7-C8
2	AC	605	P8E	C5-C6-C7-C8
2	AC	609	P8E	C5-C6-C7-C8
2	AD	604	P8E	C5-C6-C7-C8
2	AD	605	P8E	C5-C6-C7-C8
2	AD	609	P8E	C5-C6-C7-C8
2	AE	604	P8E	C5-C6-C7-C8
2	AE	605	P8E	C5-C6-C7-C8

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Res	Type	Atoms
2	AE	609	P8E	C5-C6-C7-C8
2	AF	604	P8E	C5-C6-C7-C8
2	AF	605	P8E	C5-C6-C7-C8
2	AF	609	P8E	C5-C6-C7-C8
2	AG	604	P8E	C5-C6-C7-C8
2	AG	605	P8E	C5-C6-C7-C8
2	AG	609	P8E	C5-C6-C7-C8
2	AH	604	P8E	C5-C6-C7-C8
2	AH	605	P8E	C5-C6-C7-C8
2	AH	609	P8E	C5-C6-C7-C8
2	AI	604	P8E	C5-C6-C7-C8
2	AI	605	P8E	C5-C6-C7-C8
2	AI	609	P8E	C5-C6-C7-C8
2	AJ	604	P8E	C5-C6-C7-C8
2	AJ	605	P8E	C5-C6-C7-C8
2	AJ	609	P8E	C5-C6-C7-C8
2	AK	604	P8E	C5-C6-C7-C8
2	AK	605	P8E	C5-C6-C7-C8
2	AK	609	P8E	C5-C6-C7-C8
2	AL	604	P8E	C5-C6-C7-C8
2	AL	605	P8E	C5-C6-C7-C8
2	AL	609	P8E	C5-C6-C7-C8
2	AM	604	P8E	C5-C6-C7-C8
2	AM	605	P8E	C5-C6-C7-C8
2	AM	609	P8E	C5-C6-C7-C8
2	AN	604	P8E	C5-C6-C7-C8
2	AN	605	P8E	C5-C6-C7-C8
2	AN	609	P8E	C5-C6-C7-C8
2	AO	604	P8E	C5-C6-C7-C8
2	AO	605	P8E	C5-C6-C7-C8
2	AO	609	P8E	C5-C6-C7-C8
2	AP	604	P8E	C5-C6-C7-C8
2	AP	605	P8E	C5-C6-C7-C8
2	AP	609	P8E	C5-C6-C7-C8
2	AQ	604	P8E	C5-C6-C7-C8
2	AQ	605	P8E	C5-C6-C7-C8
2	AQ	609	P8E	C5-C6-C7-C8
2	AR	604	P8E	C5-C6-C7-C8
2	AR	605	P8E	C5-C6-C7-C8
2	AR	609	P8E	C5-C6-C7-C8
2	AS	604	P8E	C5-C6-C7-C8
2	AS	605	P8E	C5-C6-C7-C8

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Res	Type	Atoms
2	AS	609	P8E	C5-C6-C7-C8
2	AT	604	P8E	C5-C6-C7-C8
2	AT	605	P8E	C5-C6-C7-C8
2	AT	609	P8E	C5-C6-C7-C8
2	AU	604	P8E	C5-C6-C7-C8
2	AU	605	P8E	C5-C6-C7-C8
2	AU	609	P8E	C5-C6-C7-C8
2	AV	604	P8E	C5-C6-C7-C8
2	AV	605	P8E	C5-C6-C7-C8
2	AV	609	P8E	C5-C6-C7-C8
2	AW	604	P8E	C5-C6-C7-C8
2	AW	605	P8E	C5-C6-C7-C8
2	AW	609	P8E	C5-C6-C7-C8
2	AX	604	P8E	C5-C6-C7-C8
2	AX	605	P8E	C5-C6-C7-C8
2	AX	609	P8E	C5-C6-C7-C8
2	A1	606	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	A1	606	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	A2	606	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	A2	606	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	A3	604	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	A3	606	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	A3	606	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	A3	607	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	A4	604	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	A4	606	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	A4	606	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	A5	606	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	A5	606	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	A5	607	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	A6	606	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	A6	606	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	A7	604	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	A7	604	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	A7	606	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	A7	606	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	A7	607	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	A8	604	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	A8	606	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	A8	606	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	A8	607	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	A9	606	P8E	O1A-C1-C2-C3

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Res	Type	Atoms
2	A9	606	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	AA	604	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	AA	604	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	AA	606	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	AA	606	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	AB	604	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	AB	604	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	AB	606	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	AB	606	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	AC	604	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	AC	604	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	AC	606	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	AC	606	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	AC	607	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	AD	604	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	AD	604	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	AD	606	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	AD	606	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	AE	604	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	AE	606	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	AE	606	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	AE	607	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	AF	606	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	AF	606	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	AG	606	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	AG	606	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	AG	607	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	AH	606	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	AH	606	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	AI	606	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	AI	606	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	AI	607	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	AJ	604	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	AJ	604	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	AJ	606	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	AJ	606	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	AJ	607	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	AK	606	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	AK	606	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	AK	607	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	AL	604	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	AL	604	P8E	O1B-C1-C2-C3

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Res	Type	Atoms
2	AL	606	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	AL	606	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	AL	607	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	AM	606	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	AM	606	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	AN	606	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	AN	606	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	AN	607	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	AO	604	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	AO	606	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	AO	606	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	AO	607	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	AP	606	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	AP	606	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	AP	607	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	AQ	606	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	AQ	606	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	AQ	607	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	AR	606	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	AR	606	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	AR	607	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	AS	606	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	AS	606	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	AS	607	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	AT	606	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	AT	606	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	AU	606	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	AU	606	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	AU	607	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	AV	604	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	AV	604	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	AV	606	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	AV	606	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	AW	606	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	AW	606	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	AX	604	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	AX	604	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	AX	606	P8E	O1A-C1-C2-C3
2	AX	606	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	AX	607	P8E	O1B-C1-C2-C3
2	A8	604	P8E	N7-C7-C8-O8
2	AA	604	P8E	N7-C7-C8-O8

*Continued on next page...*



*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Res	Type	Atoms
2	AB	604	P8E	N7-C7-C8-O8
2	AC	604	P8E	N7-C7-C8-O8
2	AD	604	P8E	N7-C7-C8-O8
2	AE	604	P8E	N7-C7-C8-O8
2	AJ	604	P8E	N7-C7-C8-O8
2	AL	604	P8E	N7-C7-C8-O8
2	AR	604	P8E	N7-C7-C8-O8
2	AV	604	P8E	N7-C7-C8-O8
2	AW	604	P8E	N7-C7-C8-O8
2	A2	603	P8E	O6-C6-C7-C8
2	A4	603	P8E	O6-C6-C7-C8
2	A5	603	P8E	O6-C6-C7-C8
2	A6	603	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AA	603	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AB	603	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AF	603	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AG	603	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AH	603	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AI	603	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AK	603	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AN	603	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AO	603	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AP	603	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AQ	603	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AS	603	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AT	603	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AW	603	P8E	O6-C6-C7-C8
2	A1	603	P8E	O6-C6-C7-C8
2	A3	603	P8E	O6-C6-C7-C8
2	A7	603	P8E	O6-C6-C7-C8
2	A8	603	P8E	O6-C6-C7-C8
2	A9	603	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AD	603	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AJ	603	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AM	603	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AR	603	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AV	603	P8E	O6-C6-C7-C8
2	A1	608	P8E	O6-C6-C7-C8
2	A9	608	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AC	603	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AE	603	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AL	603	P8E	O6-C6-C7-C8

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Res	Type	Atoms
2	AU	603	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AX	603	P8E	O6-C6-C7-C8
2	A2	608	P8E	O6-C6-C7-C8
2	A4	608	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AF	608	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AI	608	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AM	608	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AO	608	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AW	608	P8E	O6-C6-C7-C8
2	A1	603	P8E	C5-C6-C7-C8
2	A4	603	P8E	C5-C6-C7-C8
2	A5	603	P8E	C5-C6-C7-C8
2	A9	603	P8E	C5-C6-C7-C8
2	AA	603	P8E	C5-C6-C7-C8
2	AB	603	P8E	C5-C6-C7-C8
2	AN	603	P8E	C5-C6-C7-C8
2	AO	603	P8E	C5-C6-C7-C8
2	AQ	603	P8E	C5-C6-C7-C8
2	A2	604	P8E	C6-C7-C8-C9
2	A3	604	P8E	C6-C7-C8-C9
2	A4	604	P8E	C6-C7-C8-C9
2	A5	604	P8E	C6-C7-C8-C9
2	A8	604	P8E	C6-C7-C8-C9
2	AA	604	P8E	C6-C7-C8-C9
2	AB	604	P8E	C6-C7-C8-C9
2	AC	604	P8E	C6-C7-C8-C9
2	AE	604	P8E	C6-C7-C8-C9
2	AG	604	P8E	C6-C7-C8-C9
2	AH	604	P8E	C6-C7-C8-C9
2	AI	604	P8E	C6-C7-C8-C9
2	AJ	604	P8E	C6-C7-C8-C9
2	AK	604	P8E	C6-C7-C8-C9
2	AL	604	P8E	C6-C7-C8-C9
2	AN	604	P8E	C6-C7-C8-C9
2	AO	604	P8E	C6-C7-C8-C9
2	AP	604	P8E	C6-C7-C8-C9
2	AQ	604	P8E	C6-C7-C8-C9
2	AR	604	P8E	C6-C7-C8-C9
2	AS	604	P8E	C6-C7-C8-C9
2	AT	604	P8E	C6-C7-C8-C9
2	AW	604	P8E	C6-C7-C8-C9
2	A1	604	P8E	N7-C7-C8-O8

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Res	Type	Atoms
2	A2	604	P8E	N7-C7-C8-O8
2	A3	604	P8E	N7-C7-C8-O8
2	A4	604	P8E	N7-C7-C8-O8
2	A5	604	P8E	N7-C7-C8-O8
2	A6	604	P8E	N7-C7-C8-O8
2	A7	604	P8E	N7-C7-C8-O8
2	A9	604	P8E	N7-C7-C8-O8
2	AF	604	P8E	N7-C7-C8-O8
2	AG	604	P8E	N7-C7-C8-O8
2	AH	604	P8E	N7-C7-C8-O8
2	AI	604	P8E	N7-C7-C8-O8
2	AK	604	P8E	N7-C7-C8-O8
2	AM	604	P8E	N7-C7-C8-O8
2	AN	604	P8E	N7-C7-C8-O8
2	AO	604	P8E	N7-C7-C8-O8
2	AP	604	P8E	N7-C7-C8-O8
2	AQ	604	P8E	N7-C7-C8-O8
2	AS	604	P8E	N7-C7-C8-O8
2	AT	604	P8E	N7-C7-C8-O8
2	AU	604	P8E	N7-C7-C8-O8
2	AX	604	P8E	N7-C7-C8-O8
2	A5	608	P8E	O6-C6-C7-C8
2	A6	608	P8E	O6-C6-C7-C8
2	A8	608	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AB	608	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AC	608	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AD	608	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AL	608	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AP	608	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AR	608	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AS	608	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AV	608	P8E	O6-C6-C7-C8
2	A1	603	P8E	O6-C6-C7-N7
2	A1	605	P8E	O6-C6-C7-N7
2	A1	608	P8E	O6-C6-C7-N7
2	A2	603	P8E	O6-C6-C7-N7
2	A2	605	P8E	O6-C6-C7-N7
2	A3	603	P8E	O6-C6-C7-N7
2	A3	605	P8E	O6-C6-C7-N7
2	A4	603	P8E	O6-C6-C7-N7
2	A4	605	P8E	O6-C6-C7-N7
2	A5	603	P8E	O6-C6-C7-N7

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Res	Type	Atoms
2	A5	605	P8E	O6-C6-C7-N7
2	A6	603	P8E	O6-C6-C7-N7
2	A6	605	P8E	O6-C6-C7-N7
2	A7	603	P8E	O6-C6-C7-N7
2	A7	605	P8E	O6-C6-C7-N7
2	A8	603	P8E	O6-C6-C7-N7
2	A8	605	P8E	O6-C6-C7-N7
2	A9	603	P8E	O6-C6-C7-N7
2	A9	605	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AA	603	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AA	605	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AB	603	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AB	605	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AC	603	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AC	605	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AD	603	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AD	605	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AE	603	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AE	605	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AF	603	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AF	605	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AG	603	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AG	605	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AH	603	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AH	605	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AI	603	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AI	605	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AJ	603	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AJ	605	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AK	603	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AK	605	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AL	603	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AL	605	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AM	603	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AM	605	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AN	603	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AN	605	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AO	603	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AO	605	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AP	603	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AP	605	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AQ	603	P8E	O6-C6-C7-N7

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Res	Type	Atoms
2	AQ	605	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AR	603	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AR	605	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AS	603	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AS	605	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AT	603	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AT	605	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AU	603	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AU	605	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AV	603	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AV	605	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AW	603	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AW	605	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AX	603	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AX	605	P8E	O6-C6-C7-N7
2	AA	608	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AE	608	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AJ	608	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AK	608	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AN	608	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AQ	608	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AT	608	P8E	O6-C6-C7-C8
2	AU	608	P8E	O6-C6-C7-C8

There are no ring outliers.

80 monomers are involved in 99 short contacts:

Mol	Chain	Res	Type	Clashes	Symm-Clashes
2	AN	608	P8E	1	0
2	AL	602	P8E	1	0
2	A7	609	P8E	1	0
2	AE	609	P8E	1	0
2	AX	606	P8E	2	0
2	AN	609	P8E	1	0
2	A2	609	P8E	1	0
2	AT	602	P8E	1	0
2	A5	606	P8E	1	0
2	A8	602	P8E	1	0
2	AM	606	P8E	2	0
2	A1	606	P8E	2	0
2	AO	602	P8E	1	0
2	A5	602	P8E	1	0

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

Mol	Chain	Res	Type	Clashes	Symm-Clashes
2	AB	609	P8E	1	0
2	AM	609	P8E	1	0
2	A5	609	P8E	1	0
2	AG	609	P8E	1	0
2	AW	609	P8E	1	0
2	AC	609	P8E	1	0
2	AU	608	P8E	1	0
2	A7	602	P8E	1	0
2	A8	606	P8E	1	0
2	AE	602	P8E	1	0
2	AU	602	P8E	1	0
2	A4	606	P8E	2	0
2	AS	609	P8E	1	0
2	A3	609	P8E	1	0
2	AP	609	P8E	1	0
2	AR	602	P8E	1	0
2	A6	606	P8E	2	0
2	AH	602	P8E	1	0
2	AJ	602	P8E	1	0
2	AW	606	P8E	2	0
2	AC	602	P8E	1	0
2	A3	606	P8E	2	0
2	AL	609	P8E	1	0
2	AV	609	P8E	1	0
2	AG	602	P8E	1	0
2	AQ	606	P8E	2	0
2	AT	609	P8E	1	0
2	A9	609	P8E	1	0
2	A4	602	P8E	1	0
2	AJ	609	P8E	1	0
2	AV	606	P8E	2	0
2	AI	609	P8E	1	0
2	AP	606	P8E	1	0
2	AU	609	P8E	1	0
2	AD	609	P8E	1	0
2	AQ	609	P8E	1	0
2	A3	602	P8E	1	0
2	AB	606	P8E	2	0
2	AD	606	P8E	2	0
2	AA	609	P8E	1	0
2	A1	609	P8E	1	0
2	A9	606	P8E	2	0

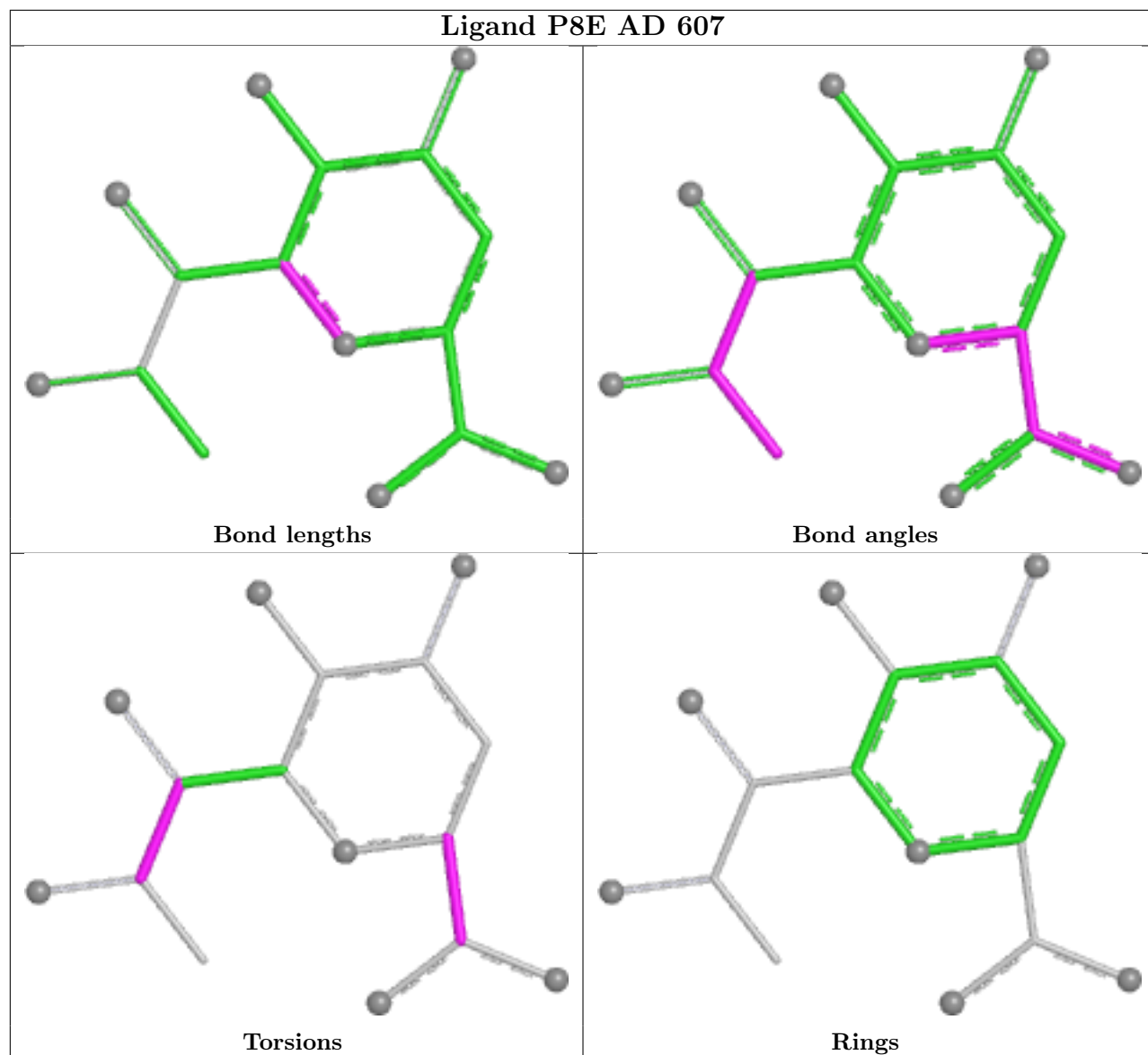
*Continued on next page...*

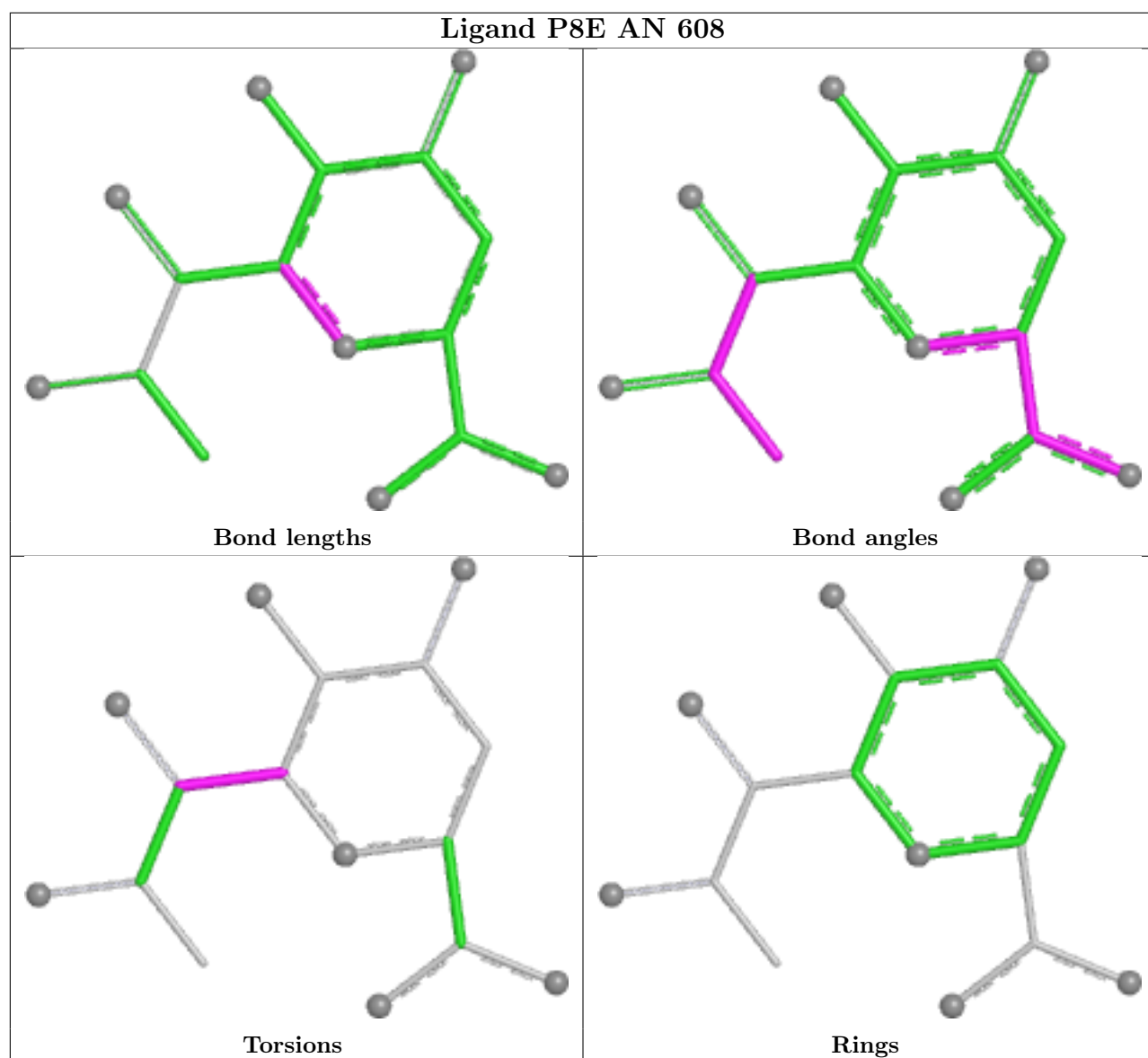
*Continued from previous page...*

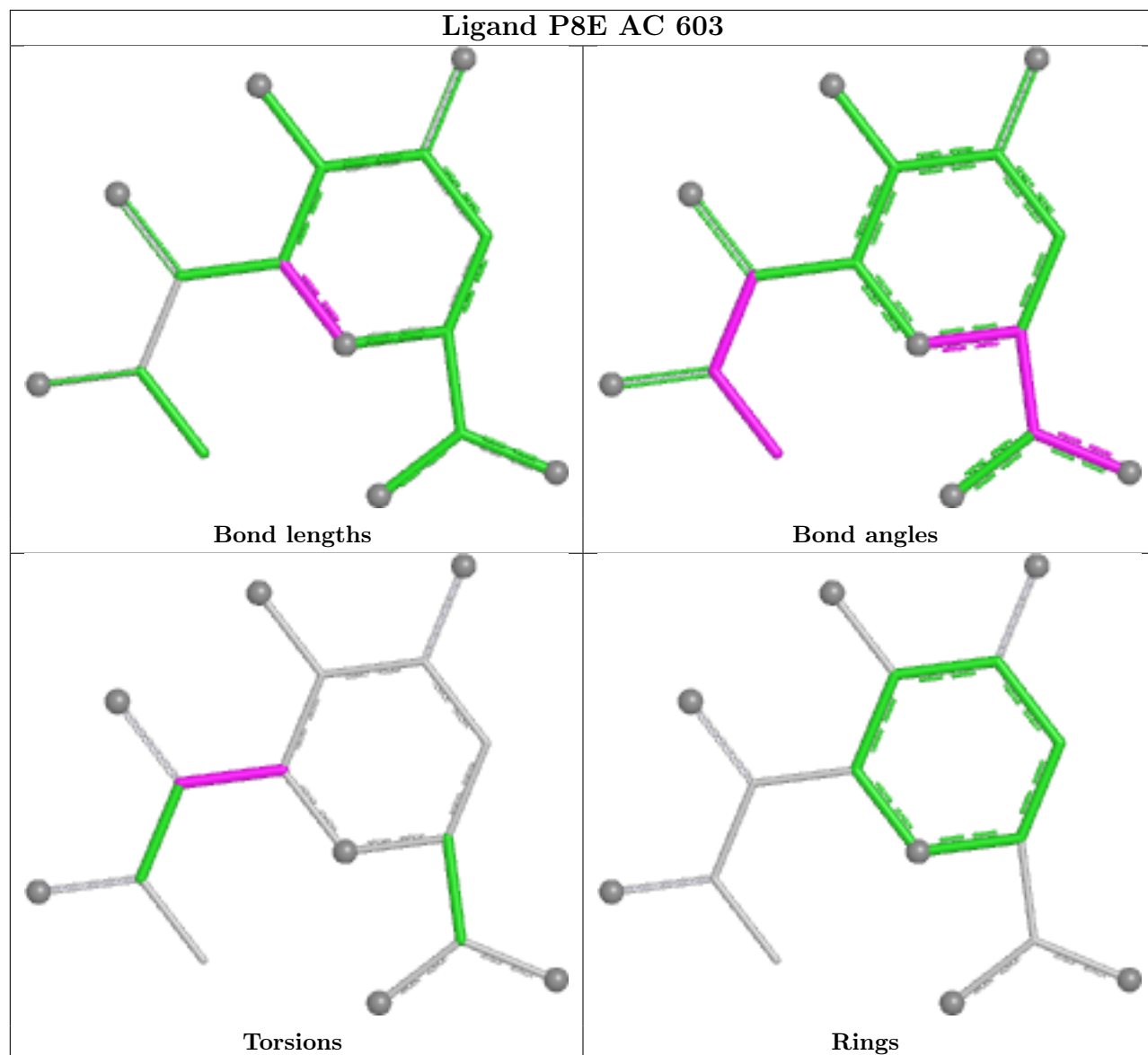
Mol	Chain	Res	Type	Clashes	Symm-Clashes
2	AC	606	P8E	2	0
2	AJ	606	P8E	2	0
2	AK	609	P8E	1	0
2	AO	609	P8E	1	0
2	AH	609	P8E	1	0
2	A2	606	P8E	2	0
2	AR	609	P8E	1	0
2	AI	602	P8E	1	0
2	AF	606	P8E	1	0
2	AA	606	P8E	2	0
2	AK	602	P8E	1	0
2	AS	602	P8E	1	0
2	AE	606	P8E	2	0
2	AX	602	P8E	1	0
2	A8	609	P8E	1	0
2	AF	609	P8E	1	0
2	A6	609	P8E	1	0
2	A4	609	P8E	1	0
2	AN	602	P8E	1	0
2	A7	606	P8E	2	0
2	AL	606	P8E	2	0
2	AX	609	P8E	1	0
2	AP	602	P8E	1	0
2	AD	602	P8E	1	0

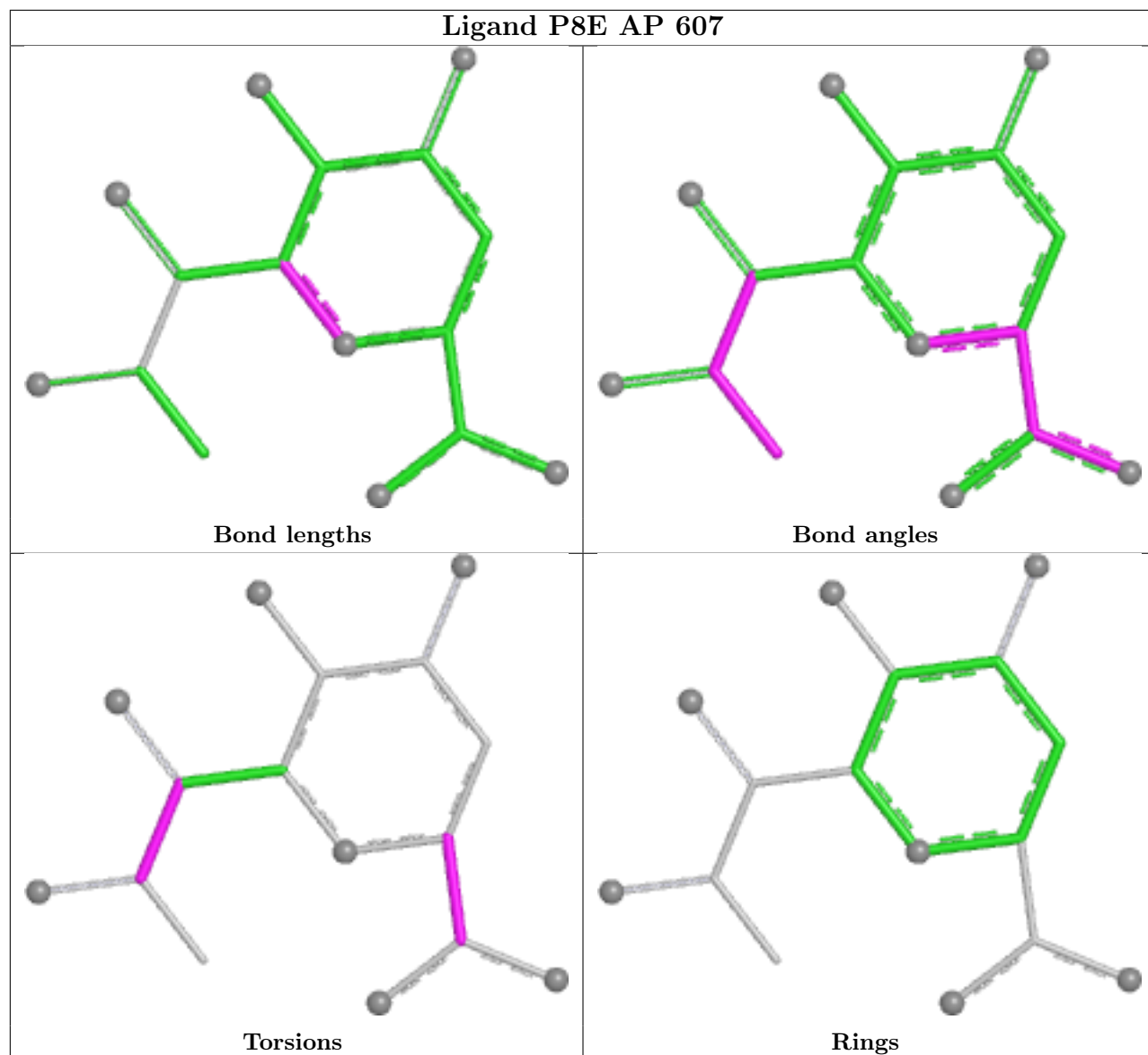
The following is a two-dimensional graphical depiction of Mogul quality analysis of bond lengths, bond angles, torsion angles, and ring geometry for all instances of the Ligand of Interest. In addition, ligands with molecular weight > 250 and outliers as shown on the validation Tables will also be included. For torsion angles, if less than 5% of the Mogul distribution of torsion angles is within 10 degrees of the torsion angle in question, then that torsion angle is considered an outlier. Any bond that is central to one or more torsion angles identified as an outlier by Mogul will be highlighted in the graph. For rings, the root-mean-square deviation (RMSD) between the ring in question and similar rings identified by Mogul is calculated over all ring torsion angles. If the average RMSD is greater than 60 degrees and the minimal RMSD between the ring in question and any Mogul-identified rings is also greater than 60 degrees, then that ring is considered an outlier. The outliers are highlighted in purple. The color gray indicates Mogul did not find sufficient equivalents in the CSD to analyse the geometry.

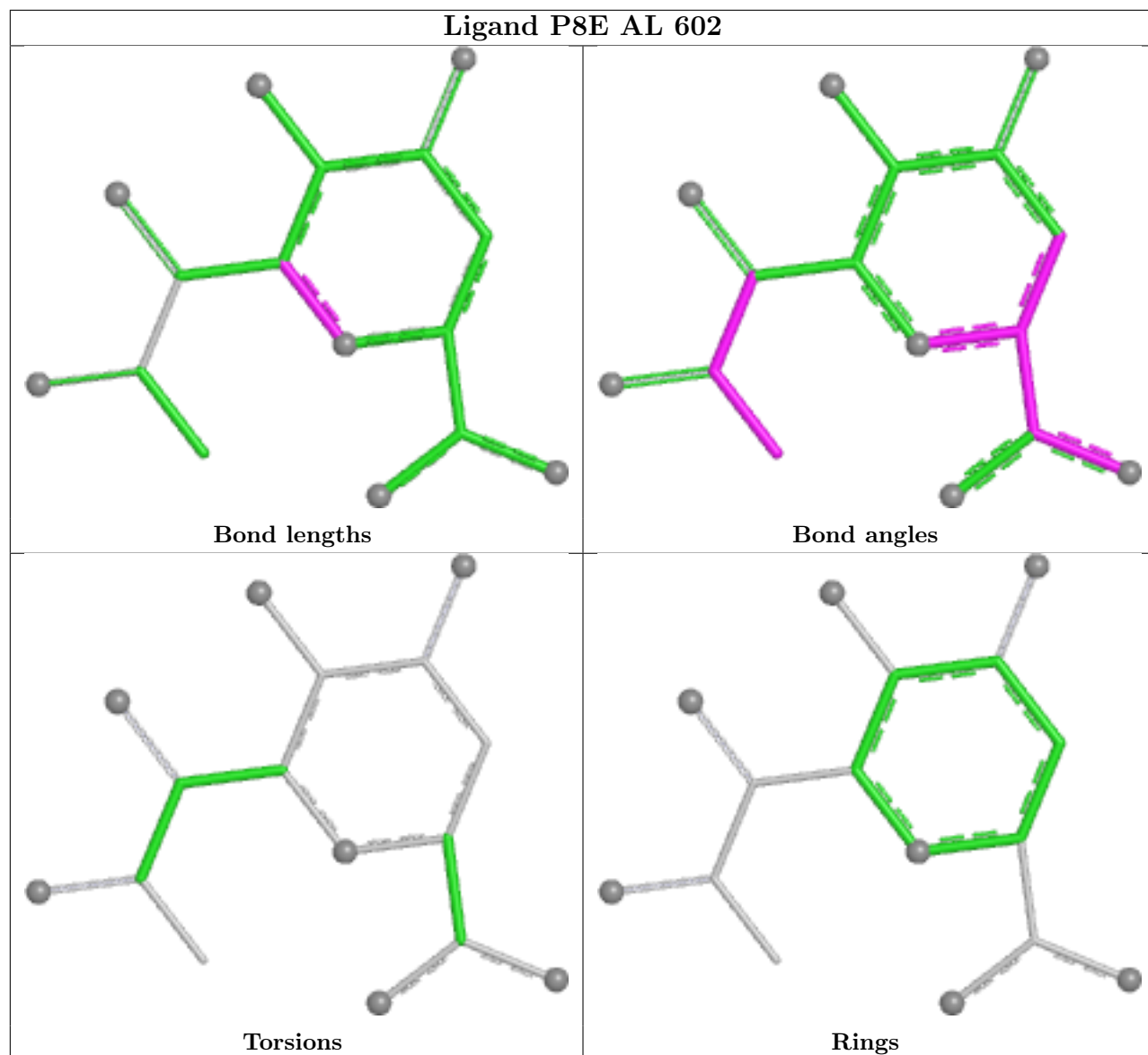


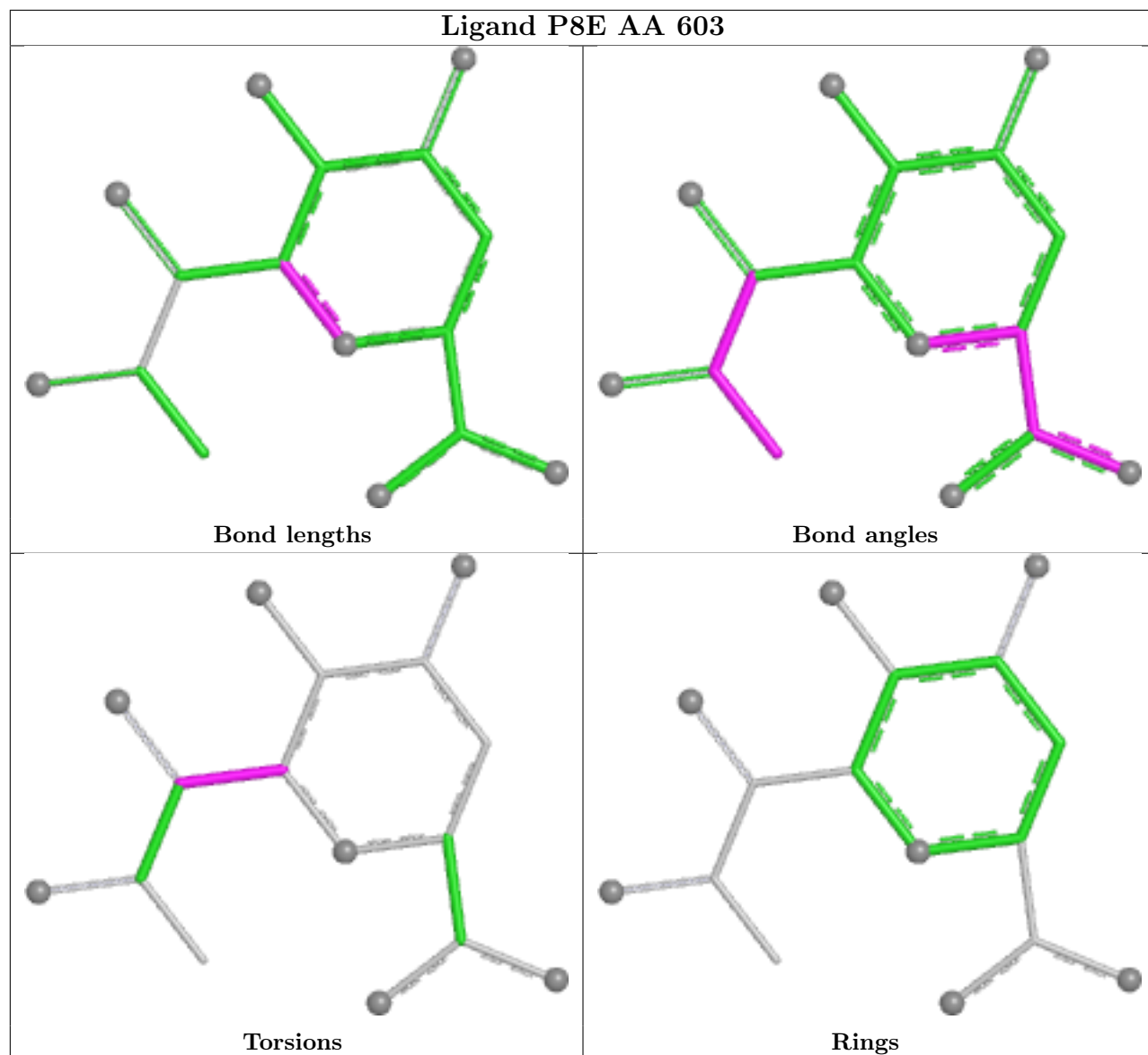


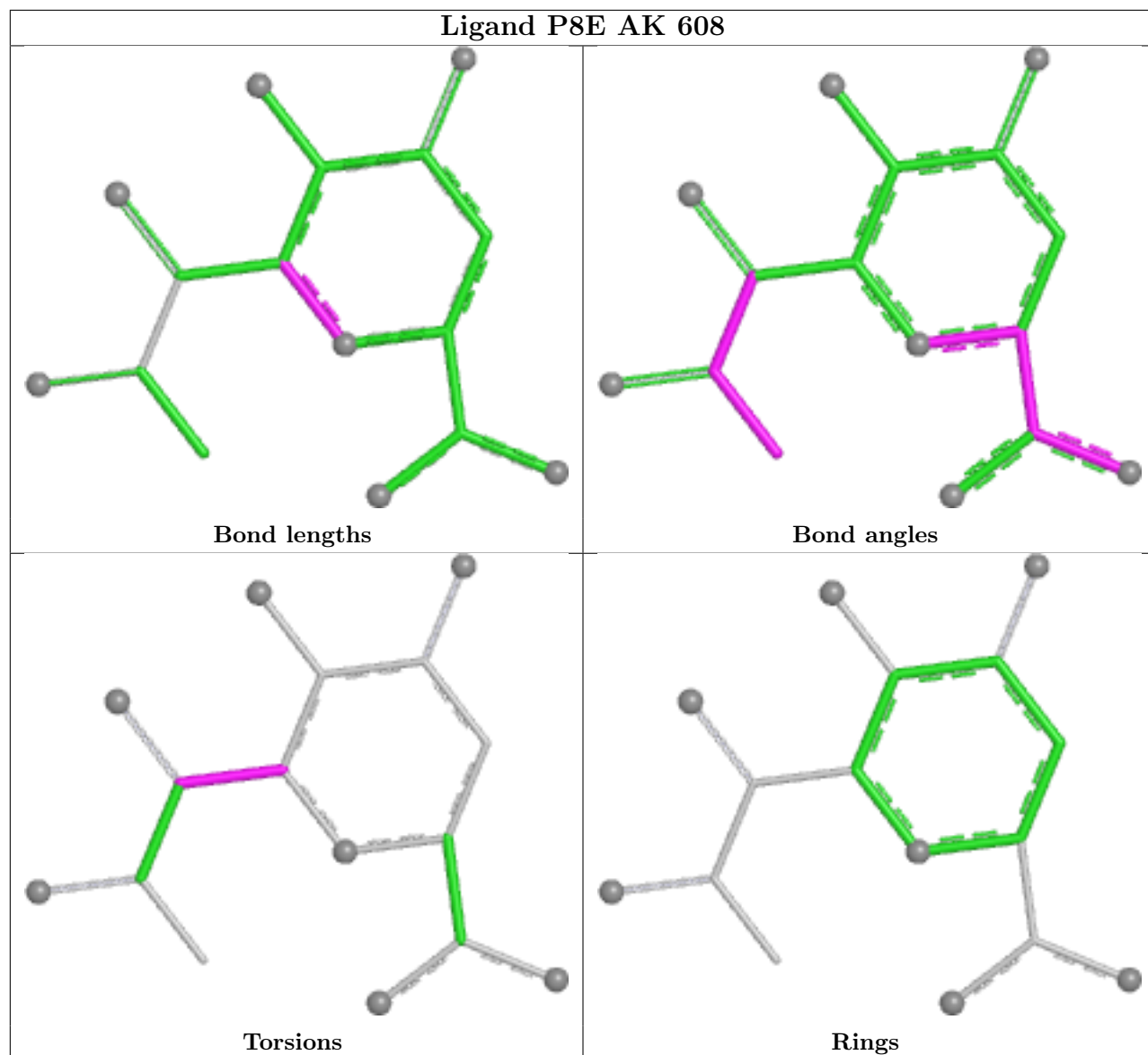




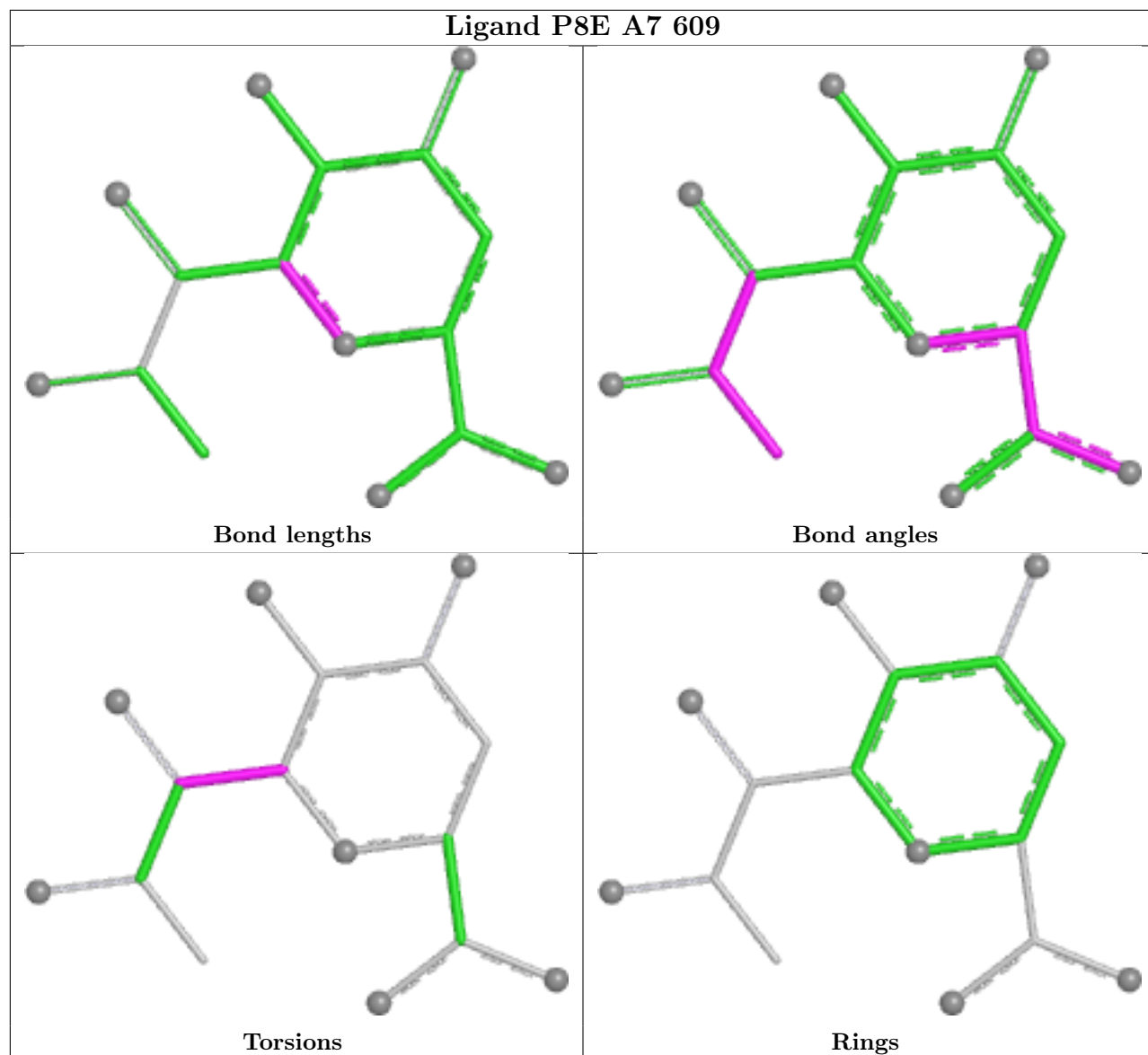


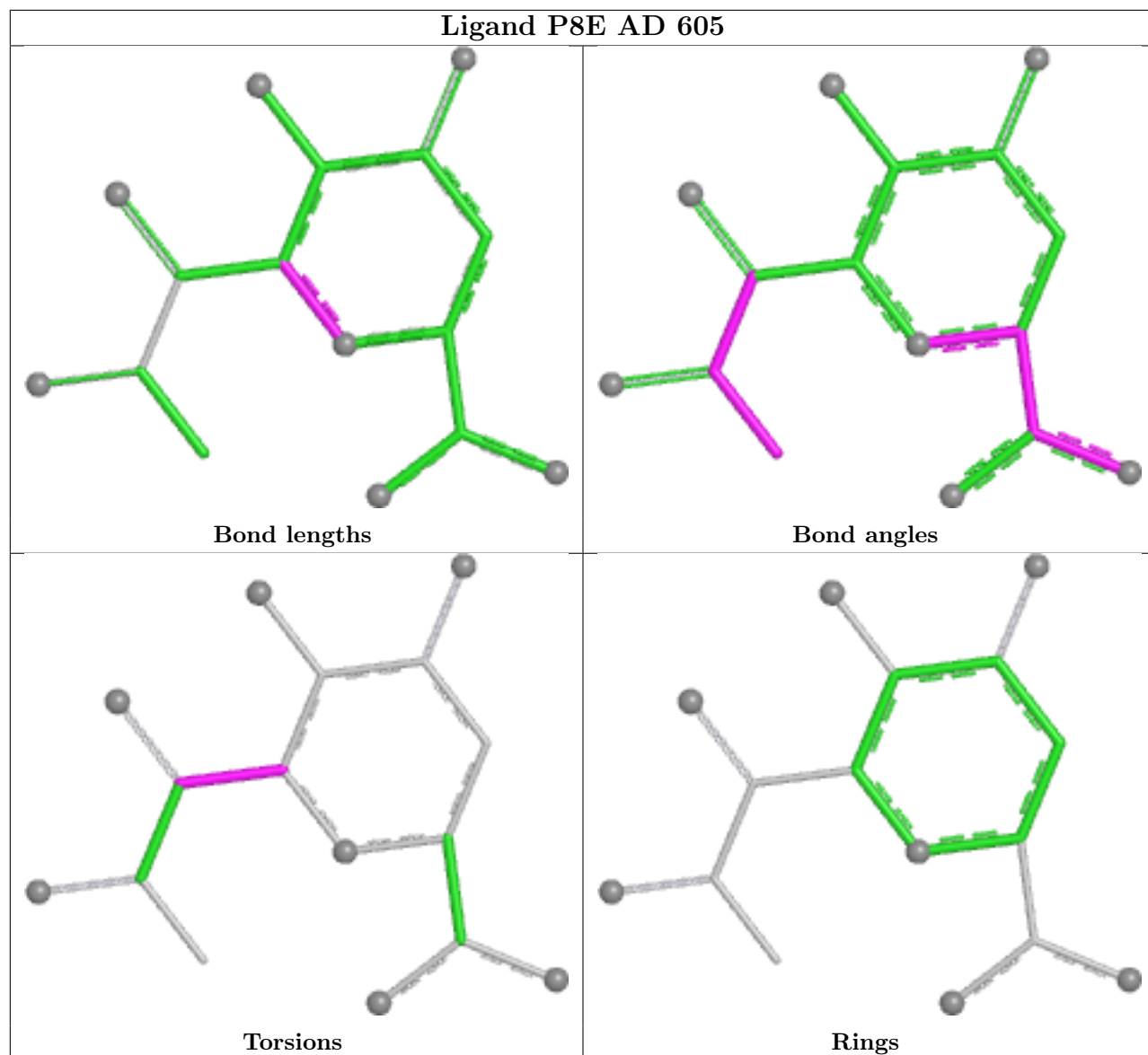


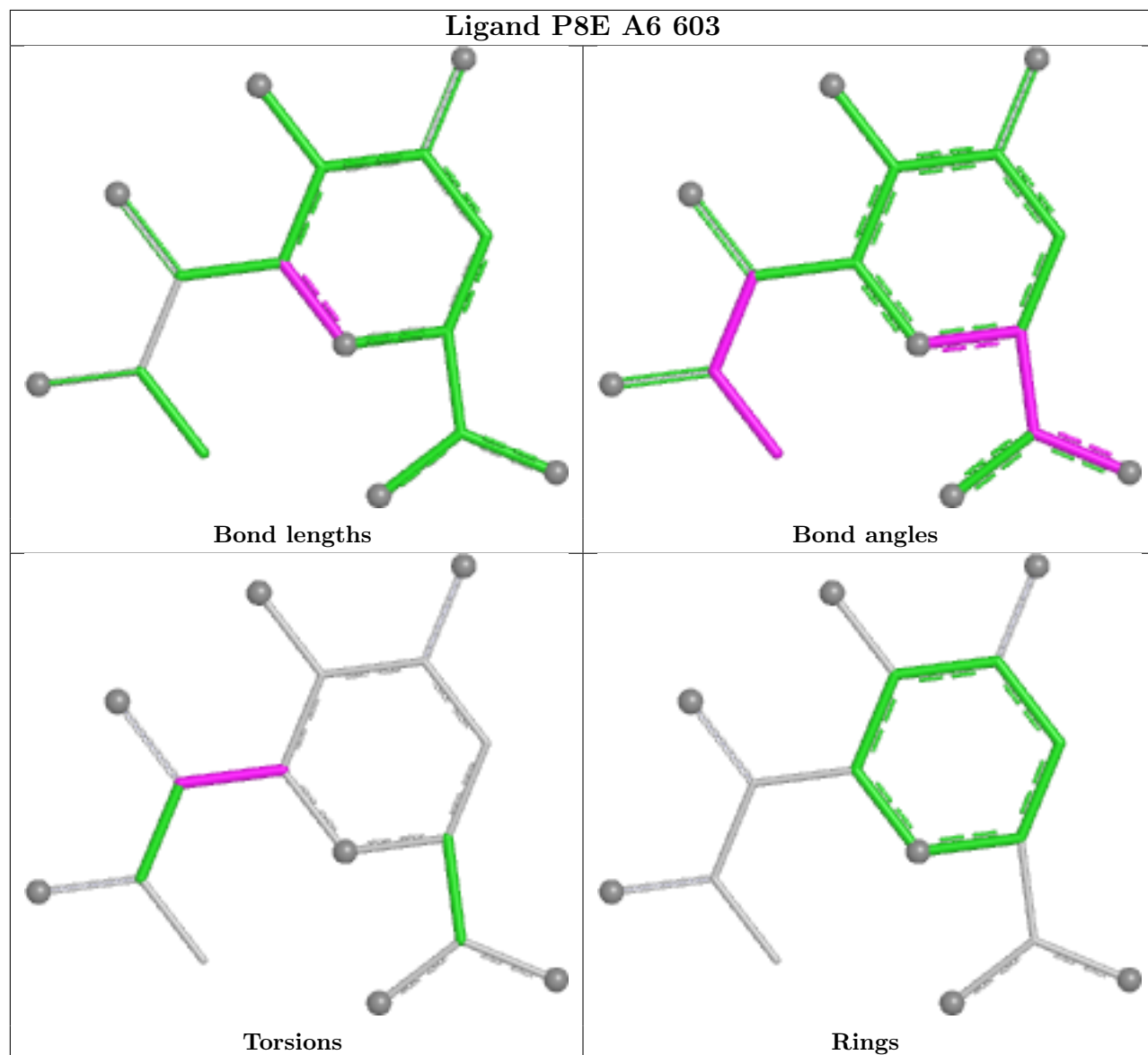


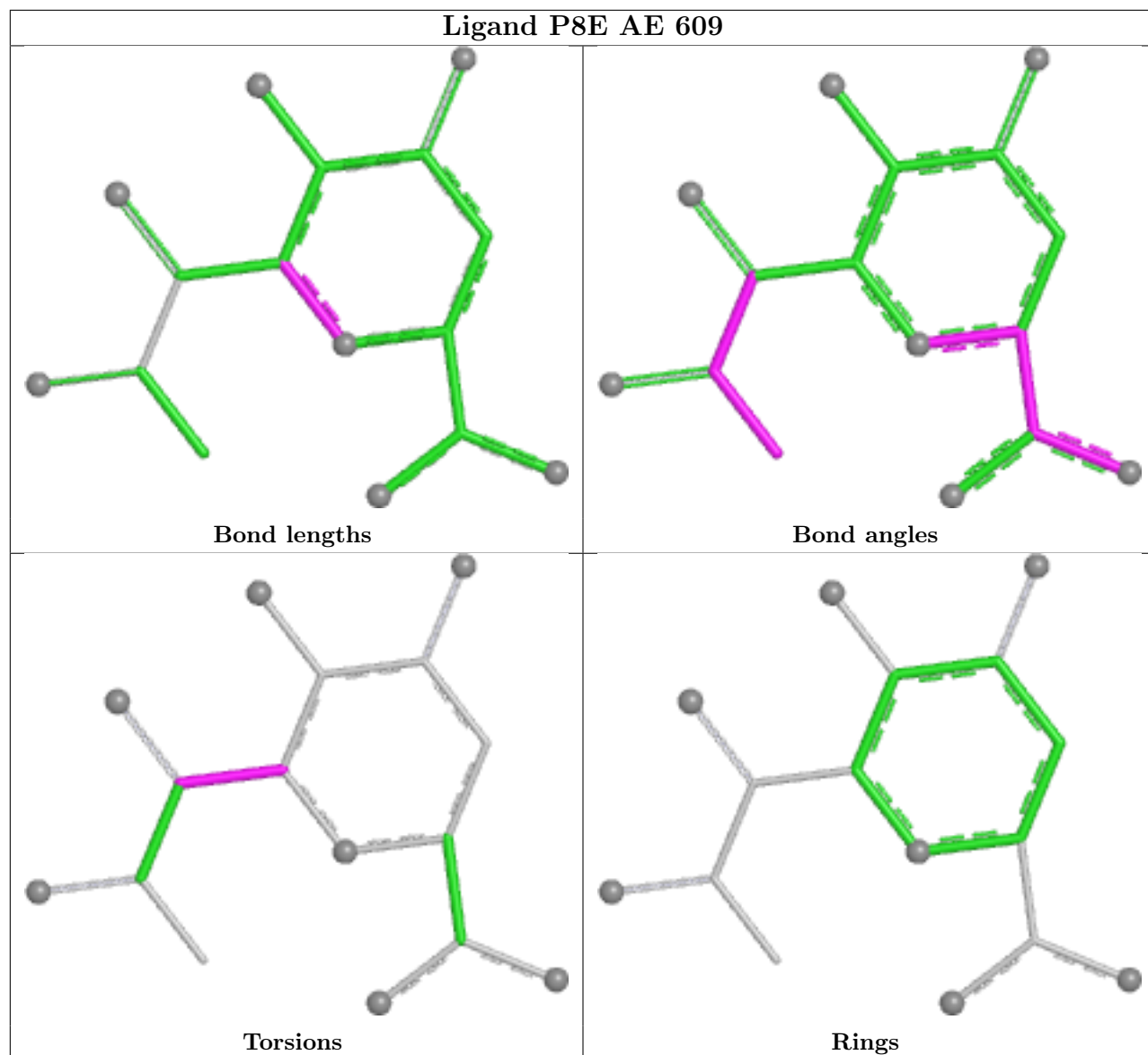


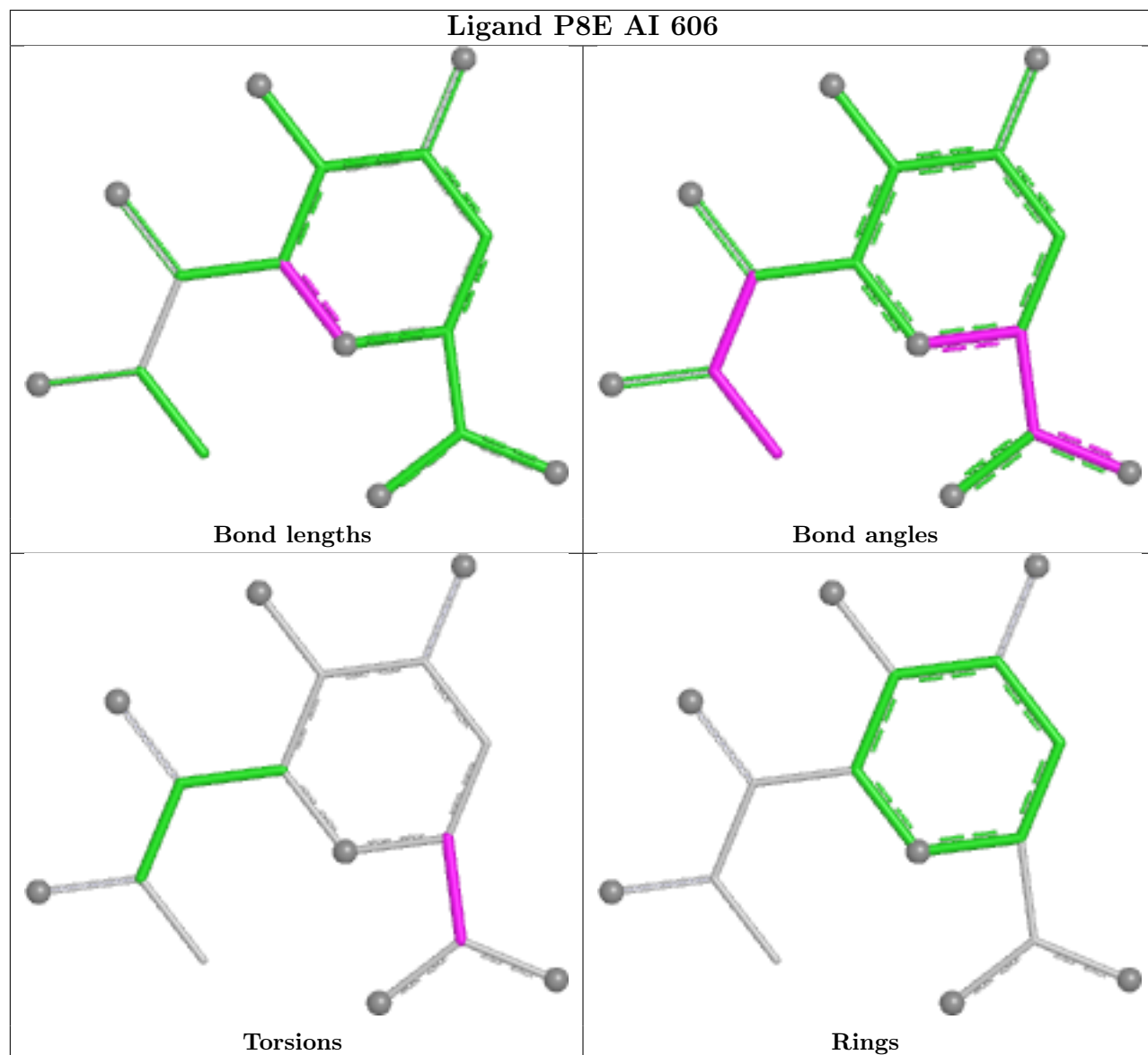


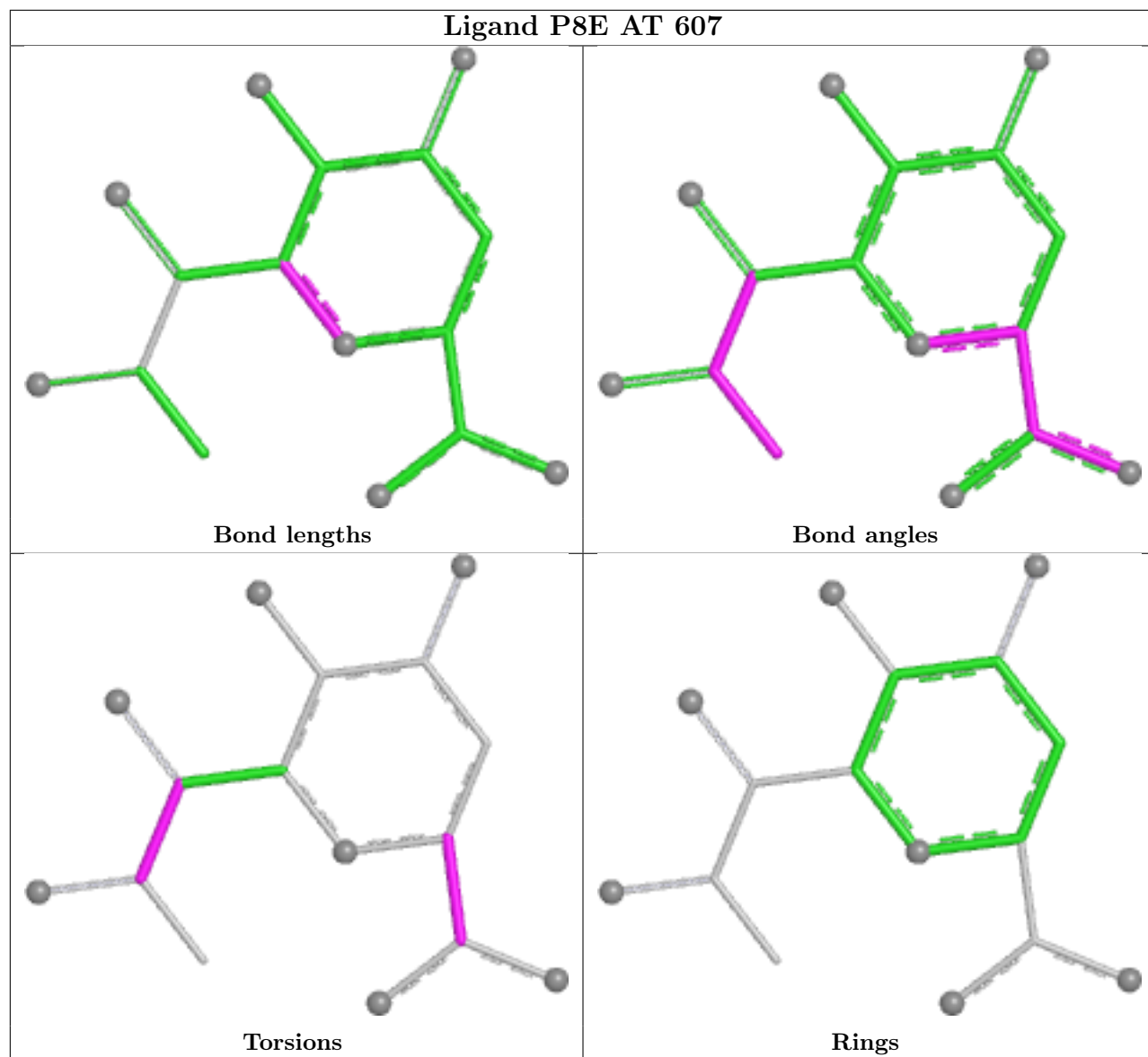


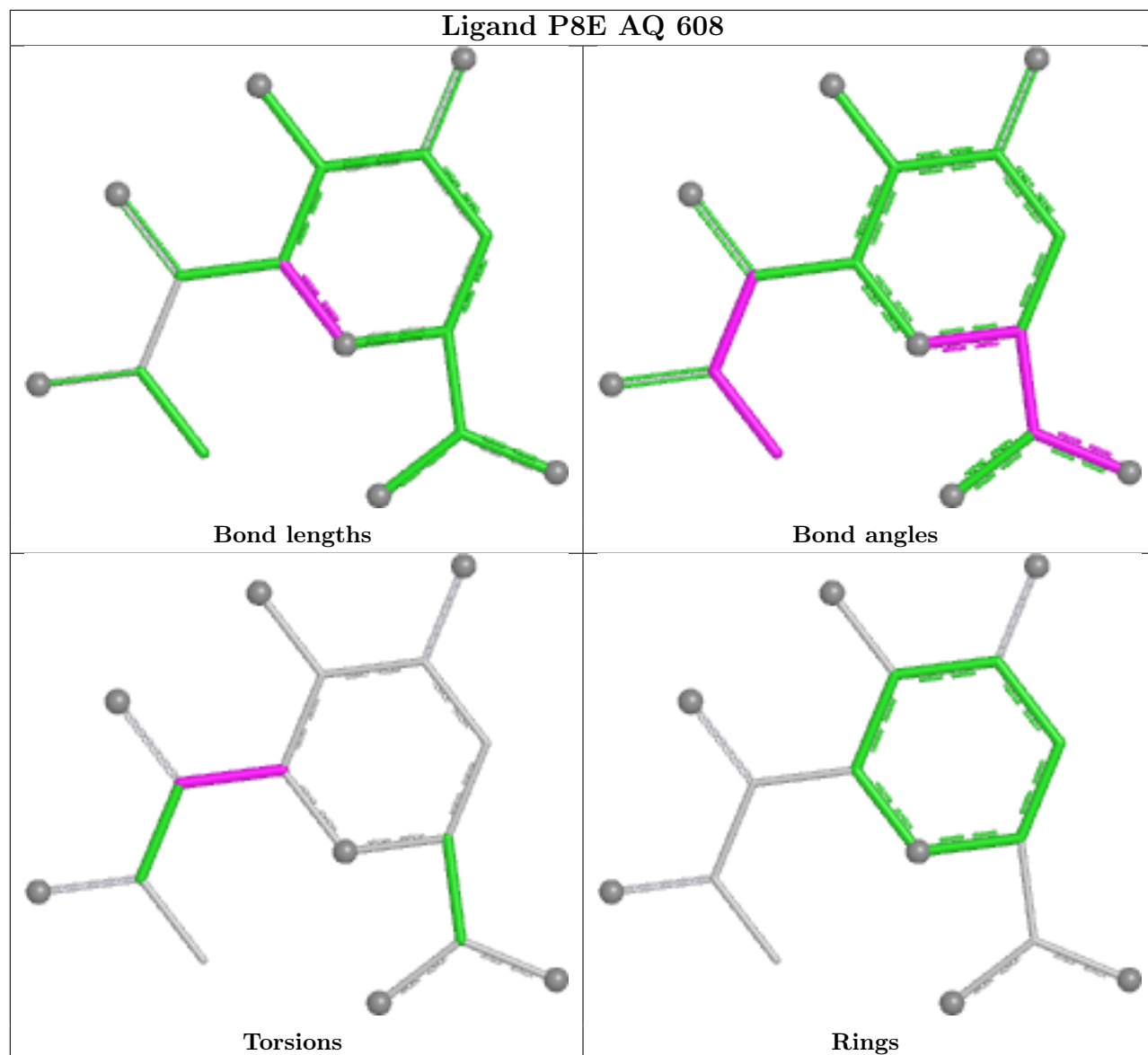




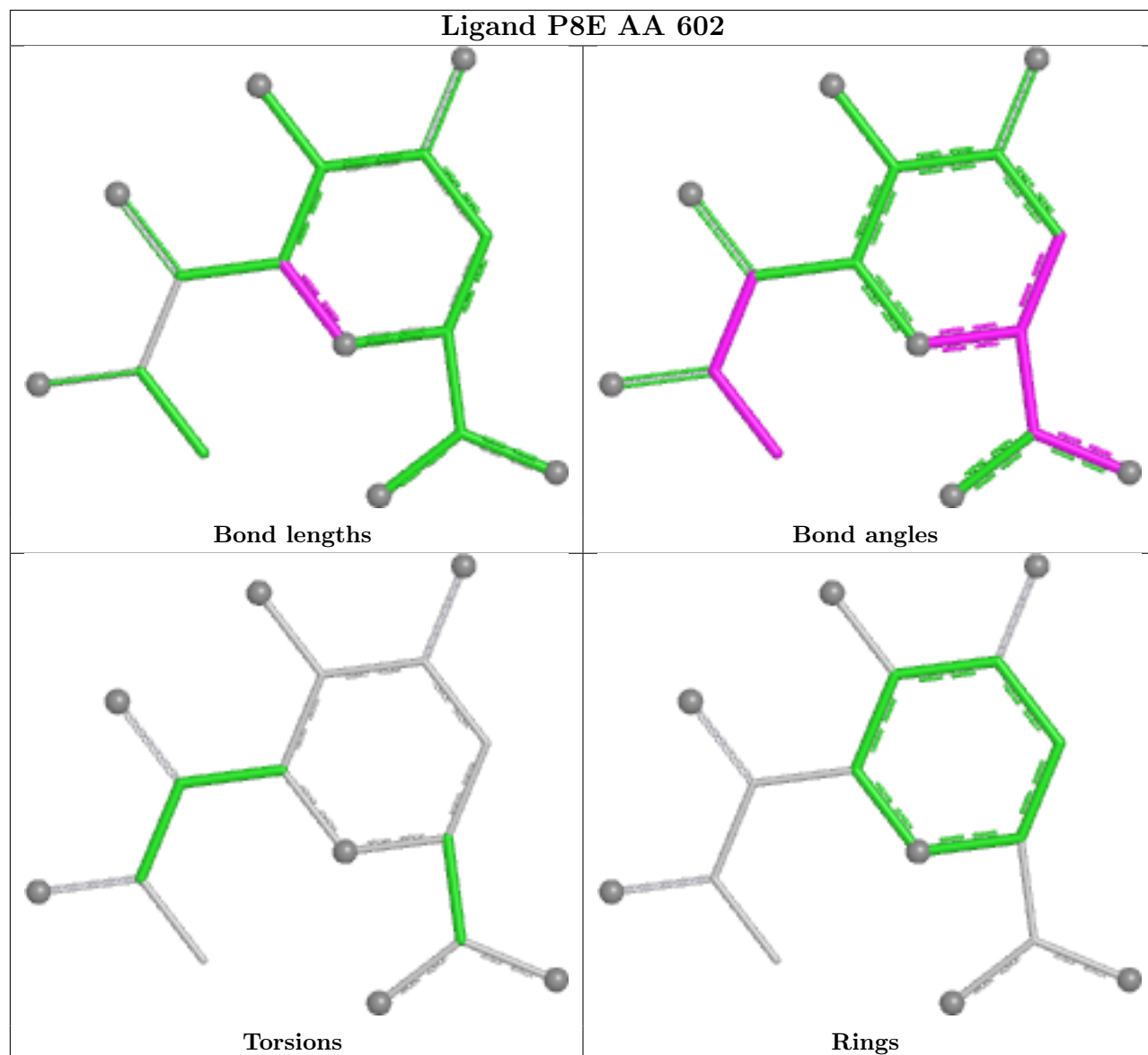


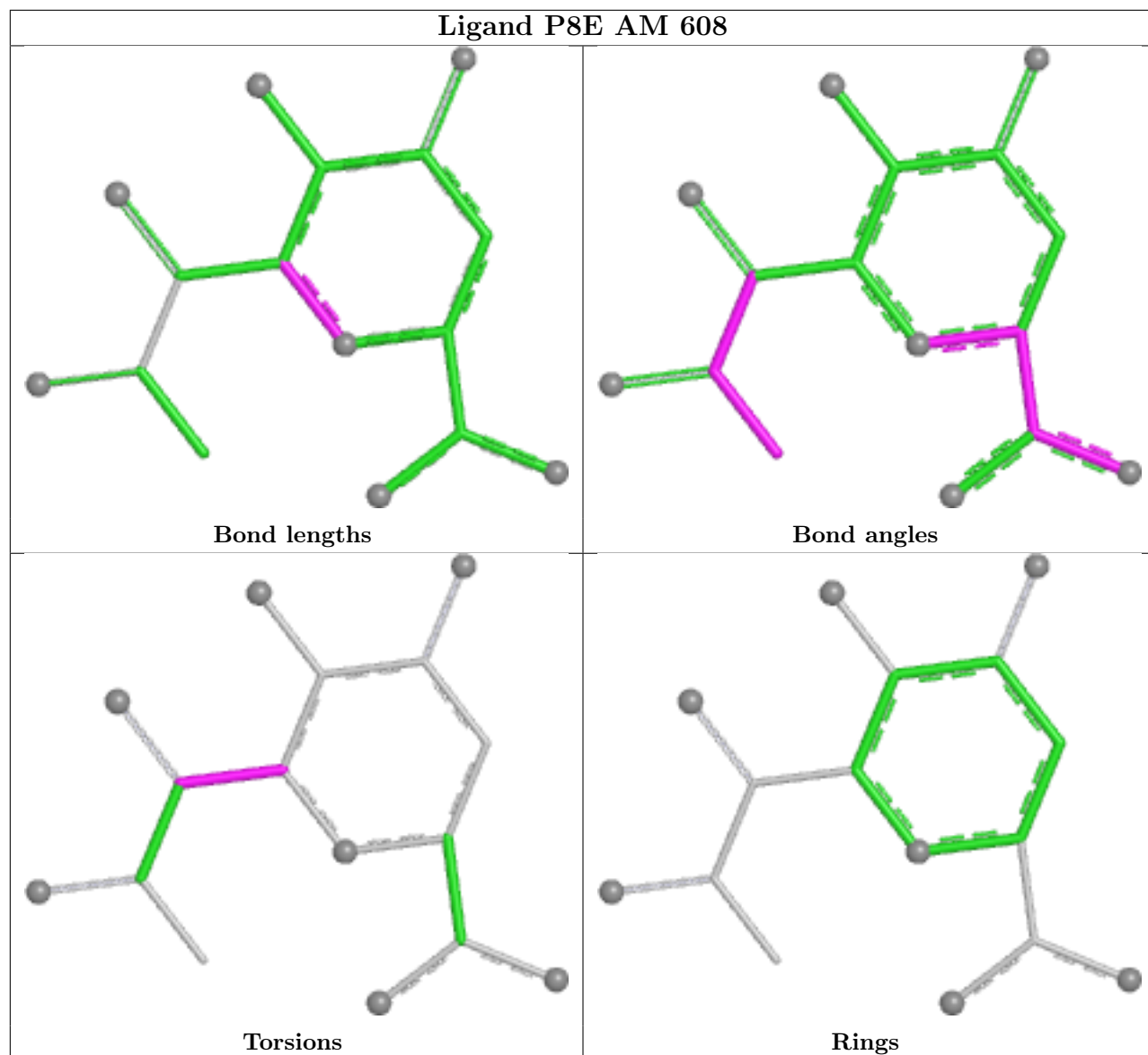


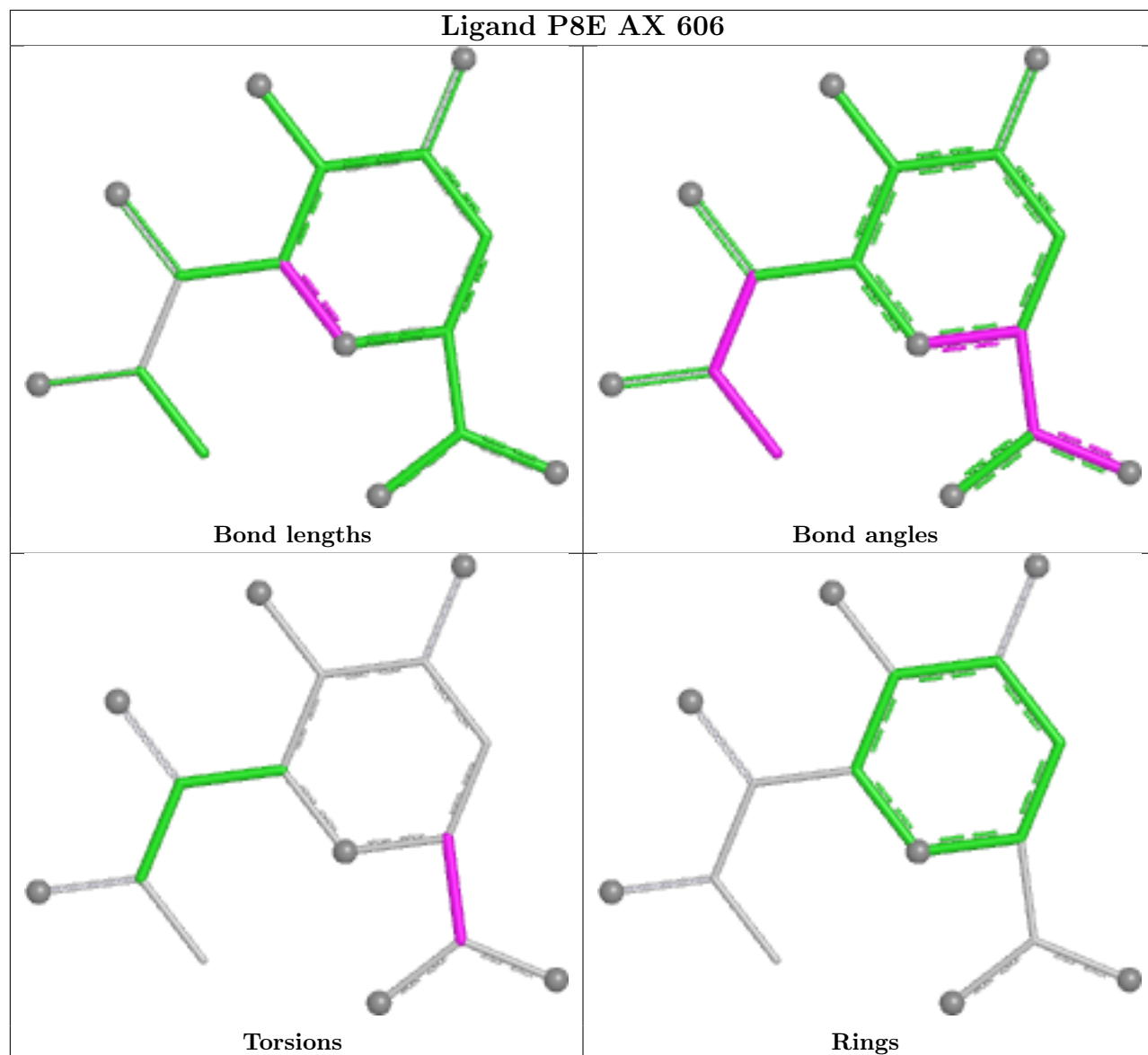


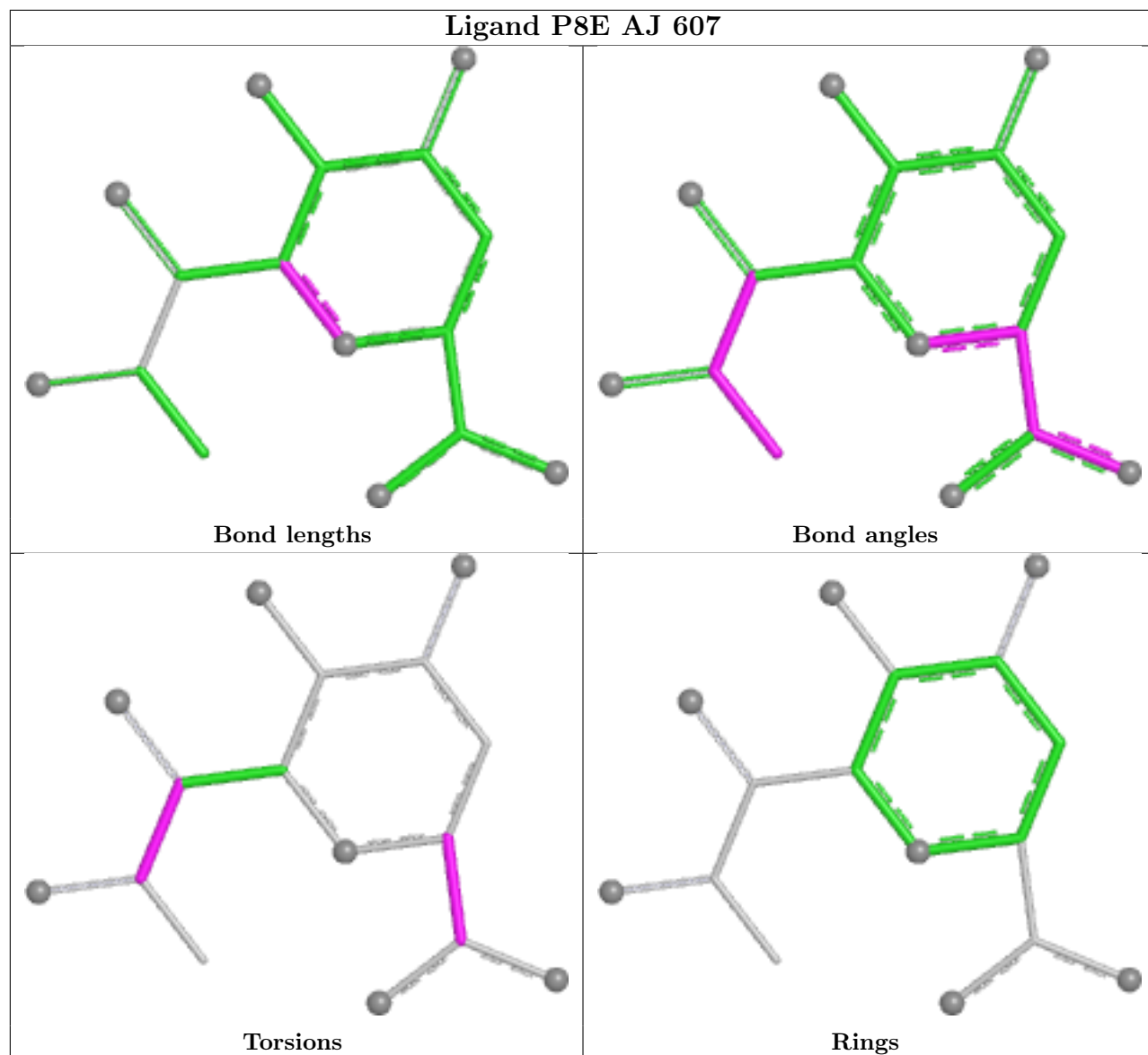


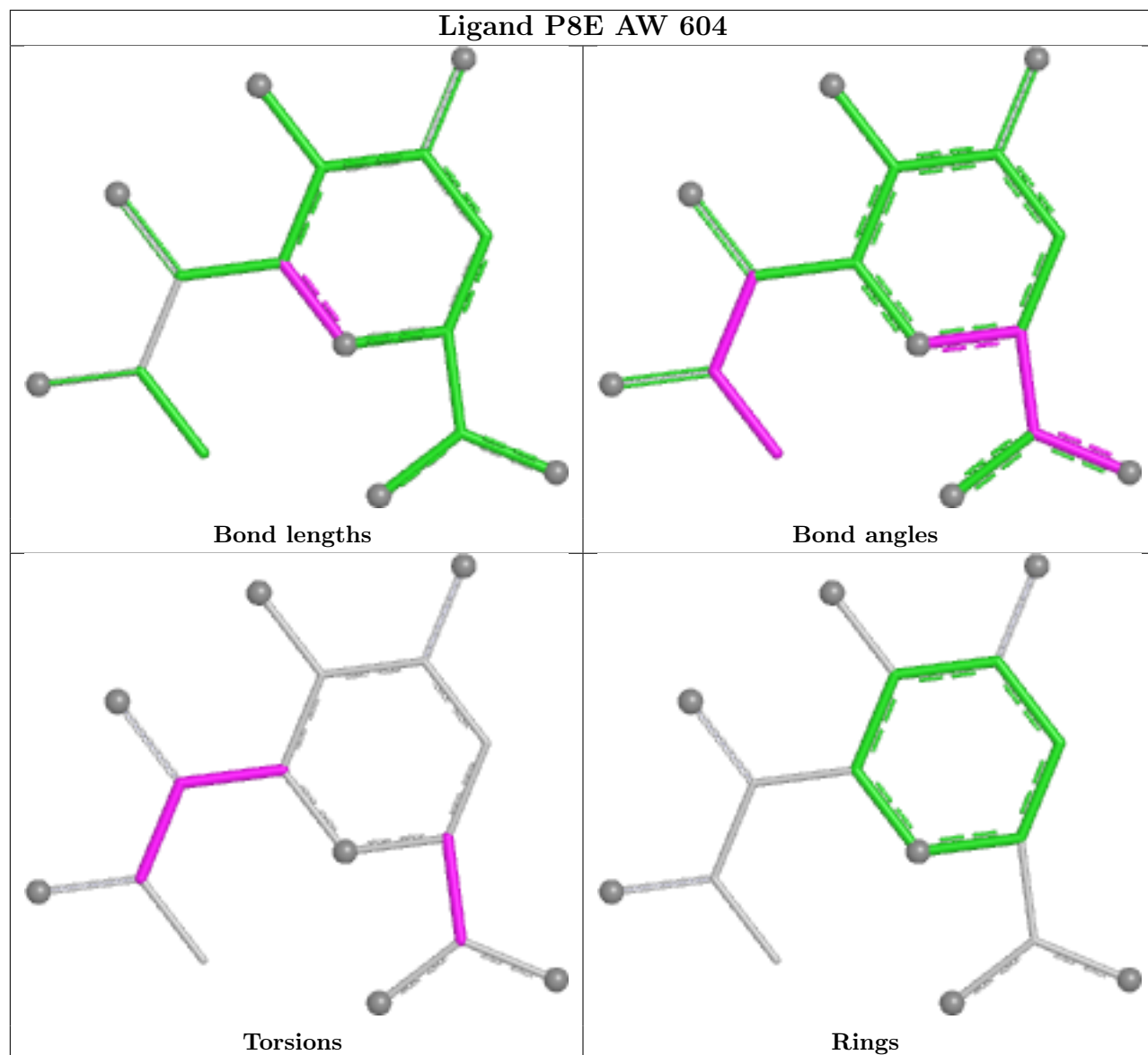


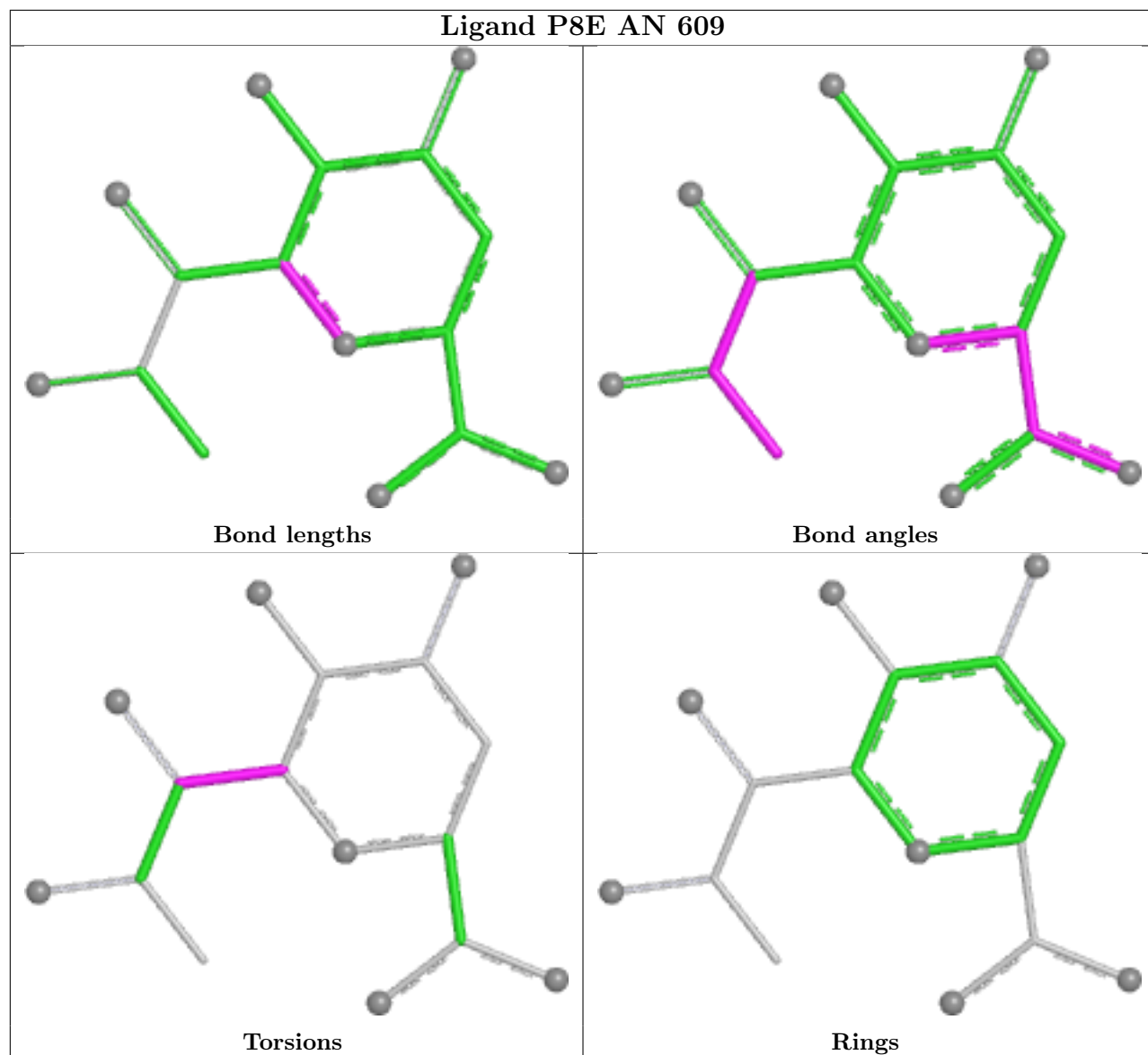


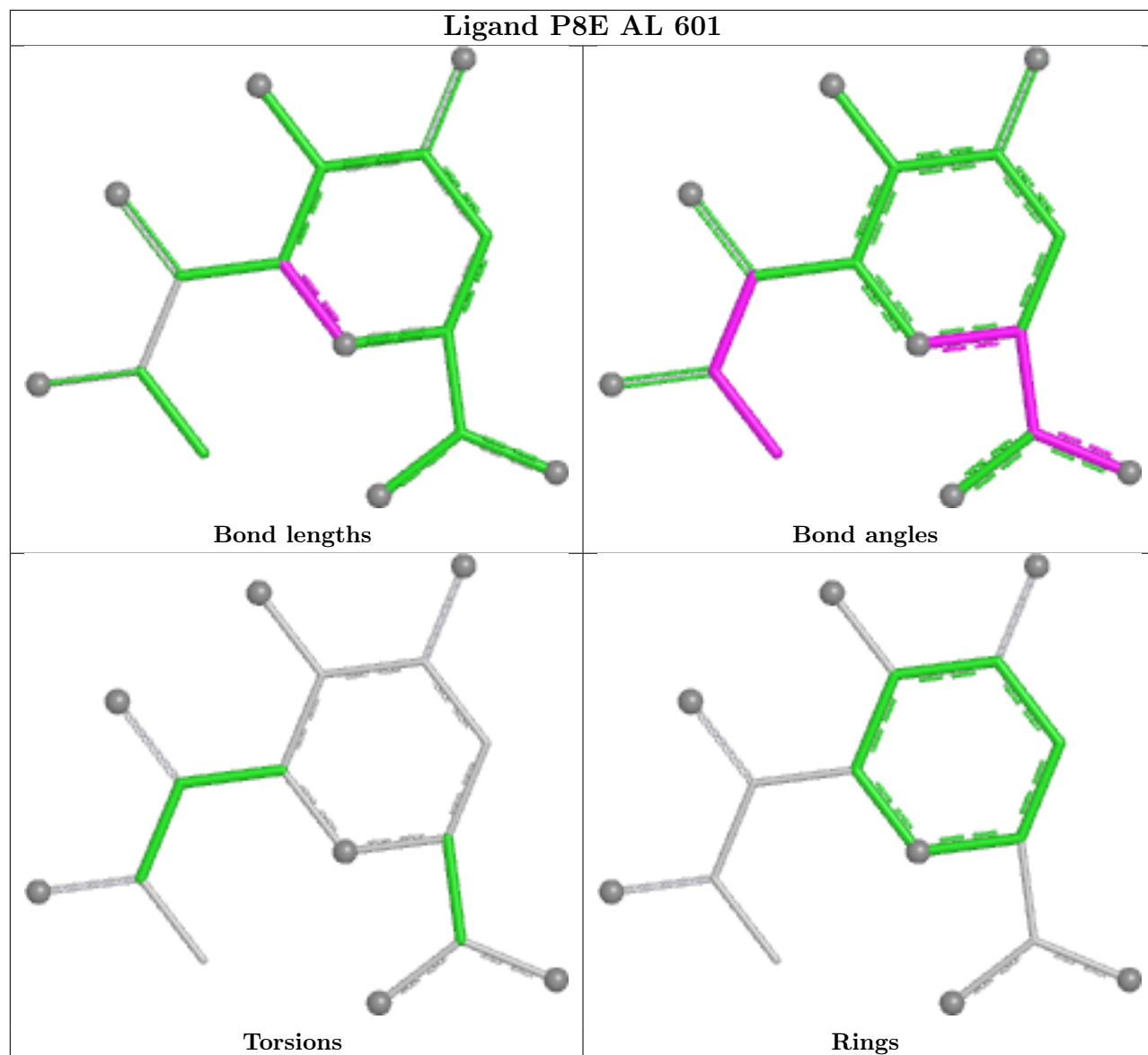




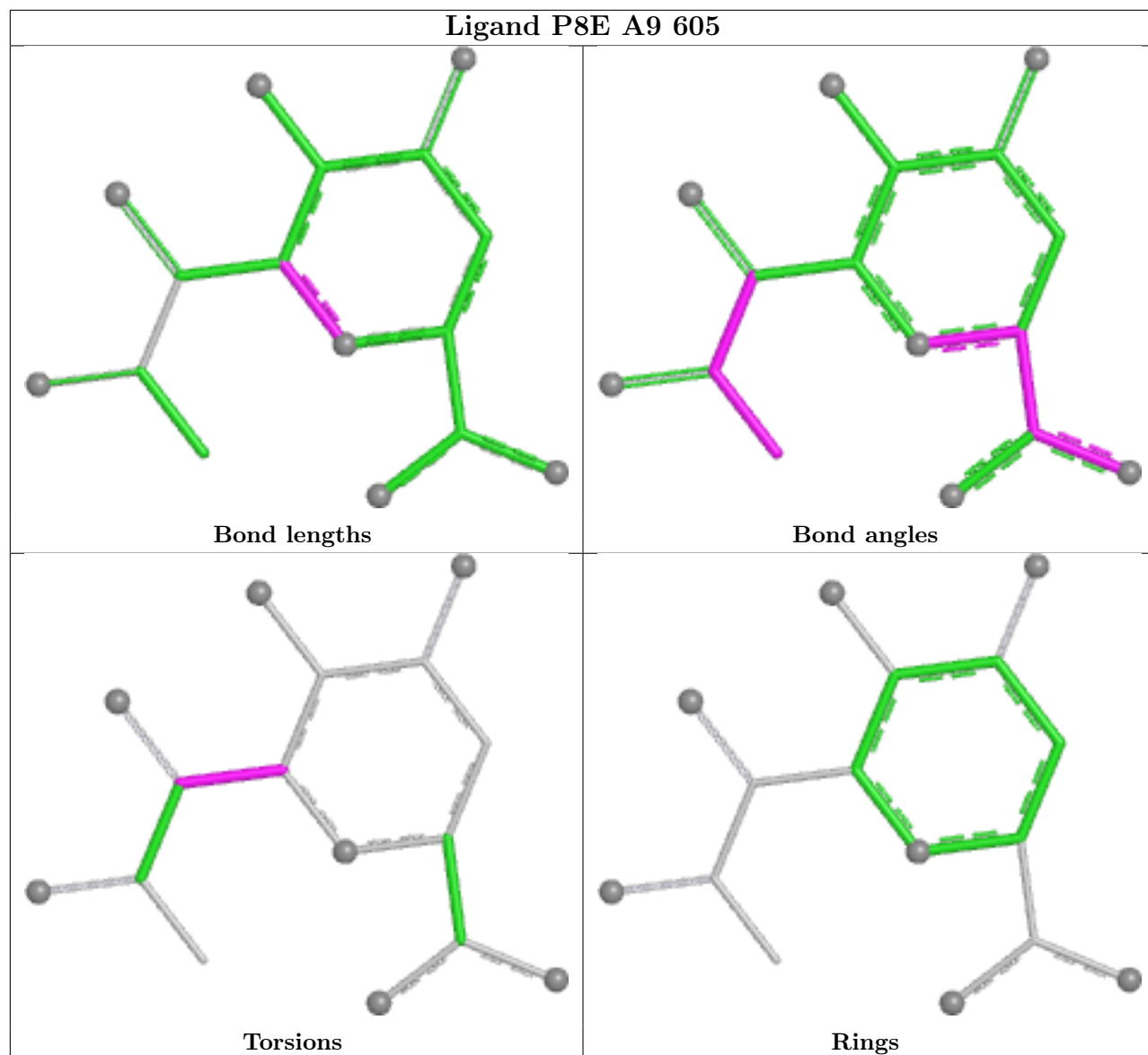


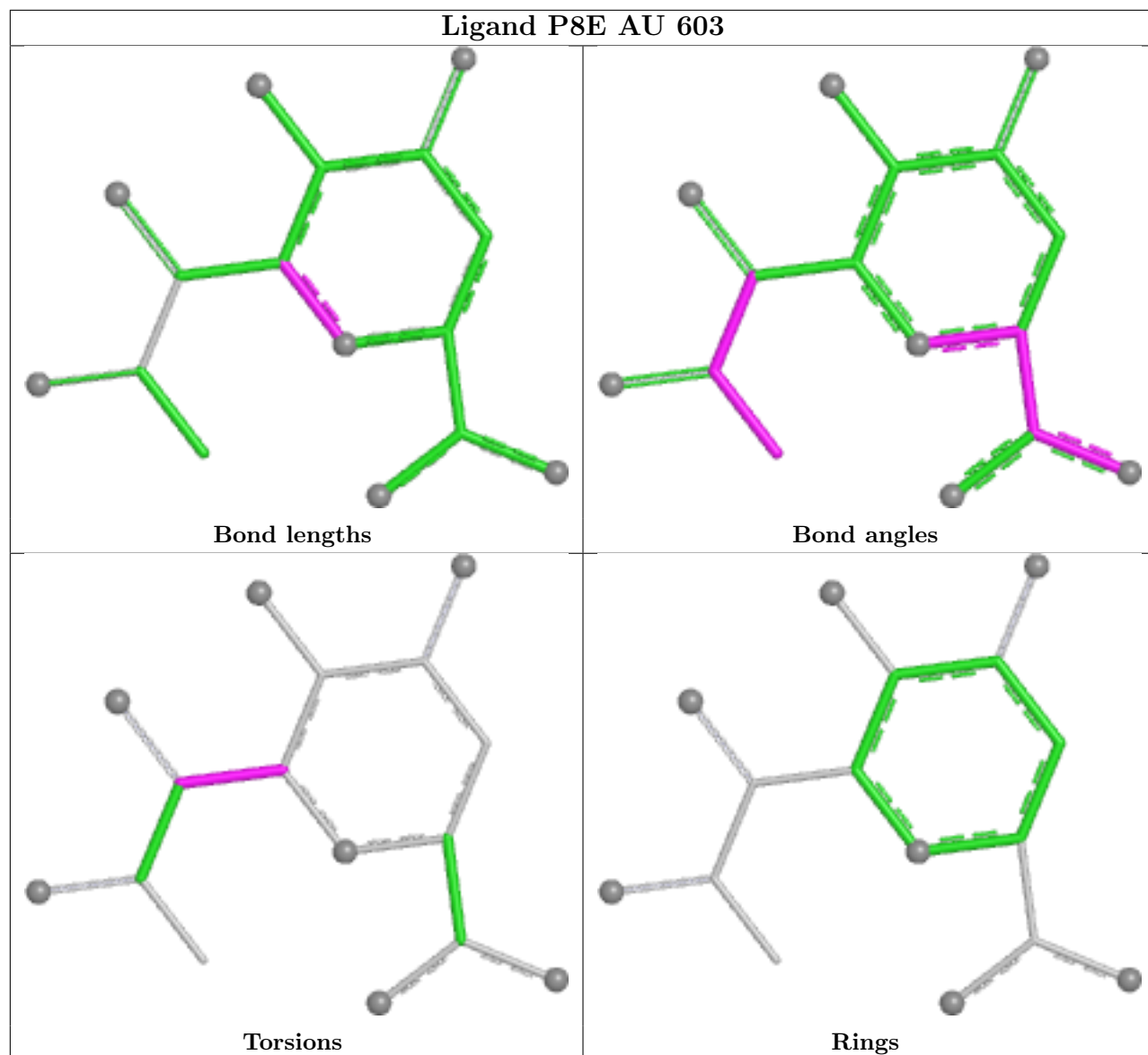


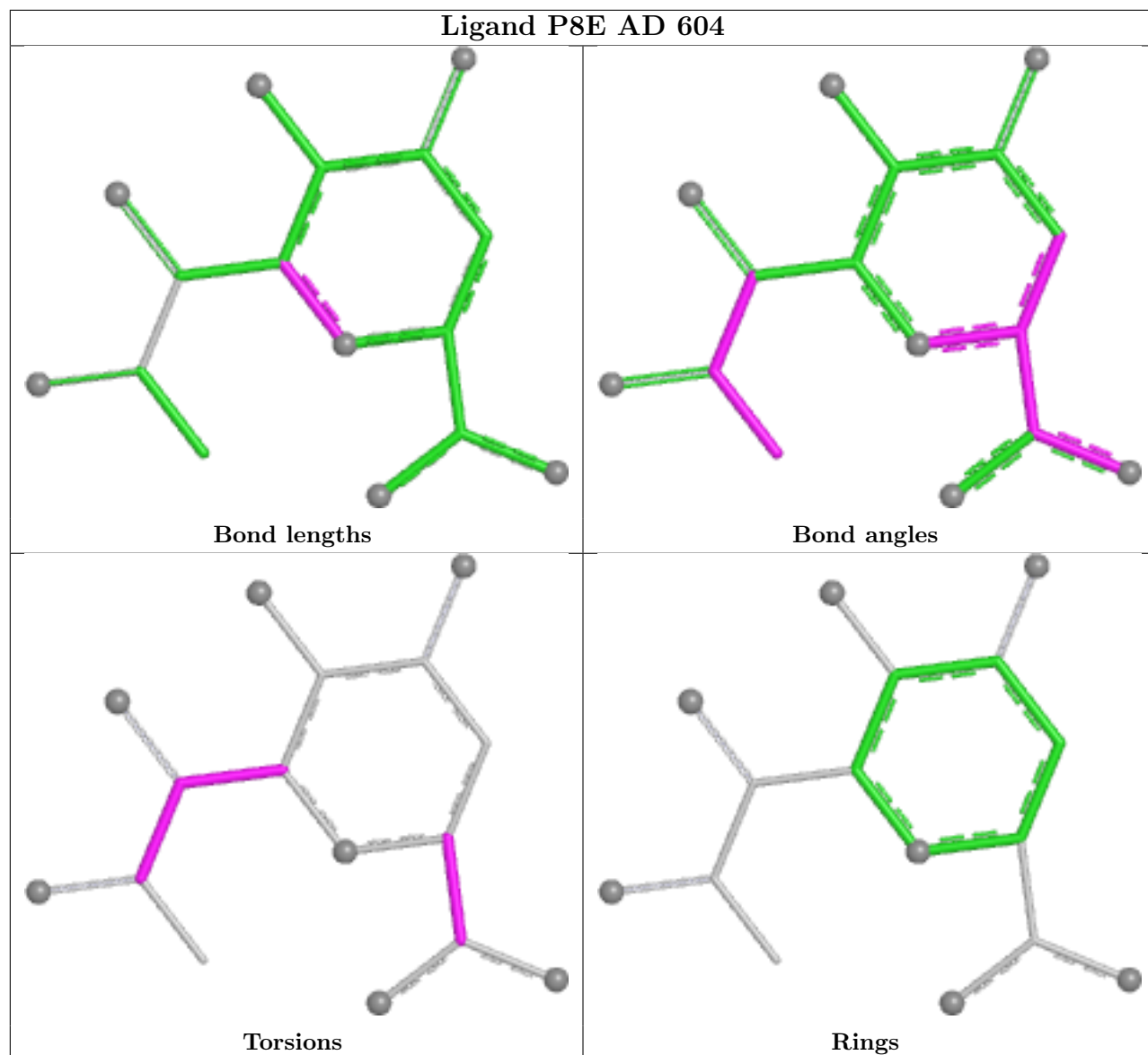


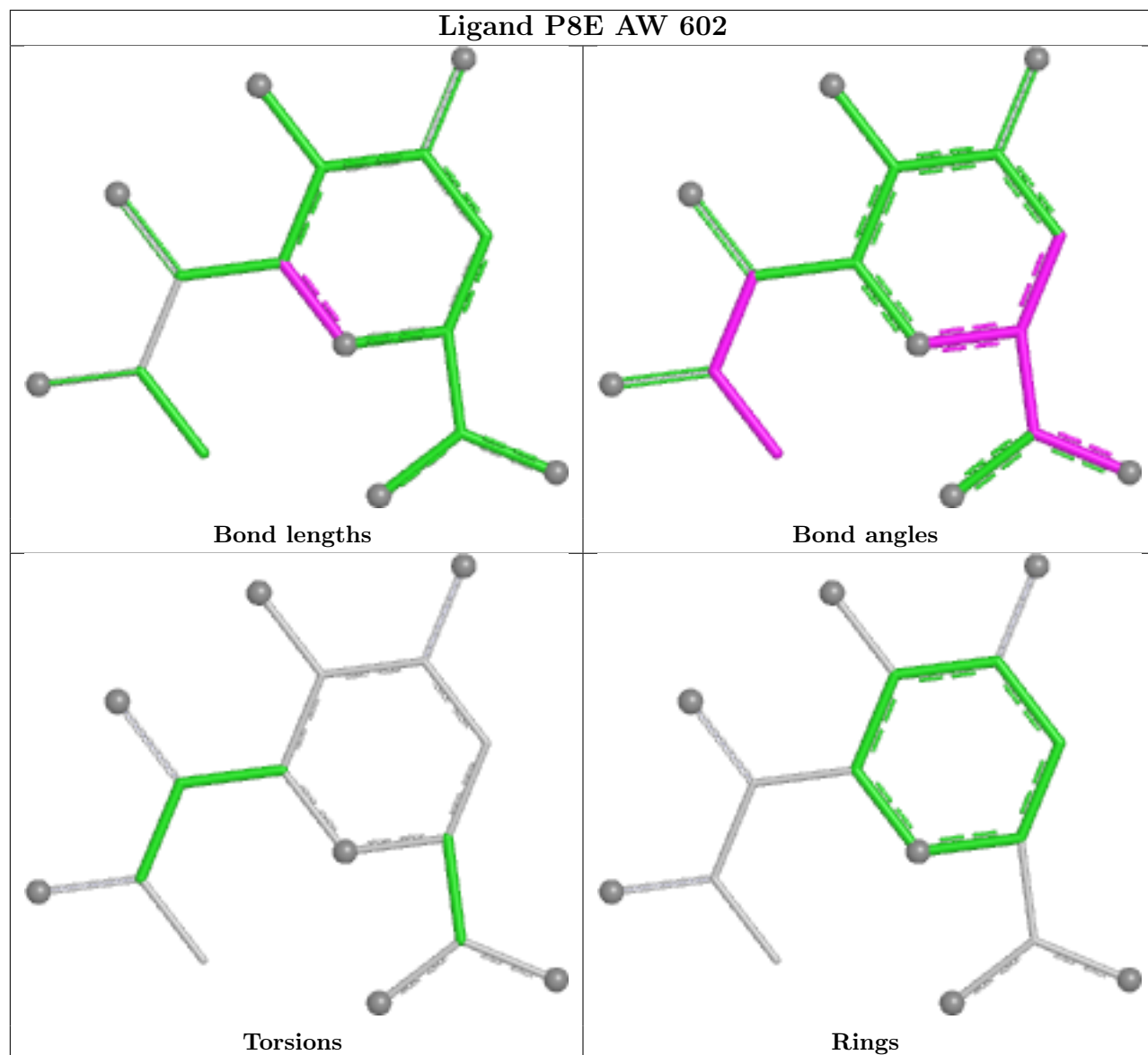


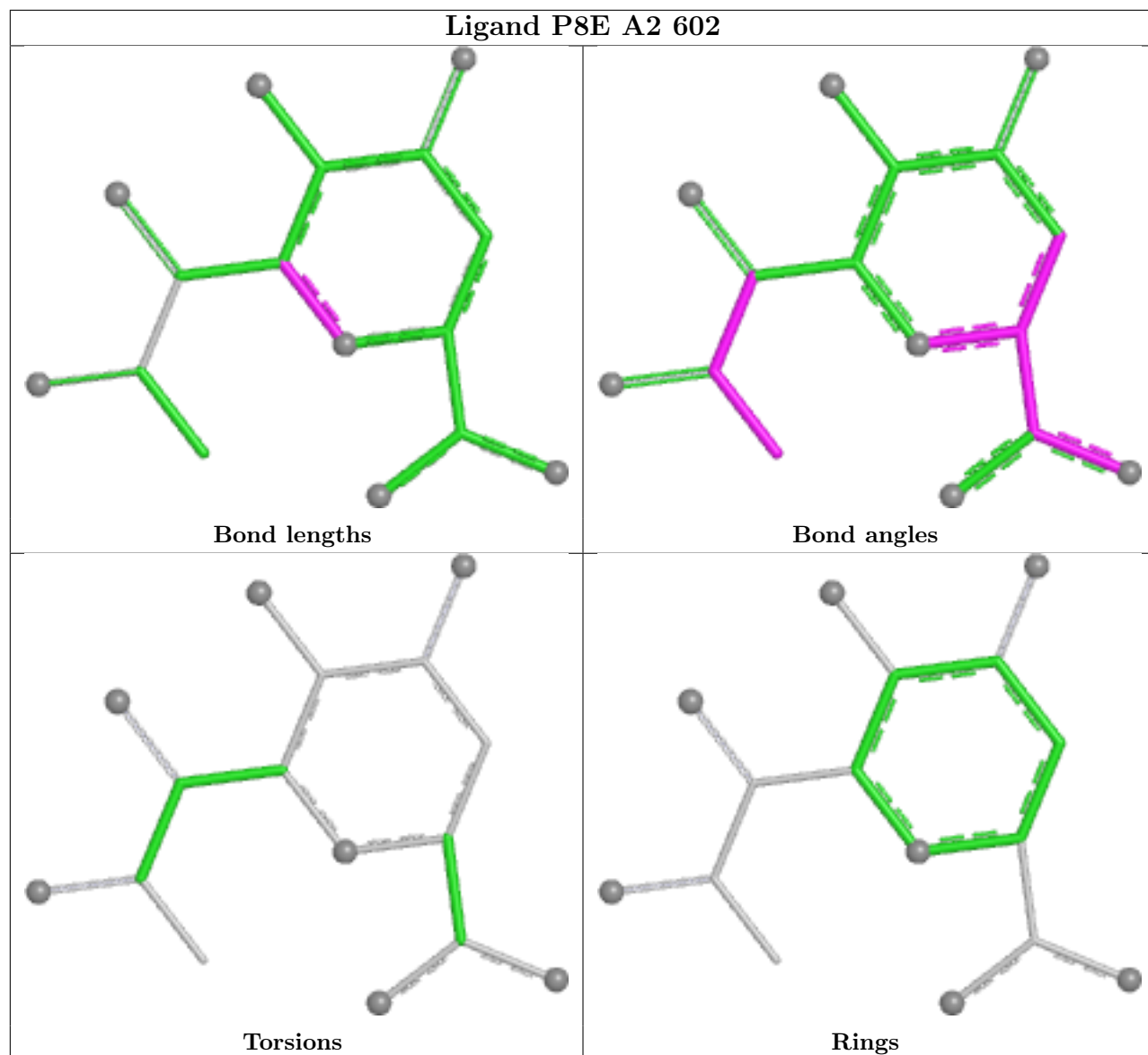


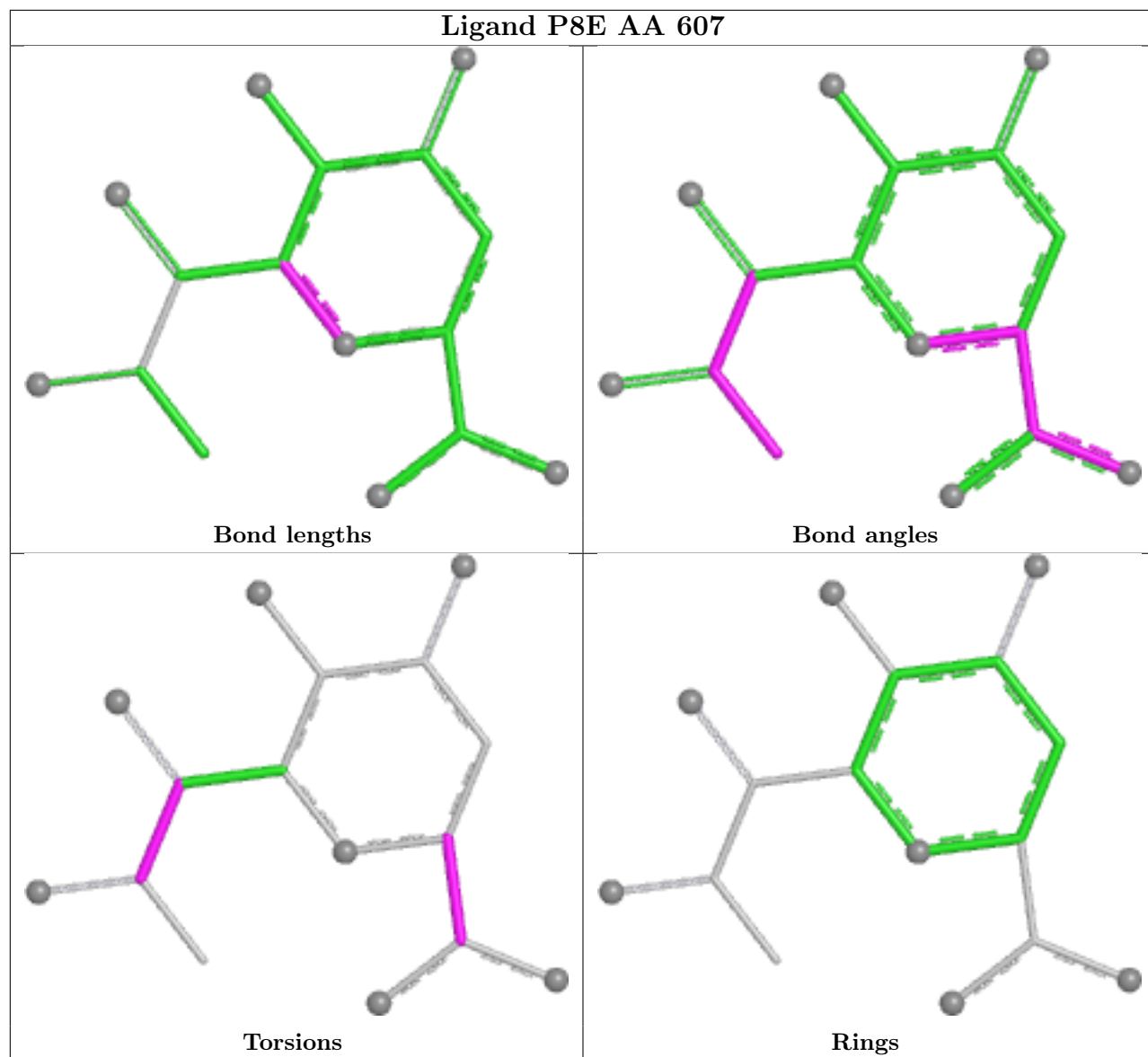


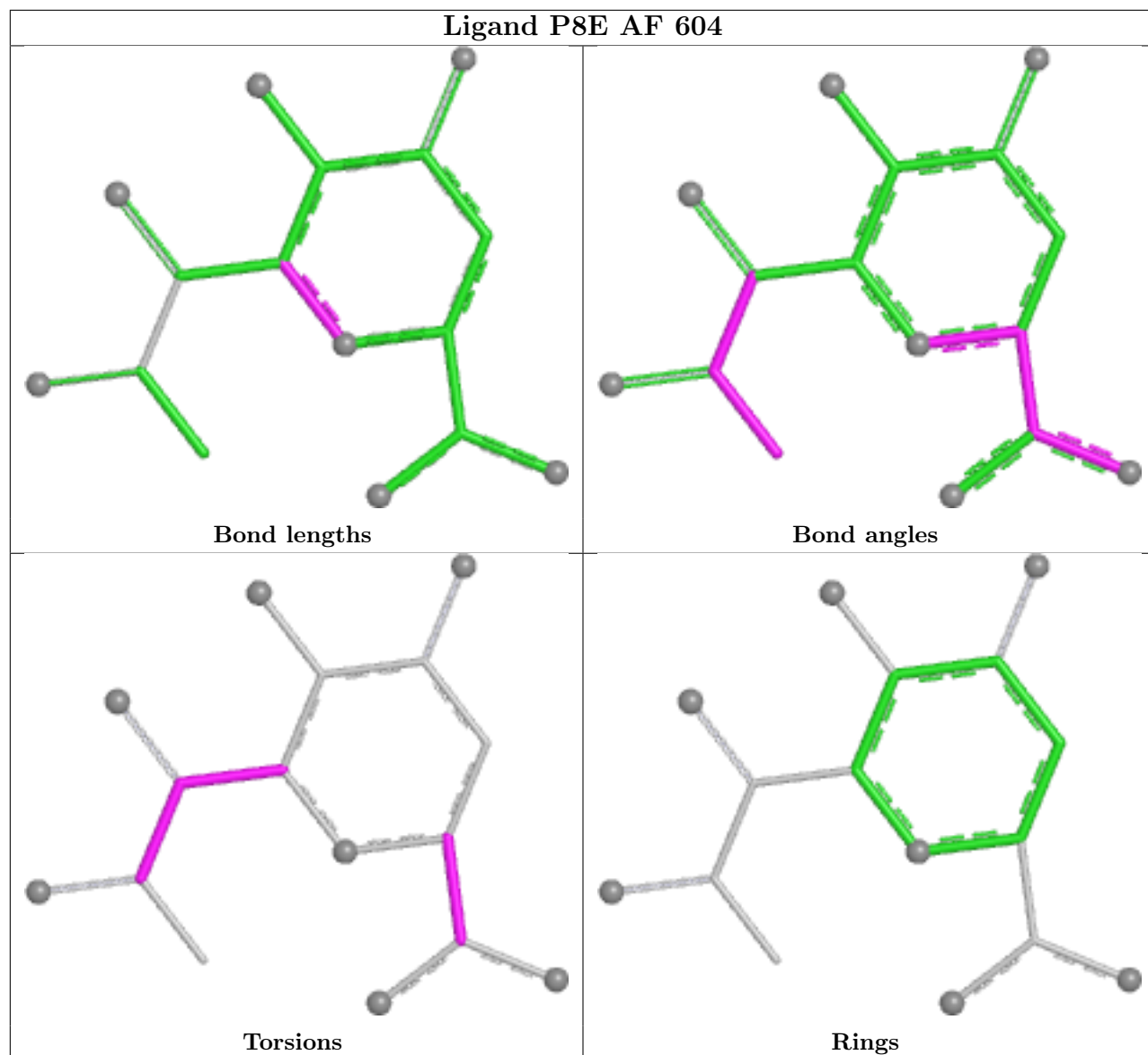




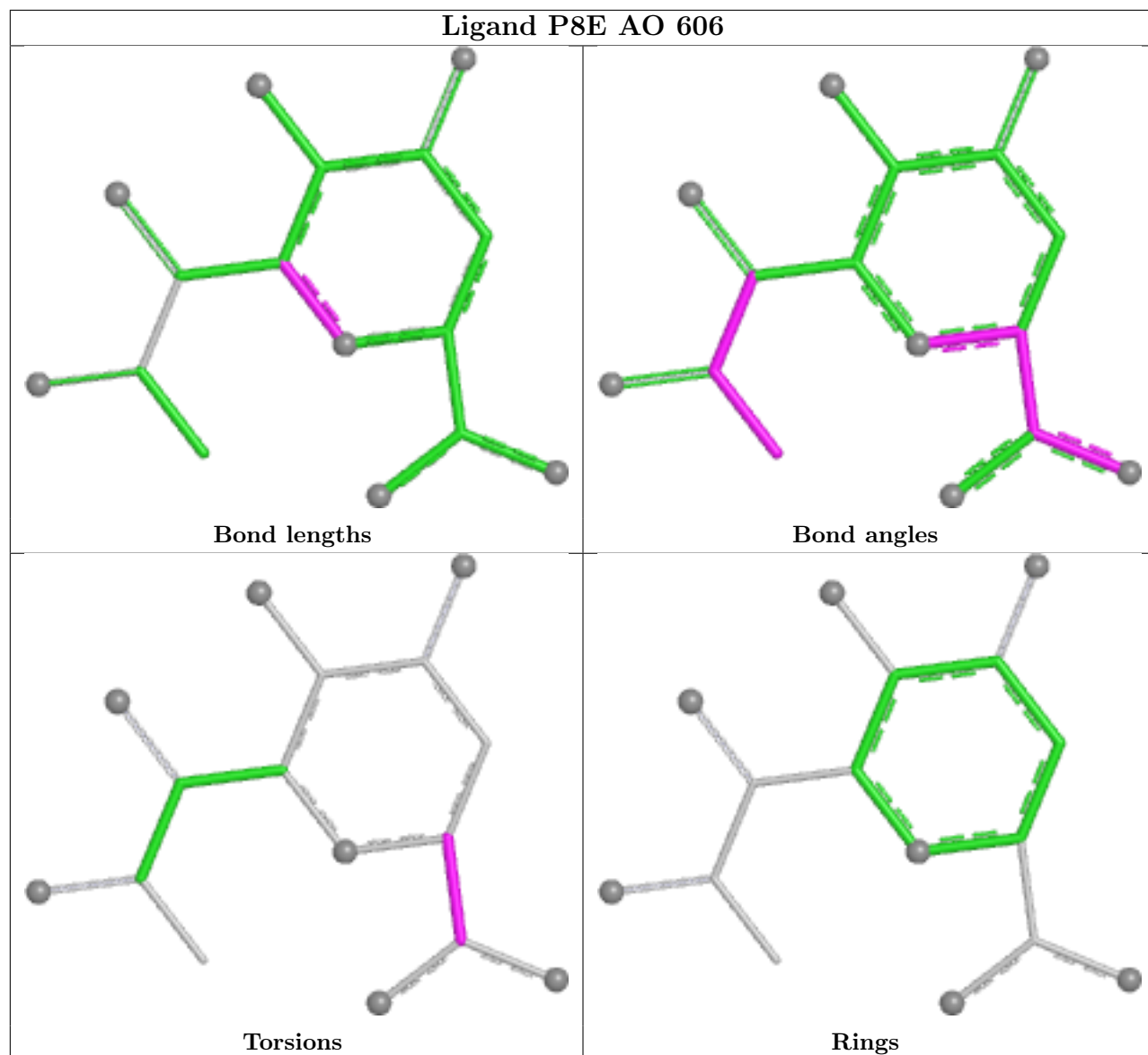


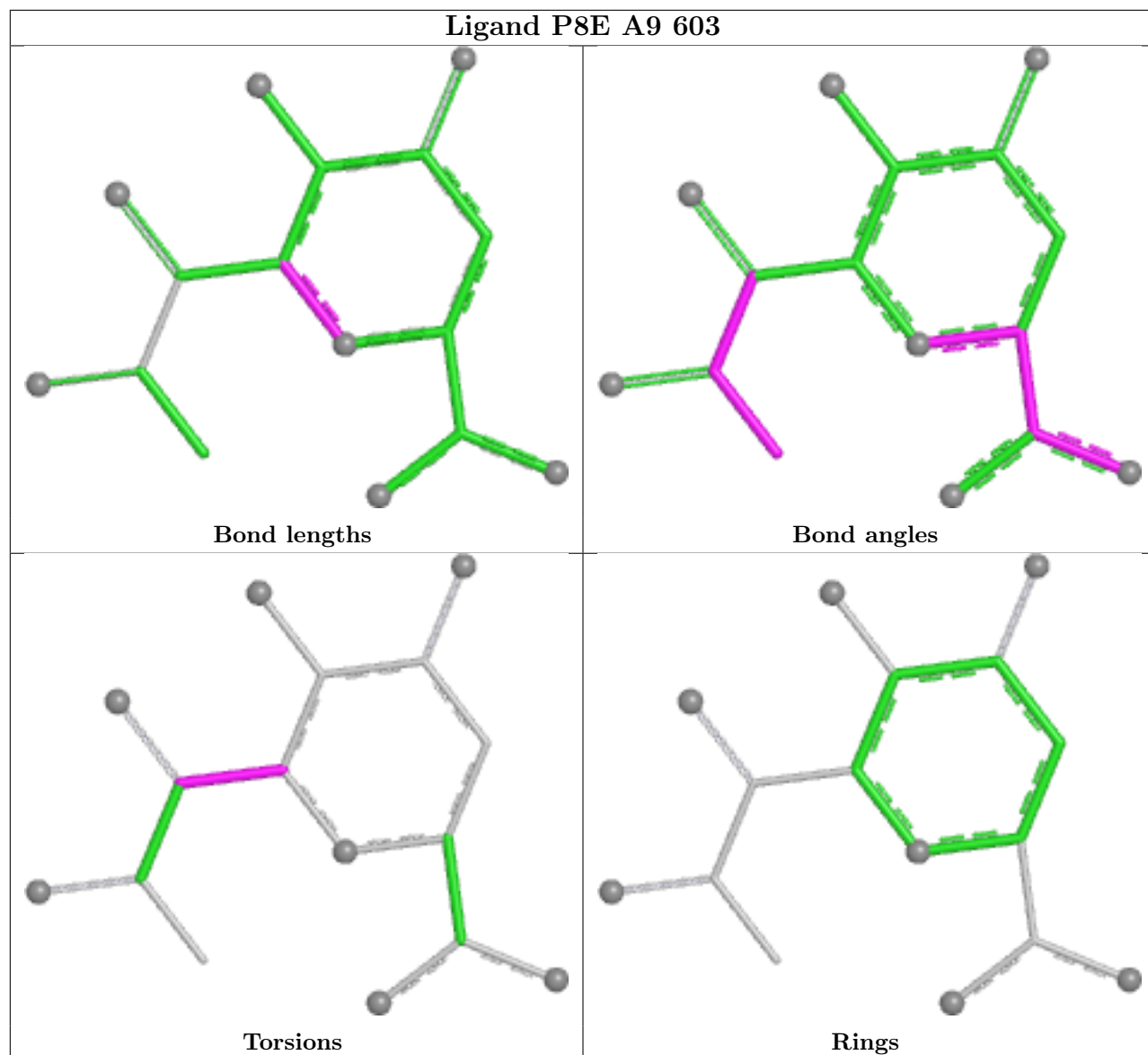


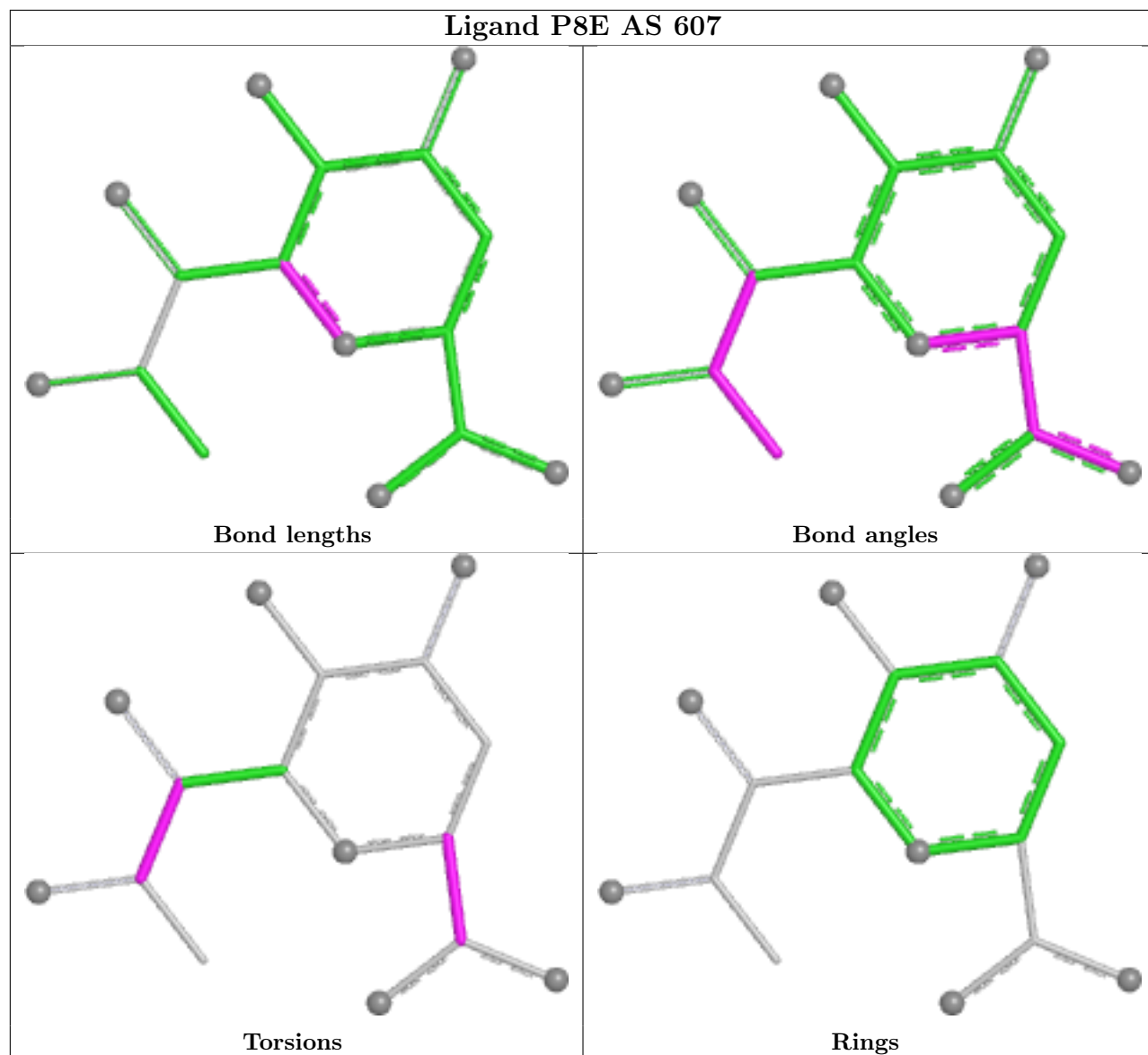


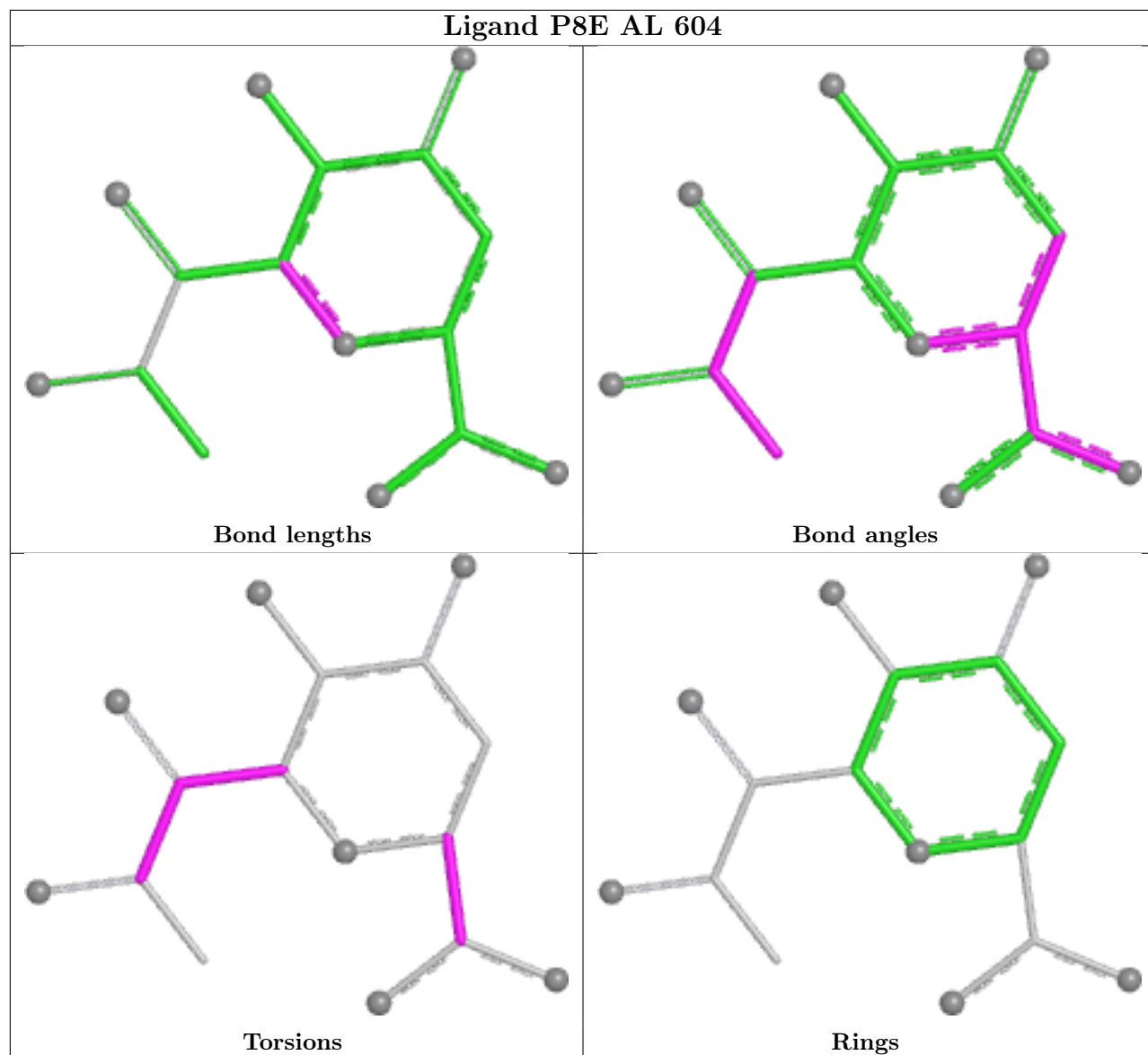


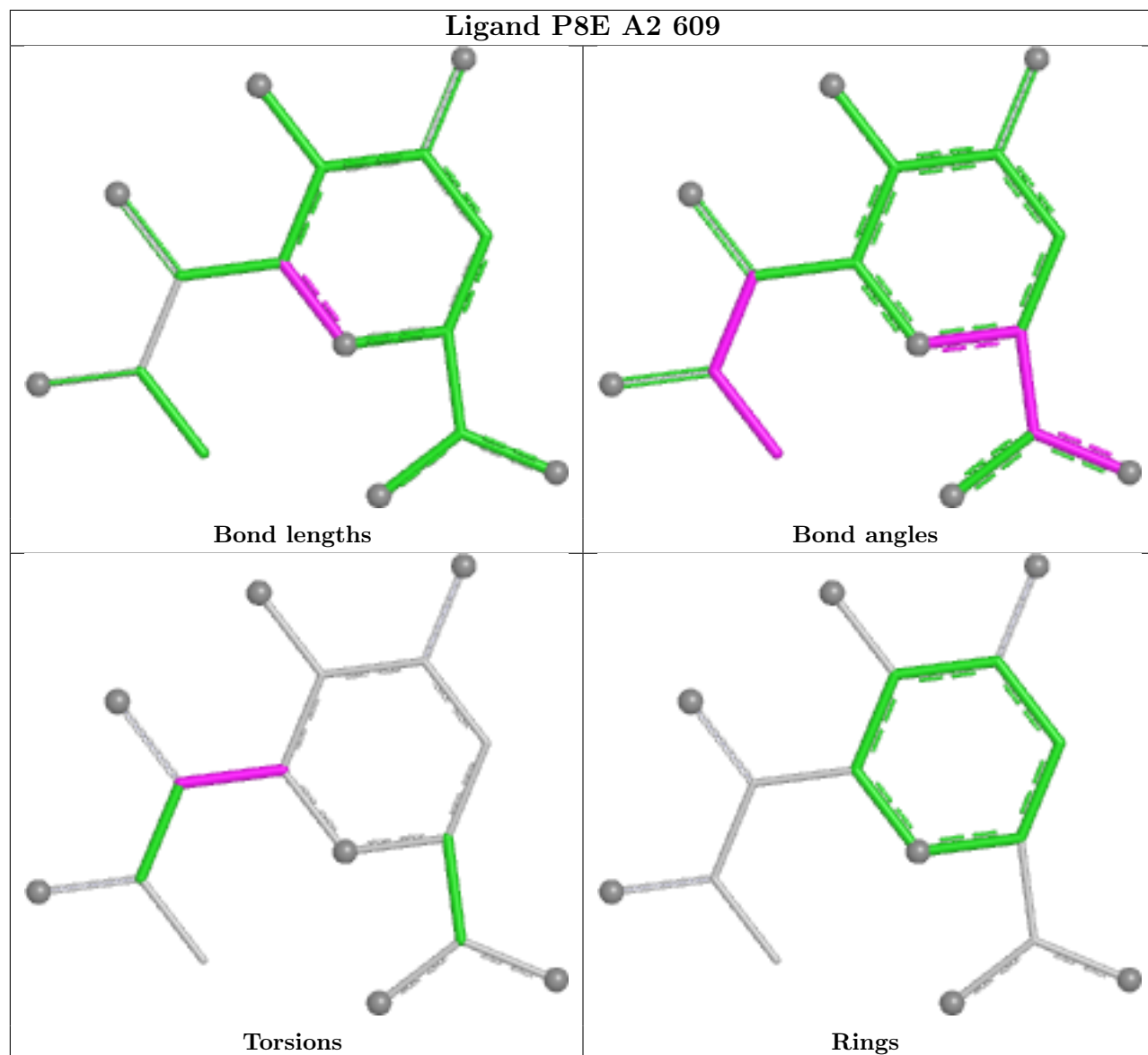


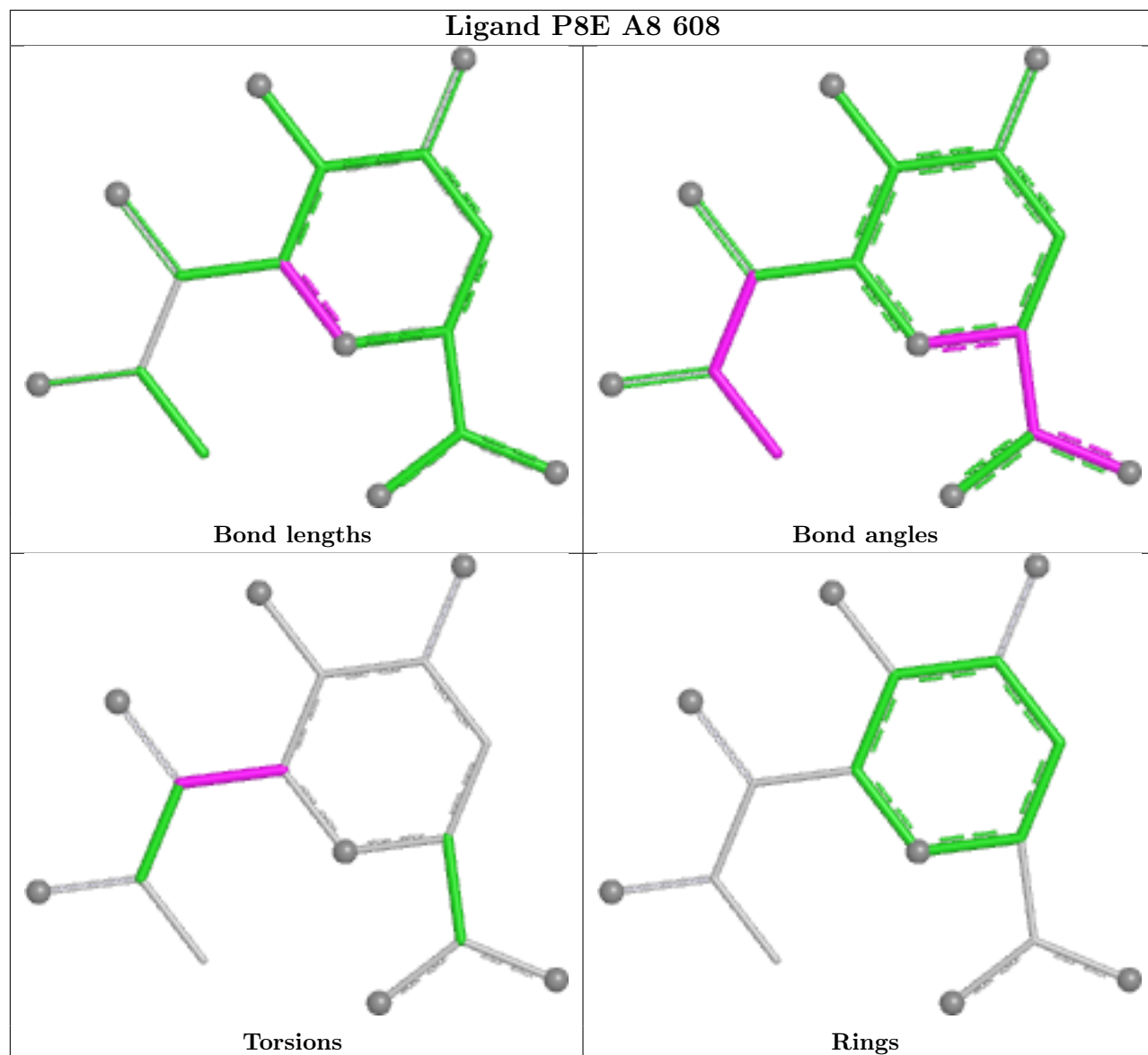


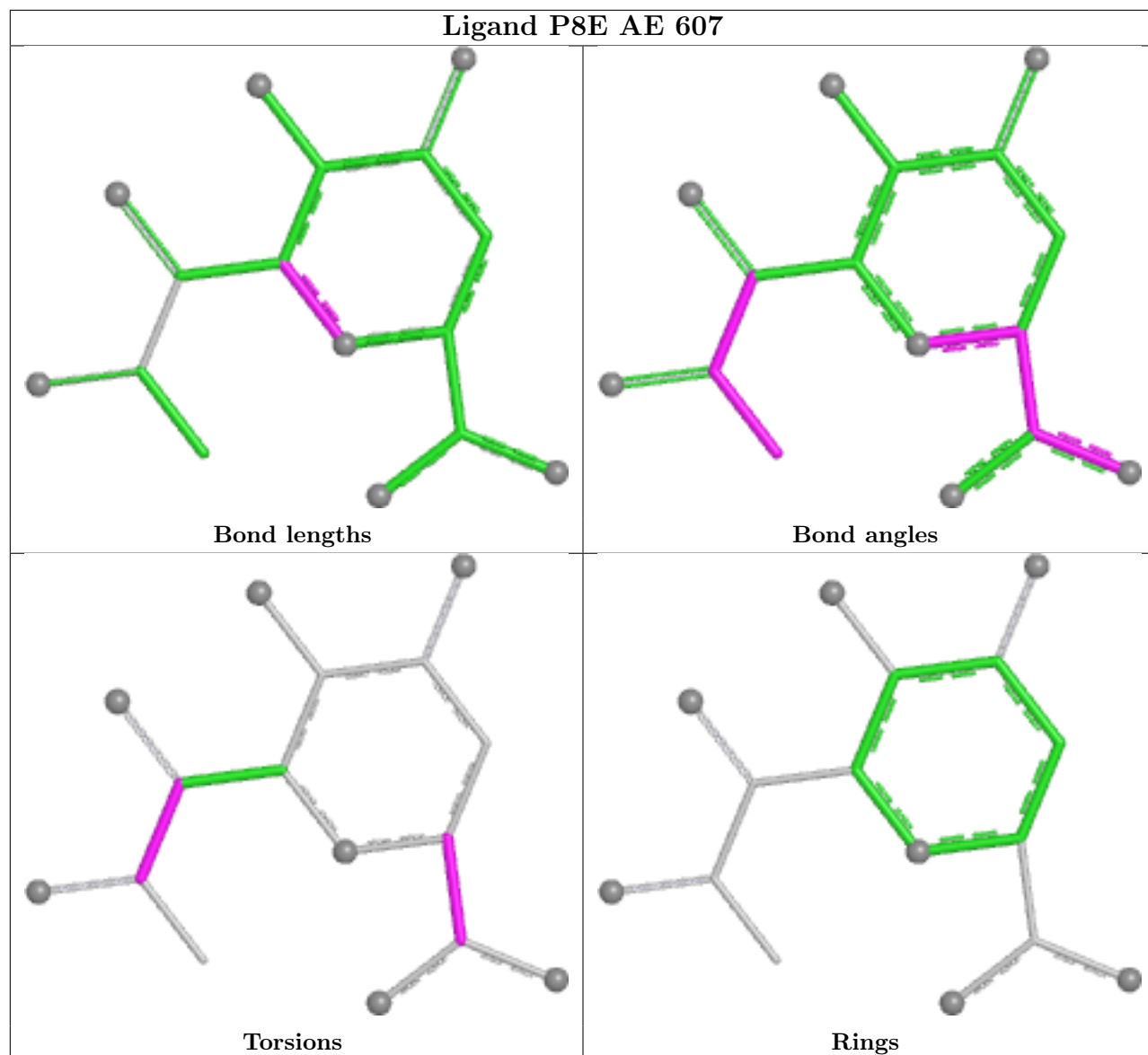




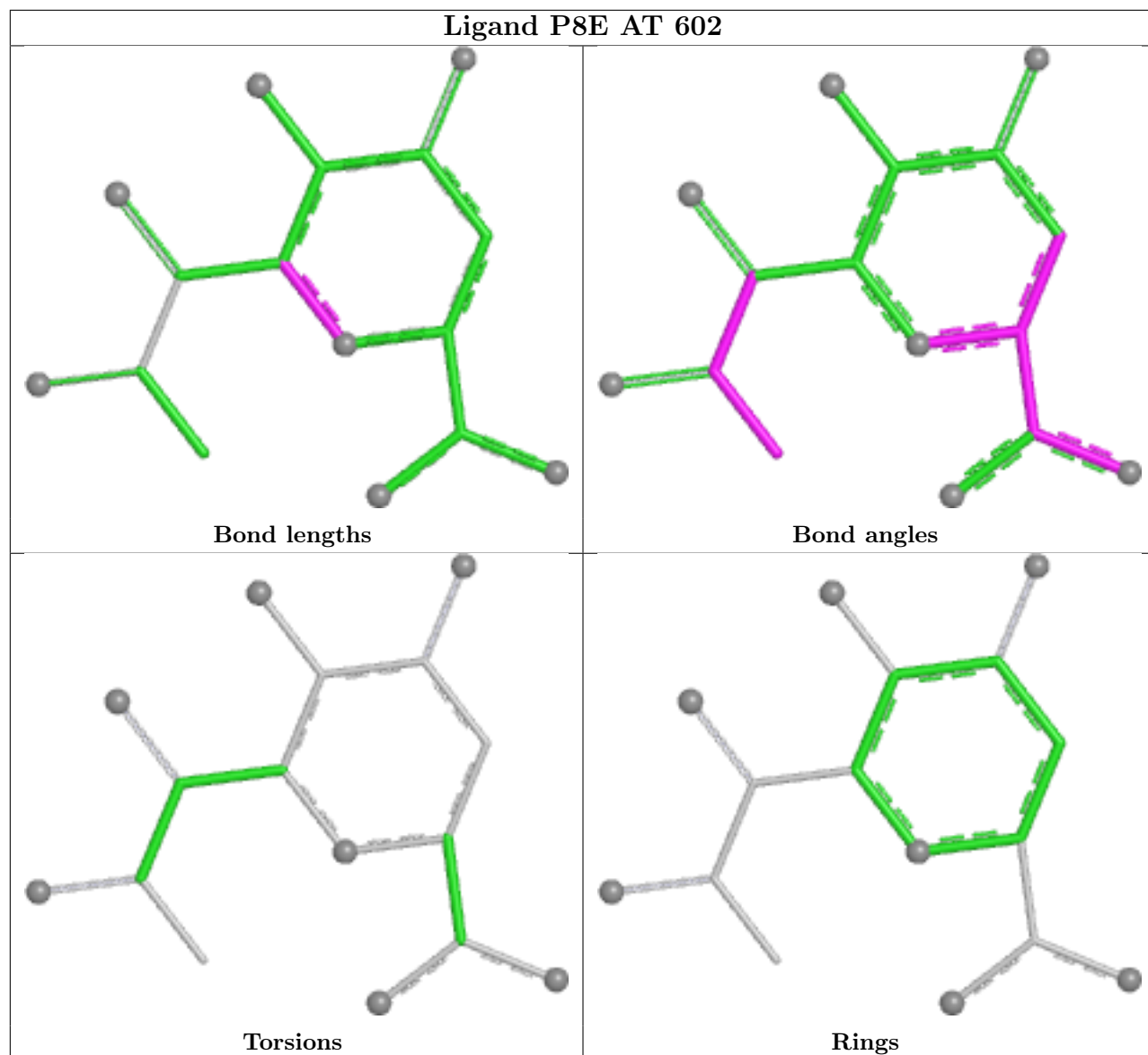


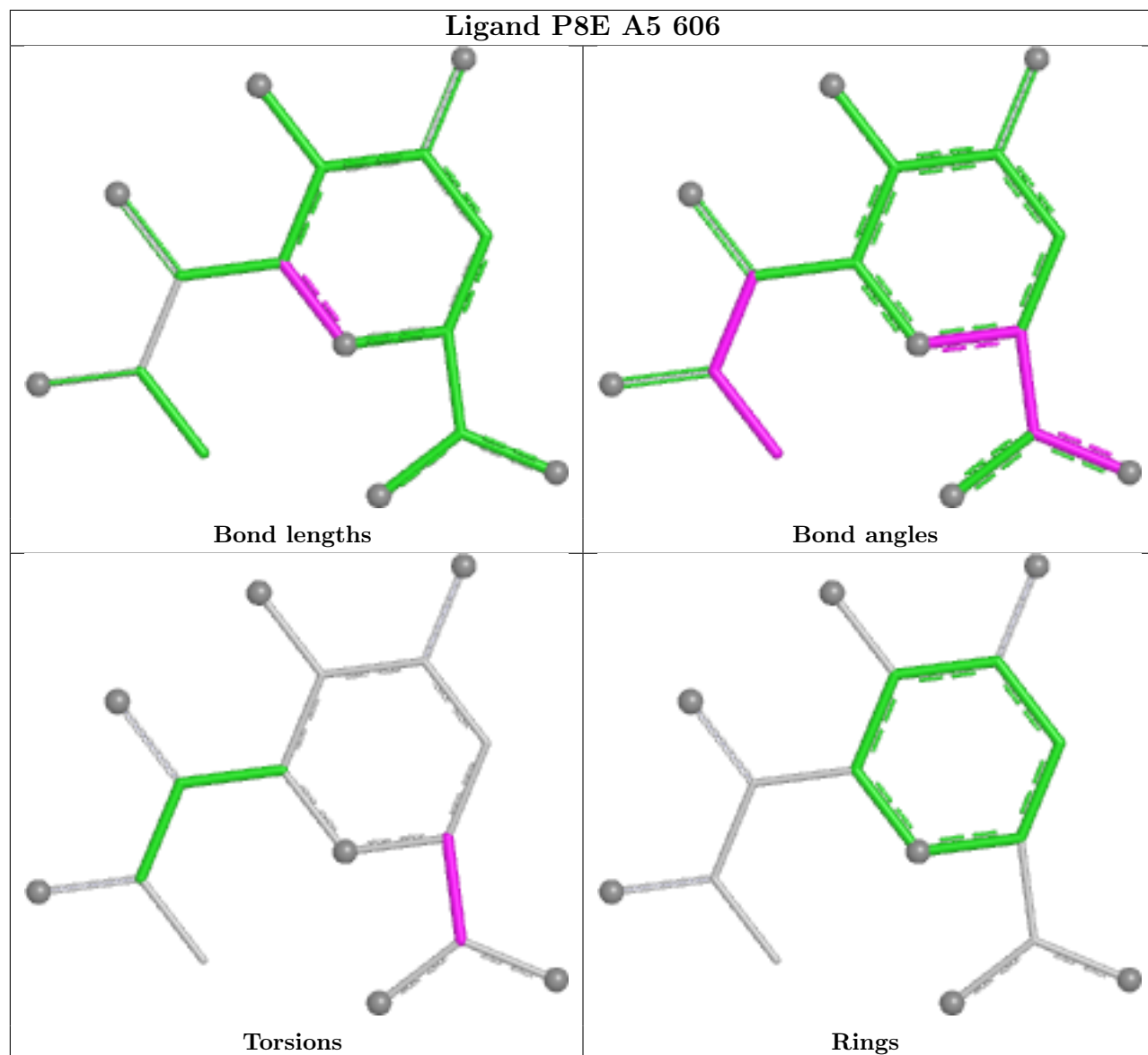


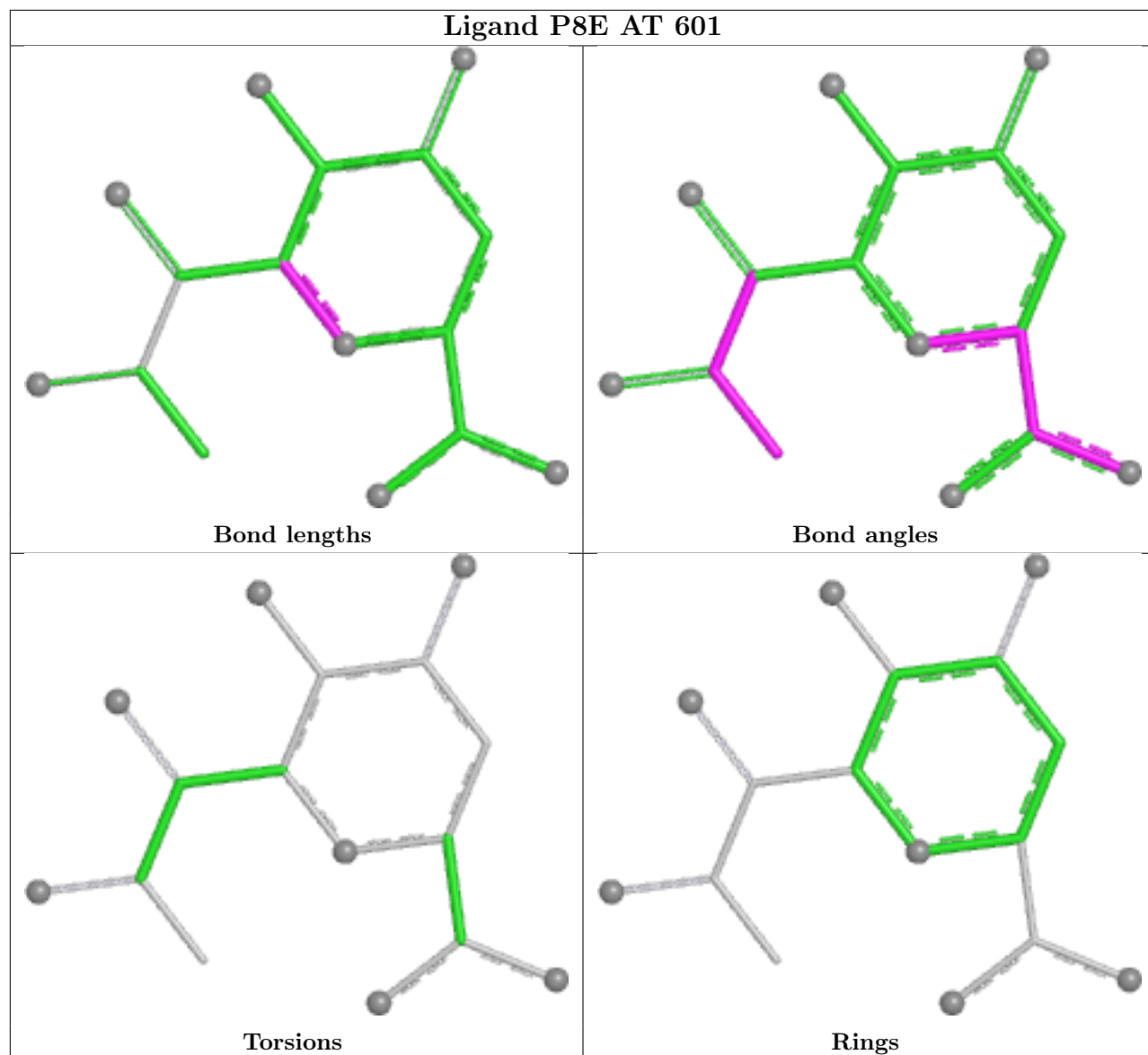


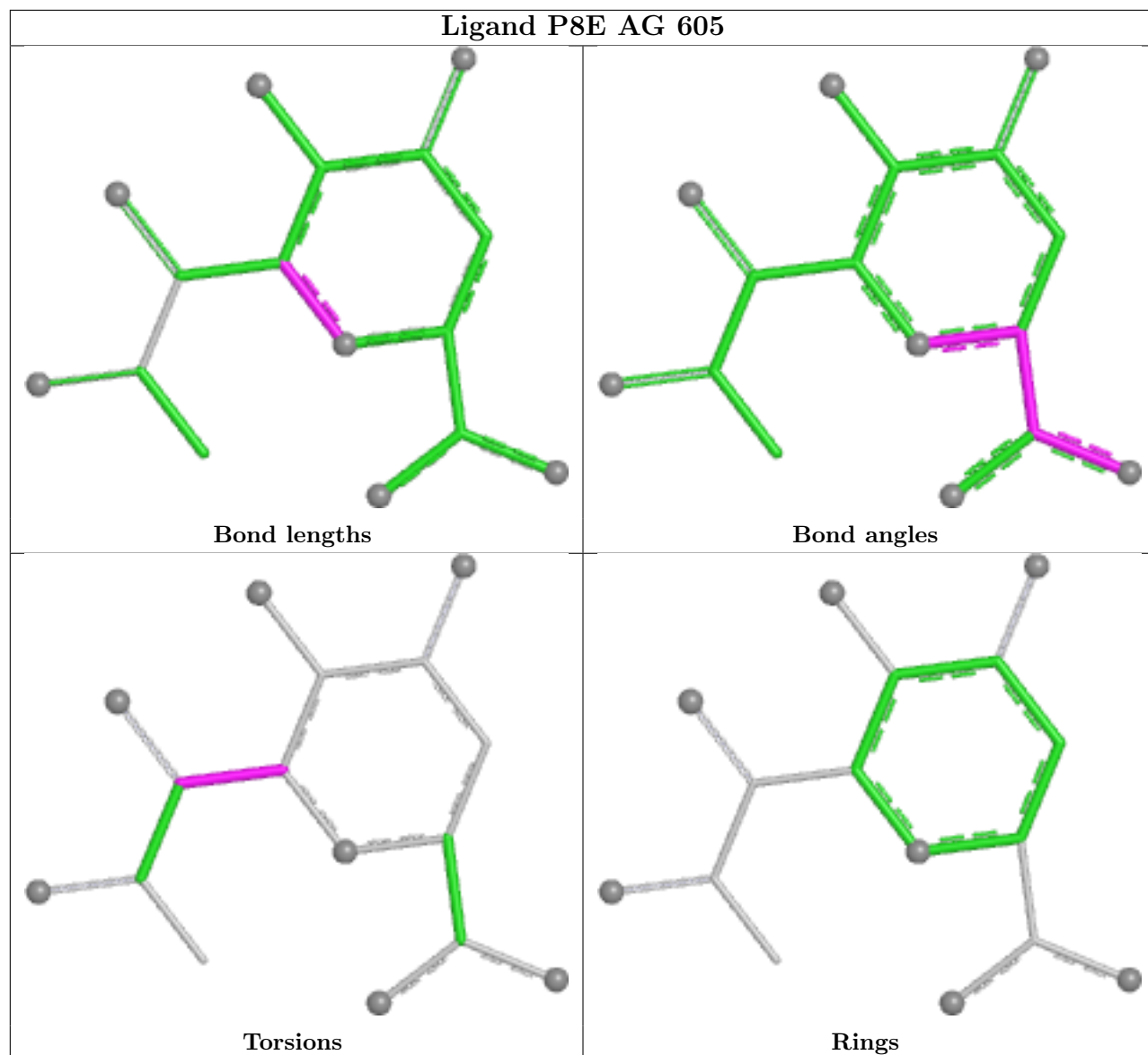


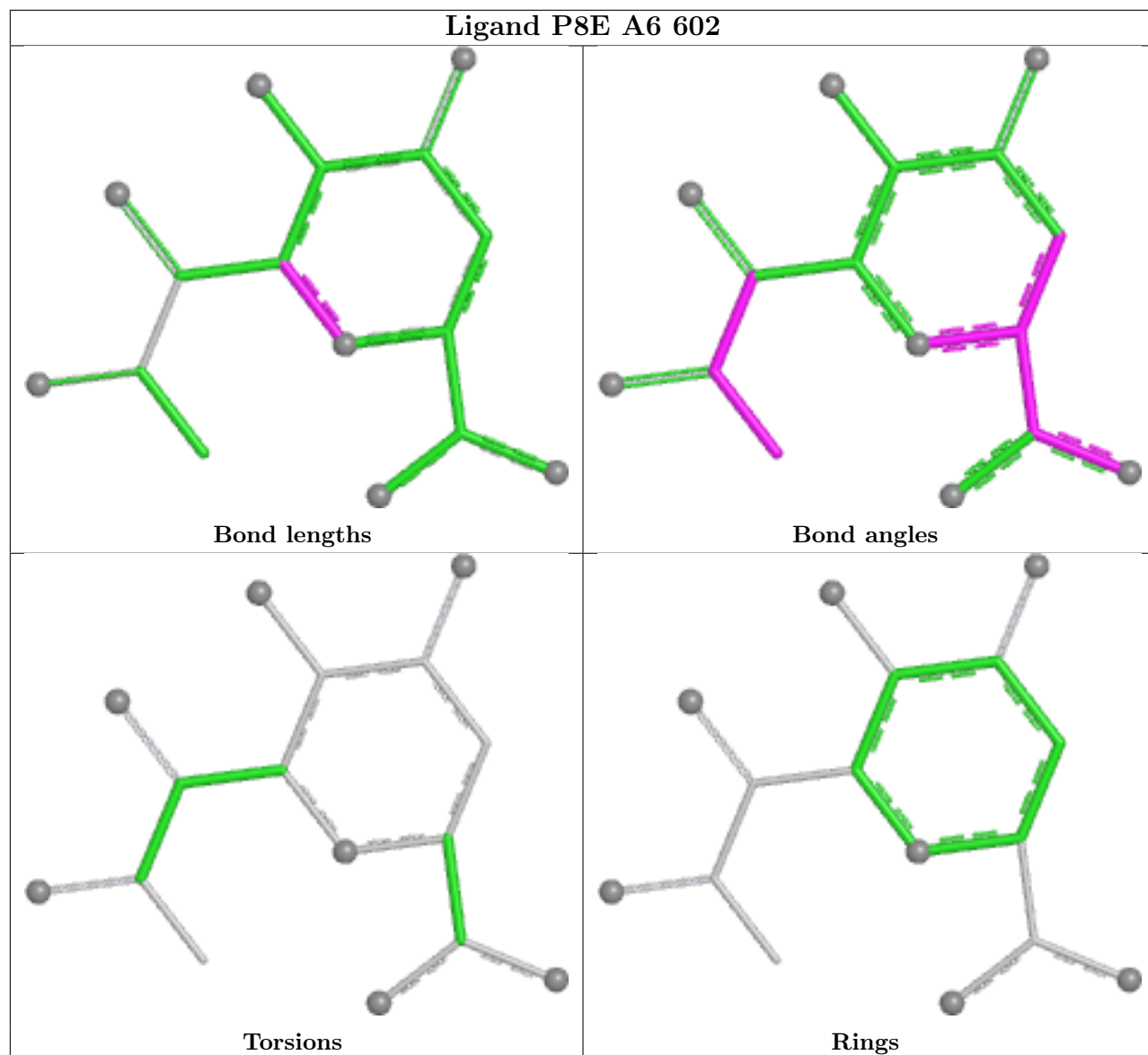


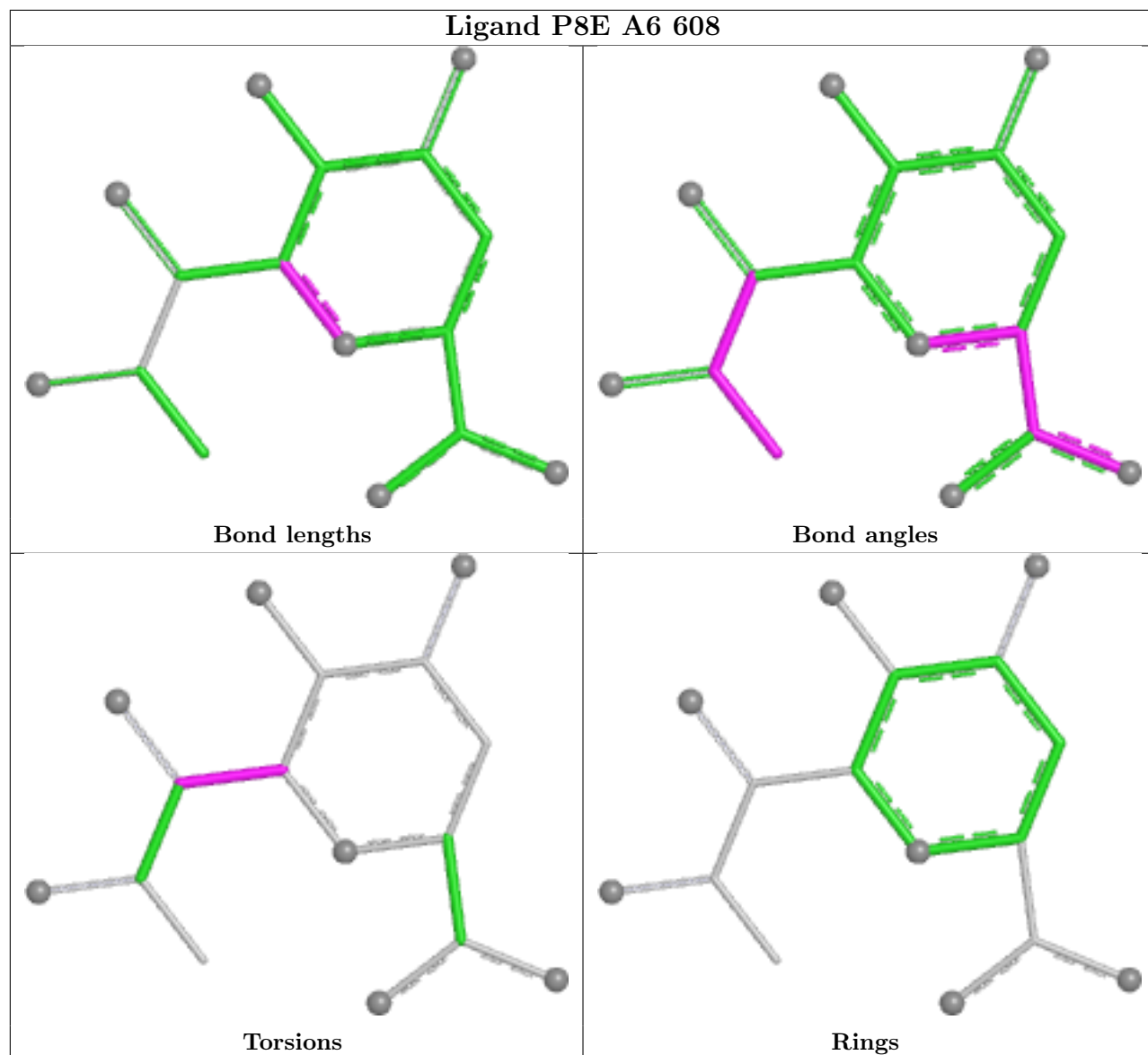


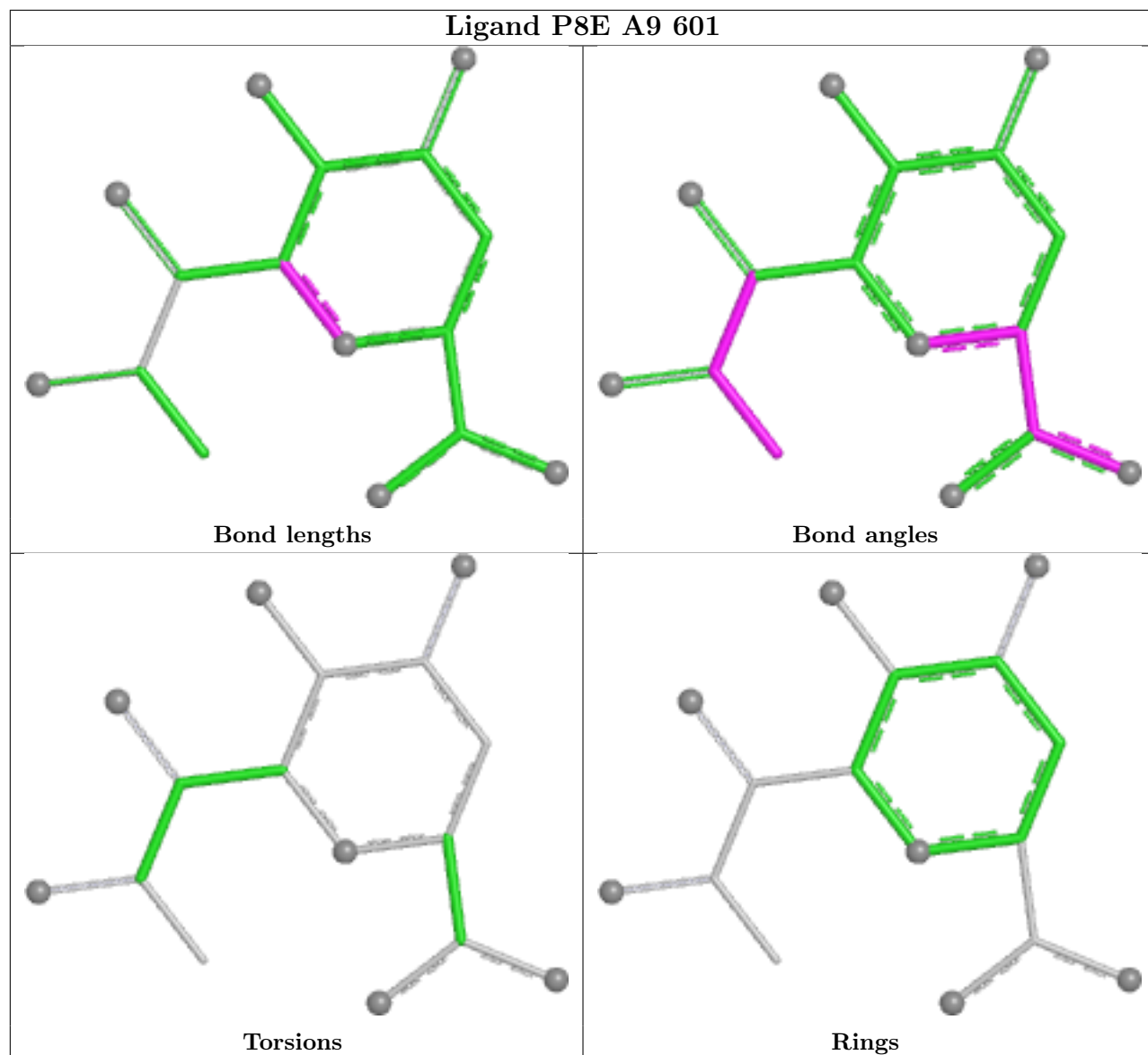




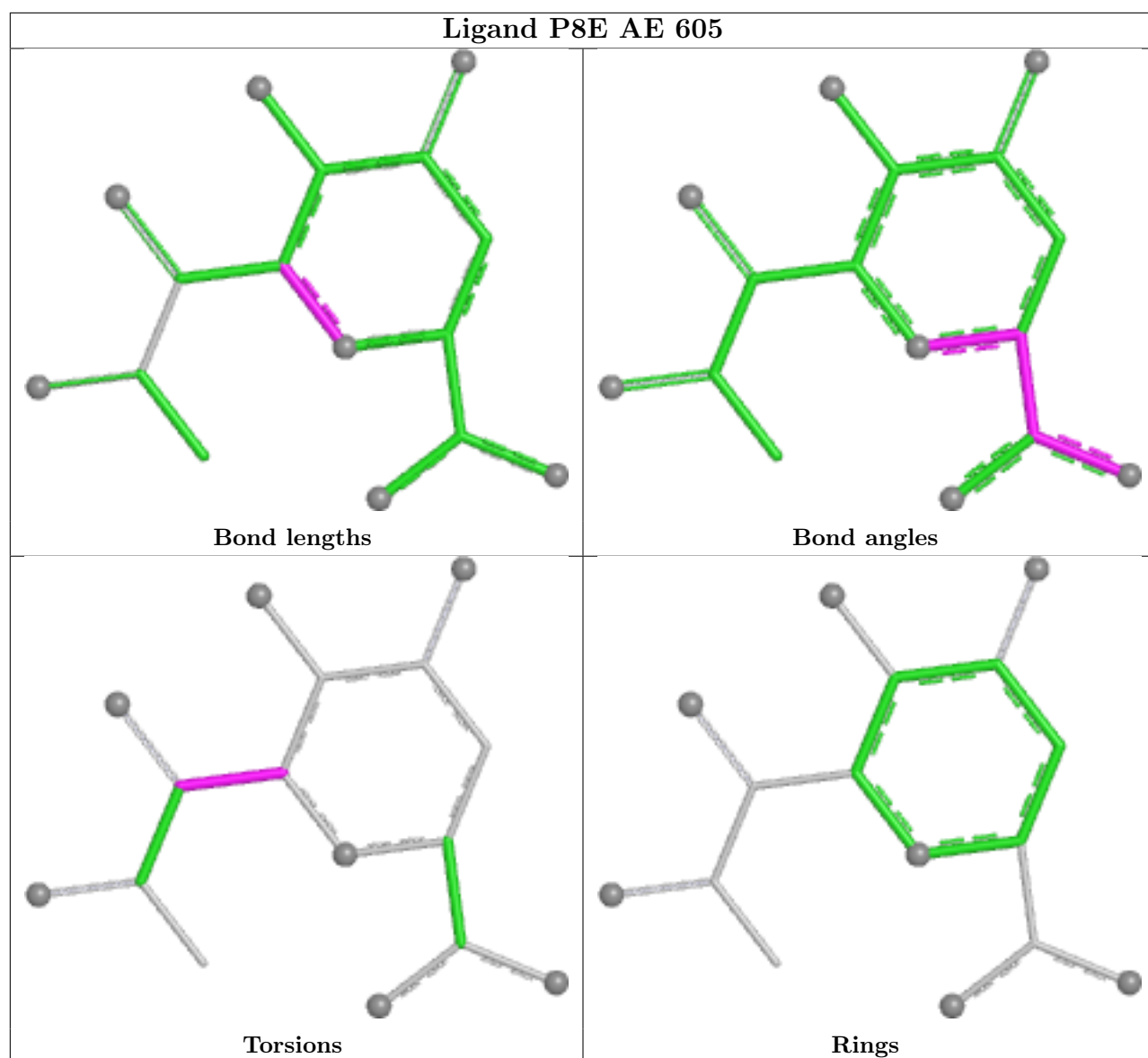


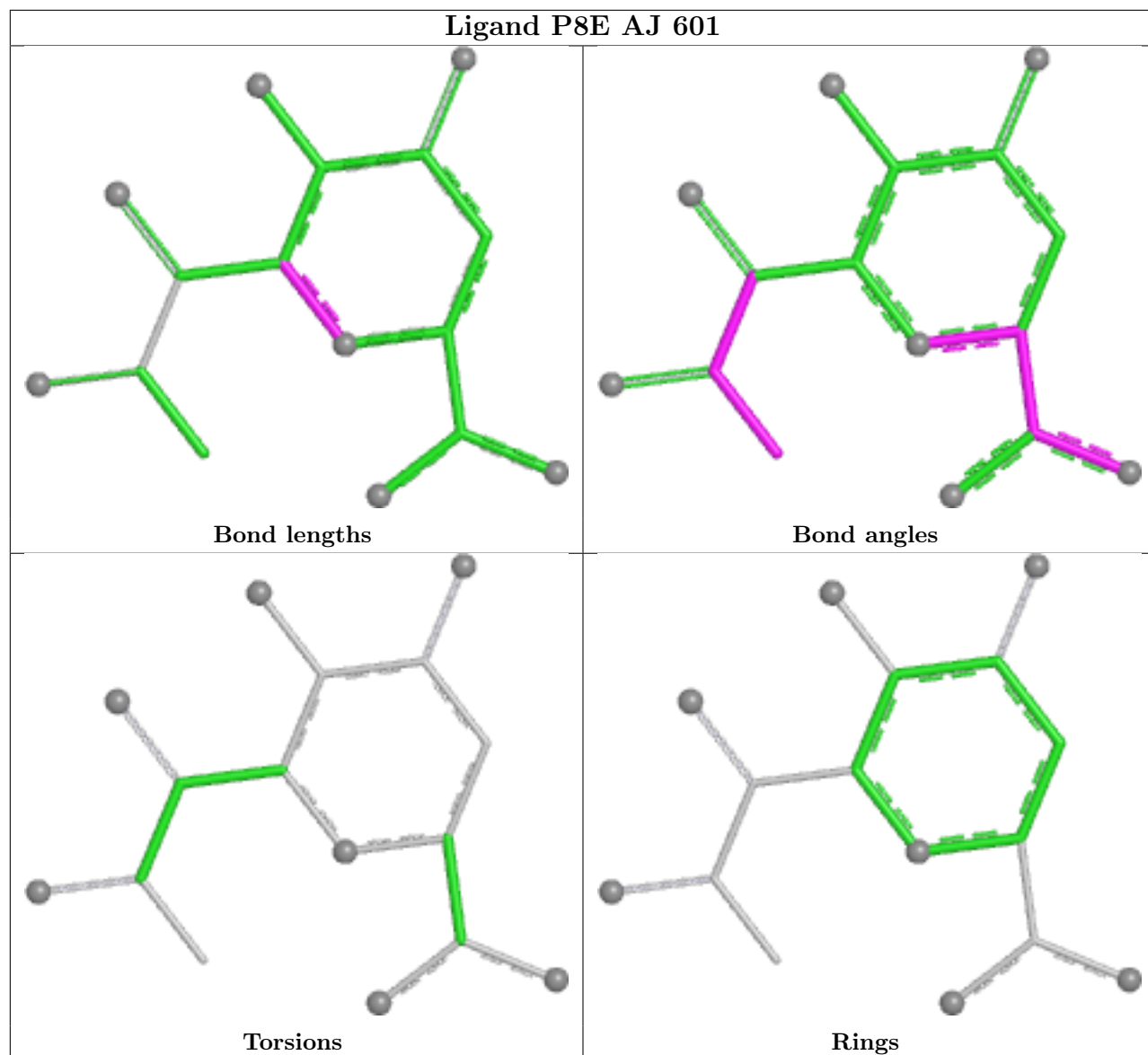


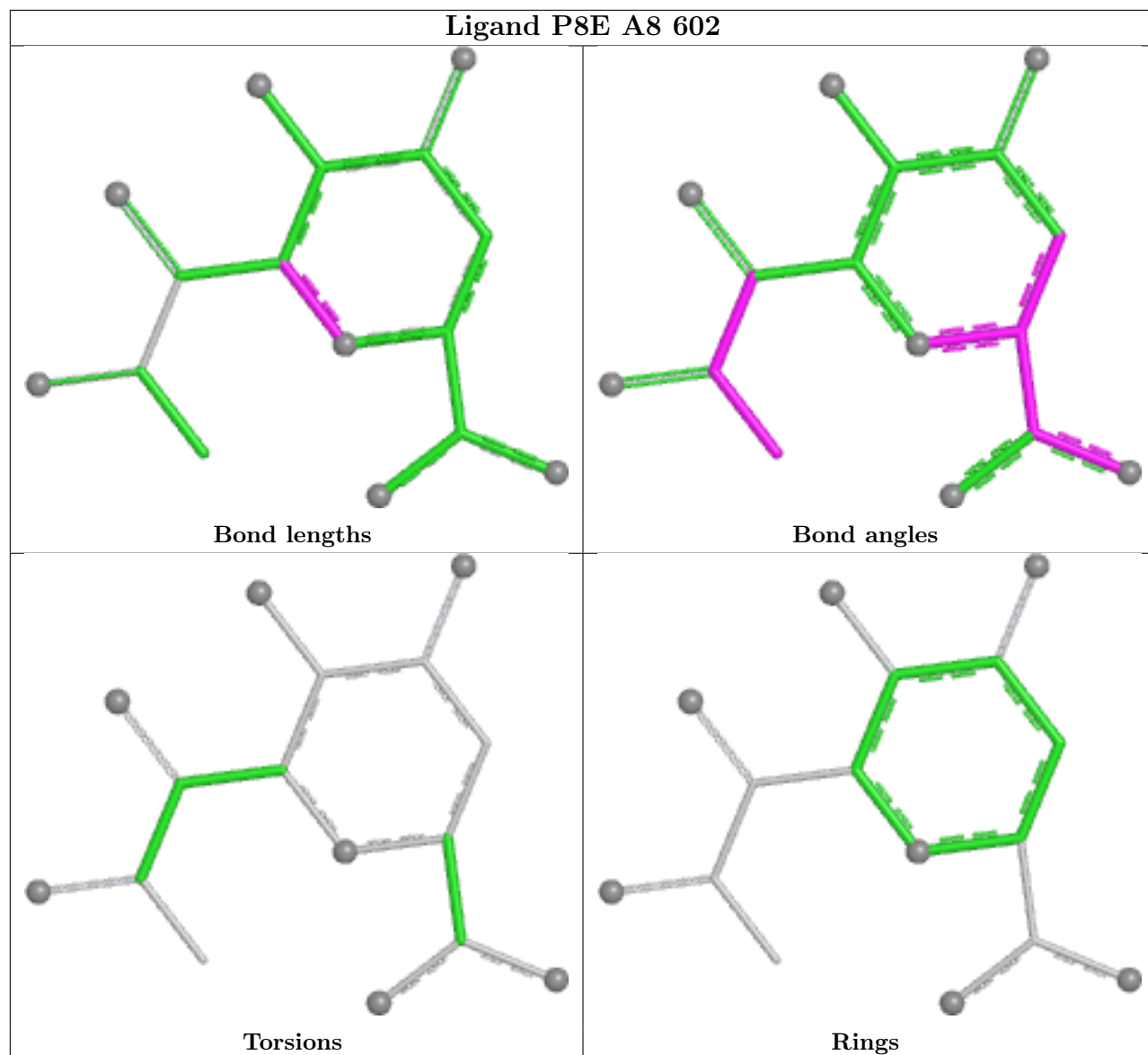


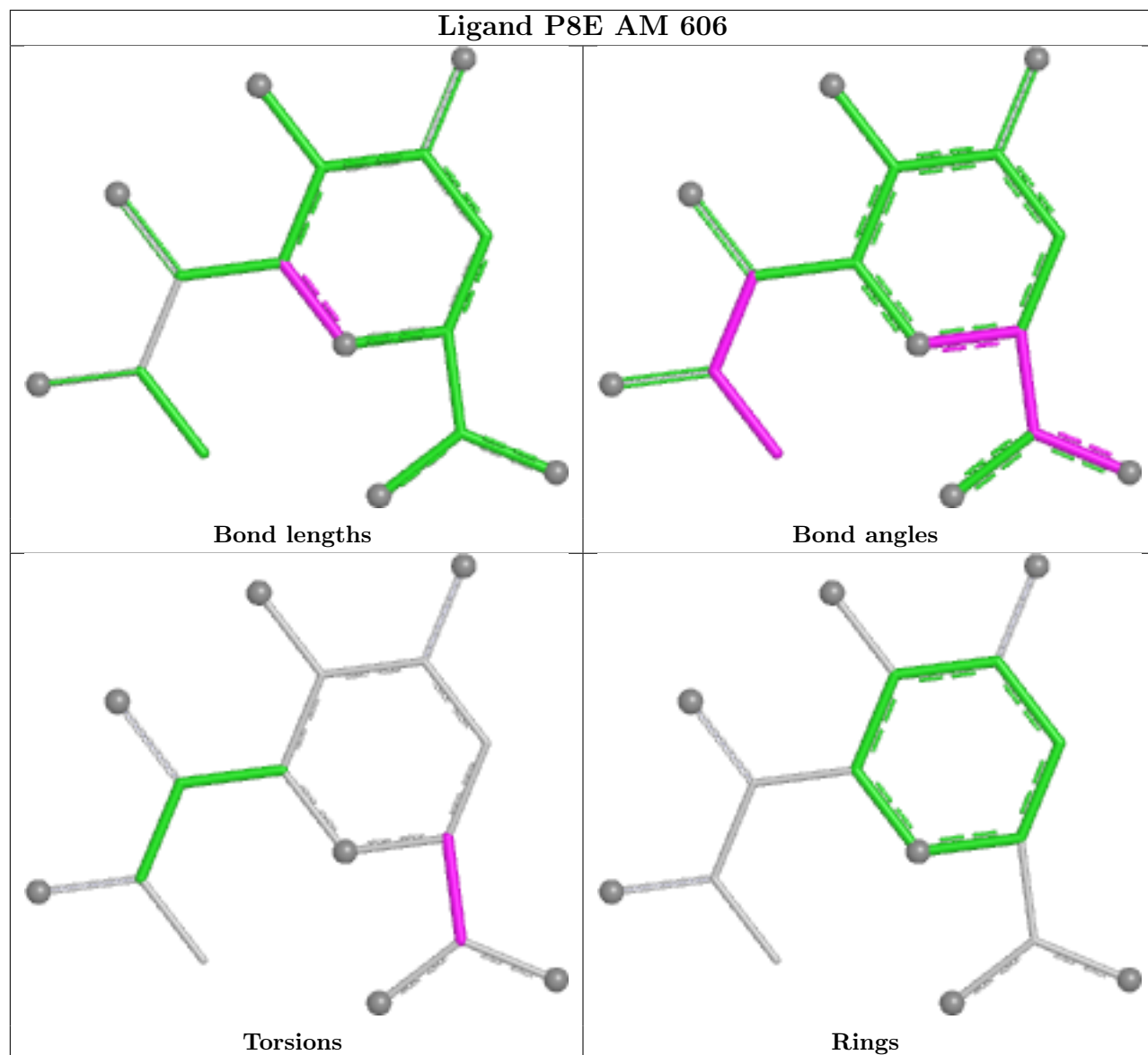


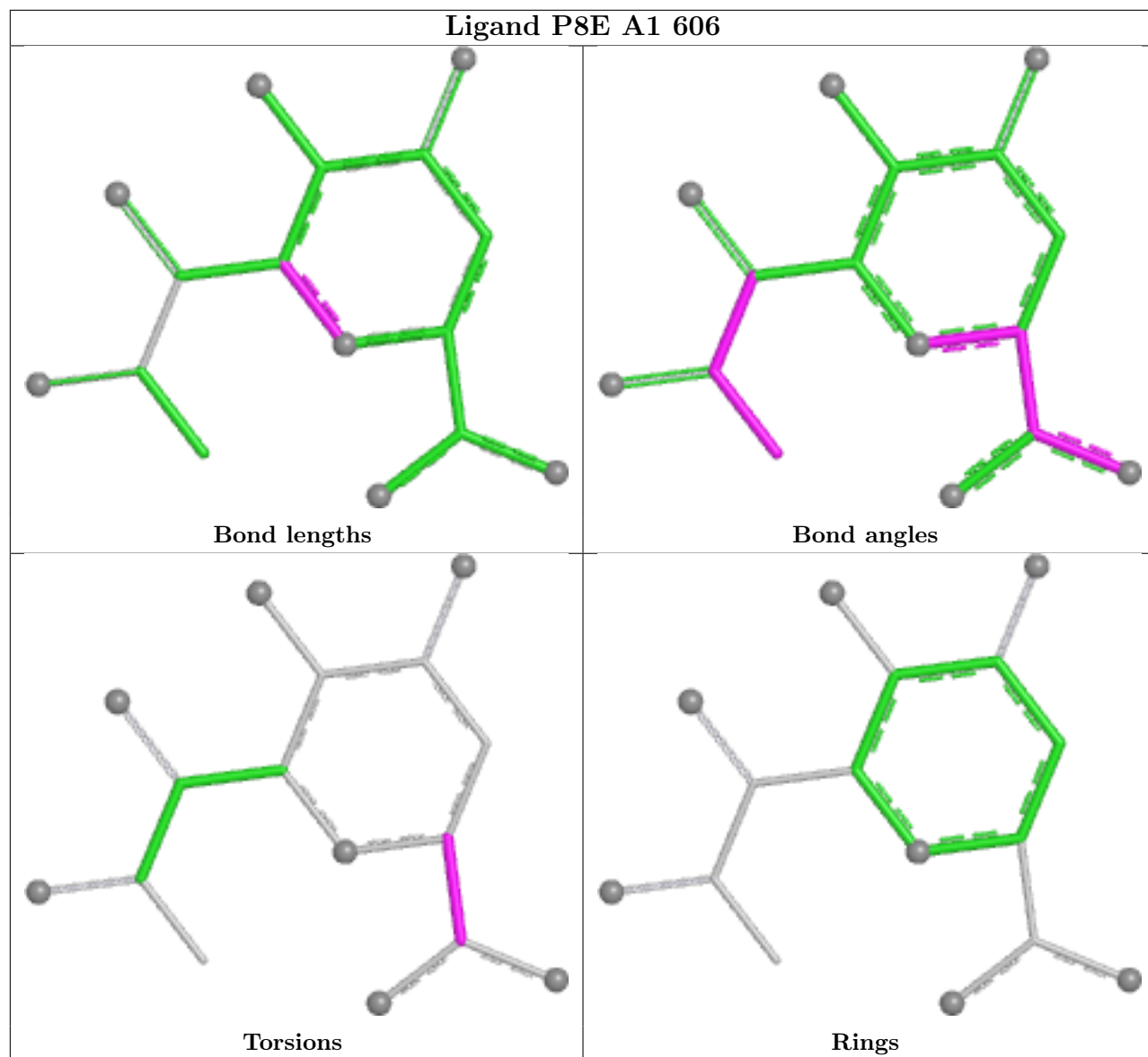


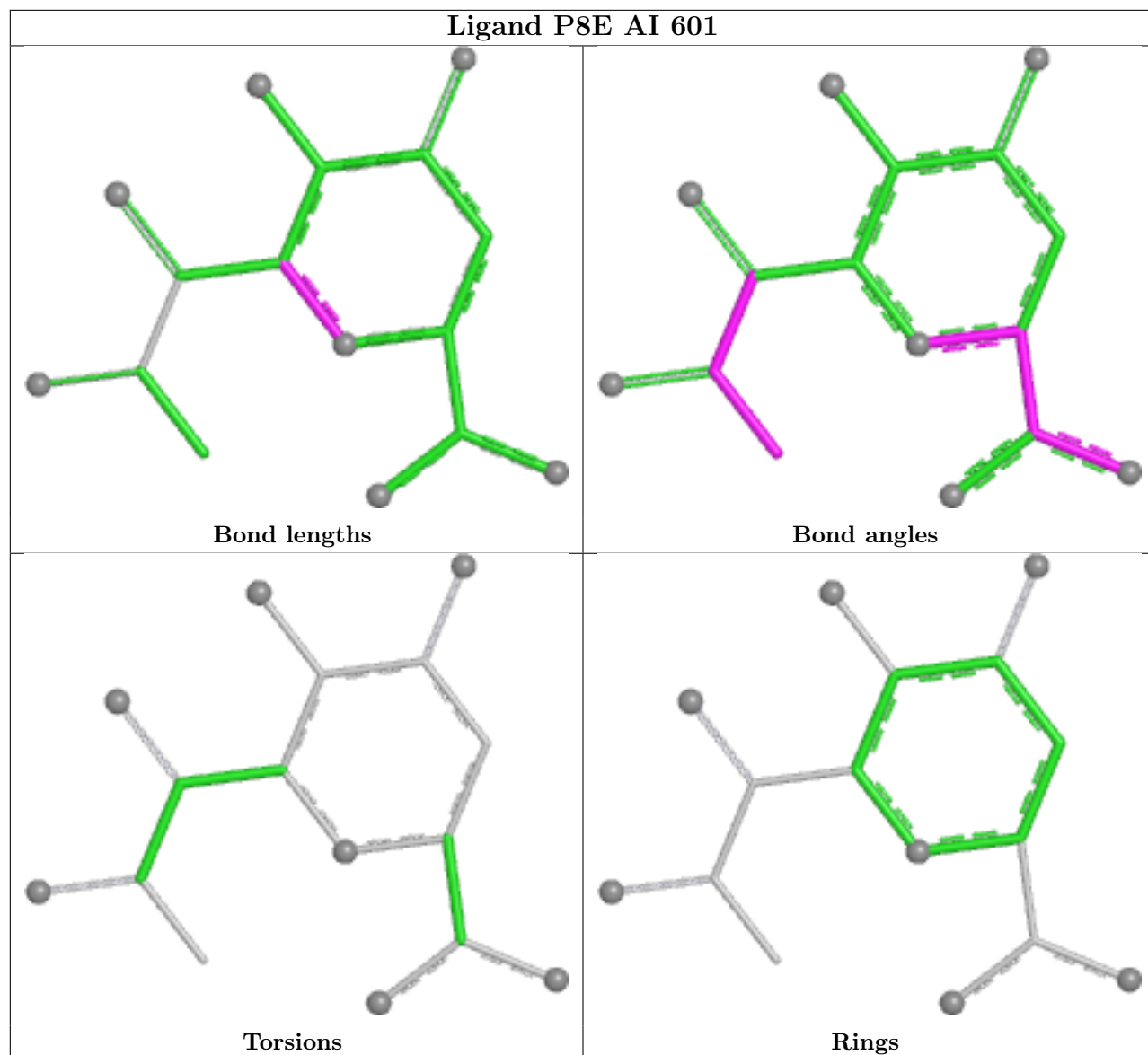


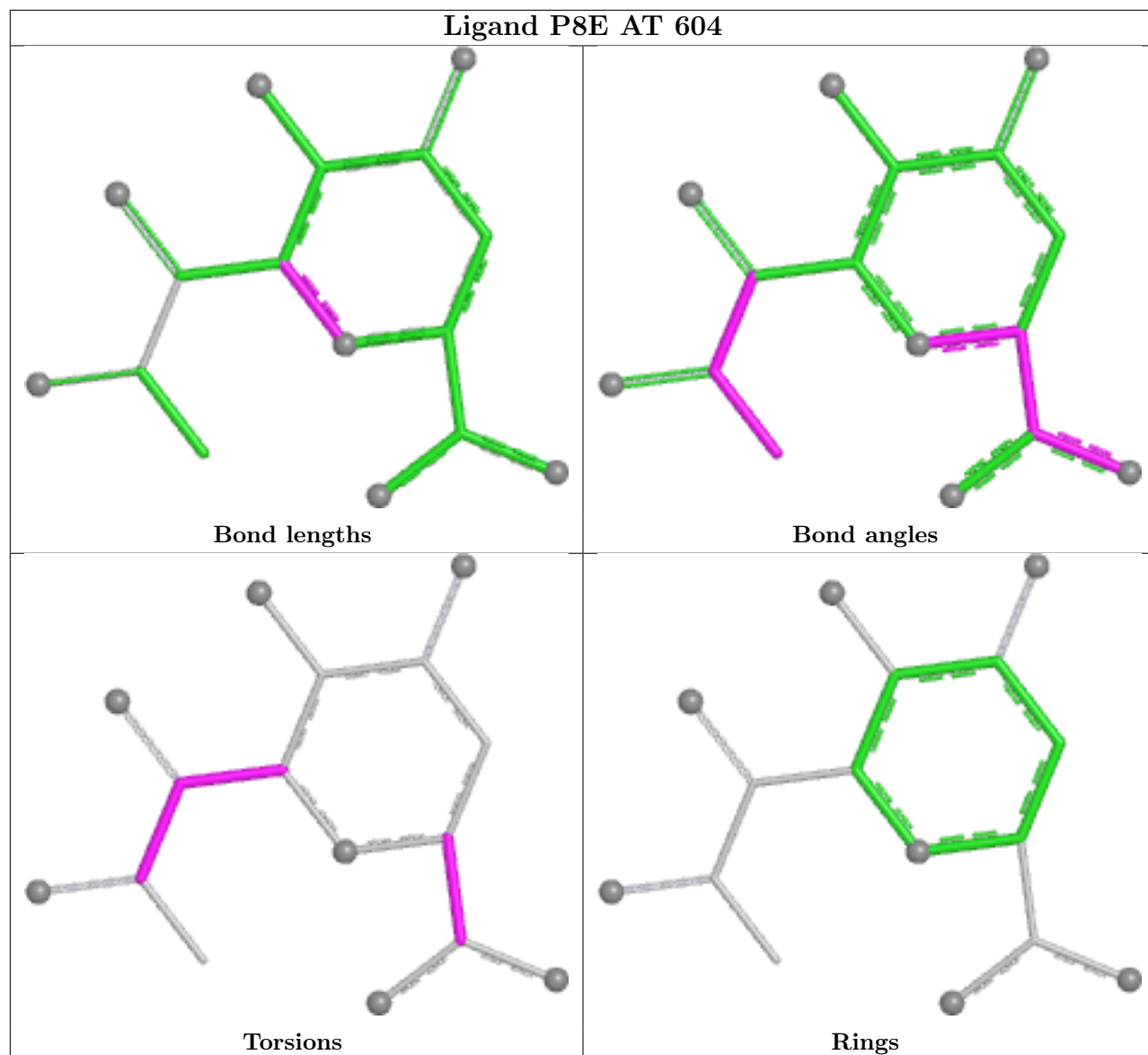


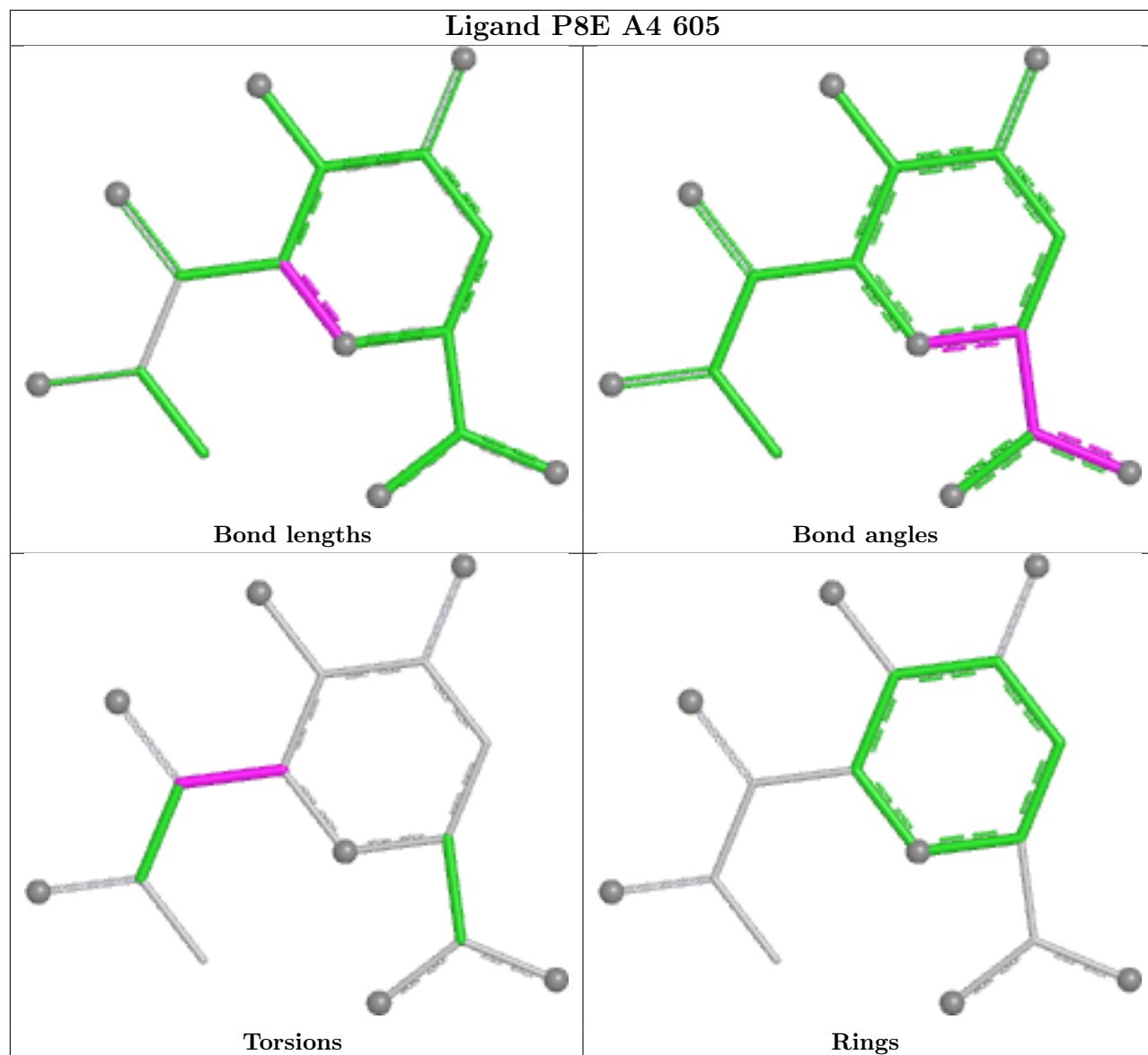




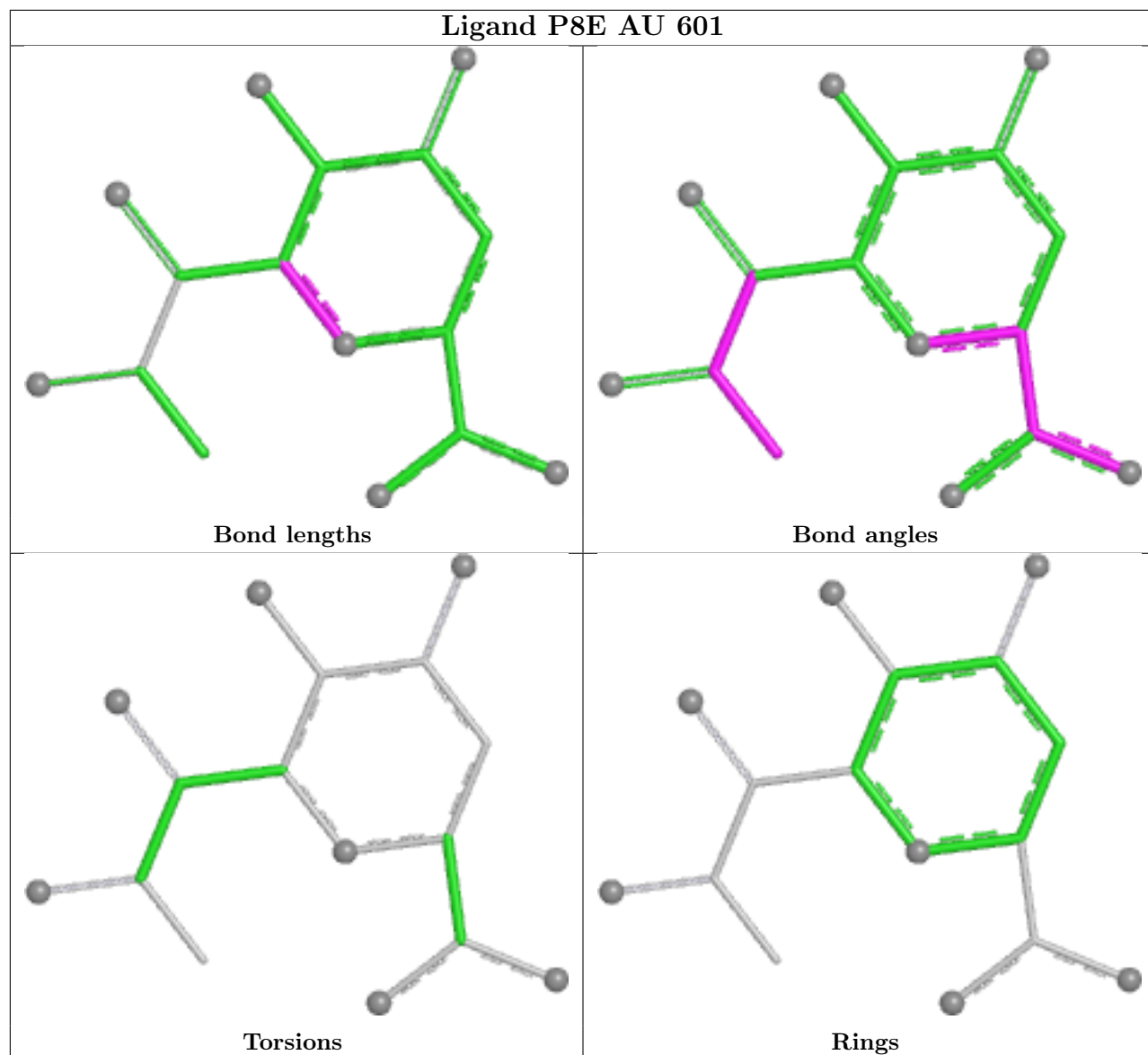


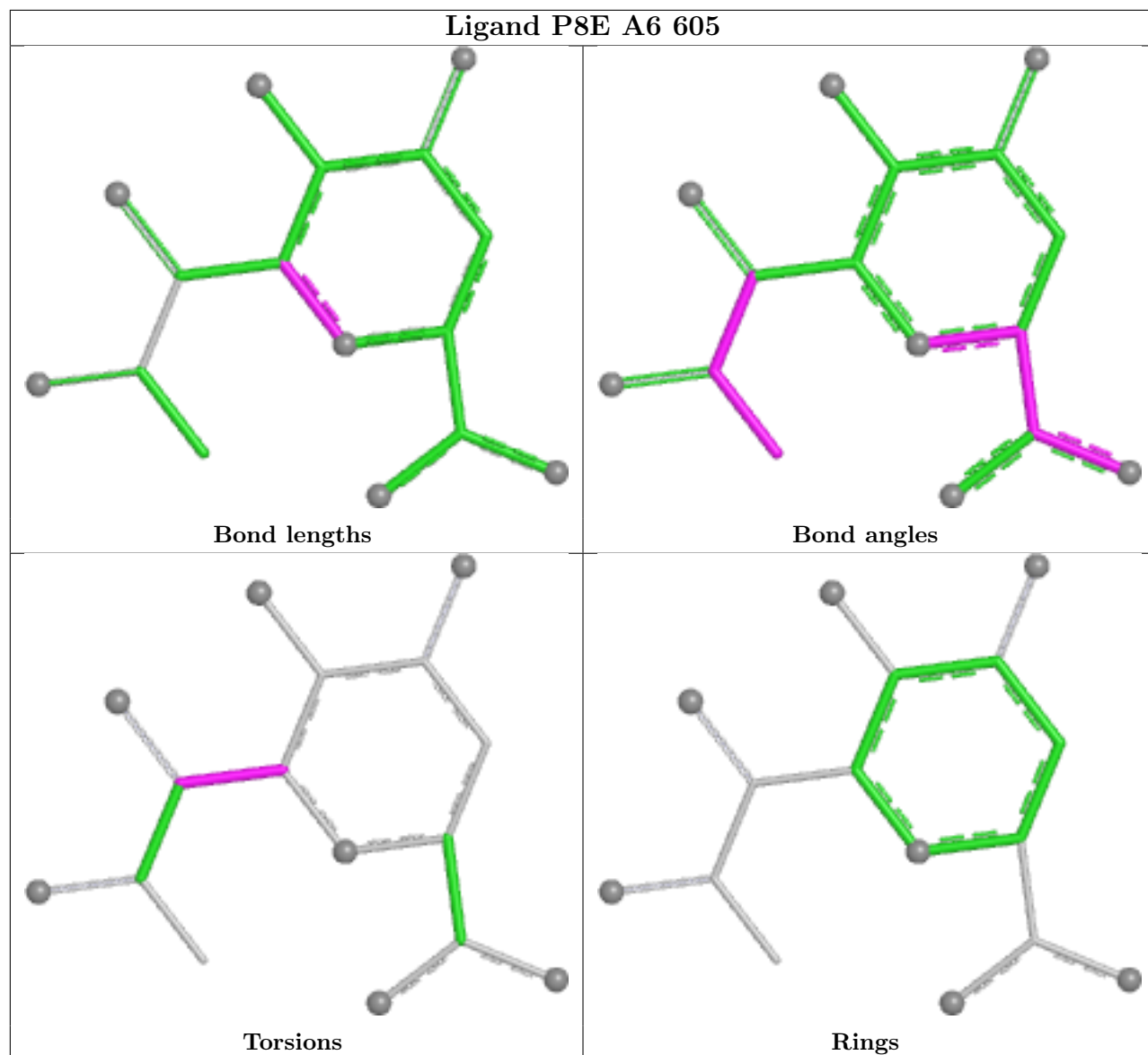


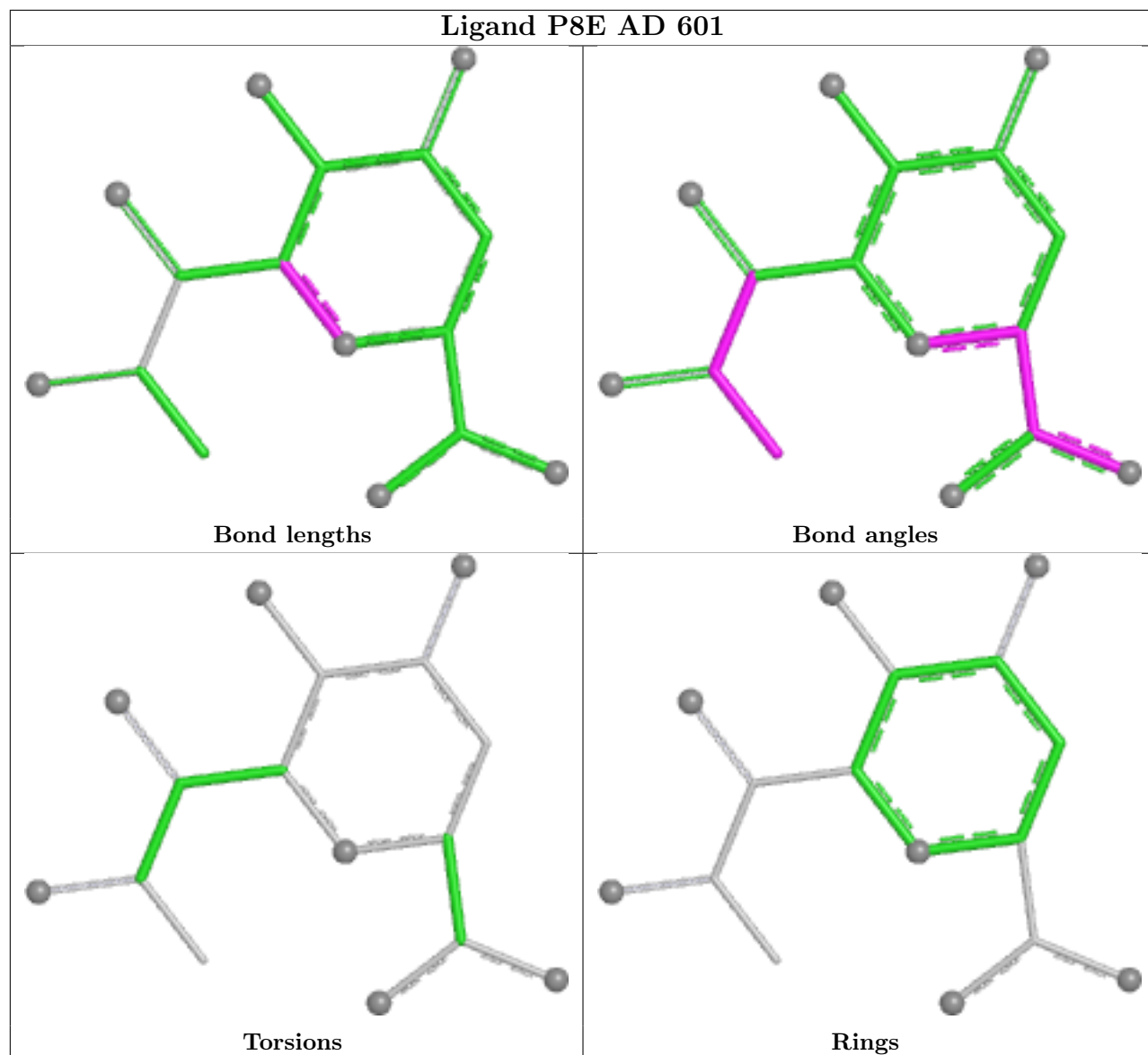


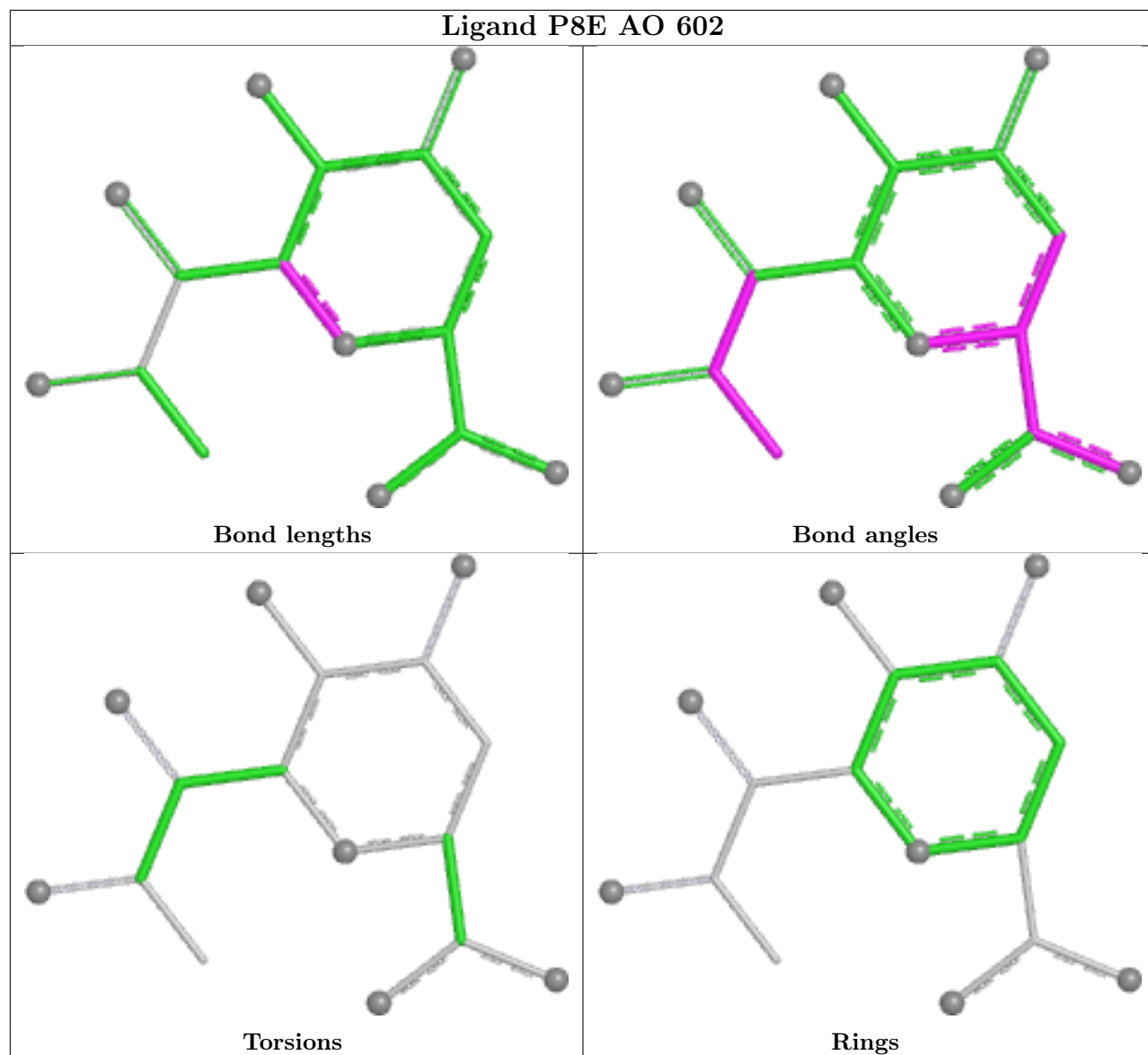


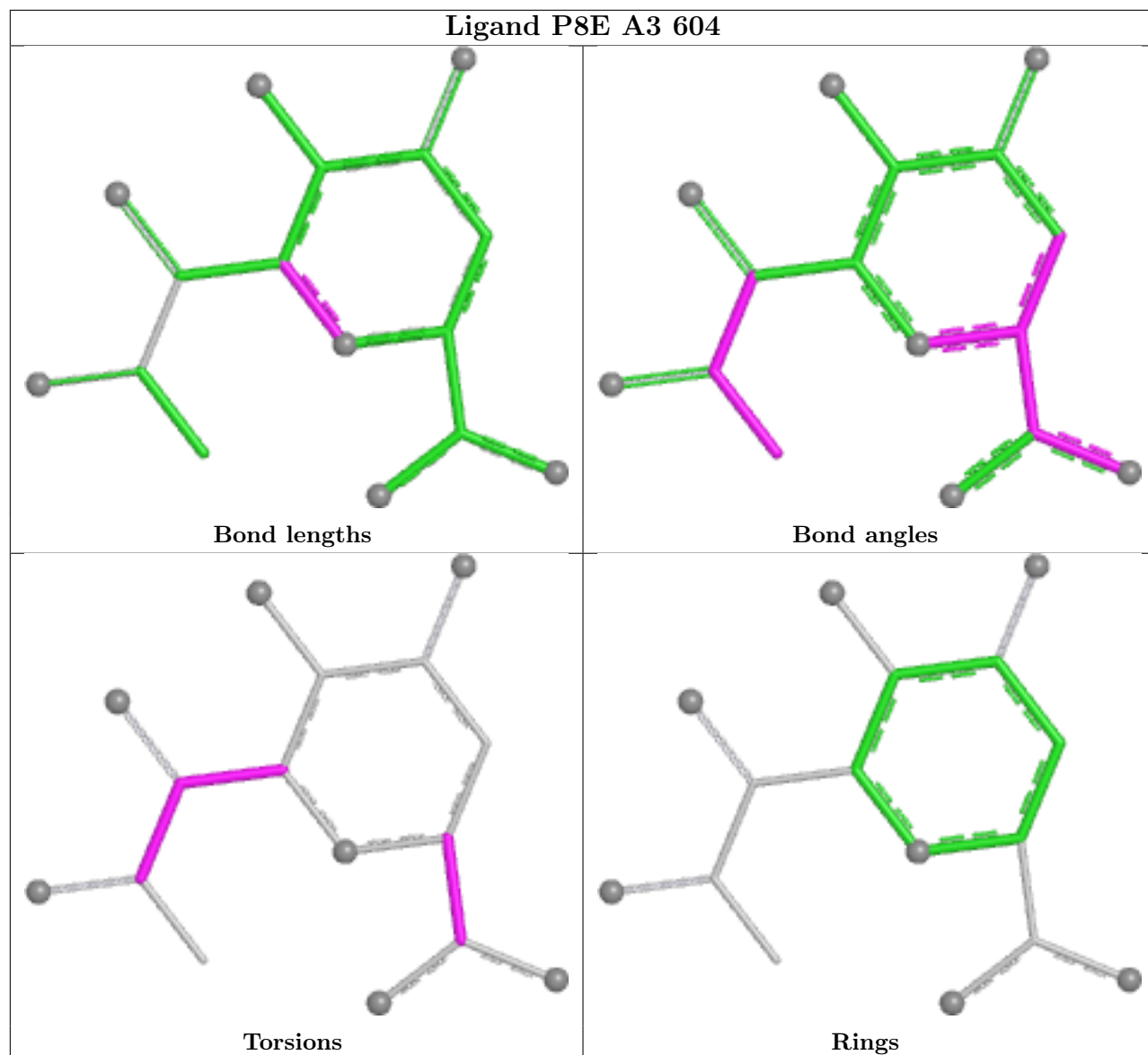


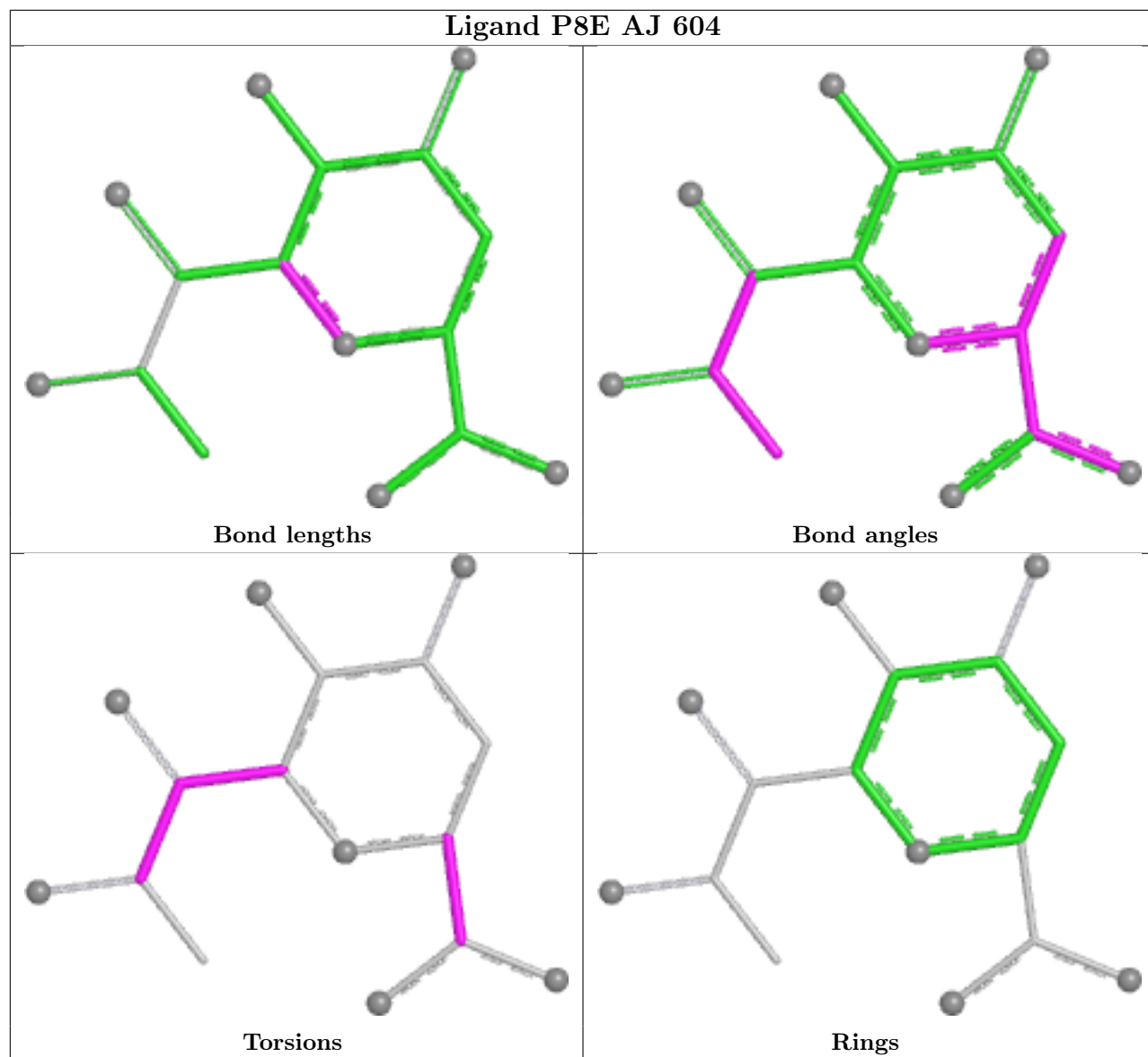


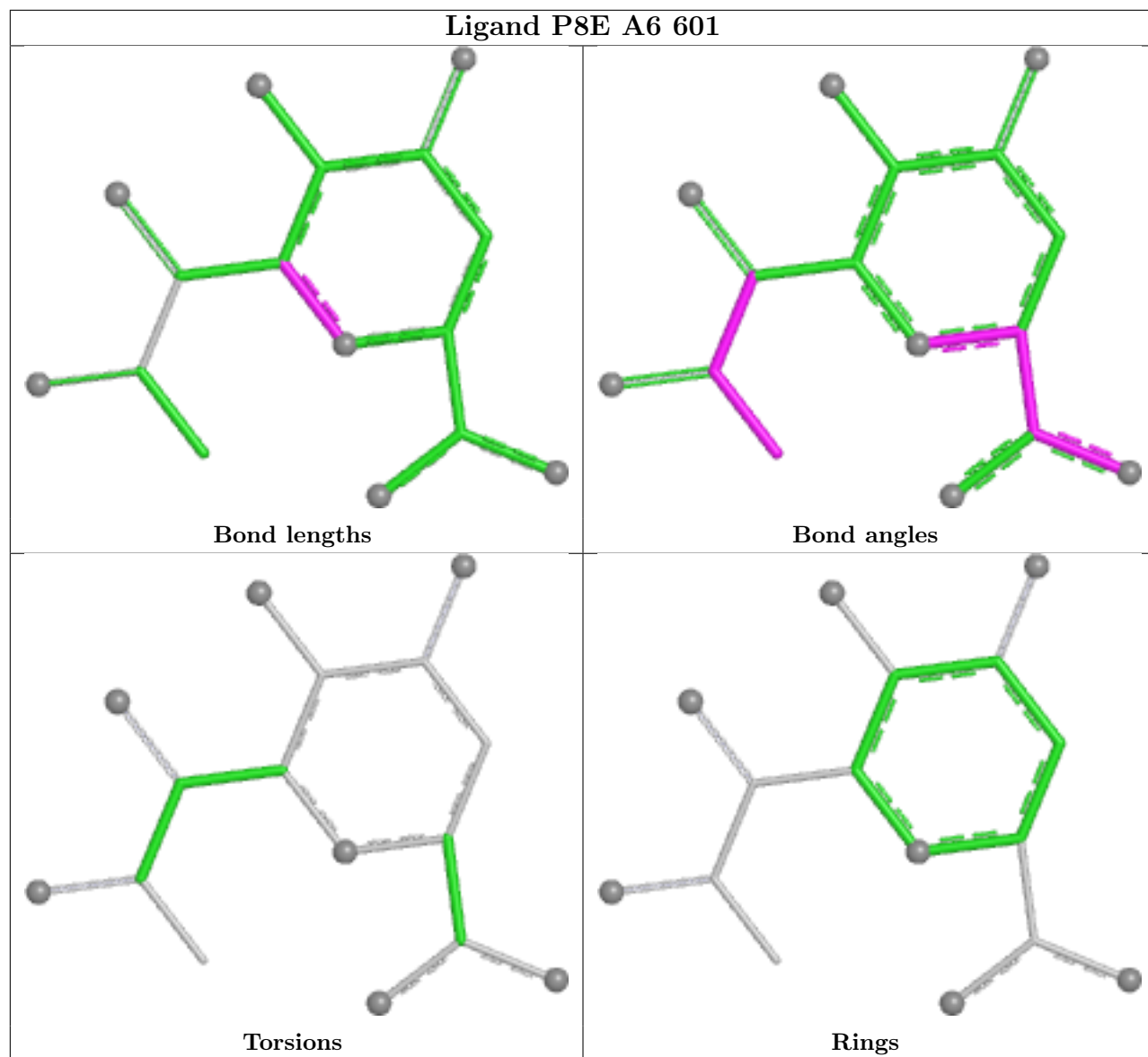


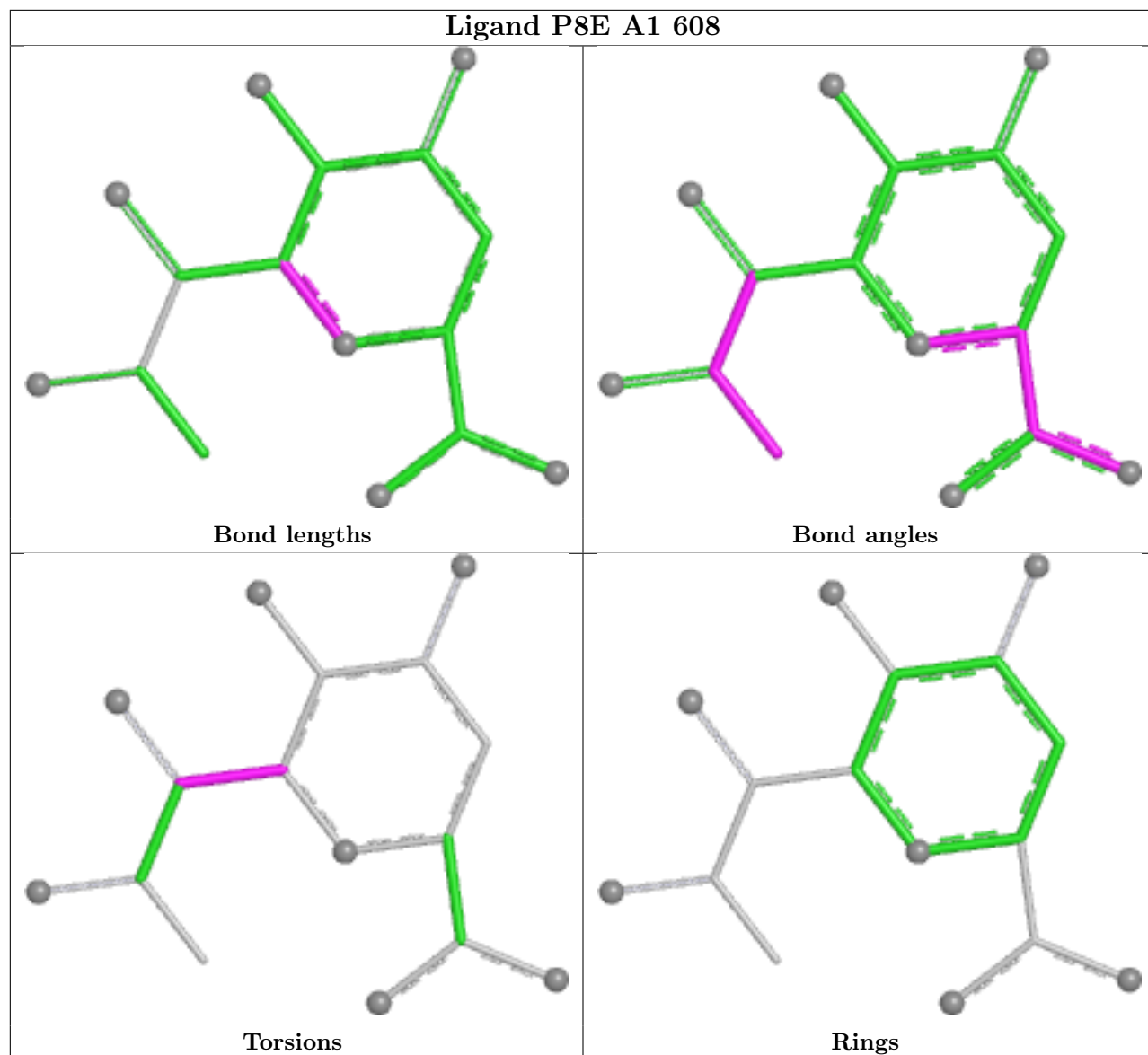




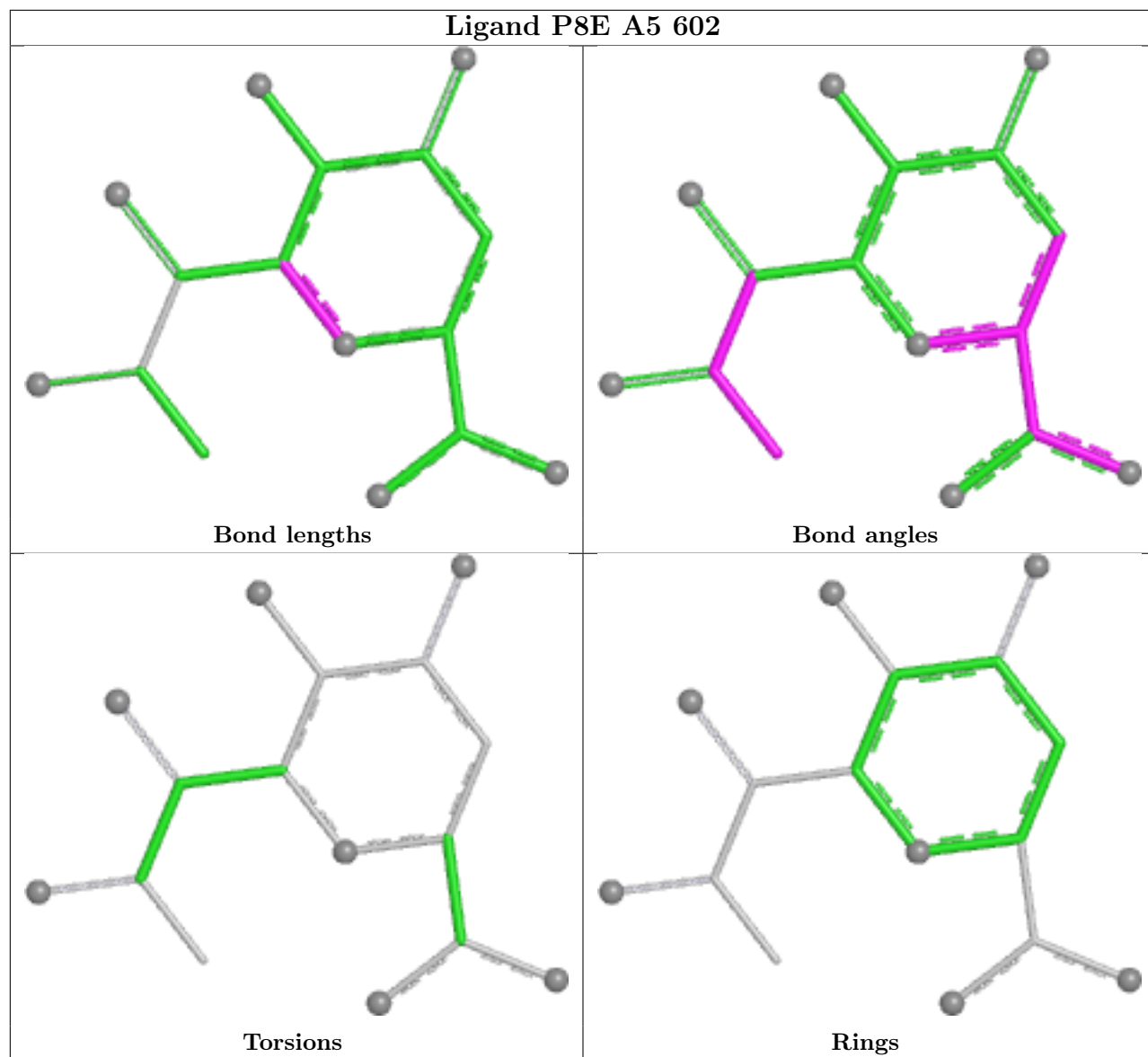


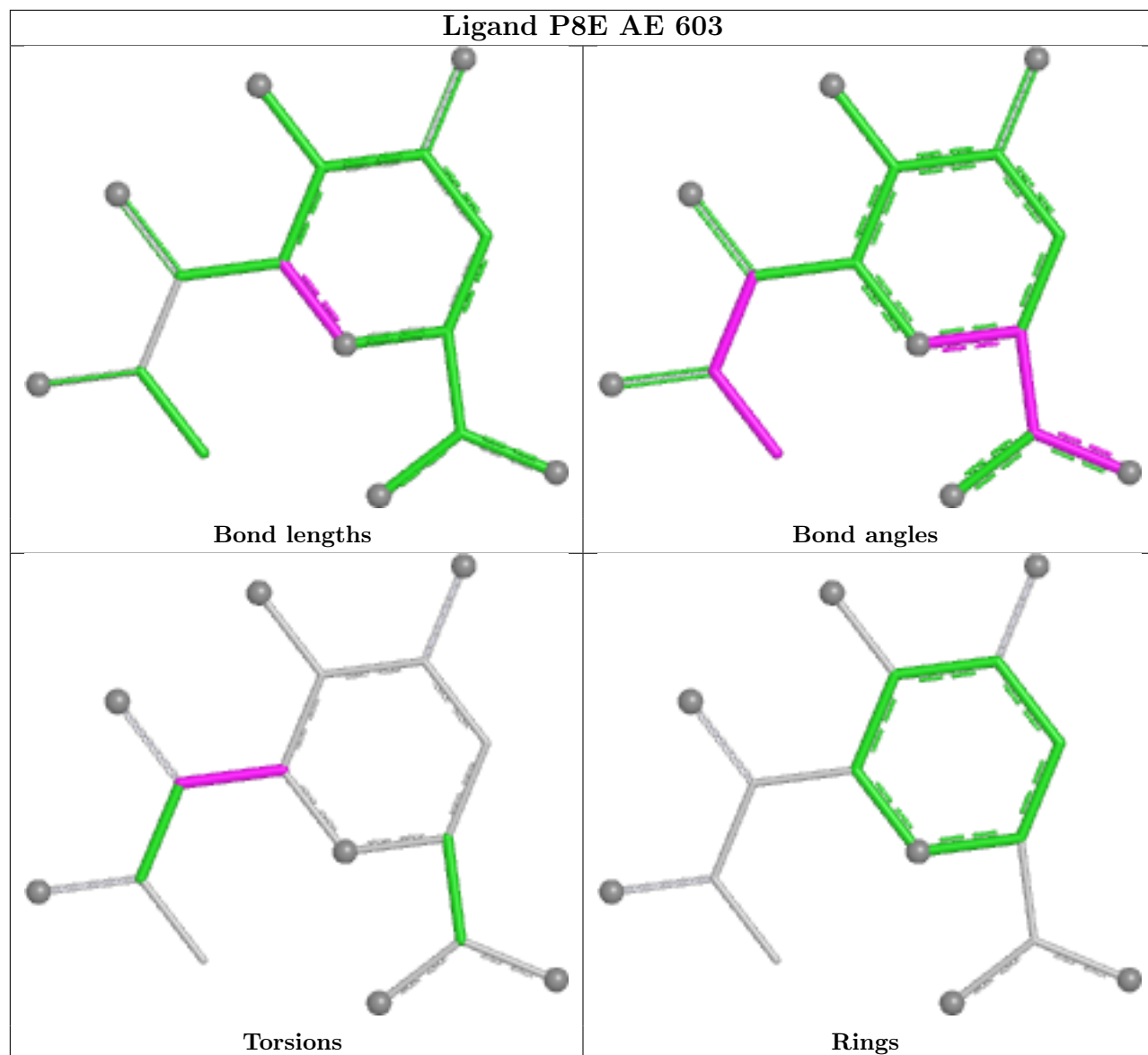


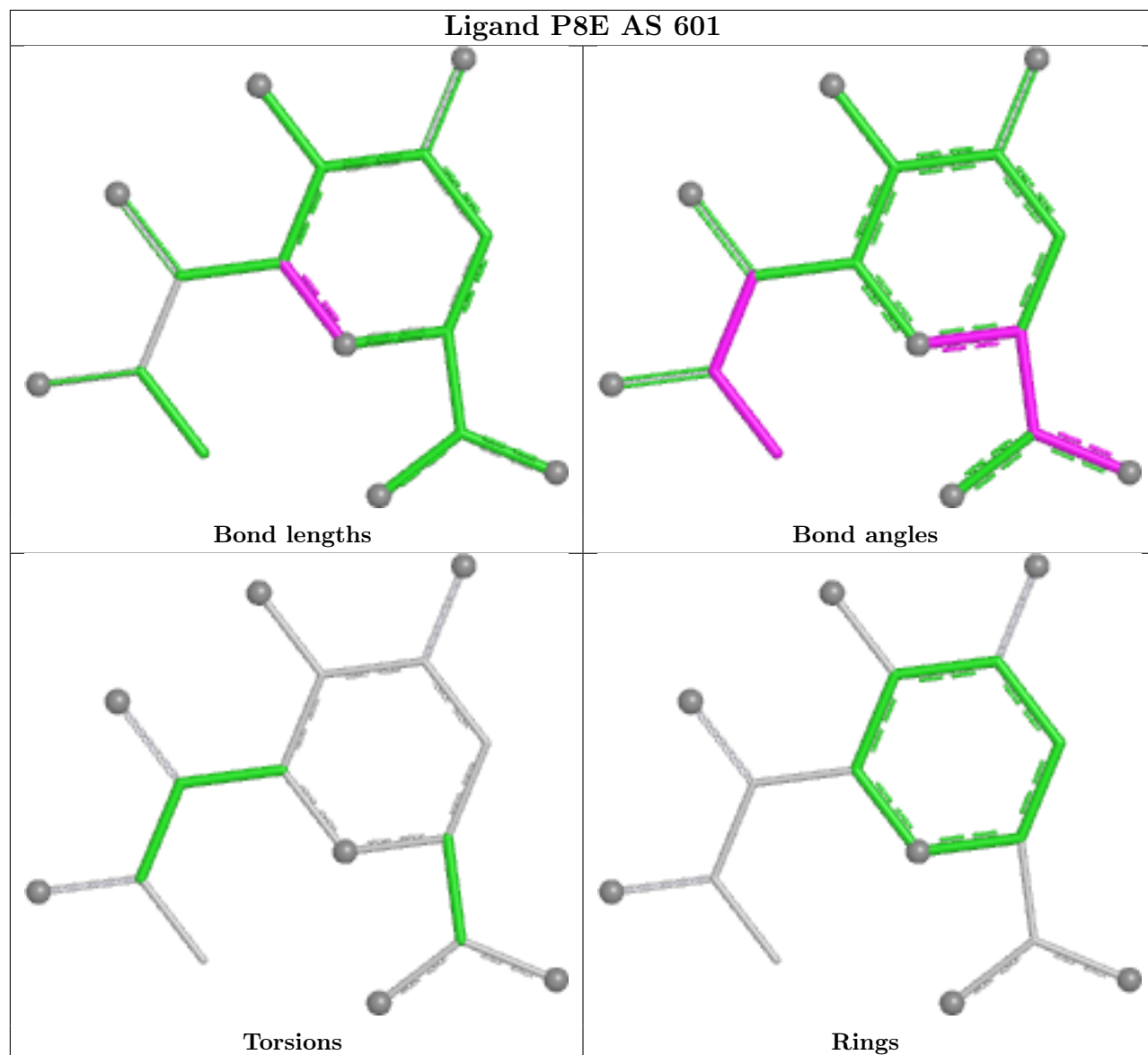


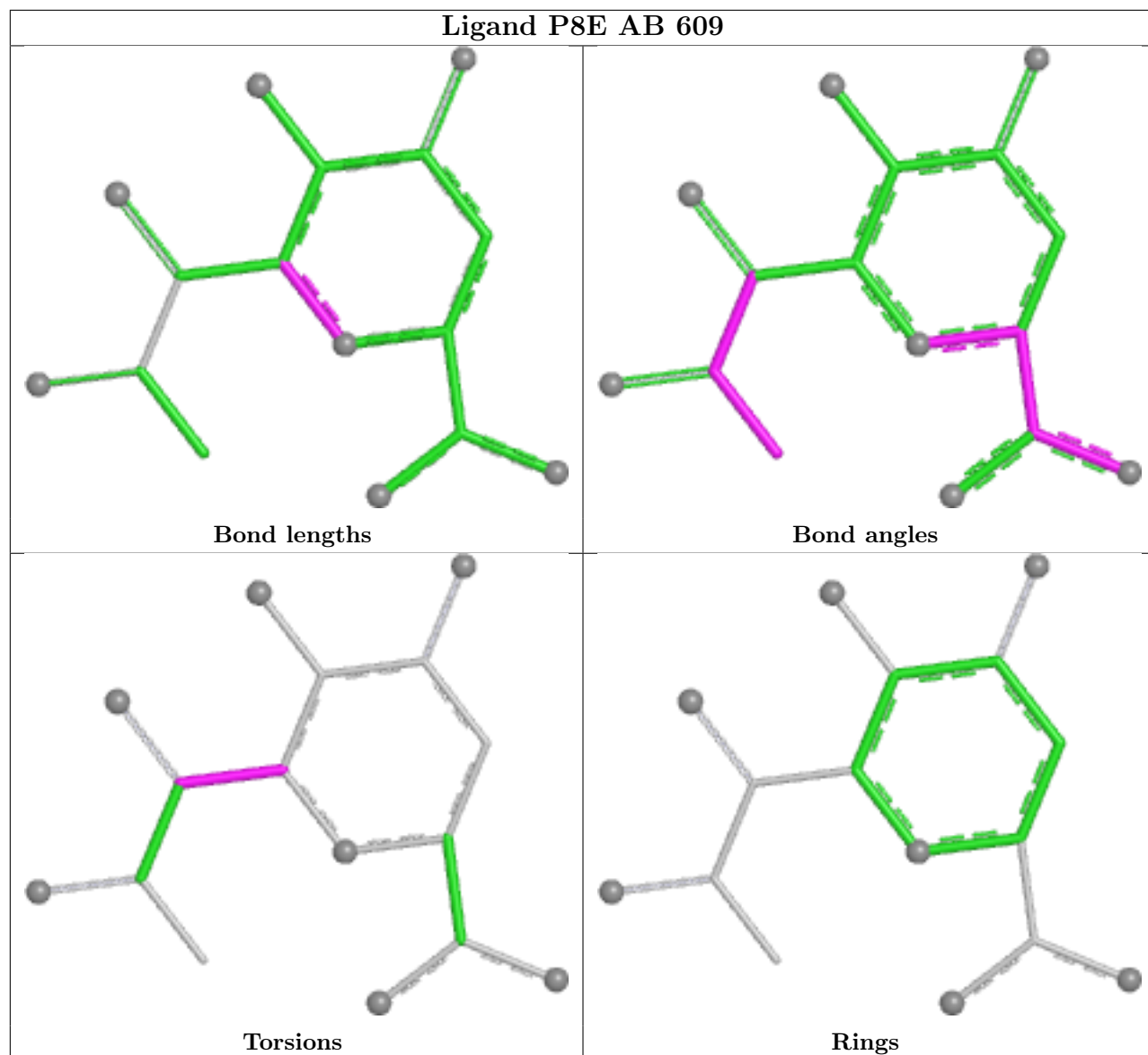


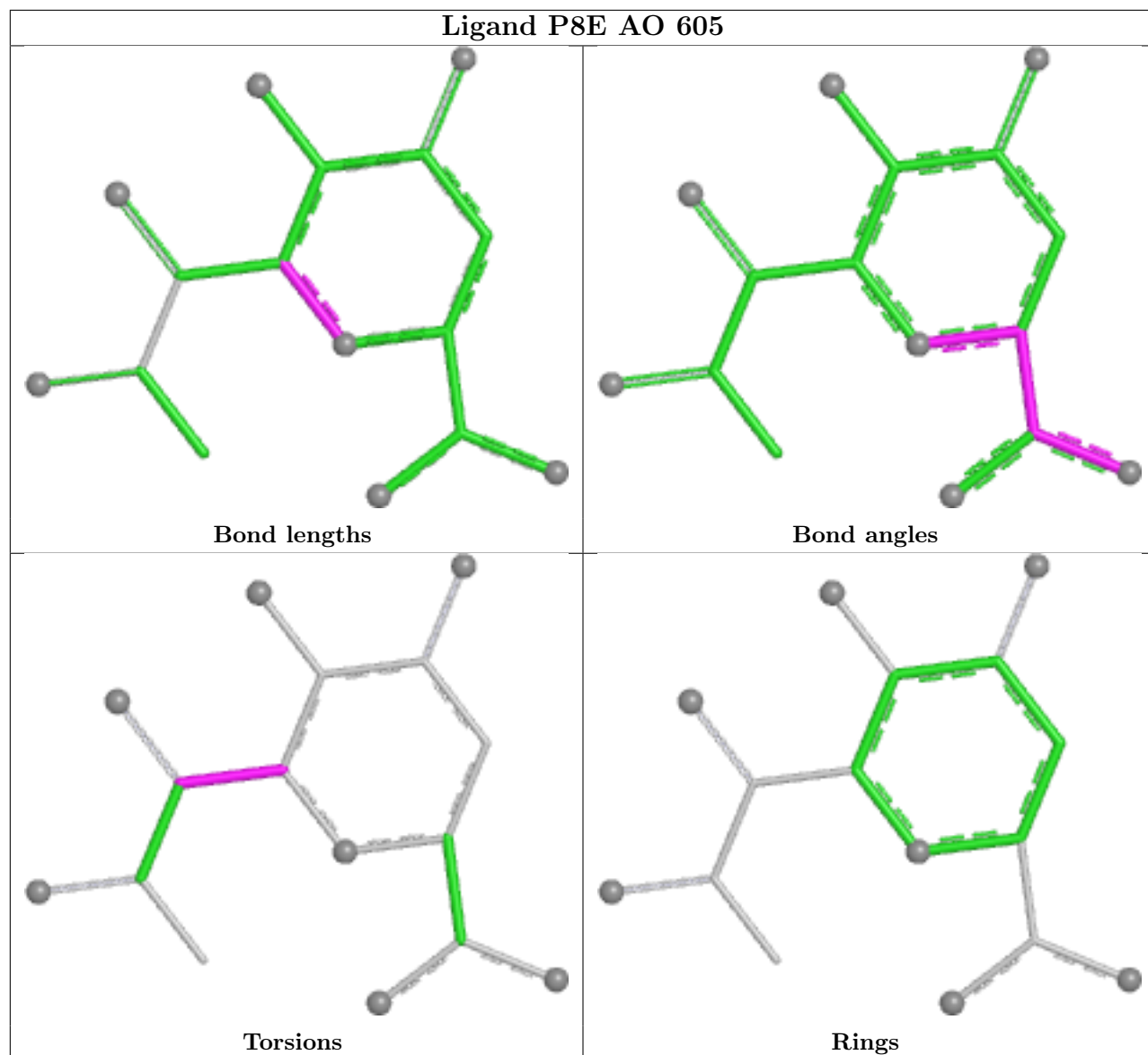


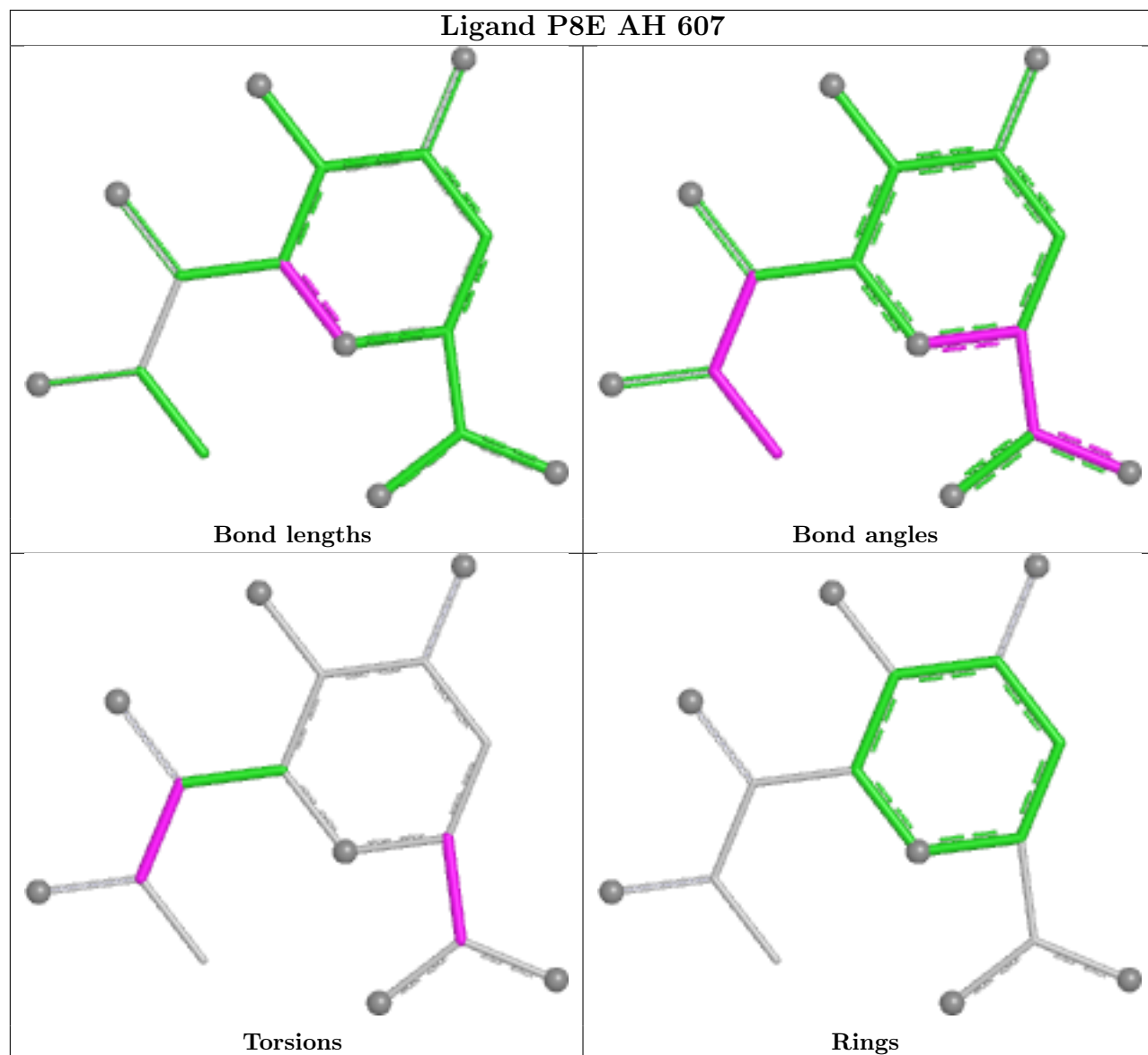


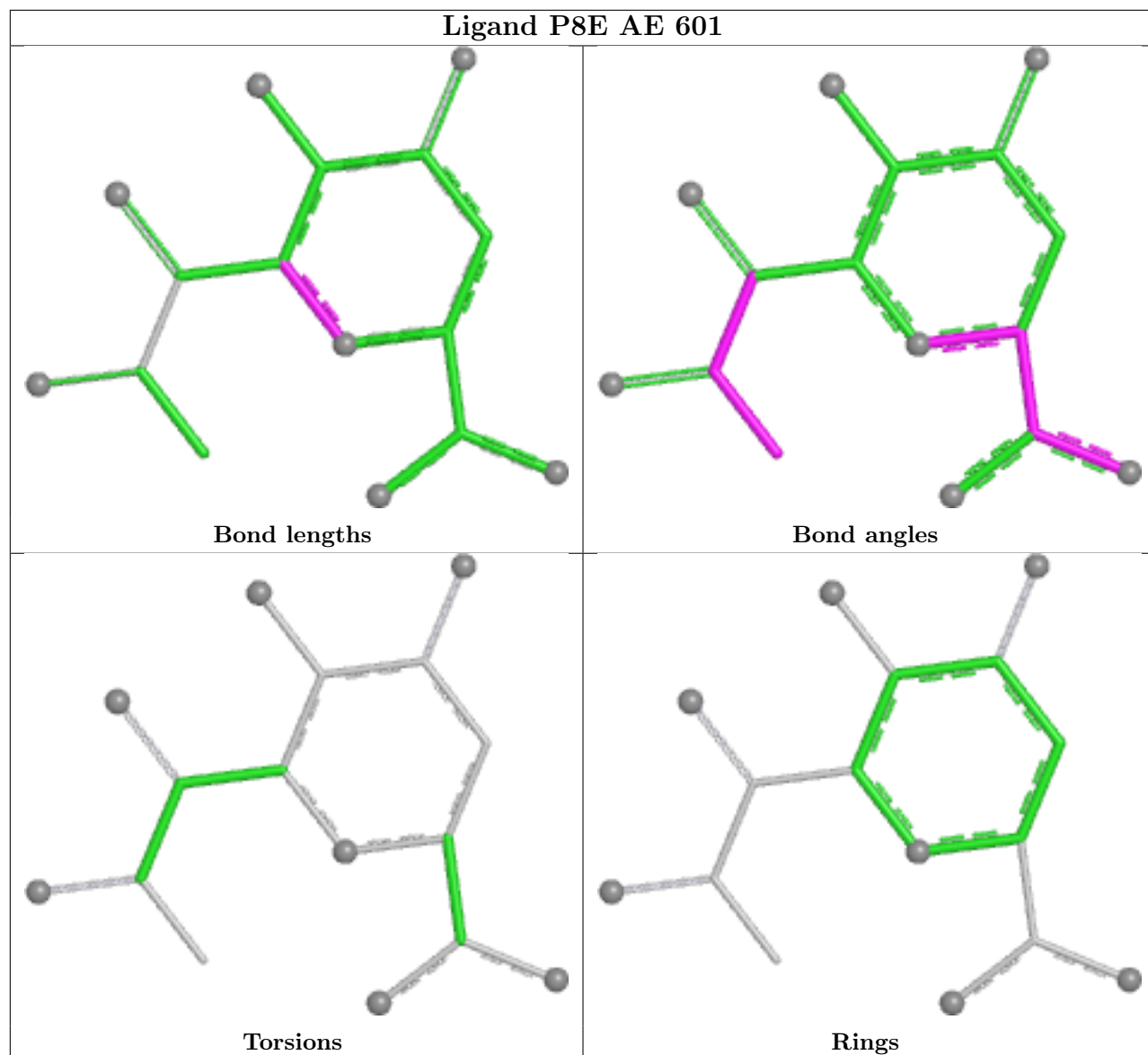


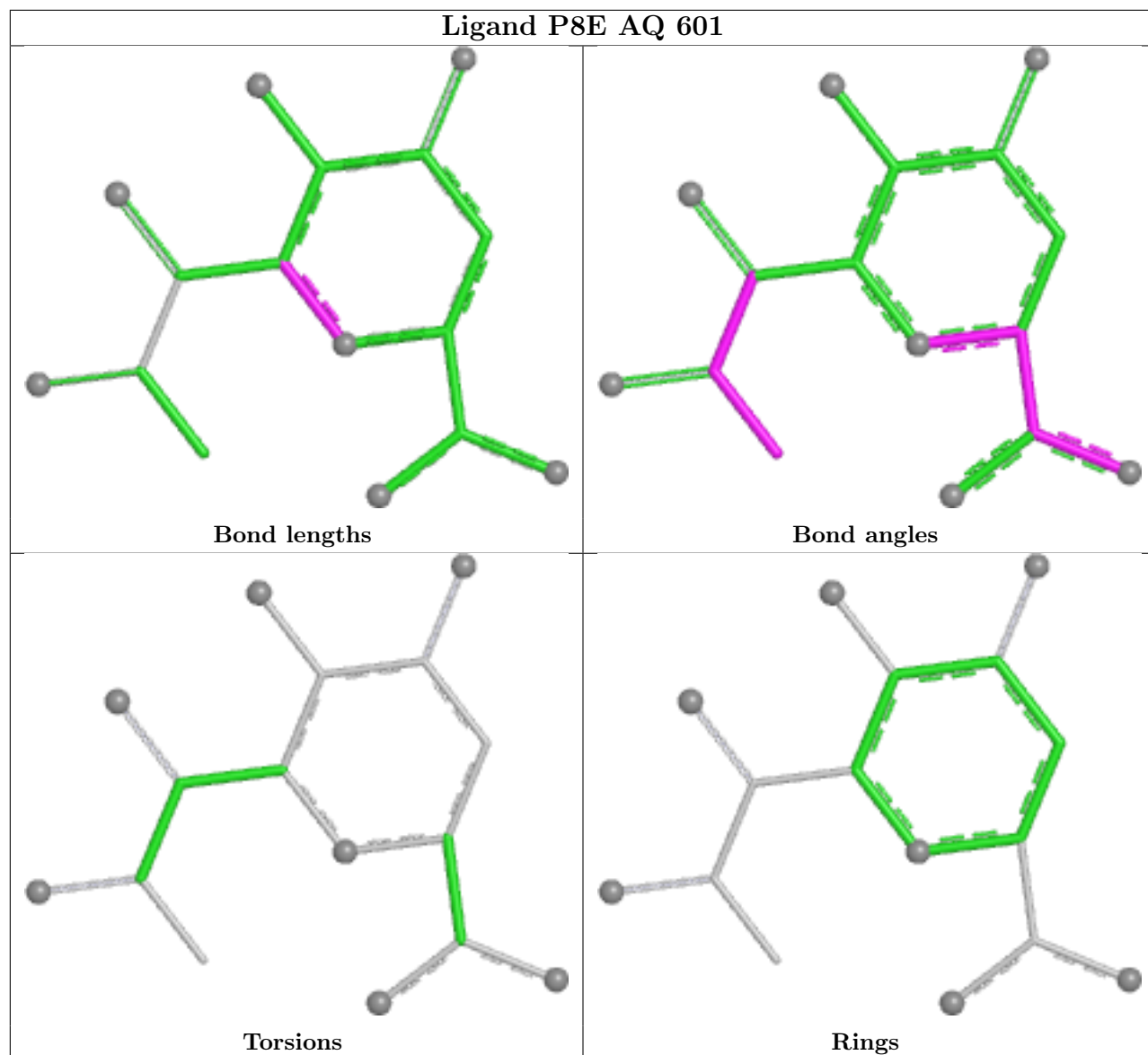




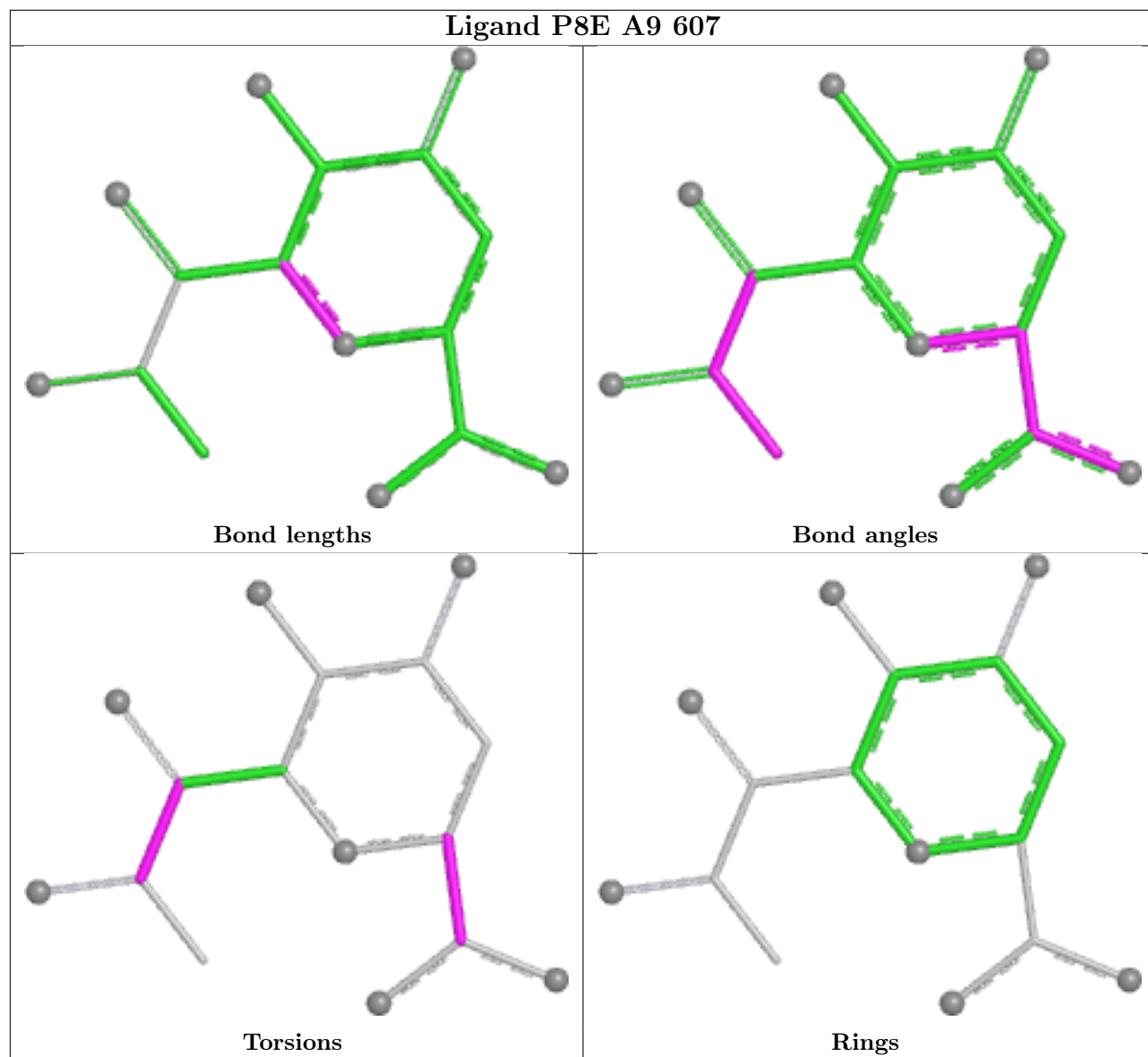


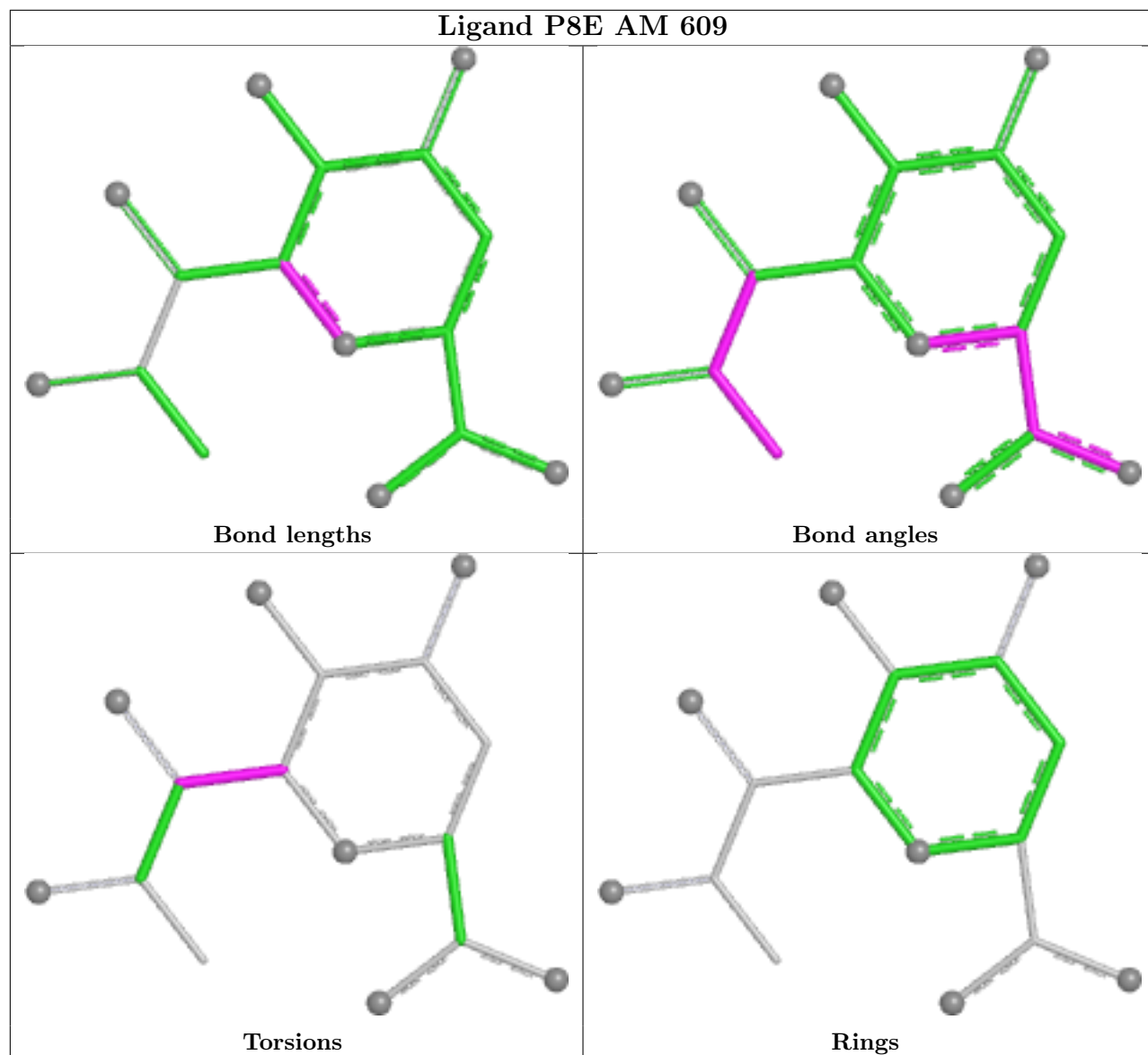


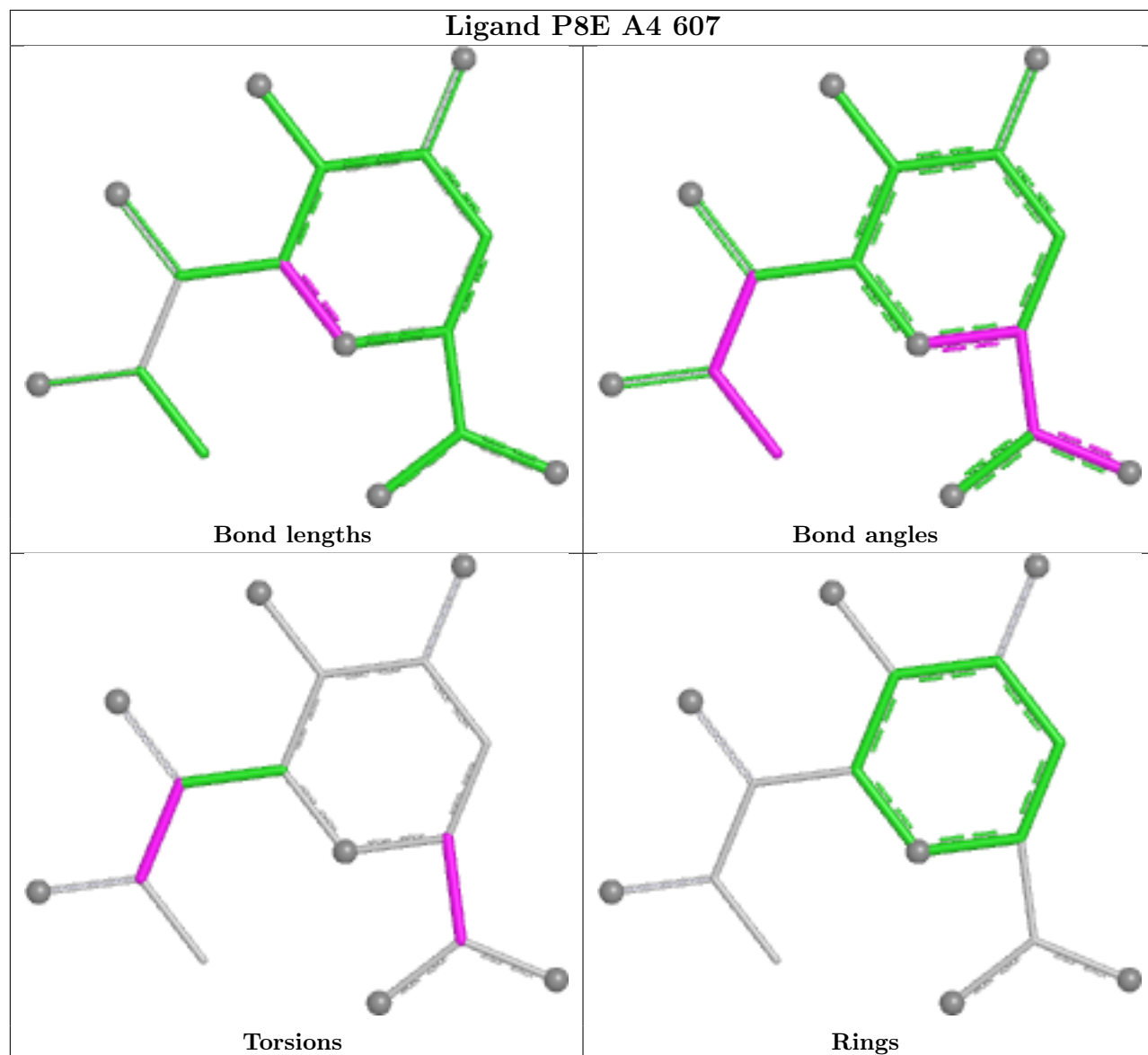


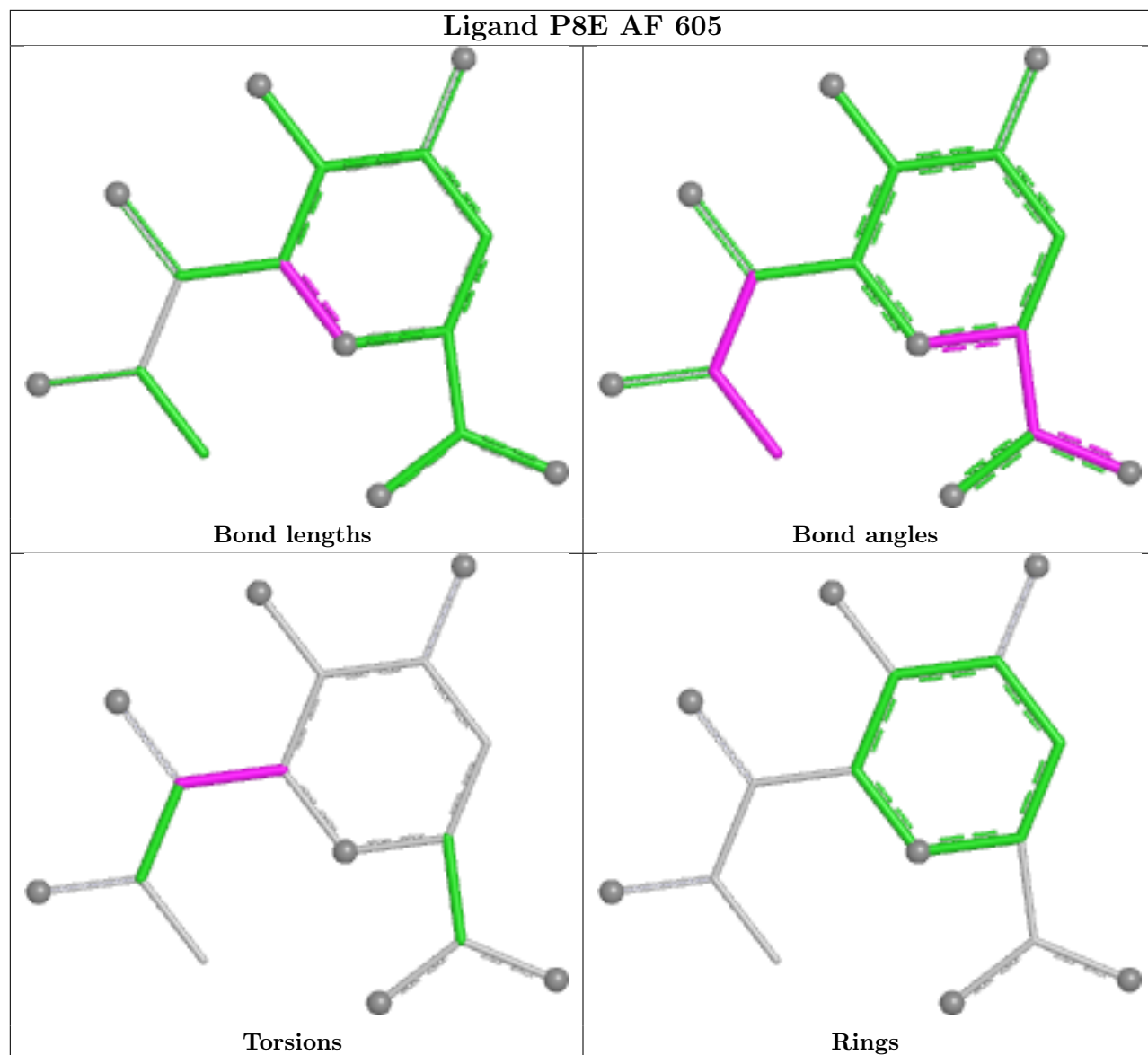


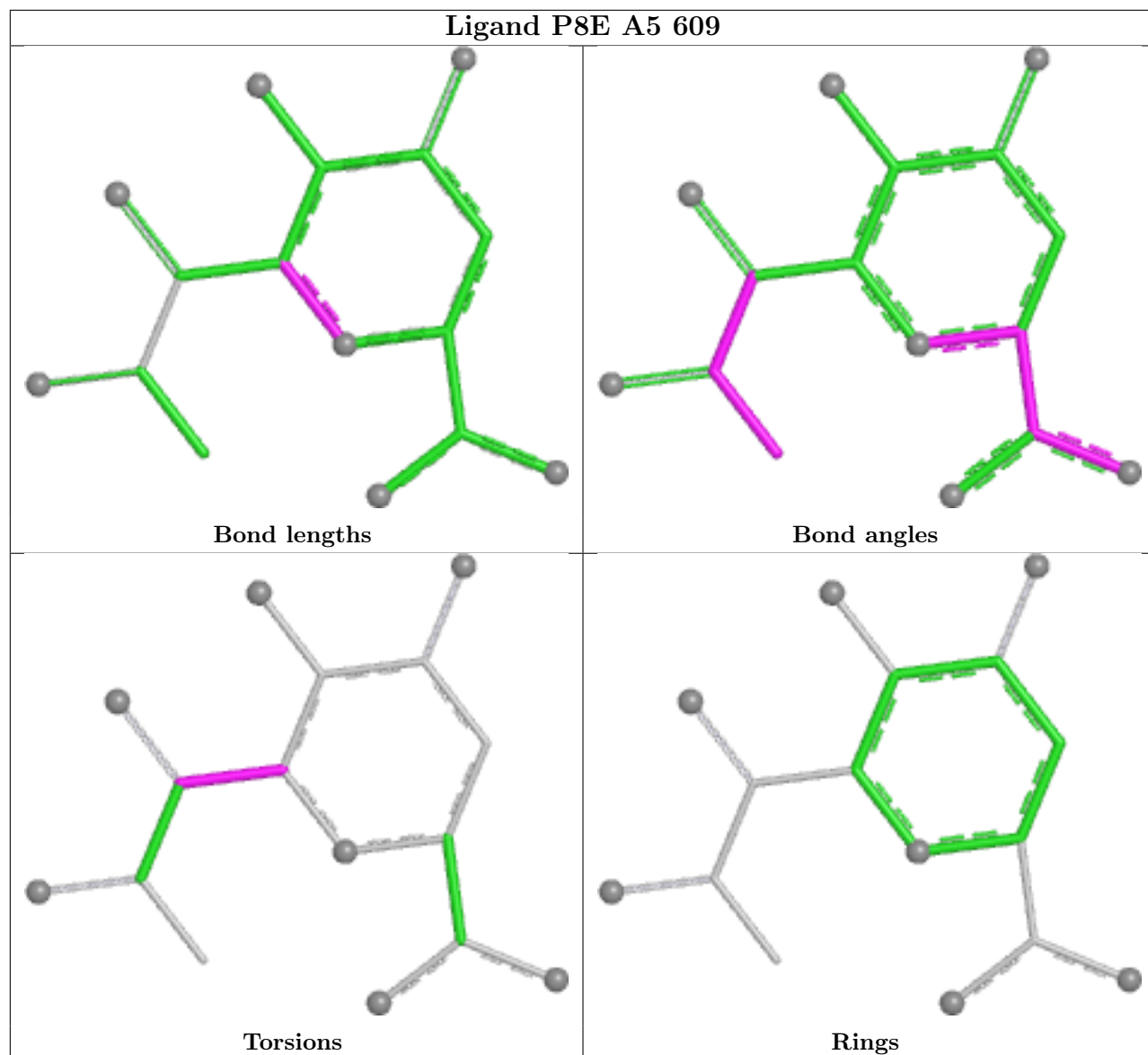


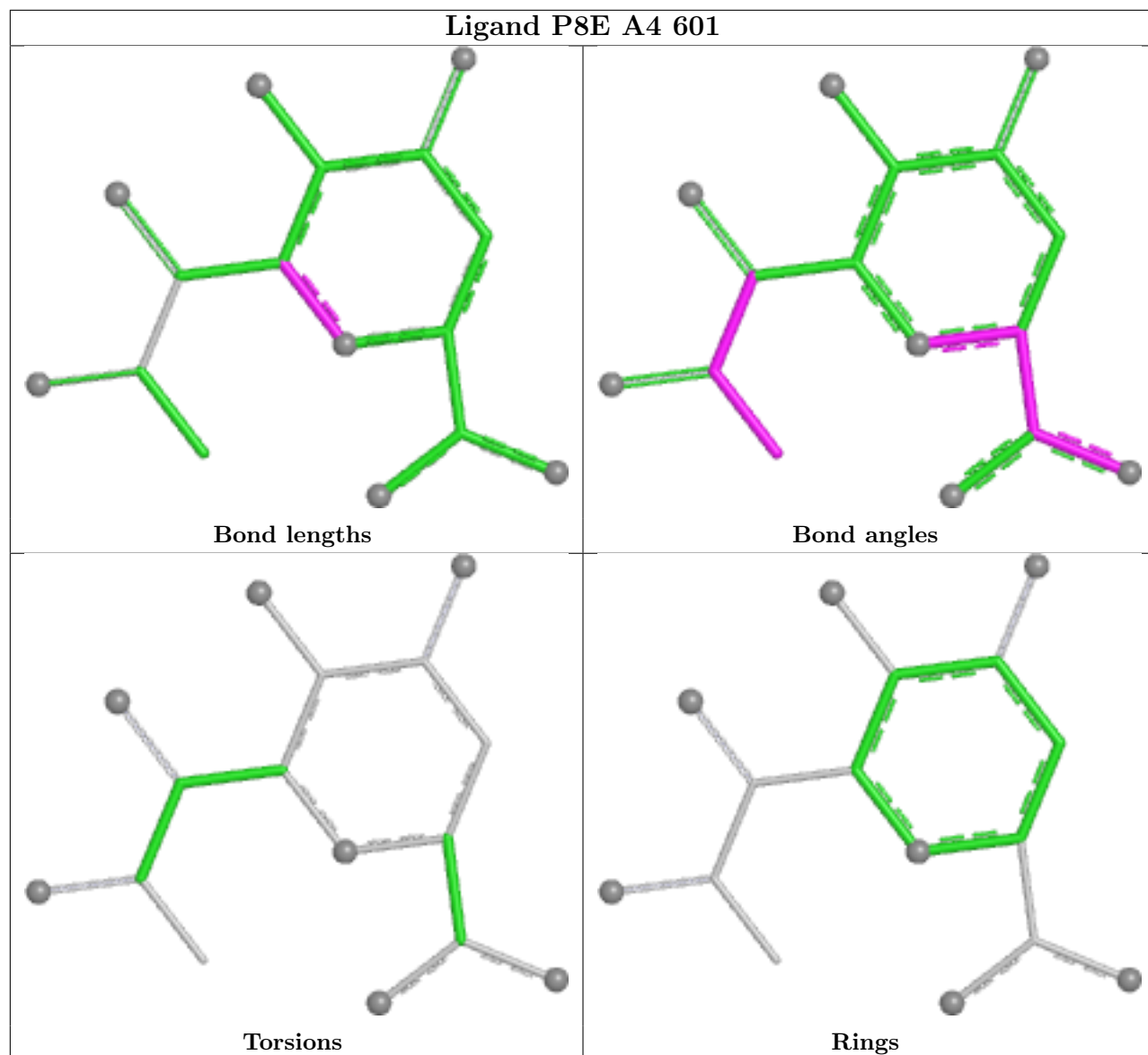


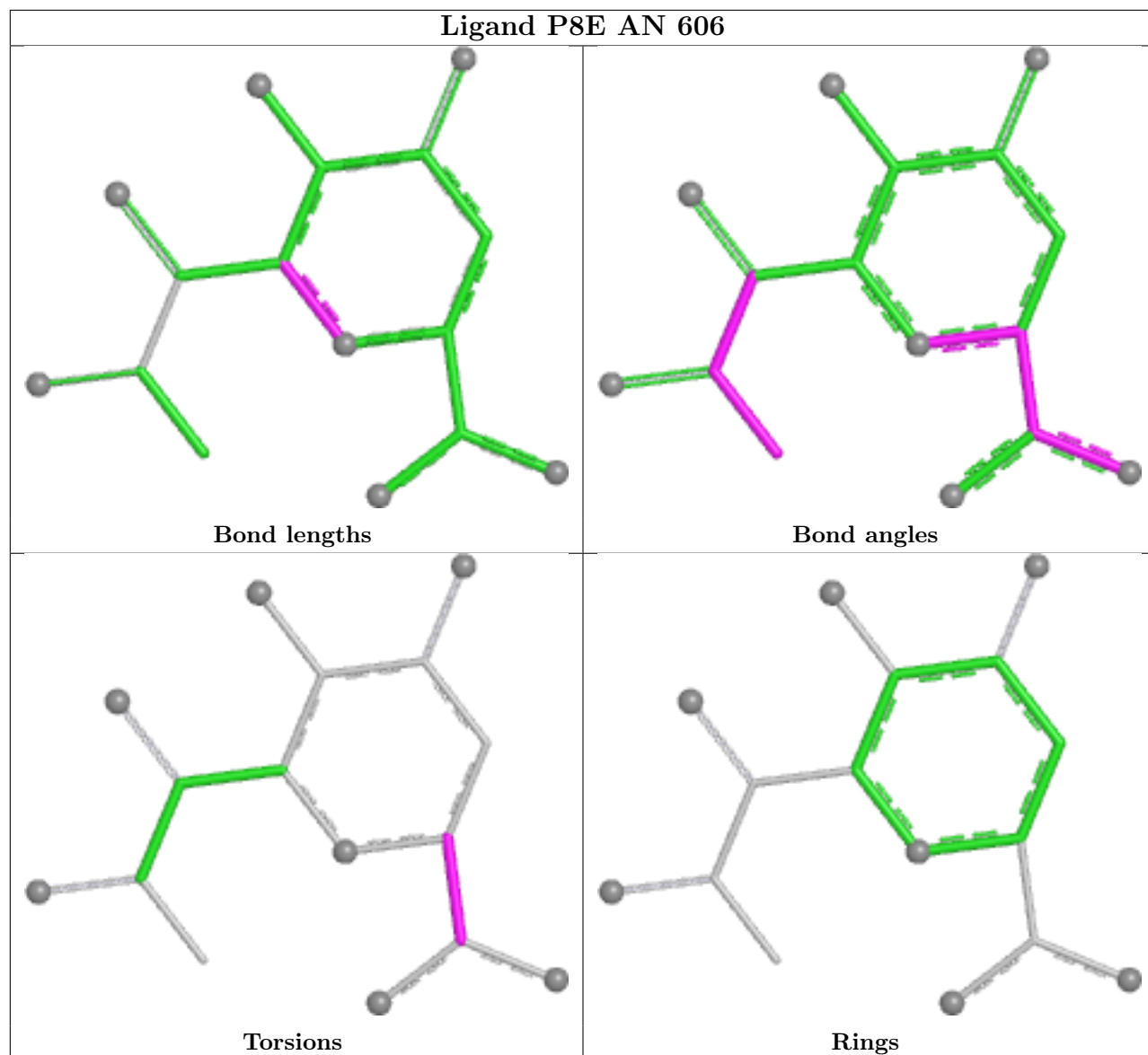


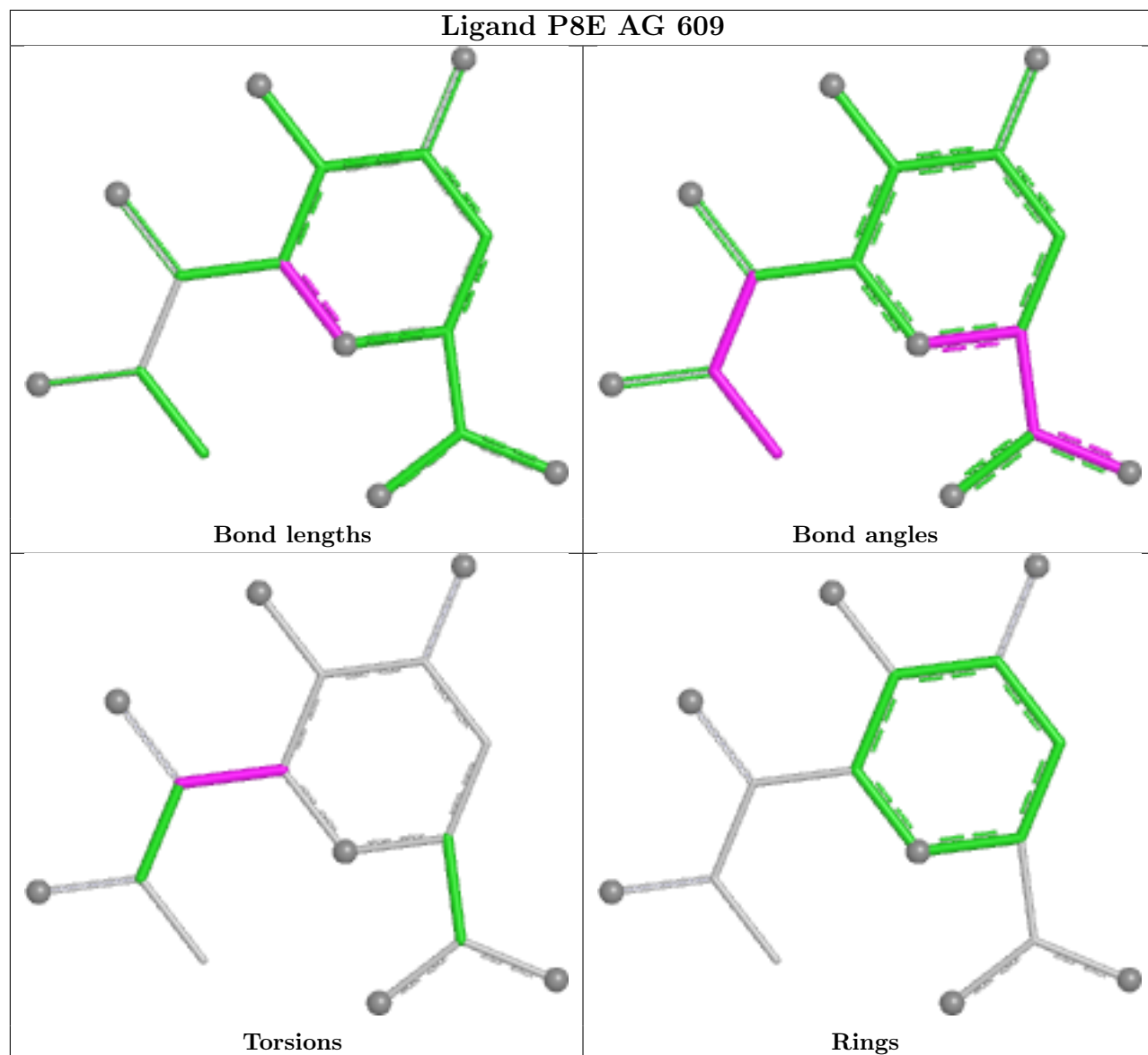




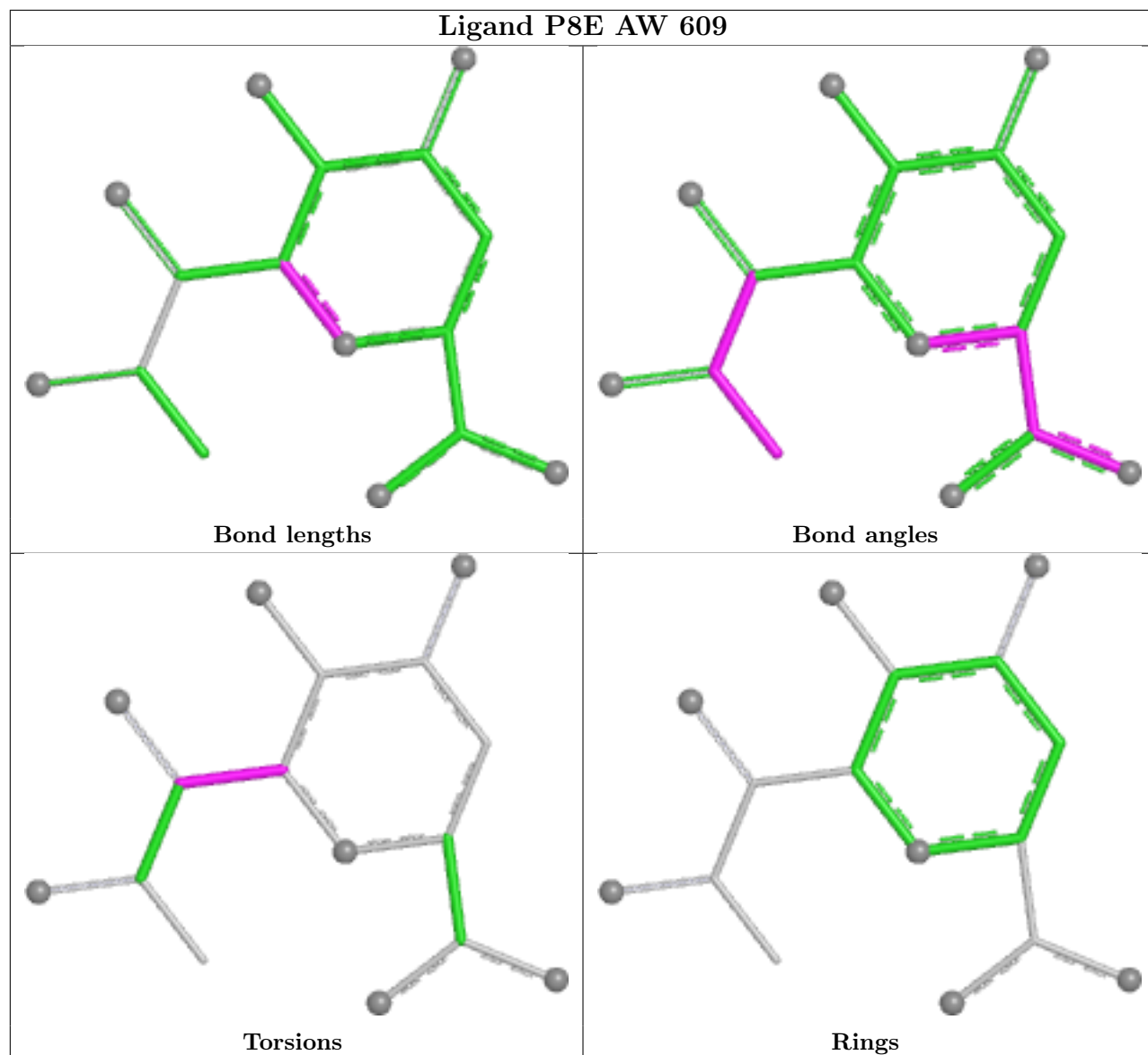


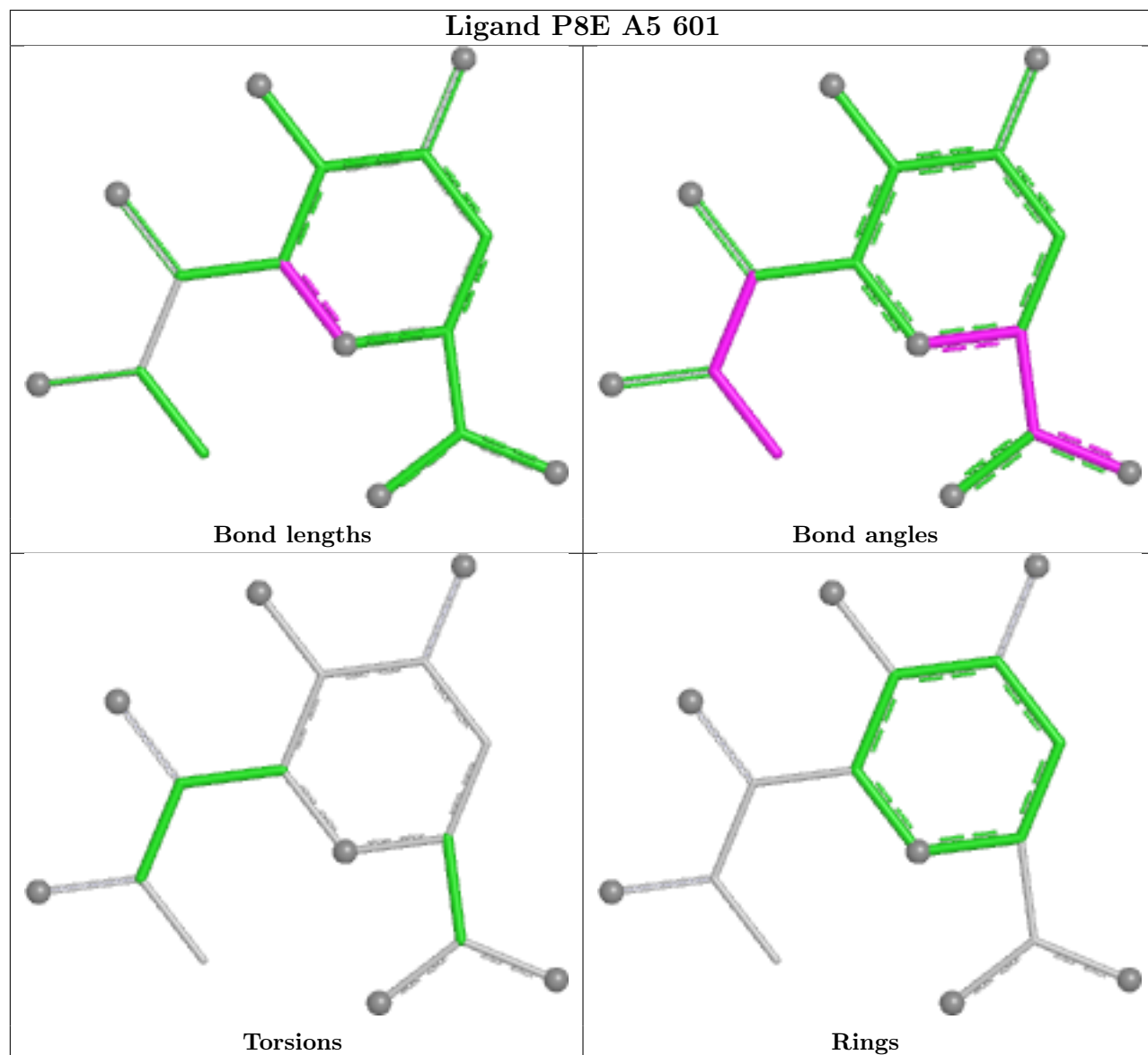


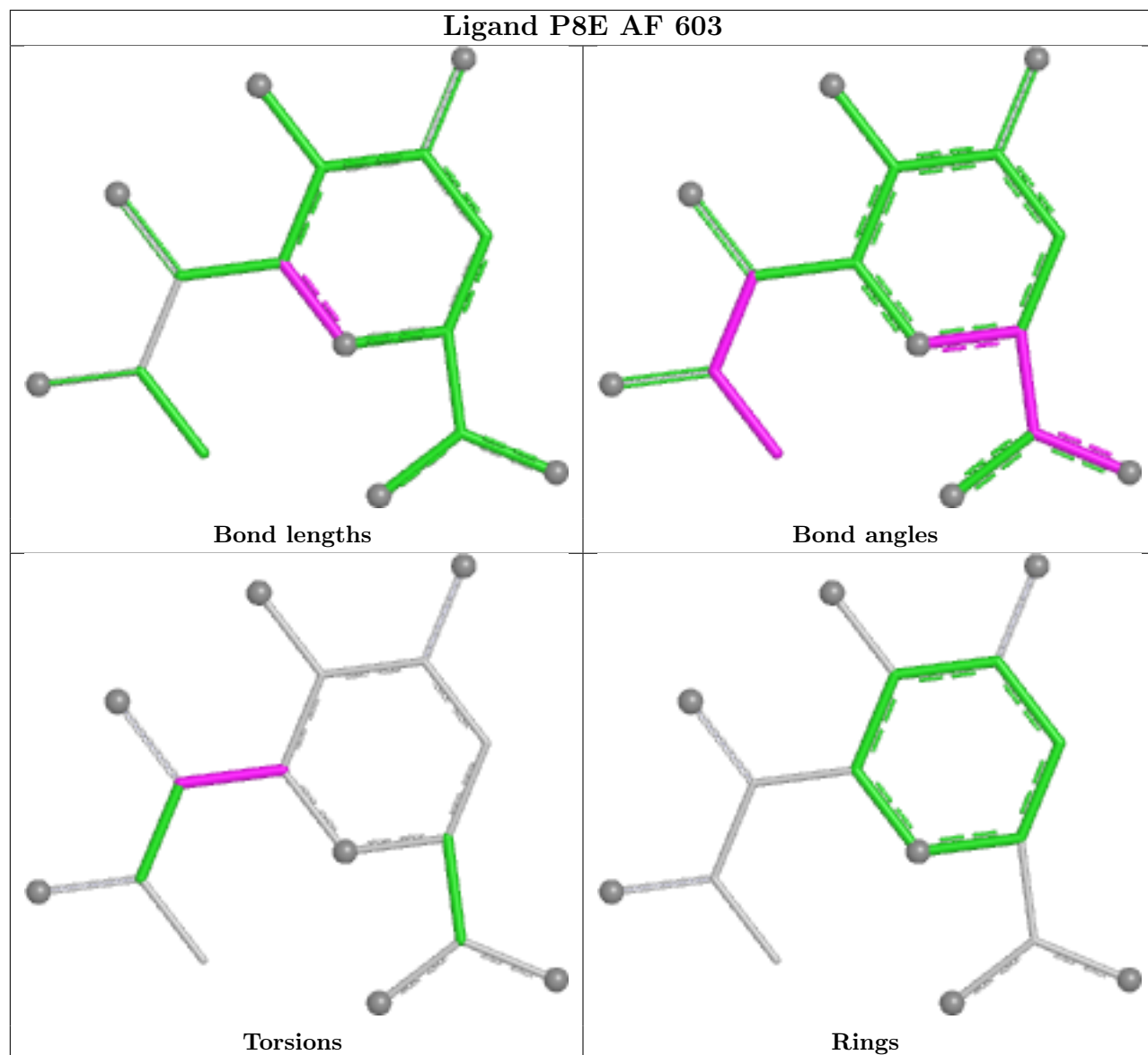


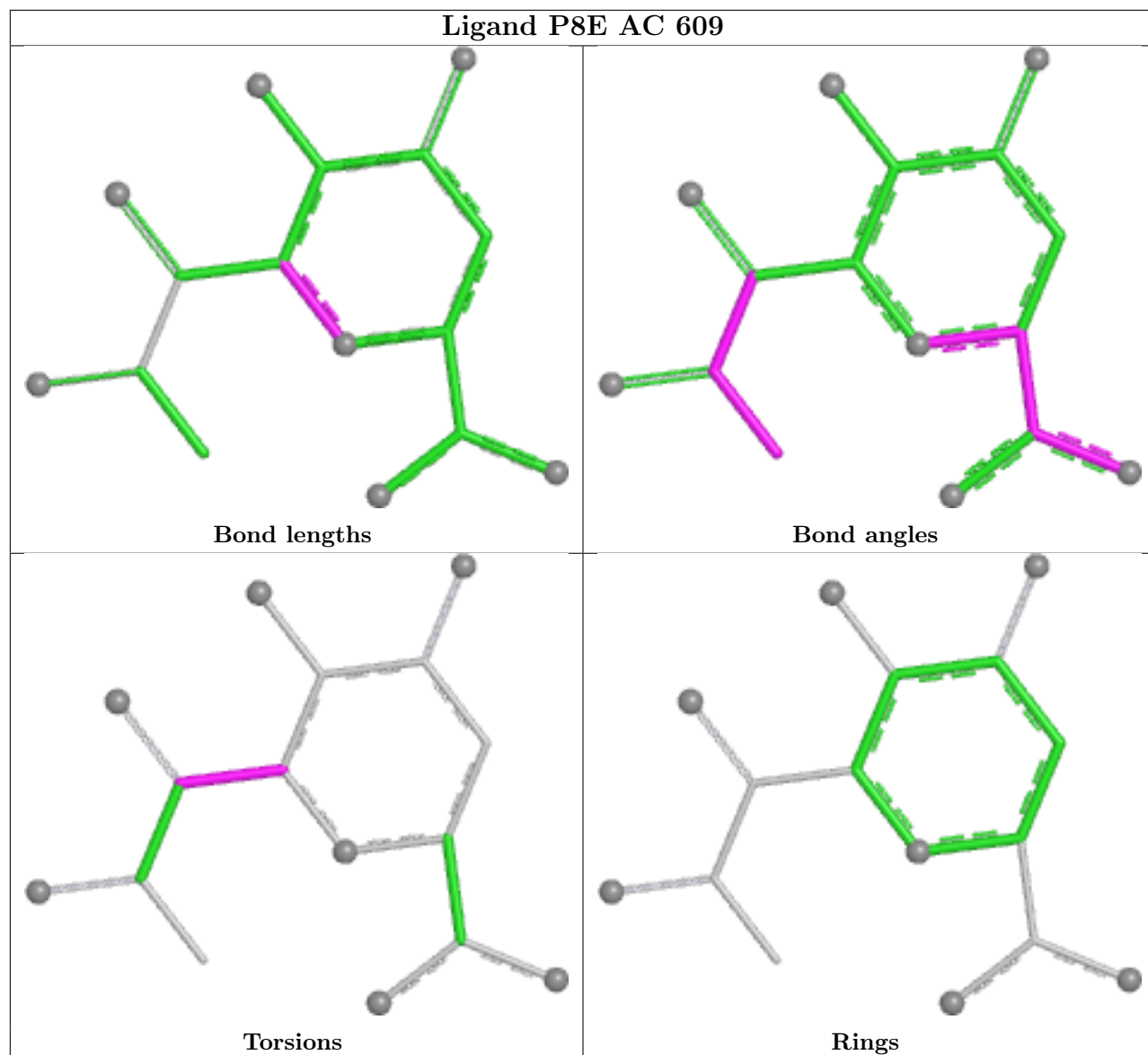


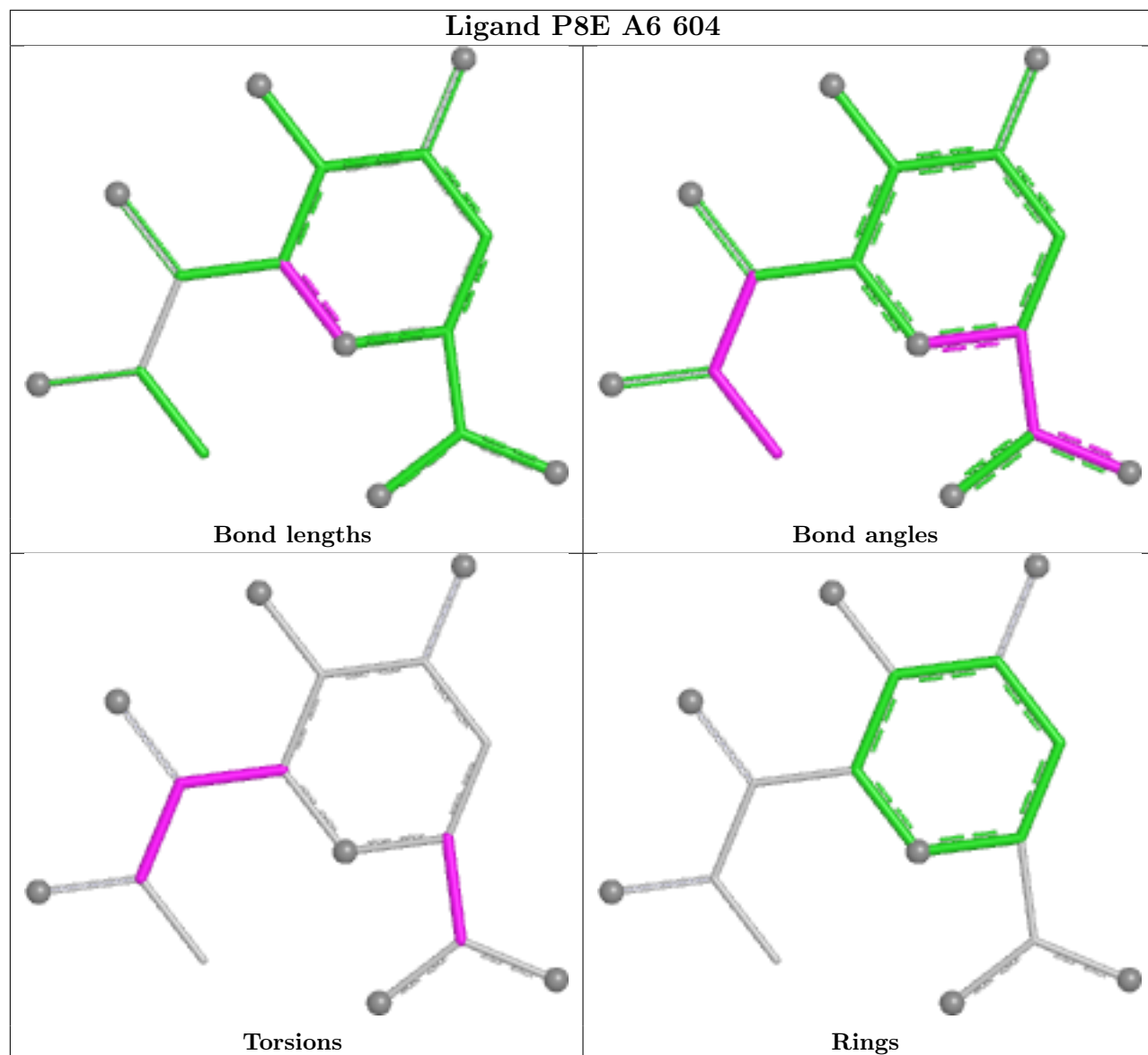


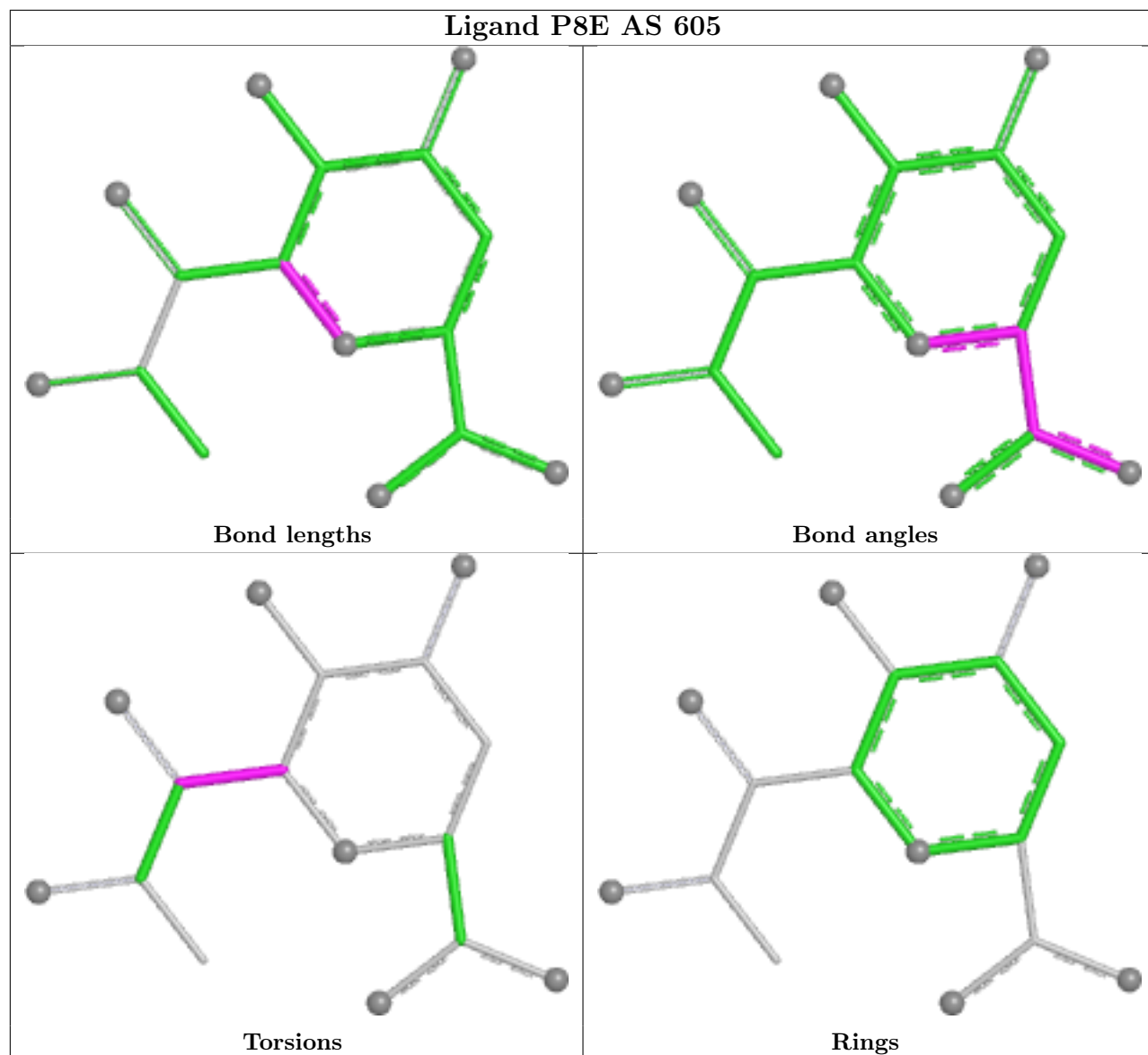


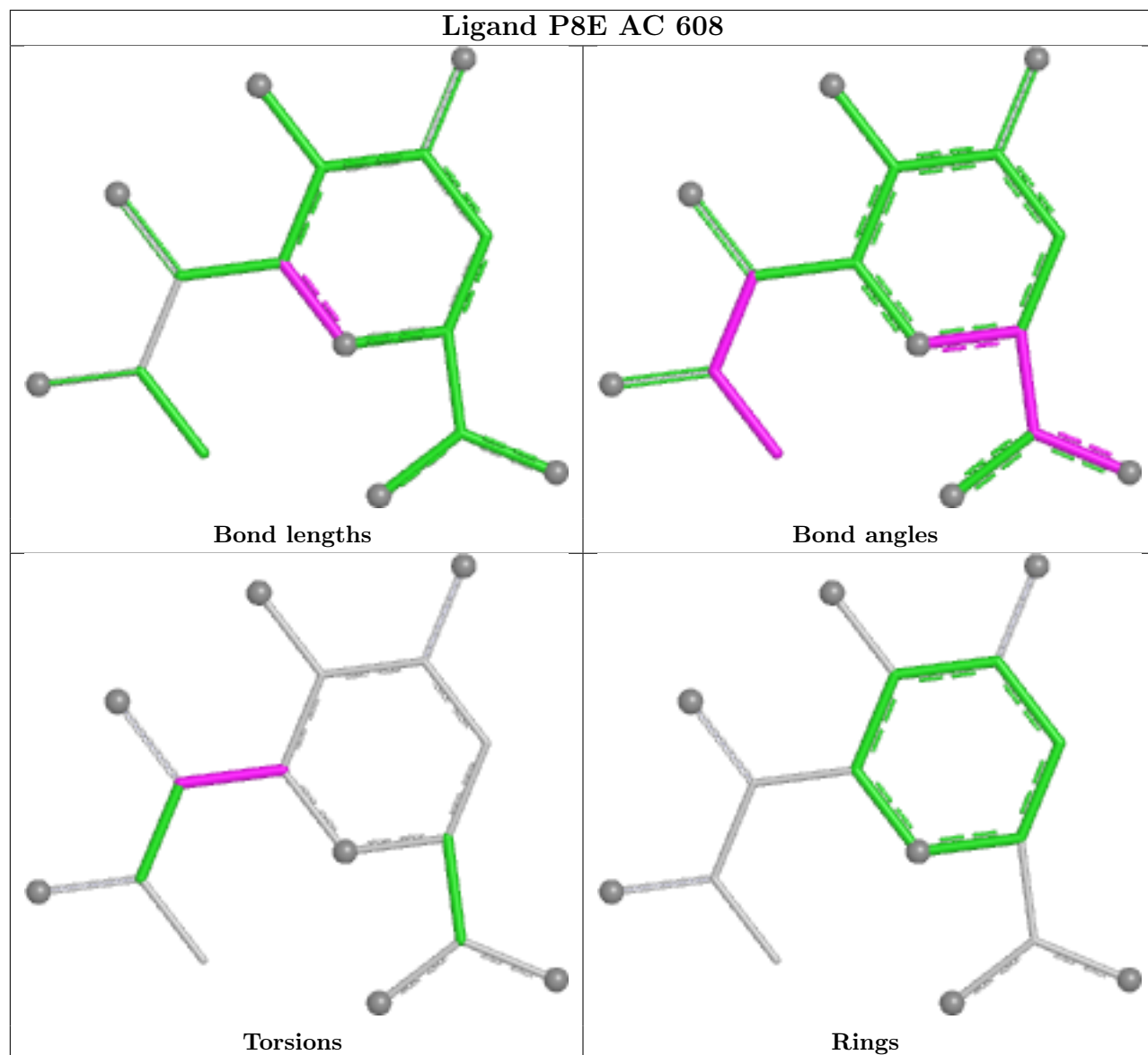


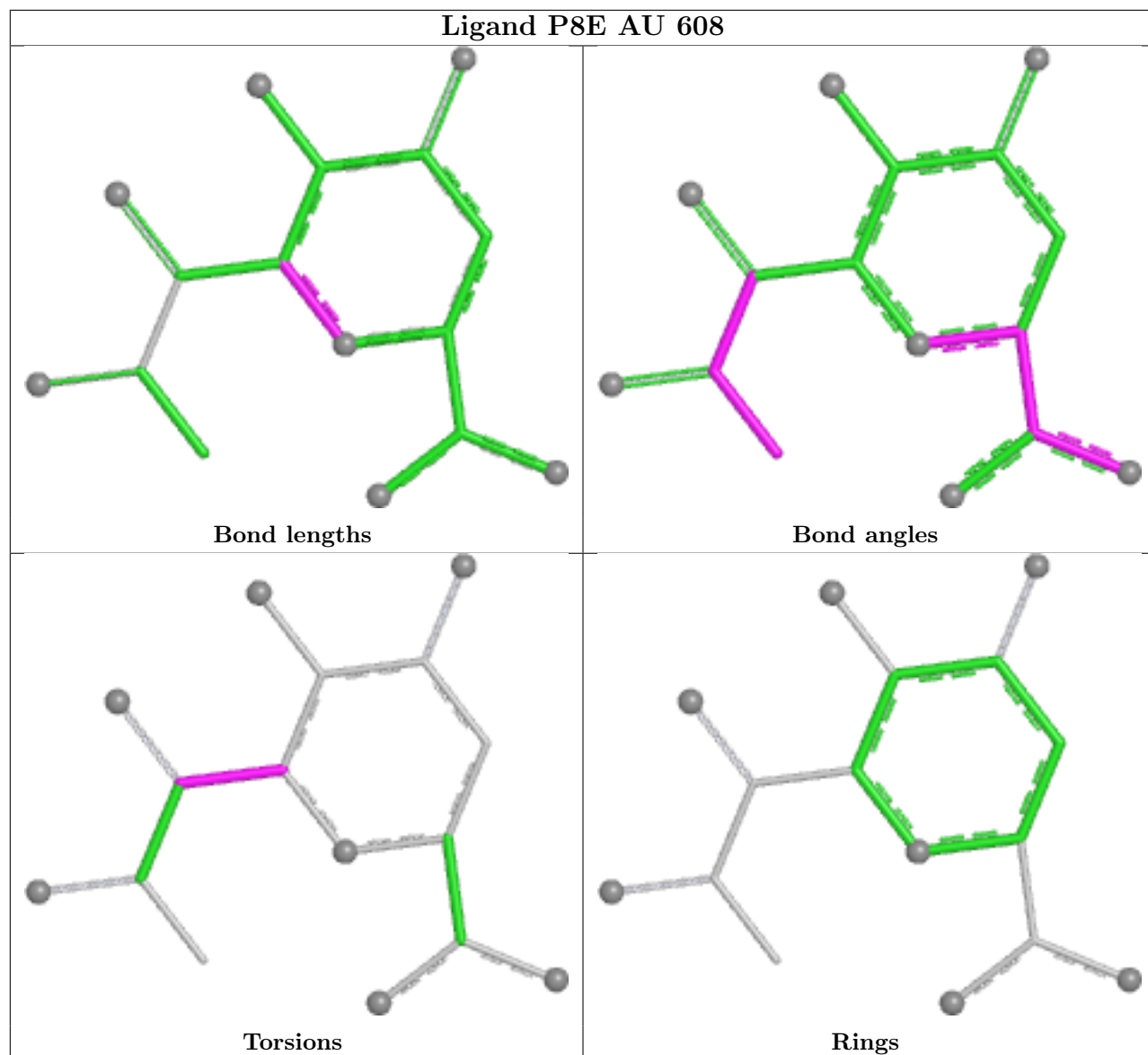




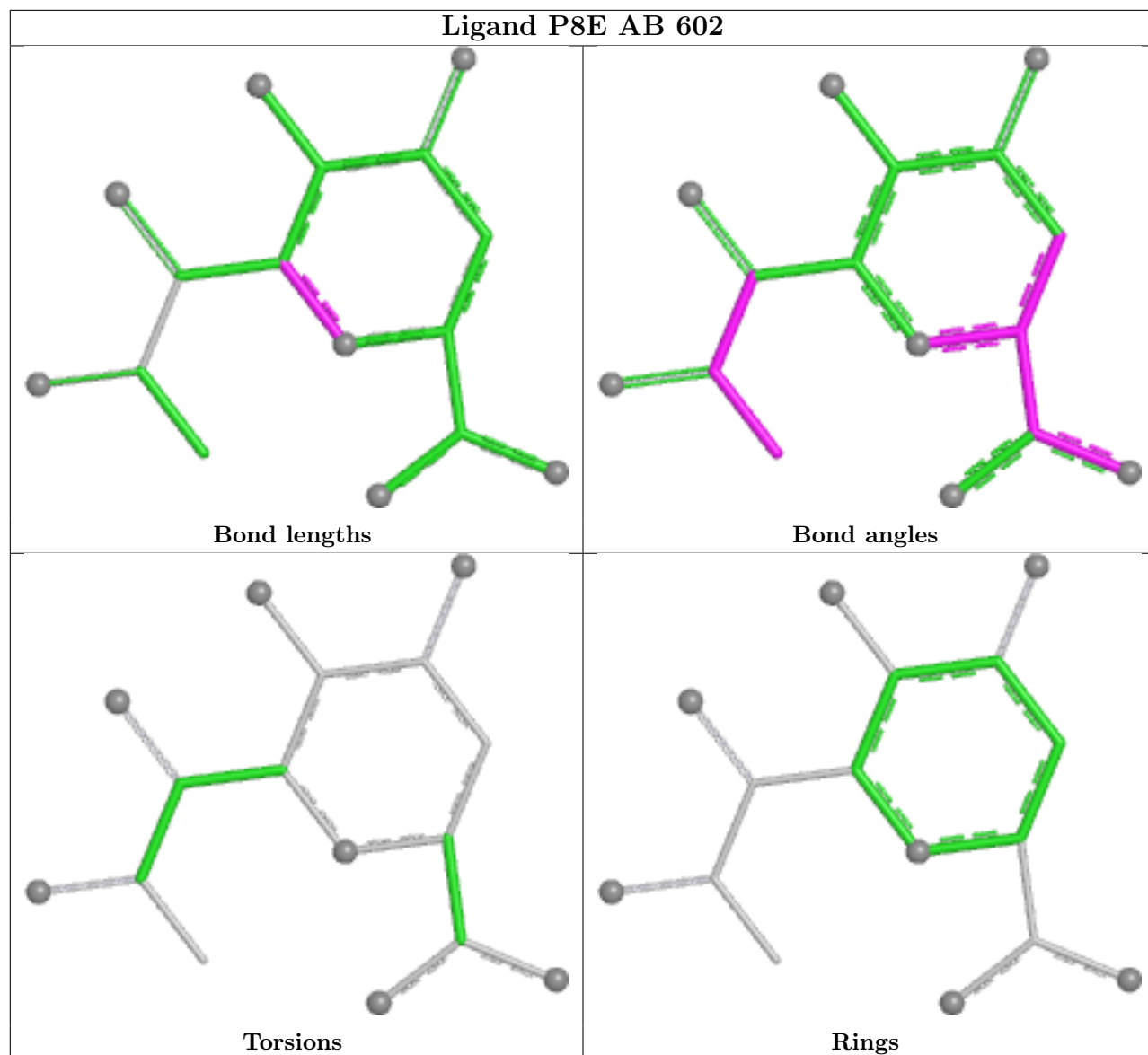


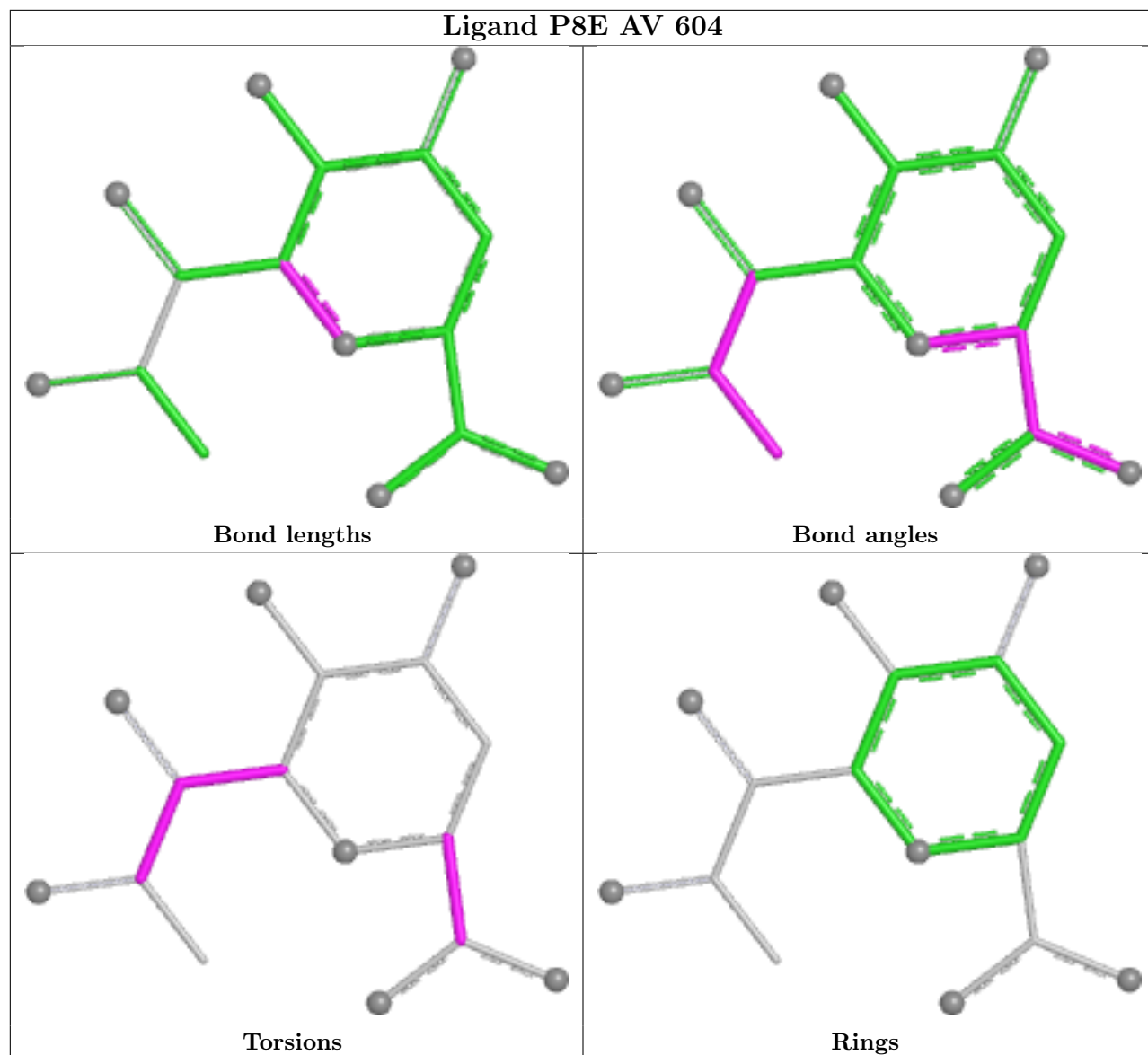


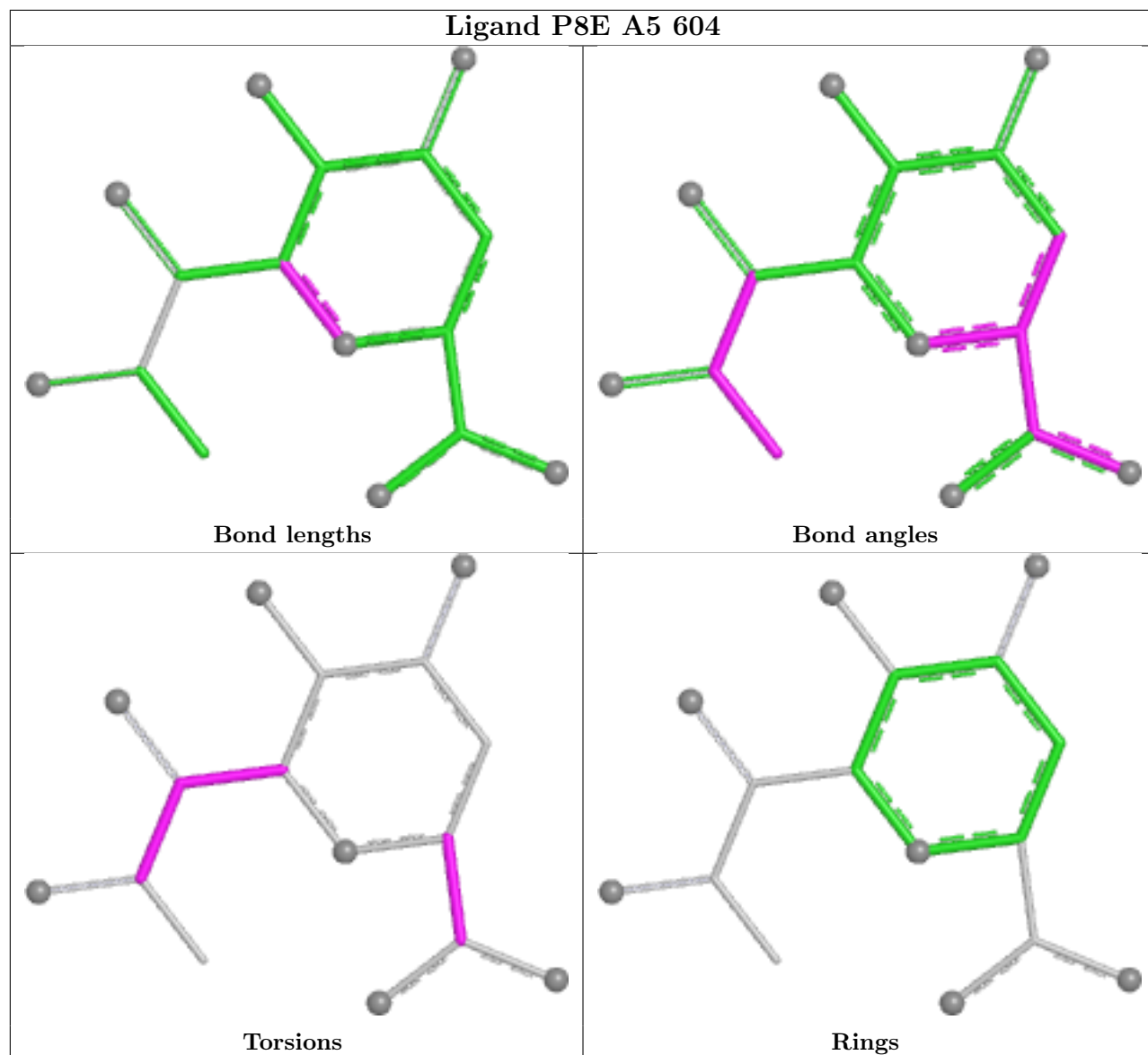


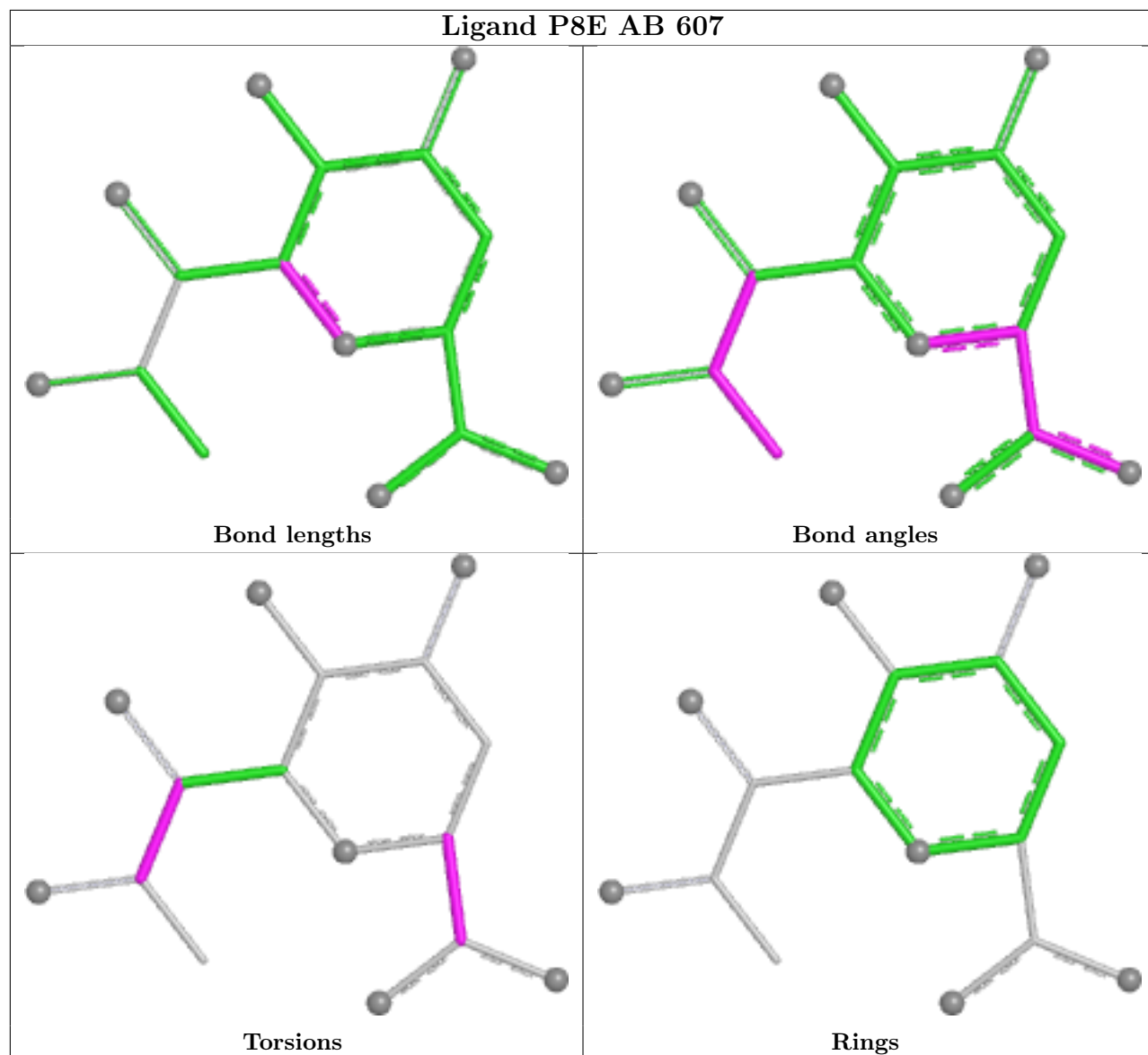


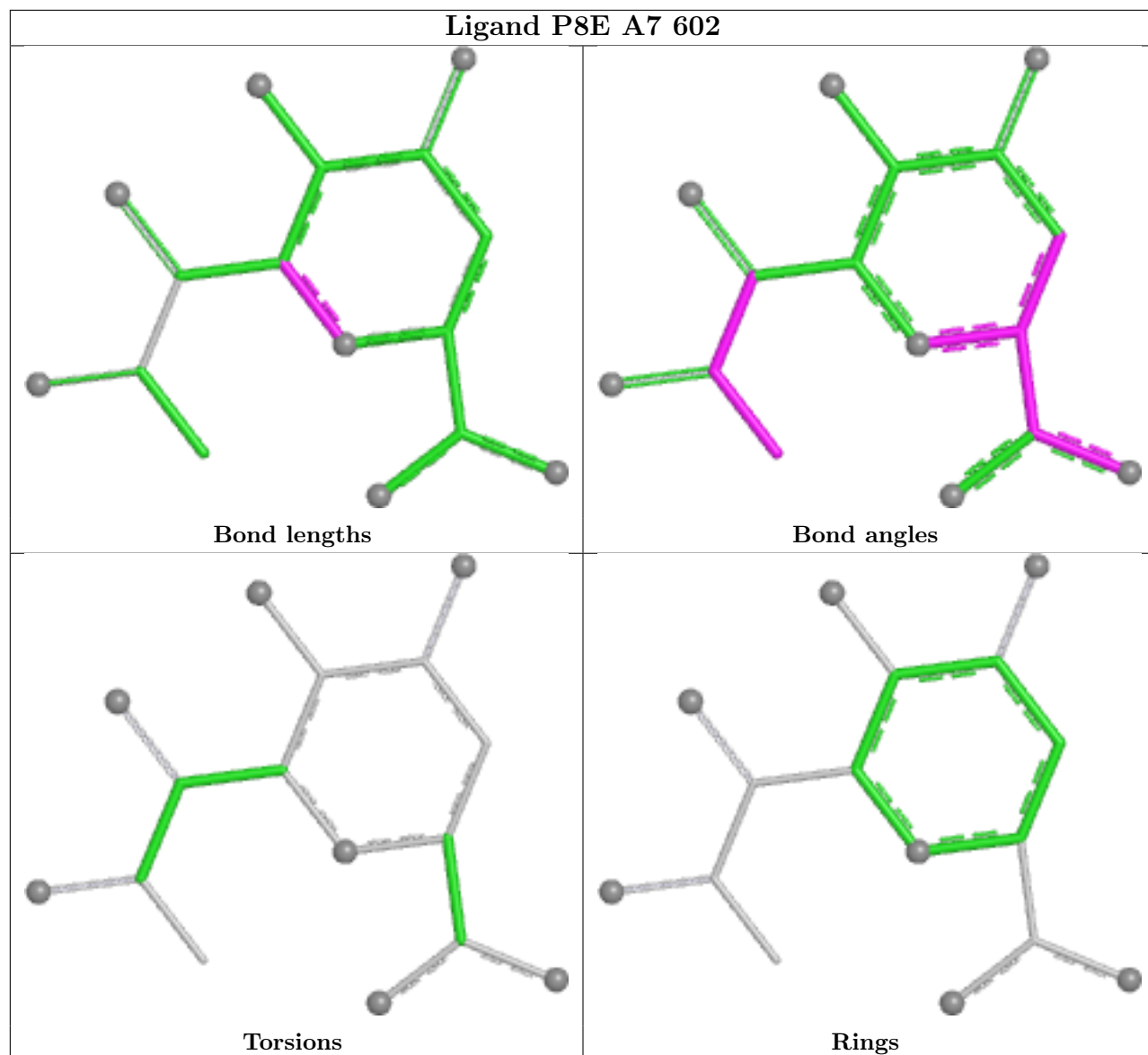


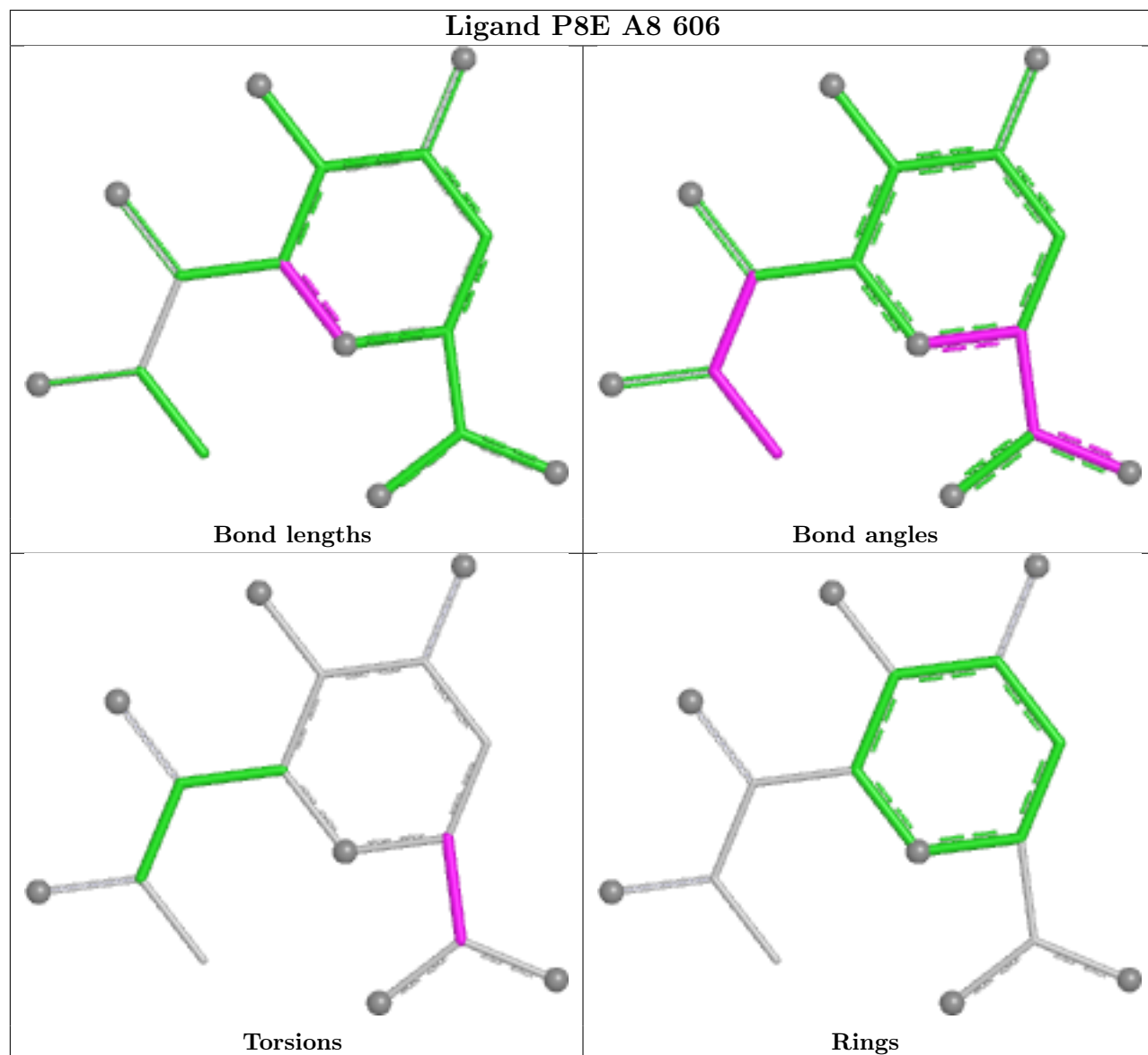


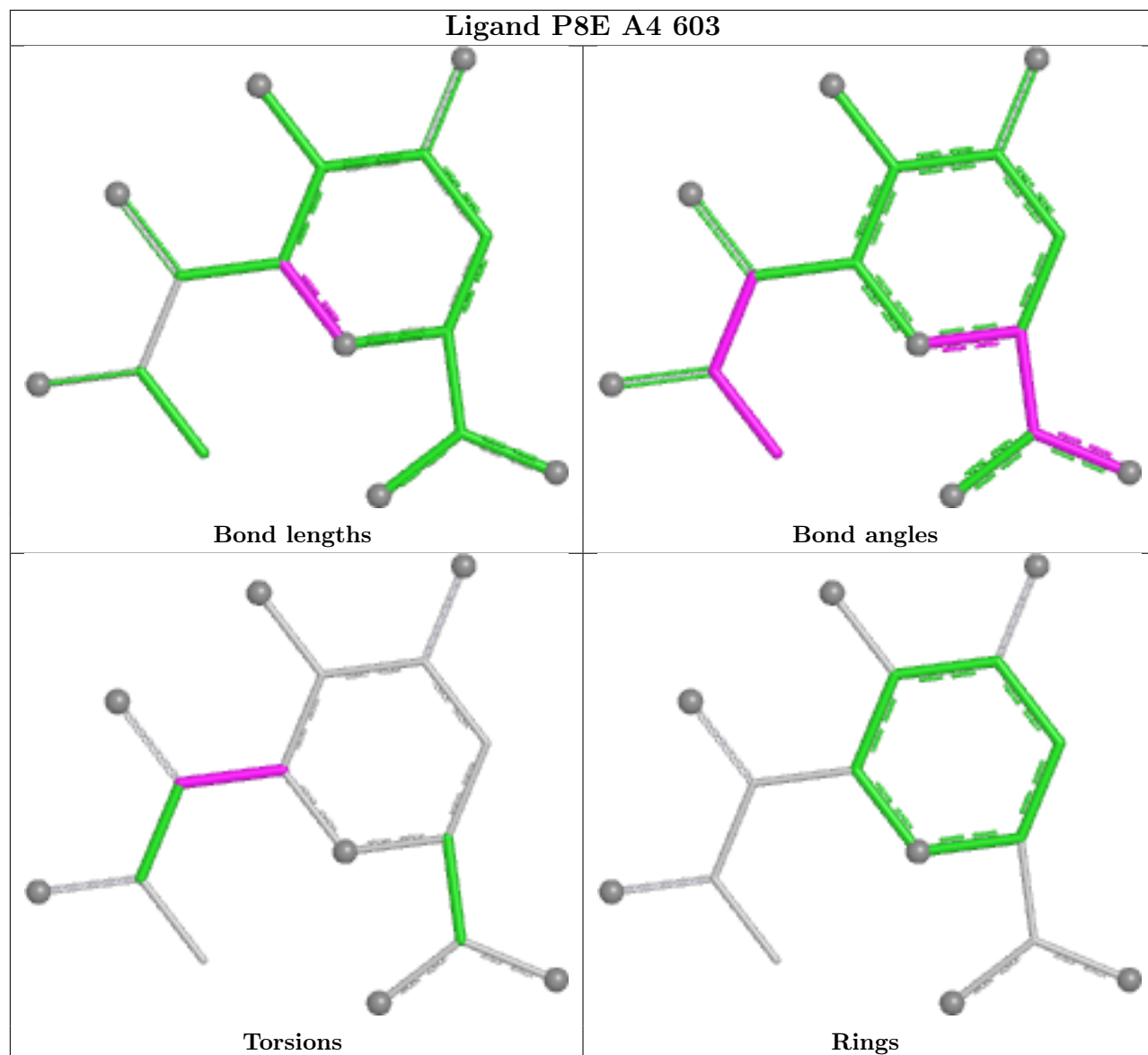


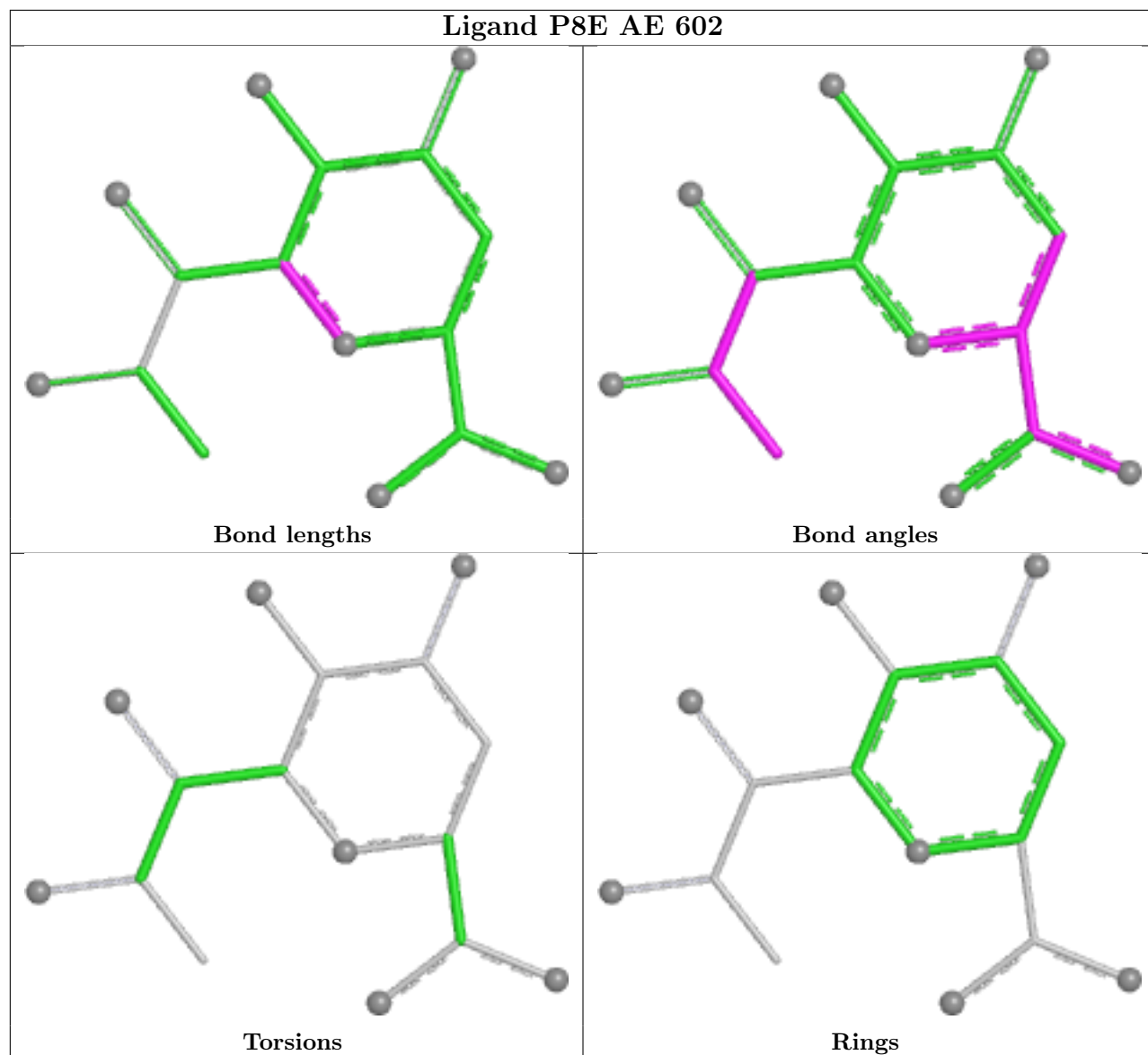




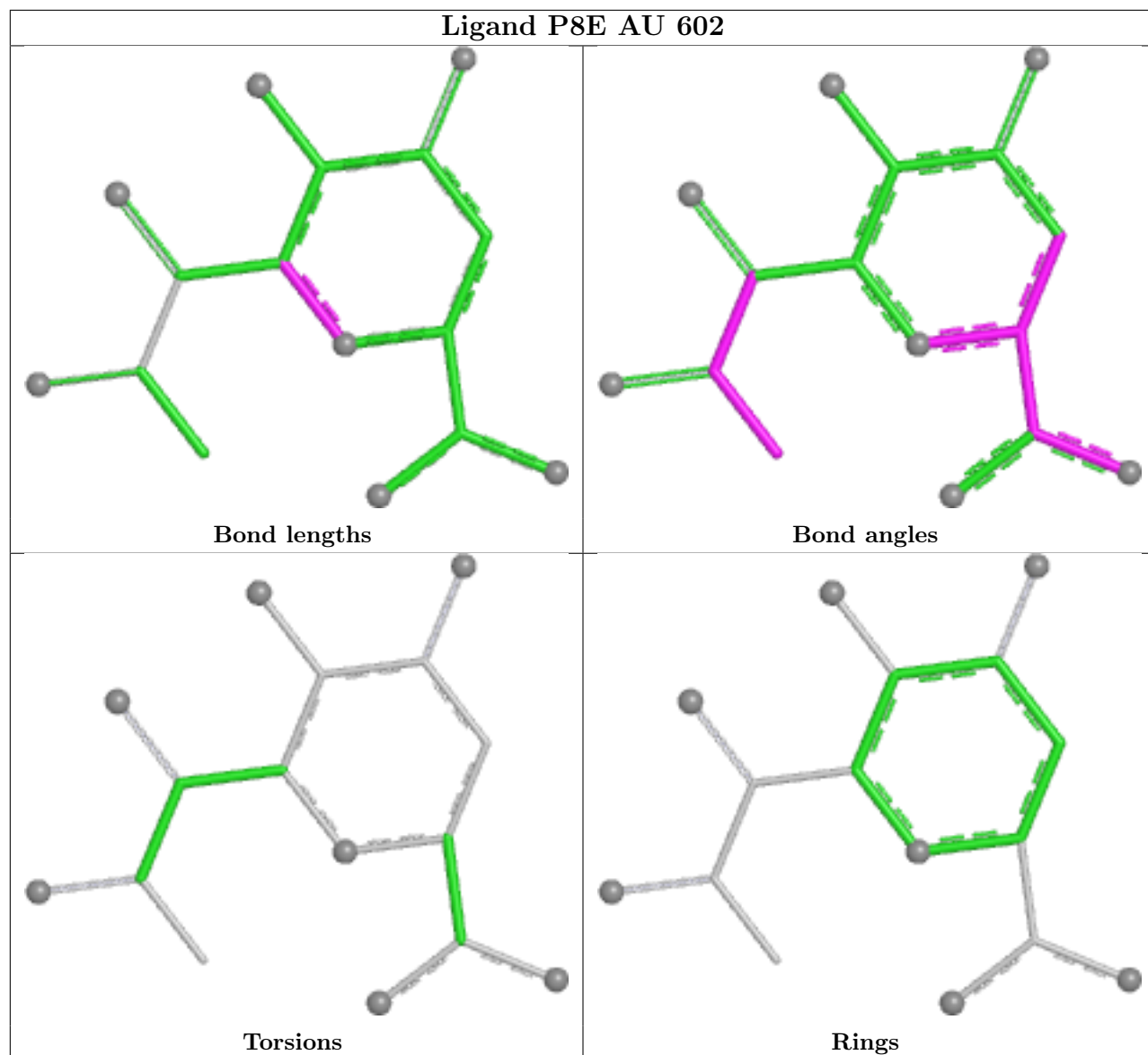


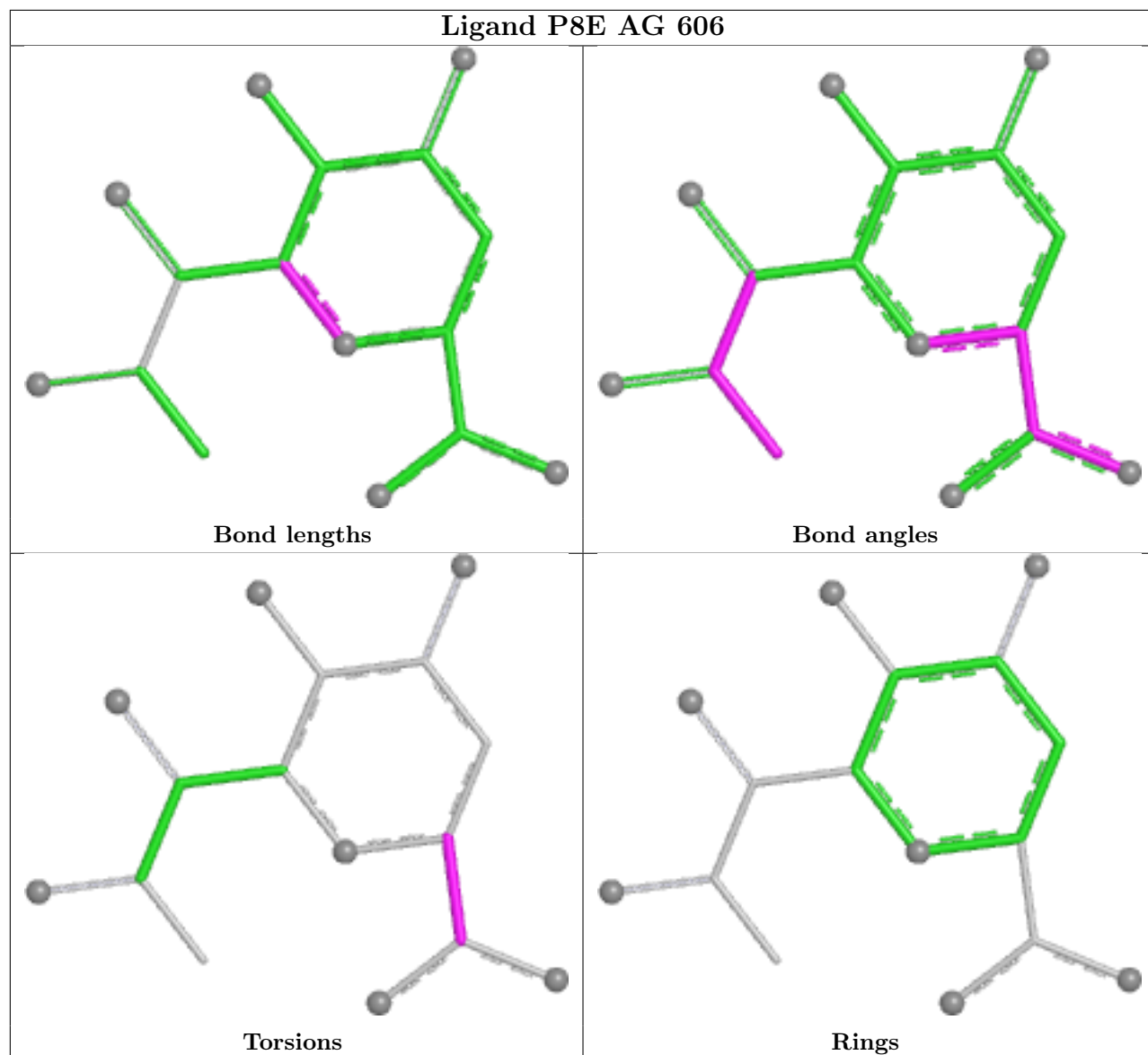


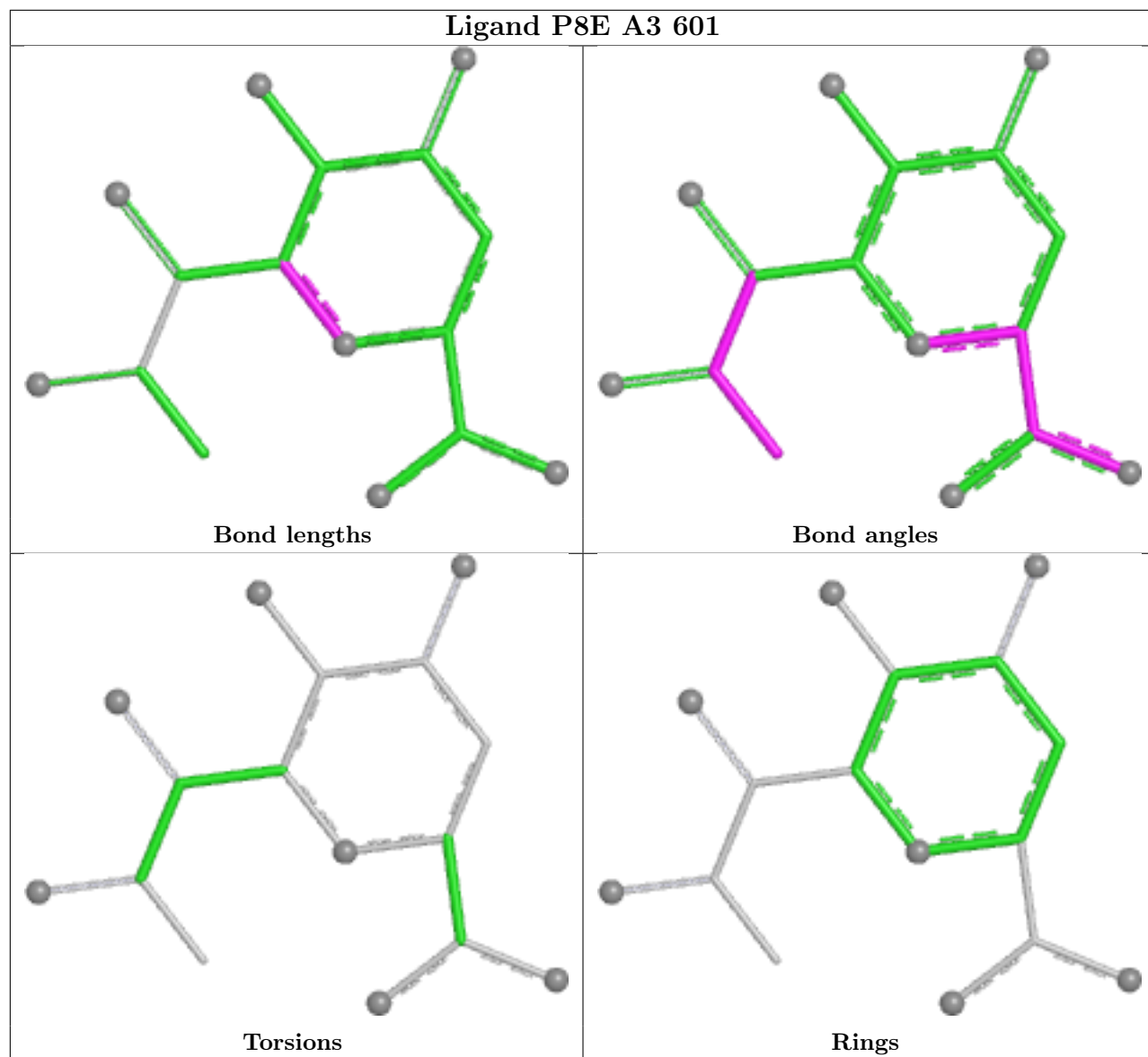


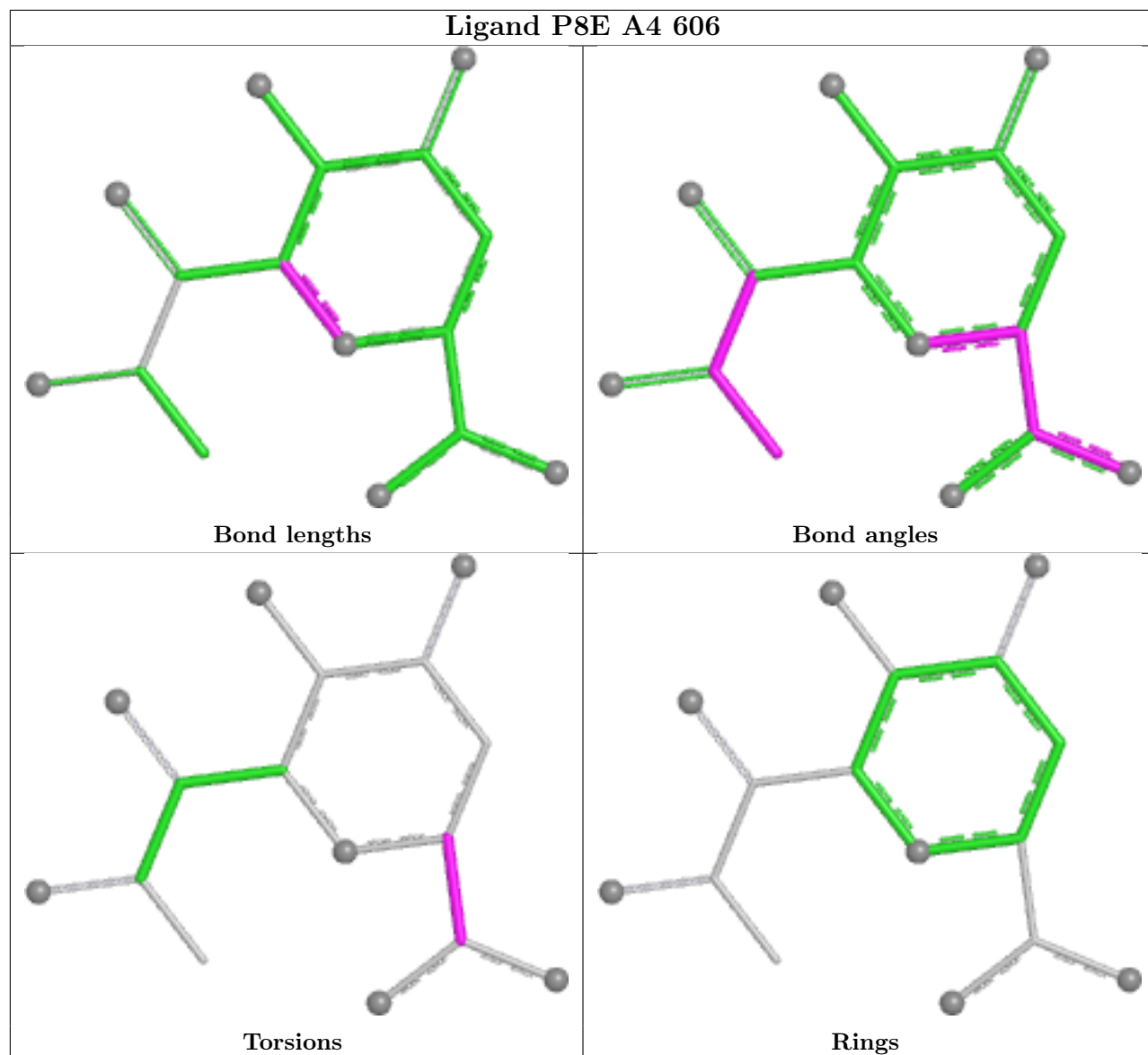


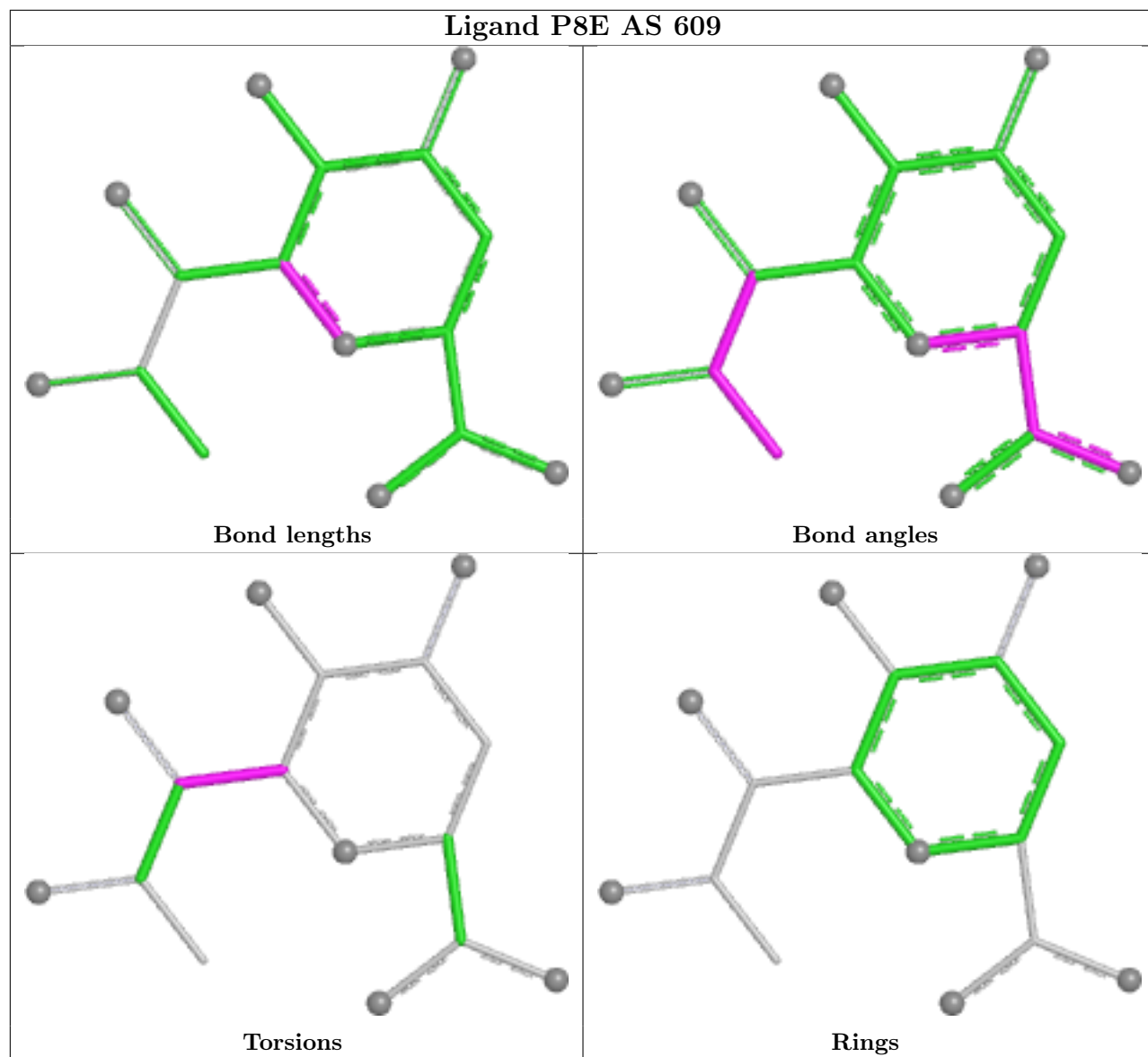


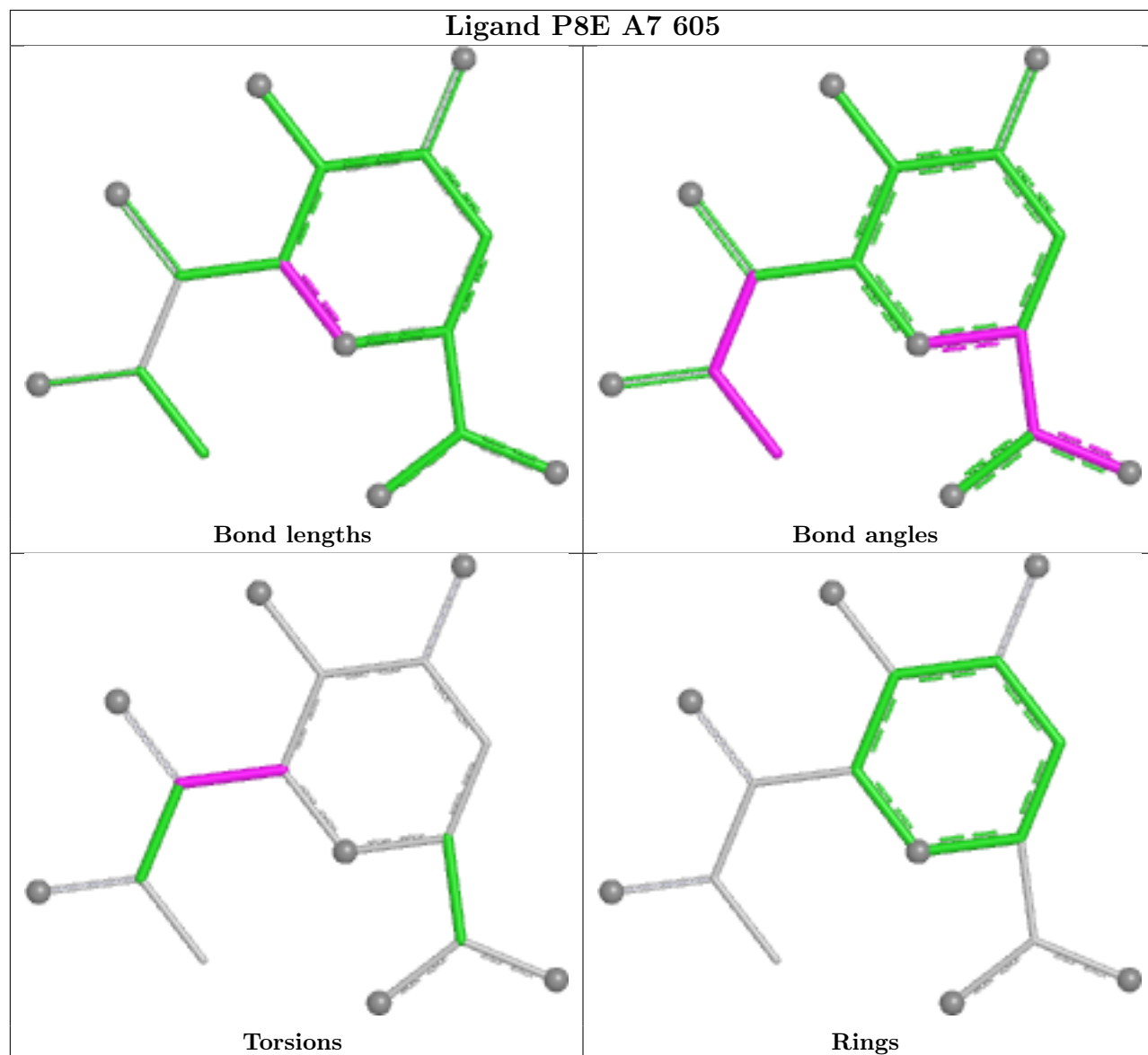


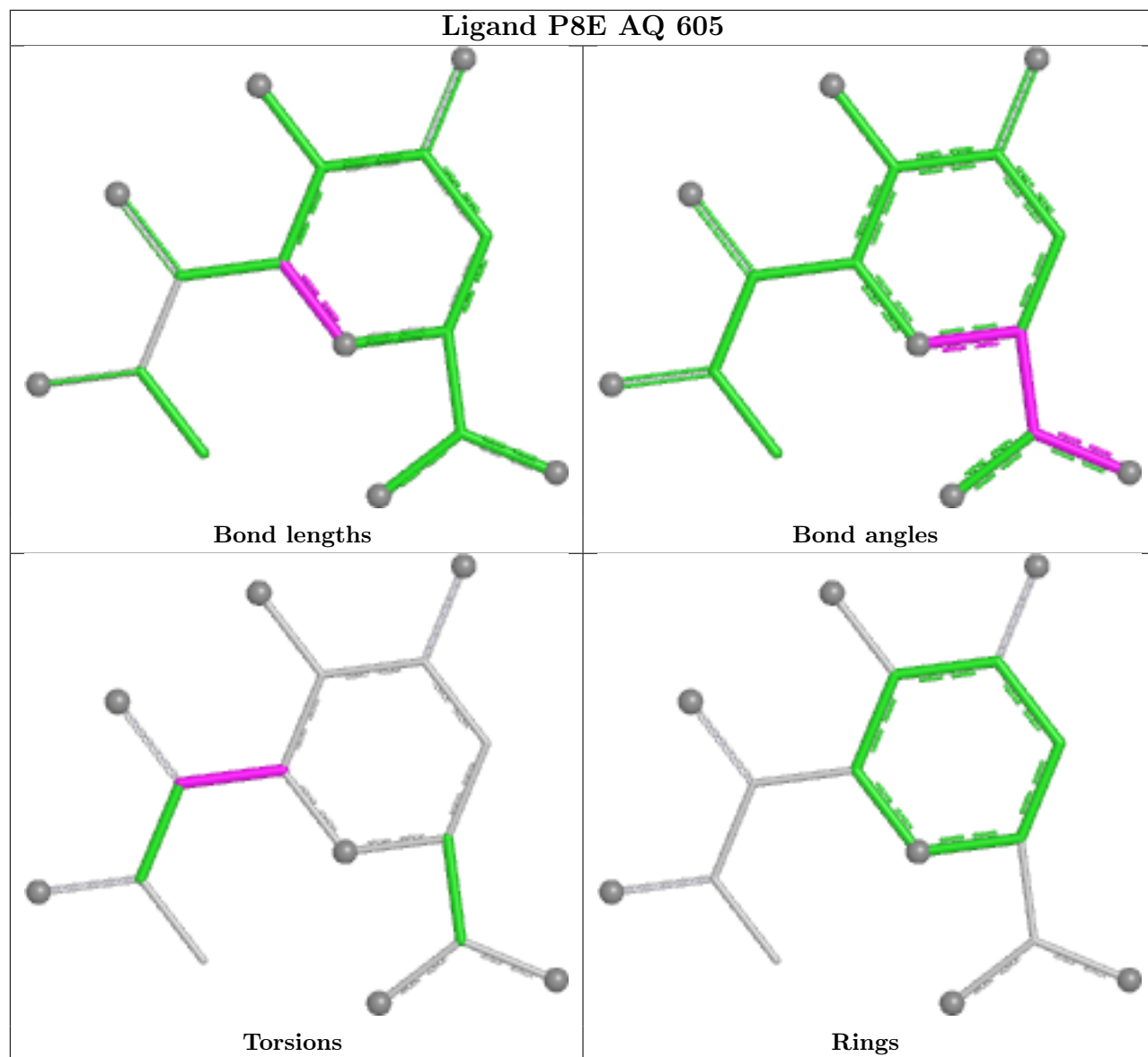


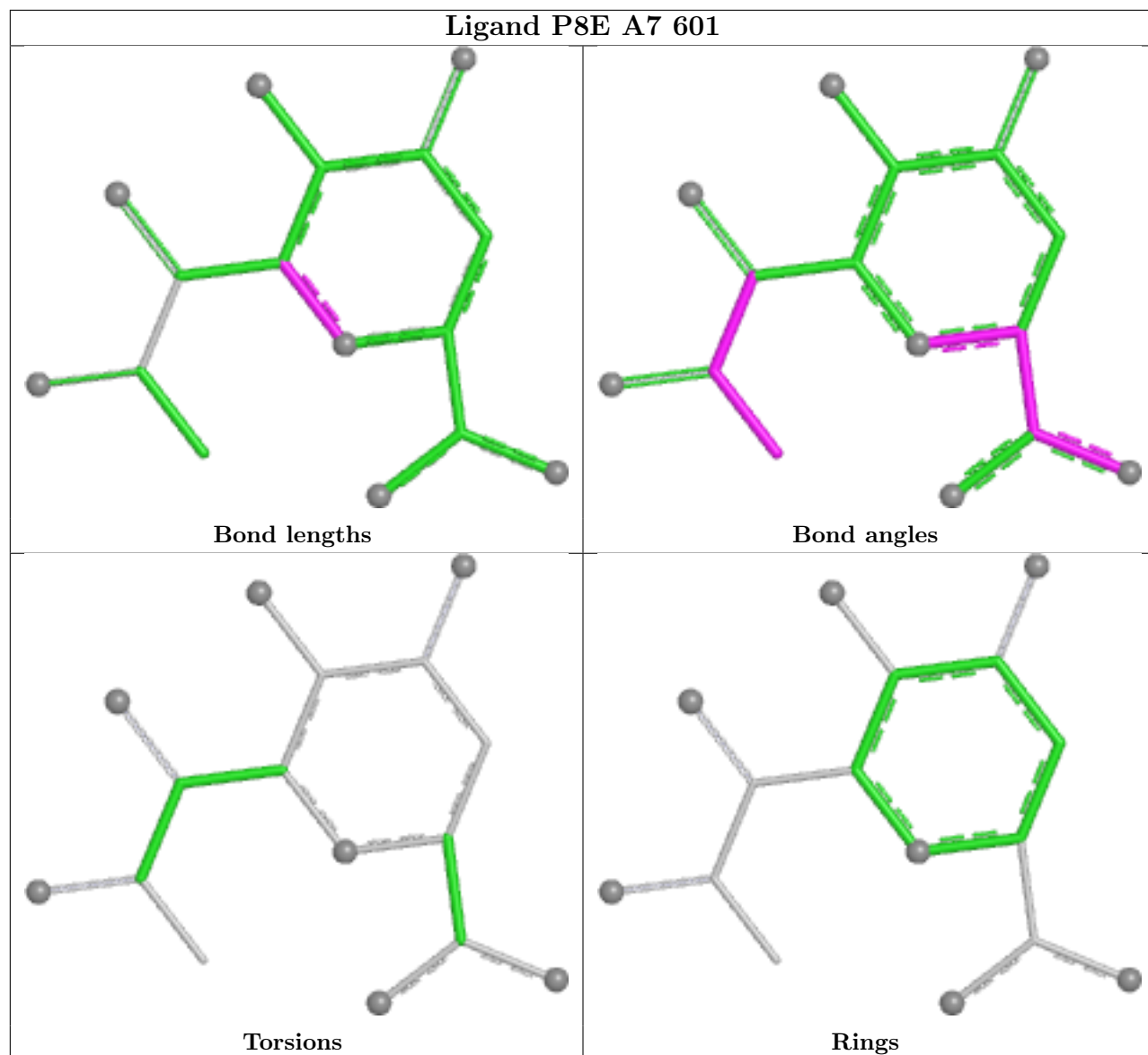




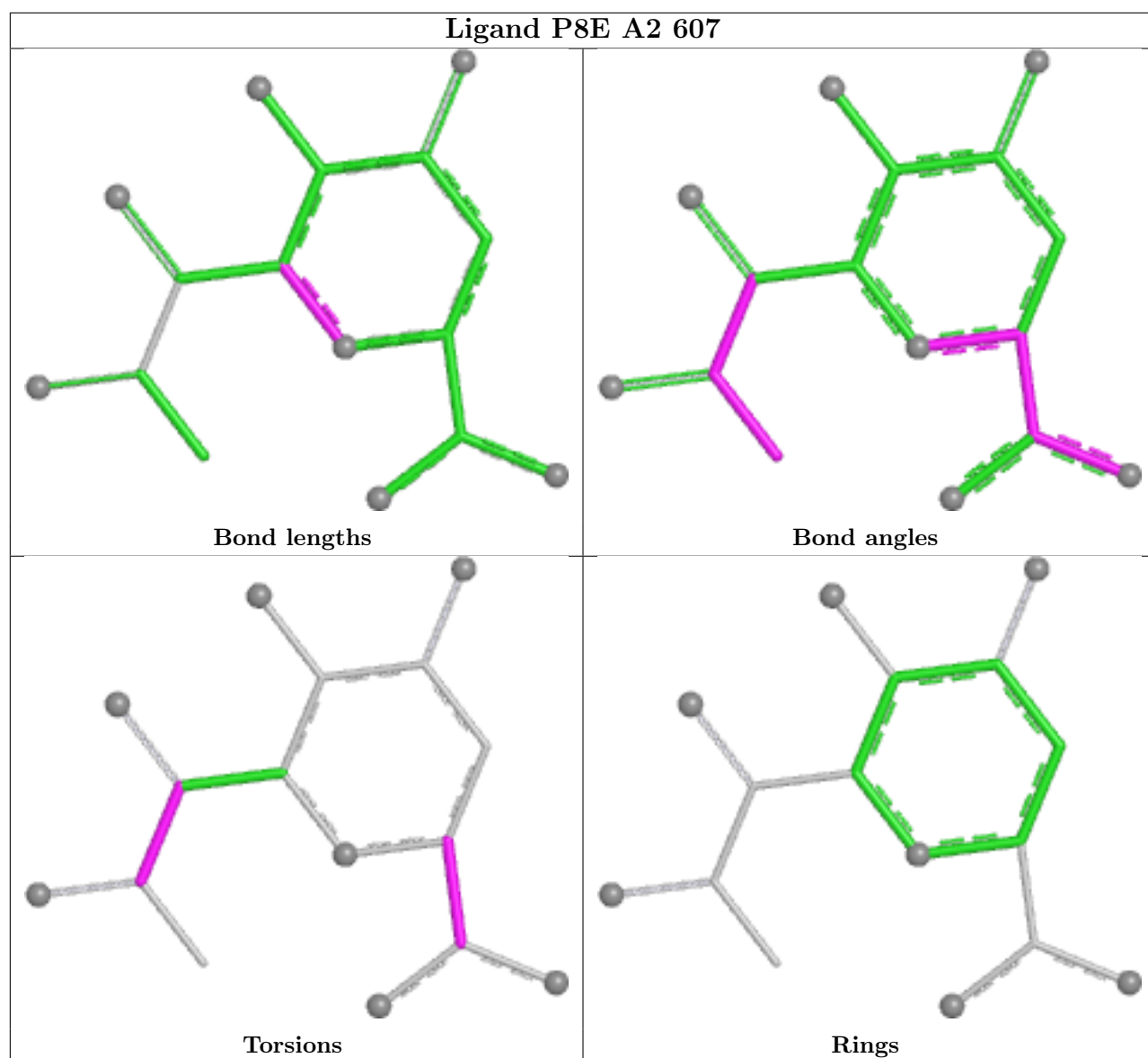


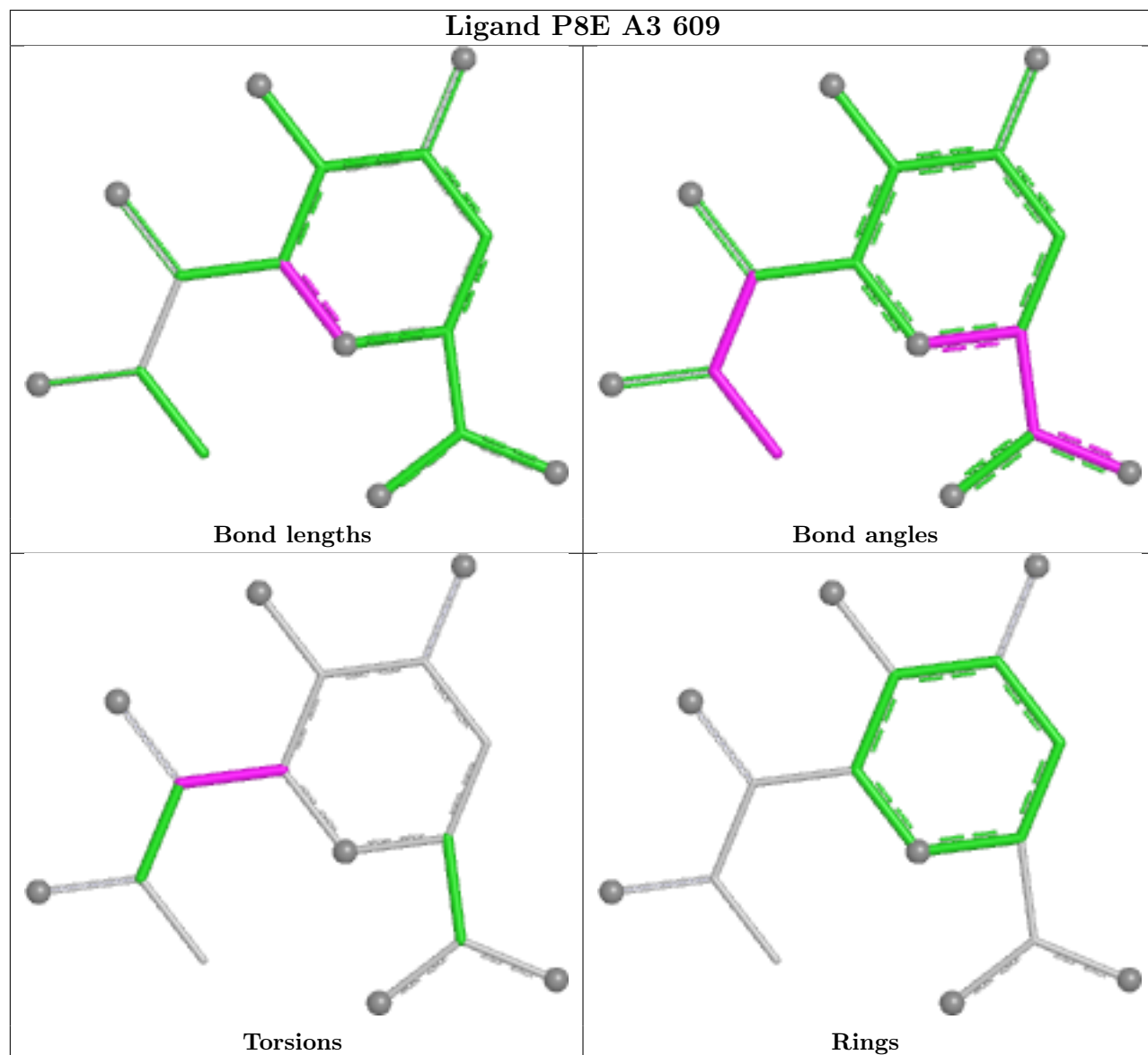


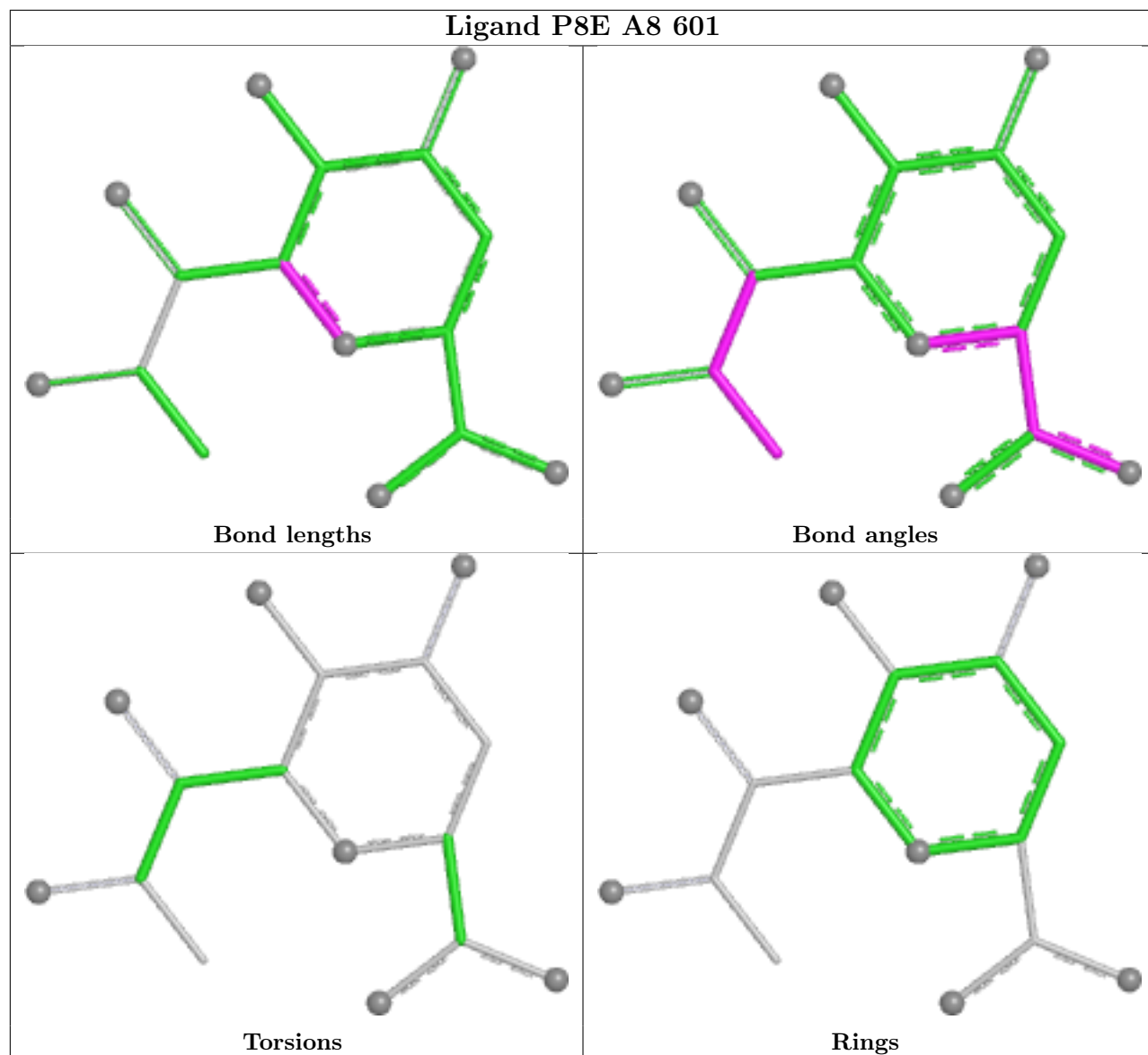


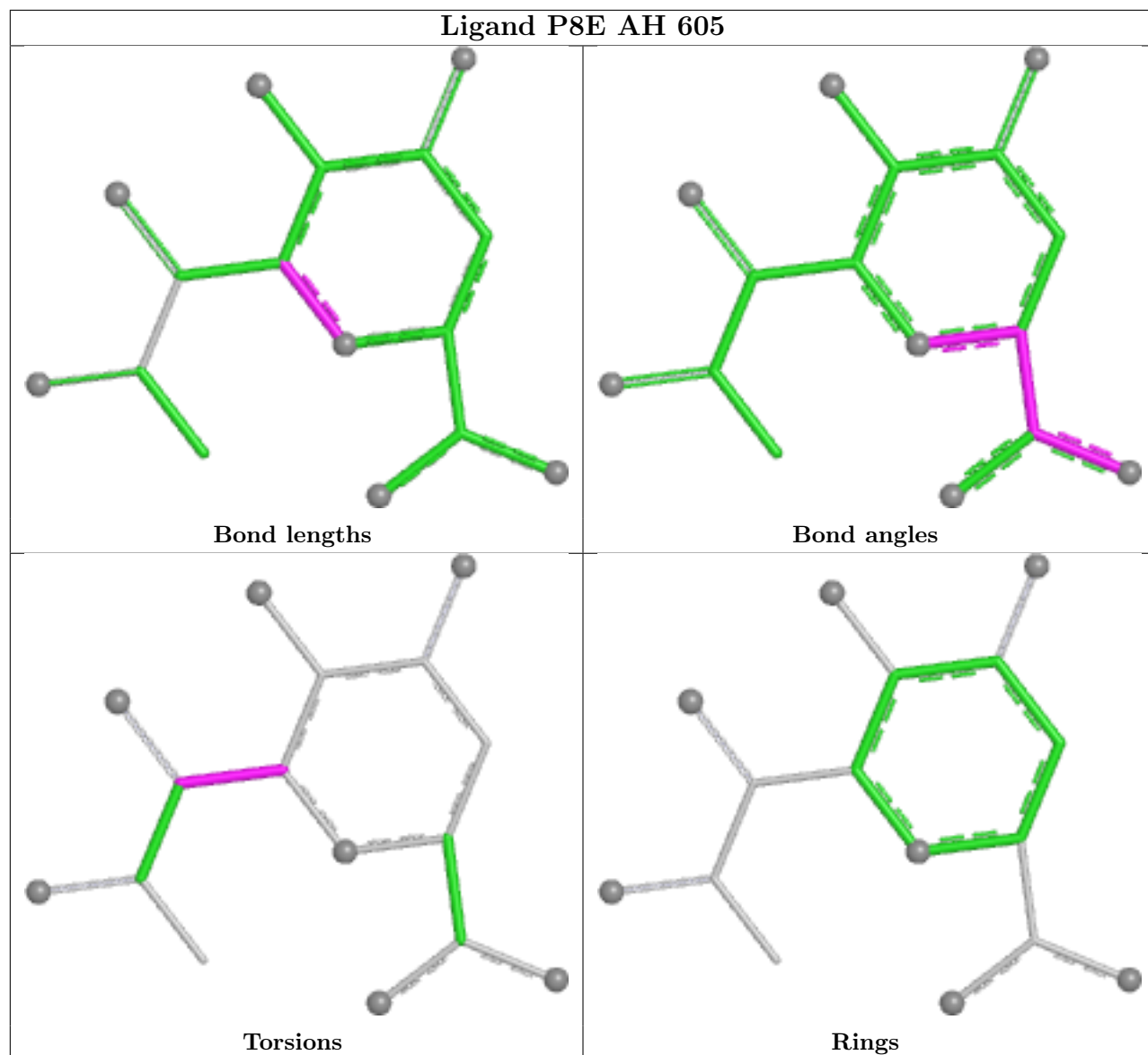


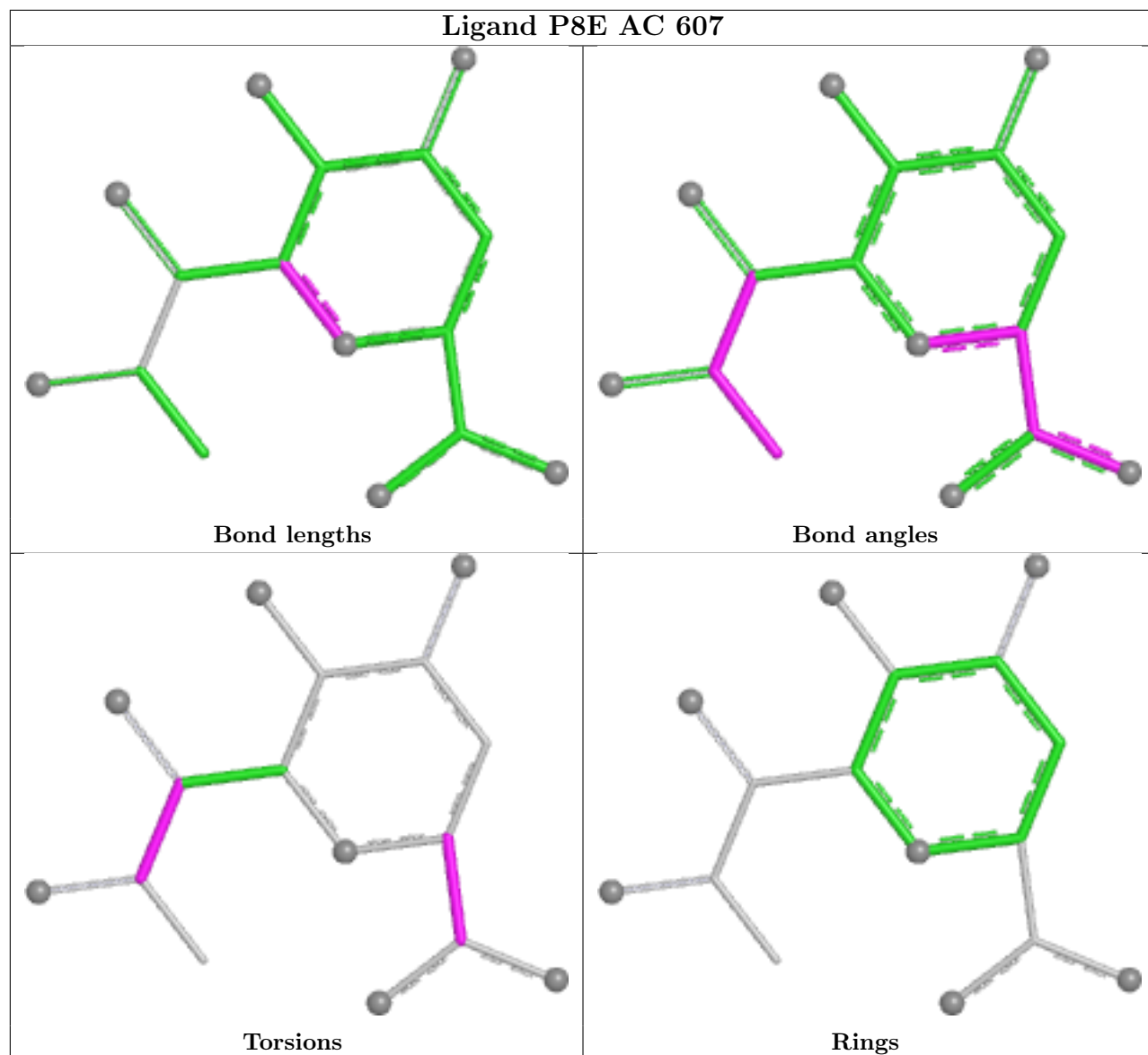


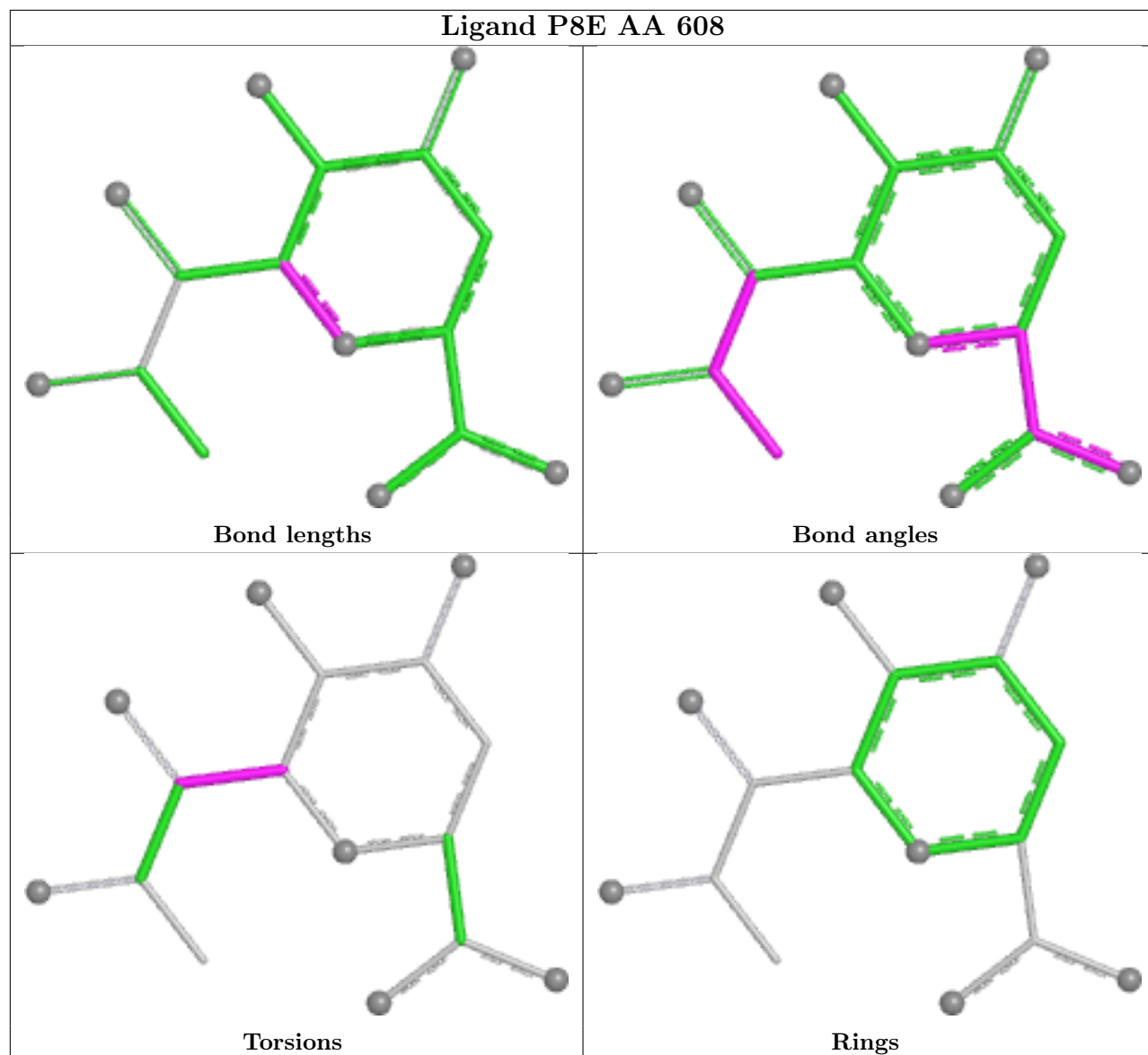


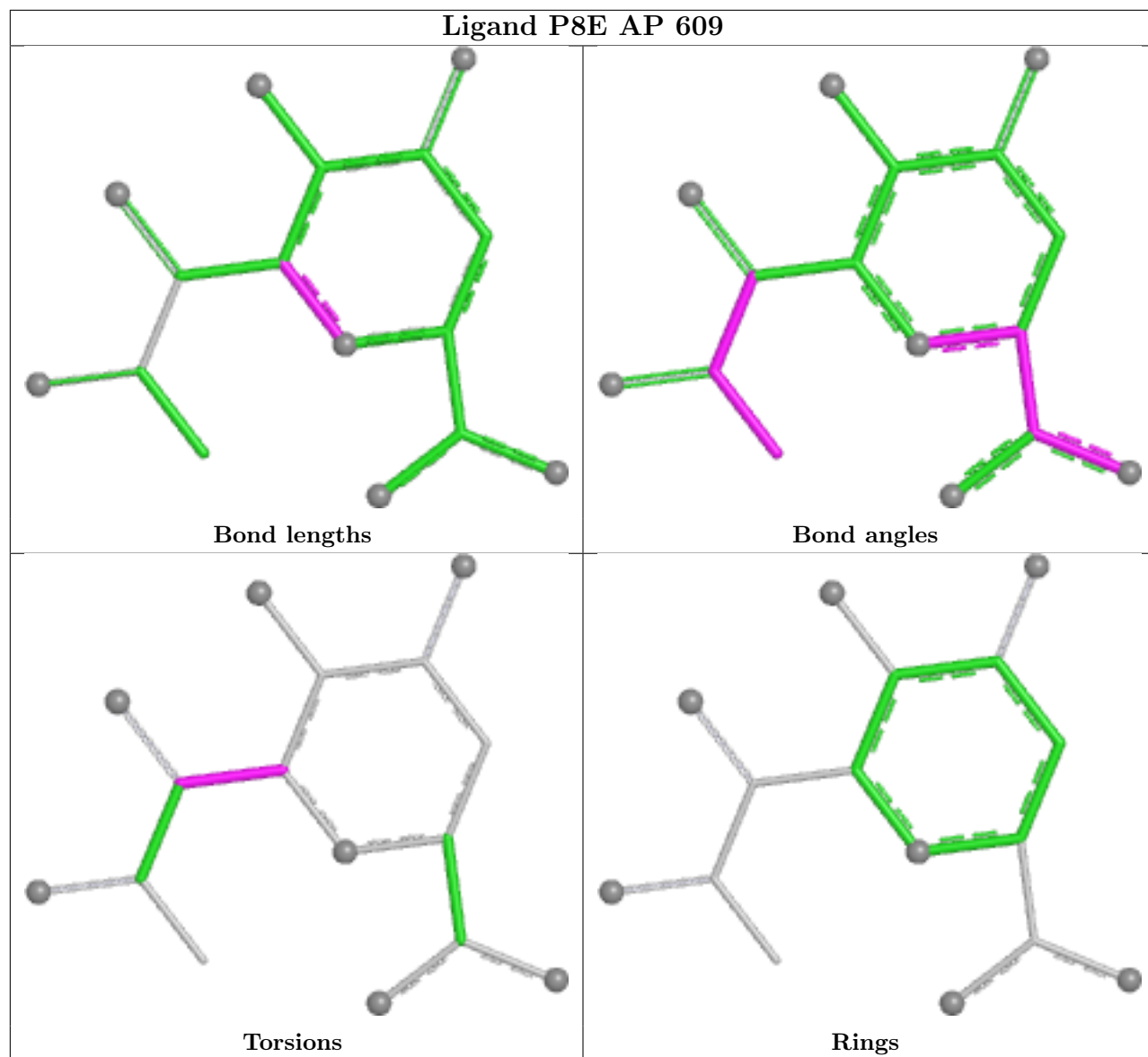


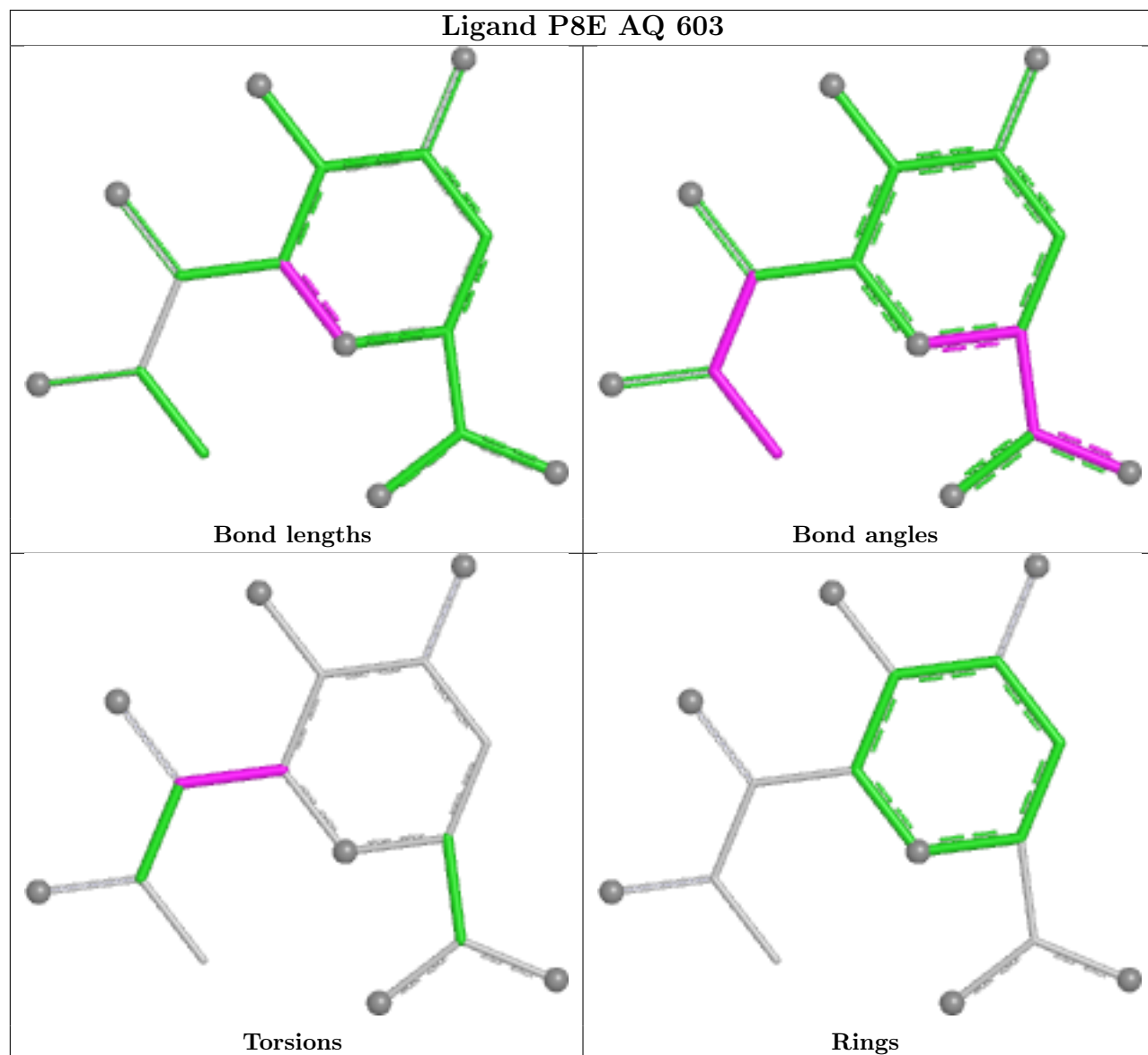




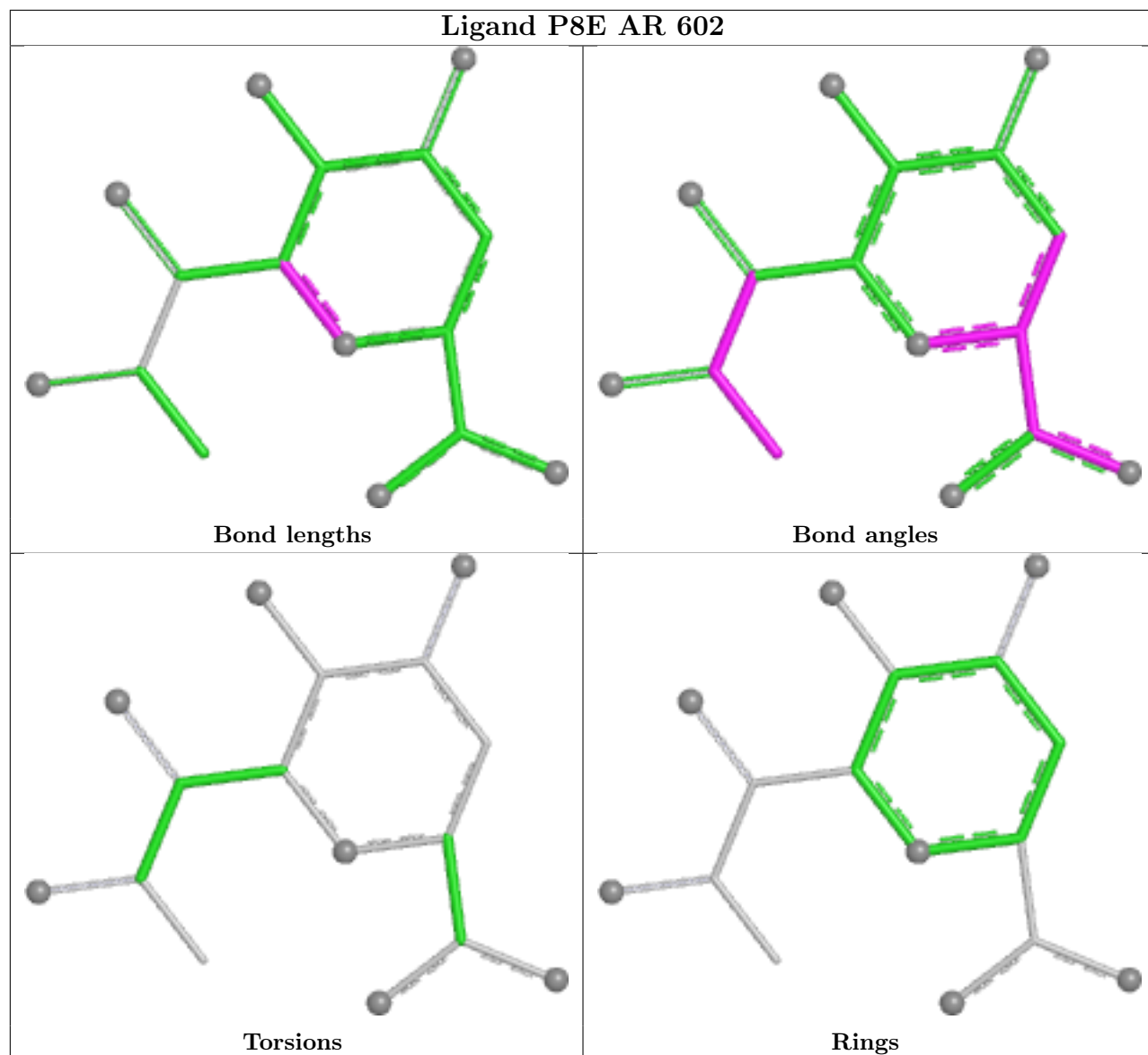


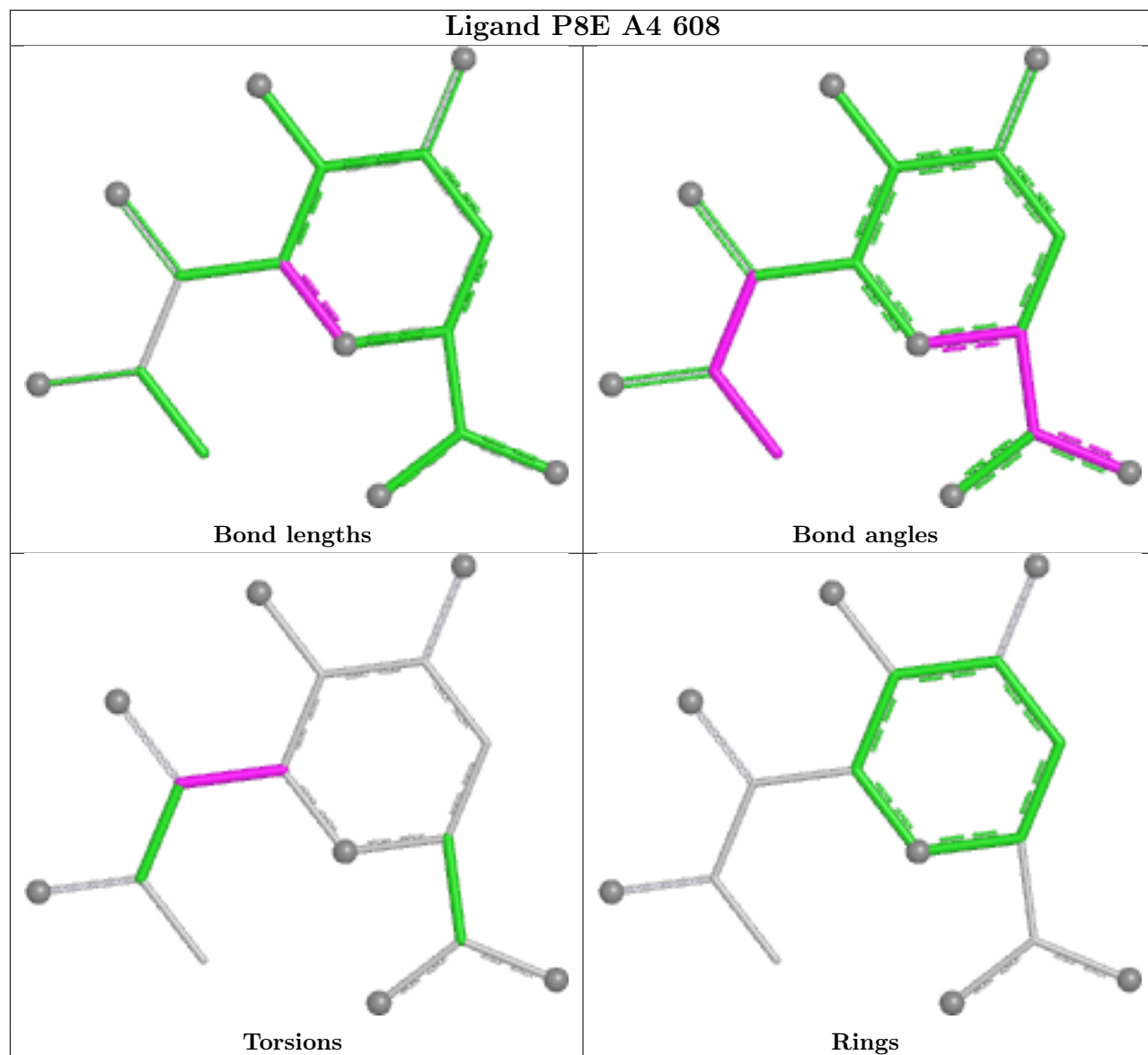


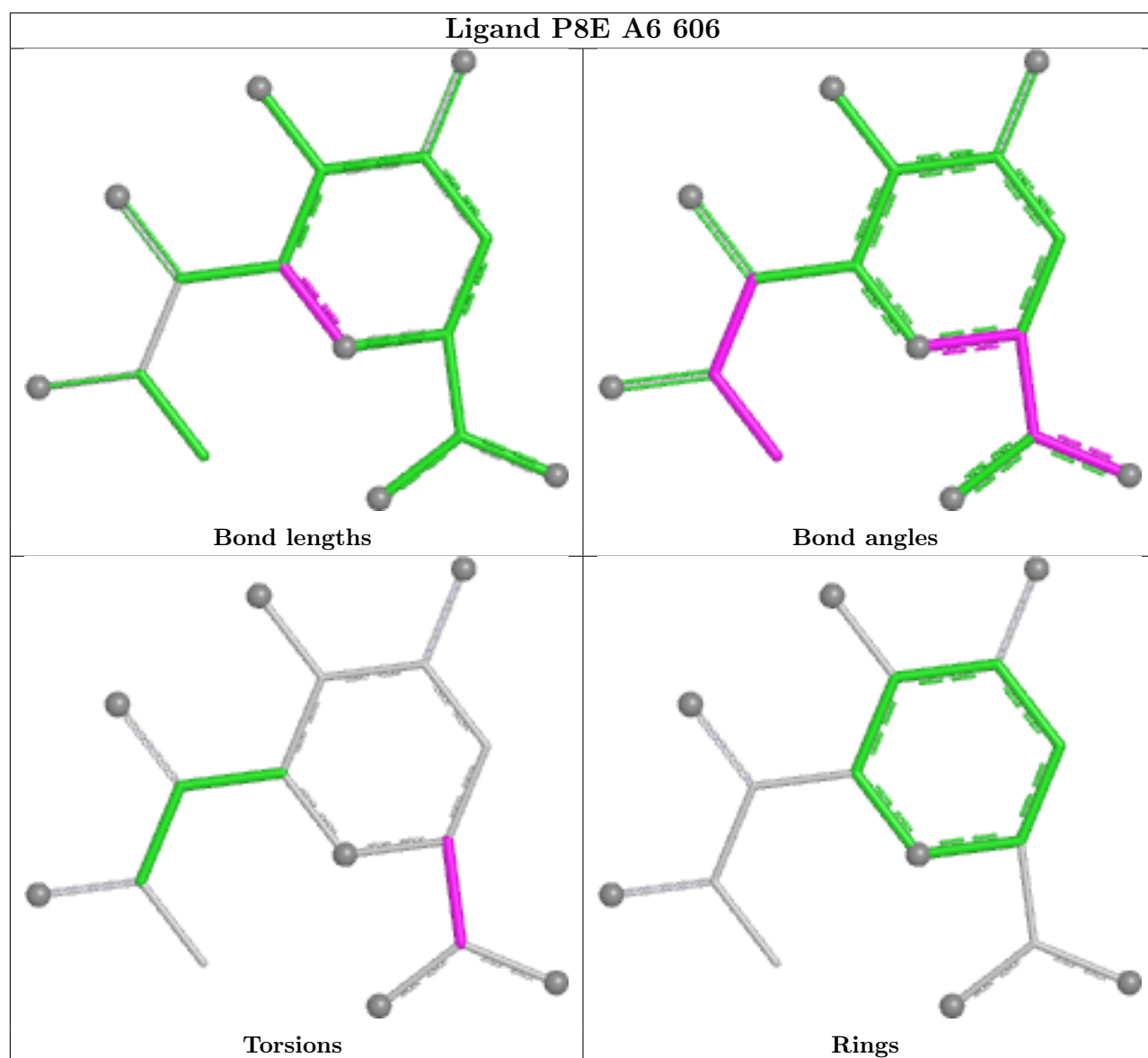


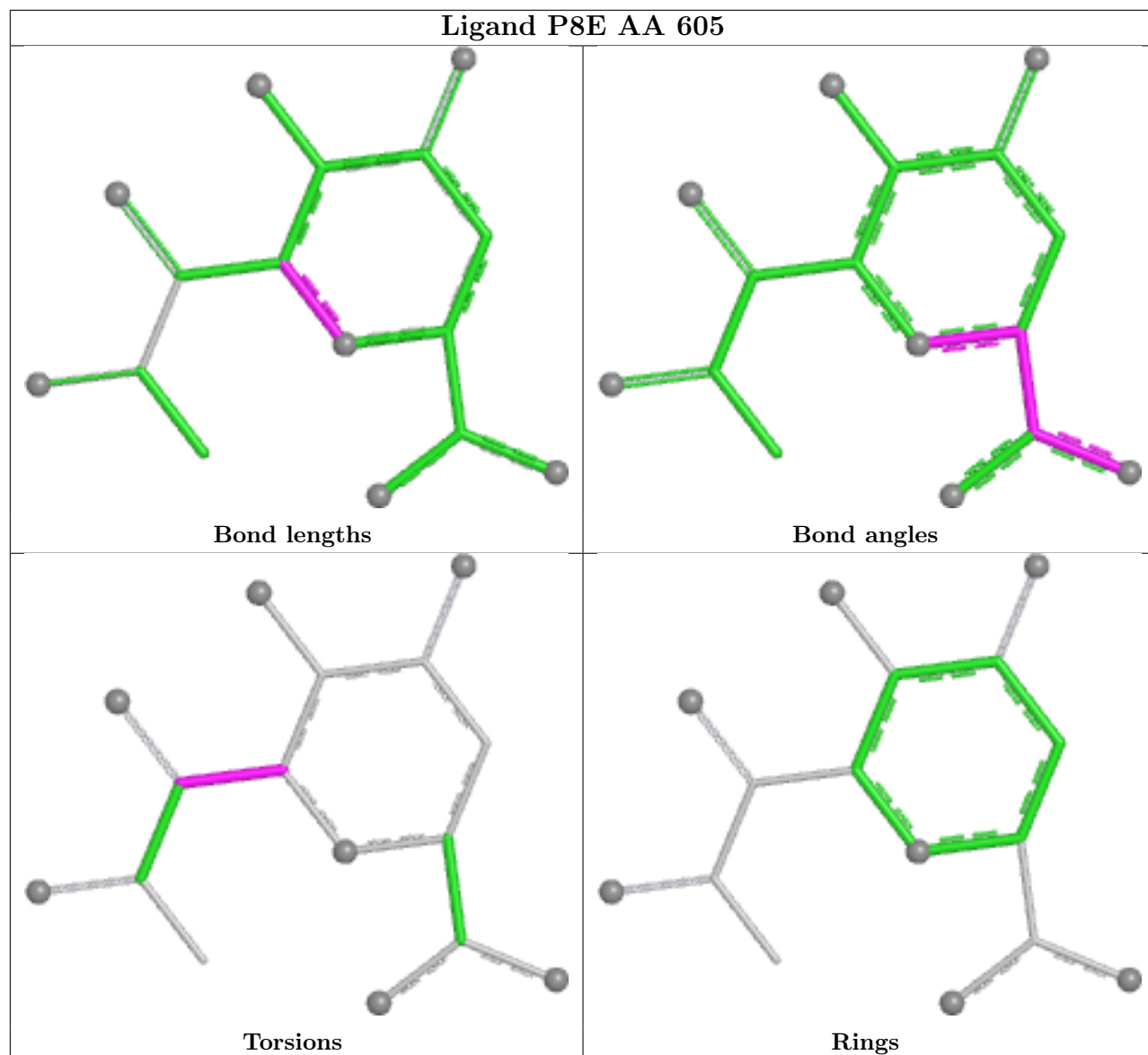


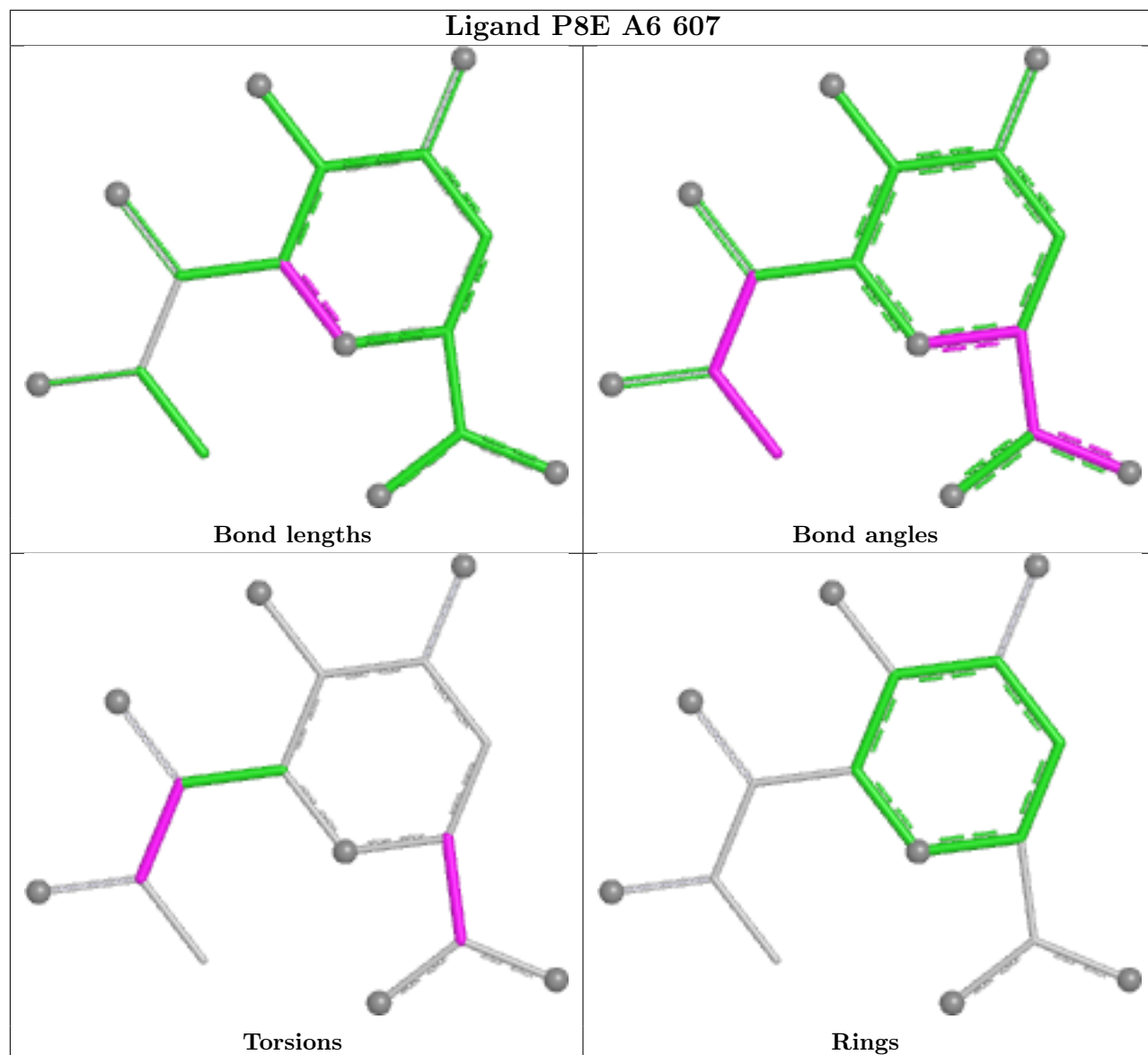


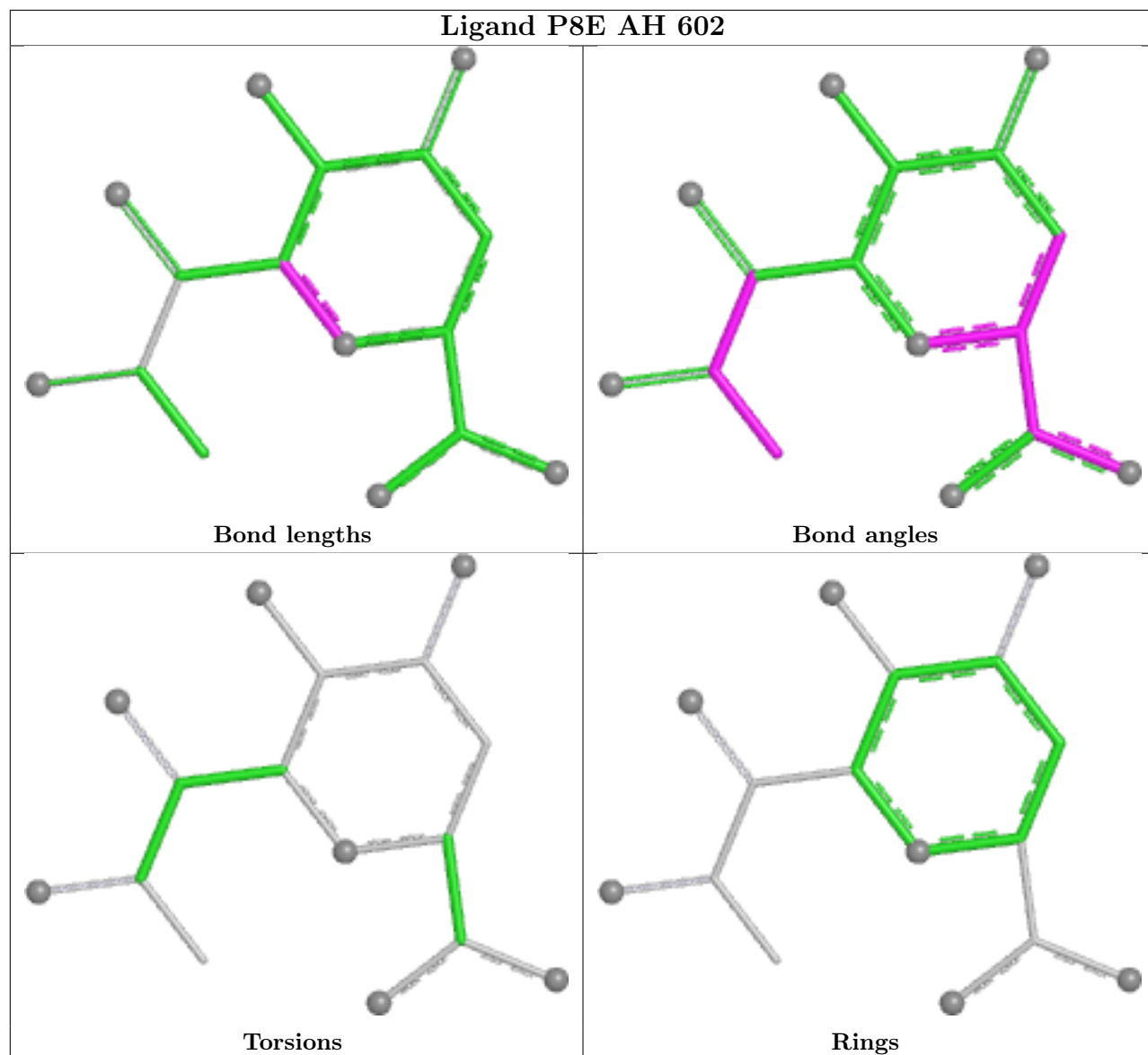


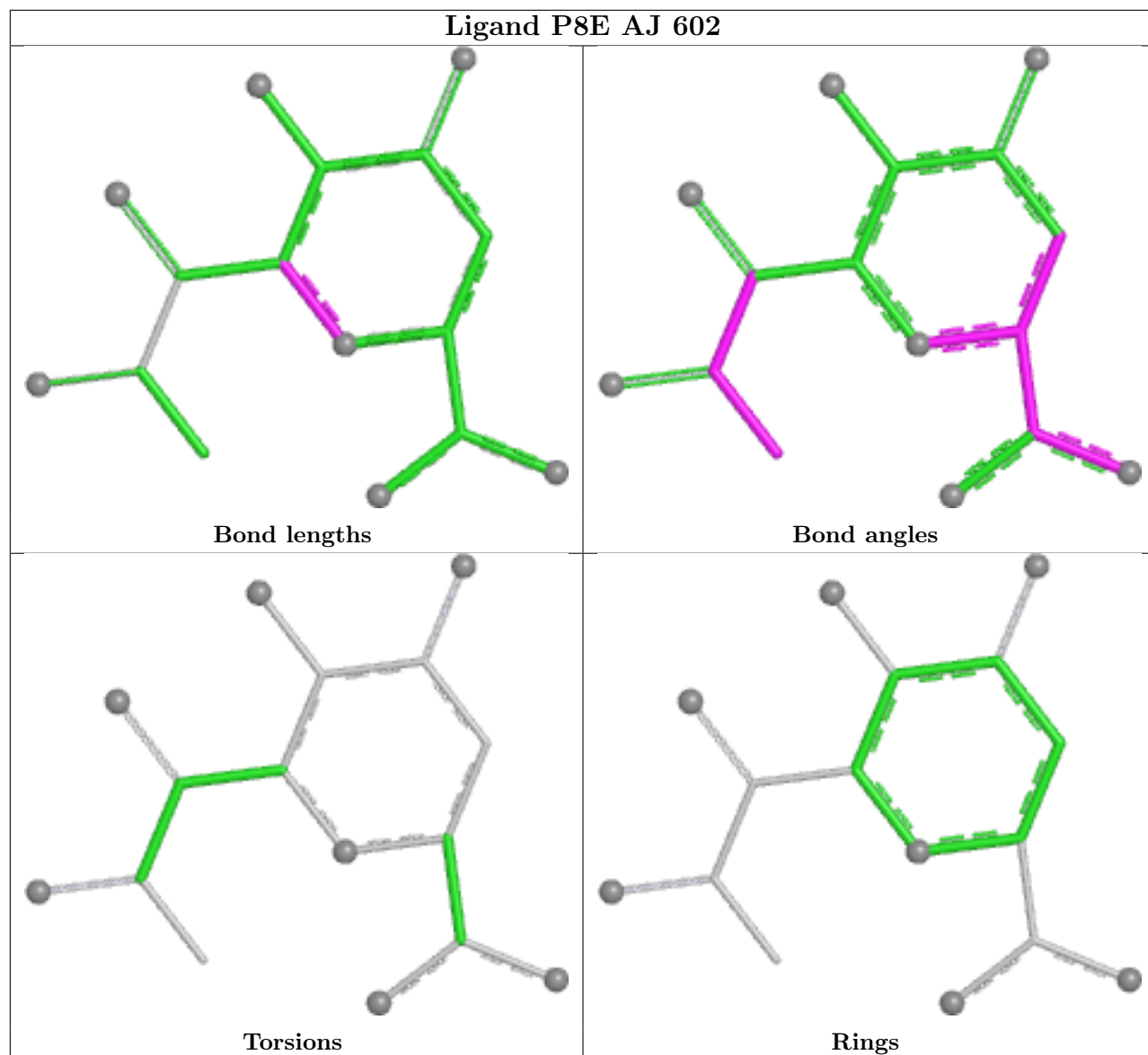


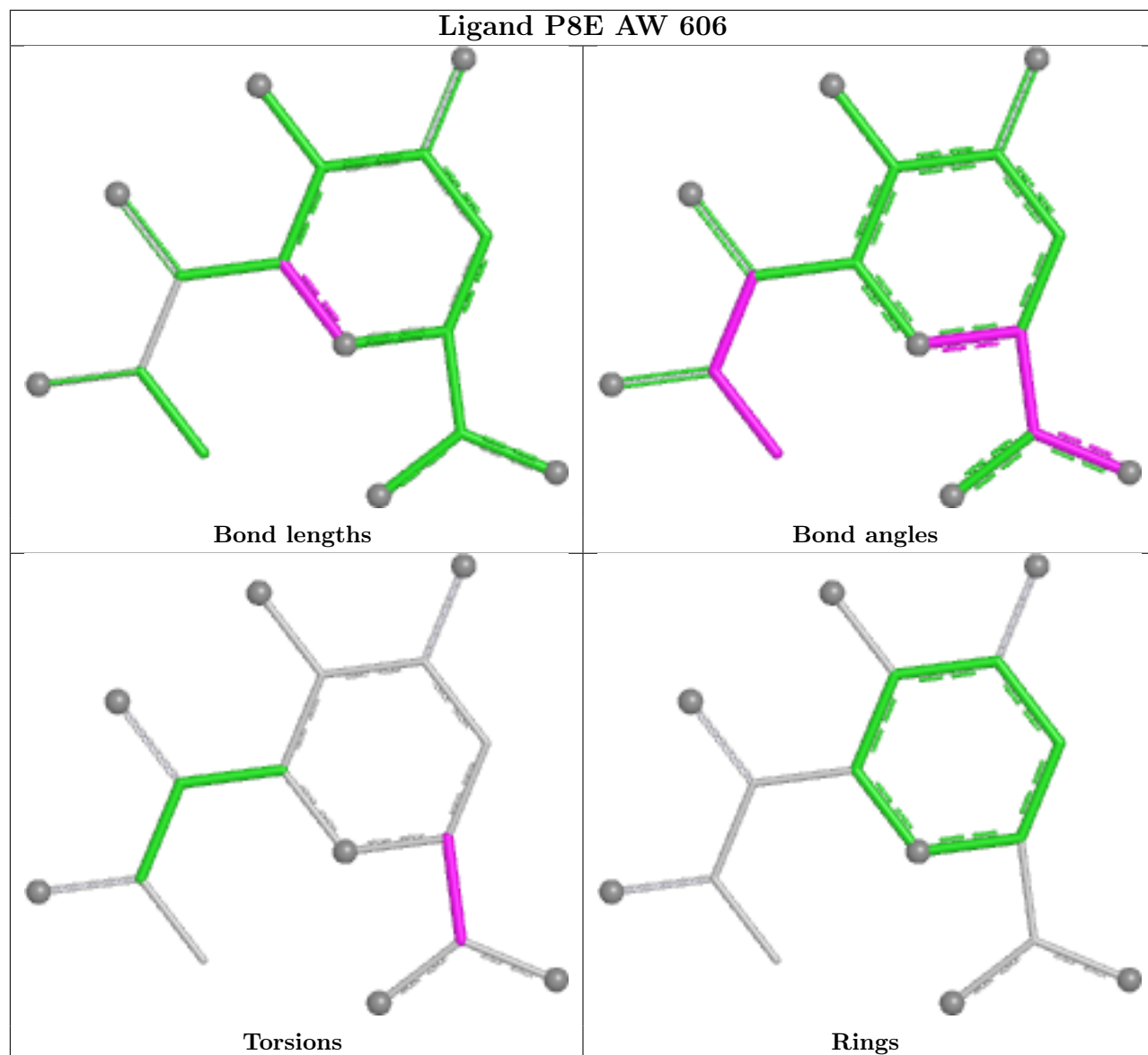




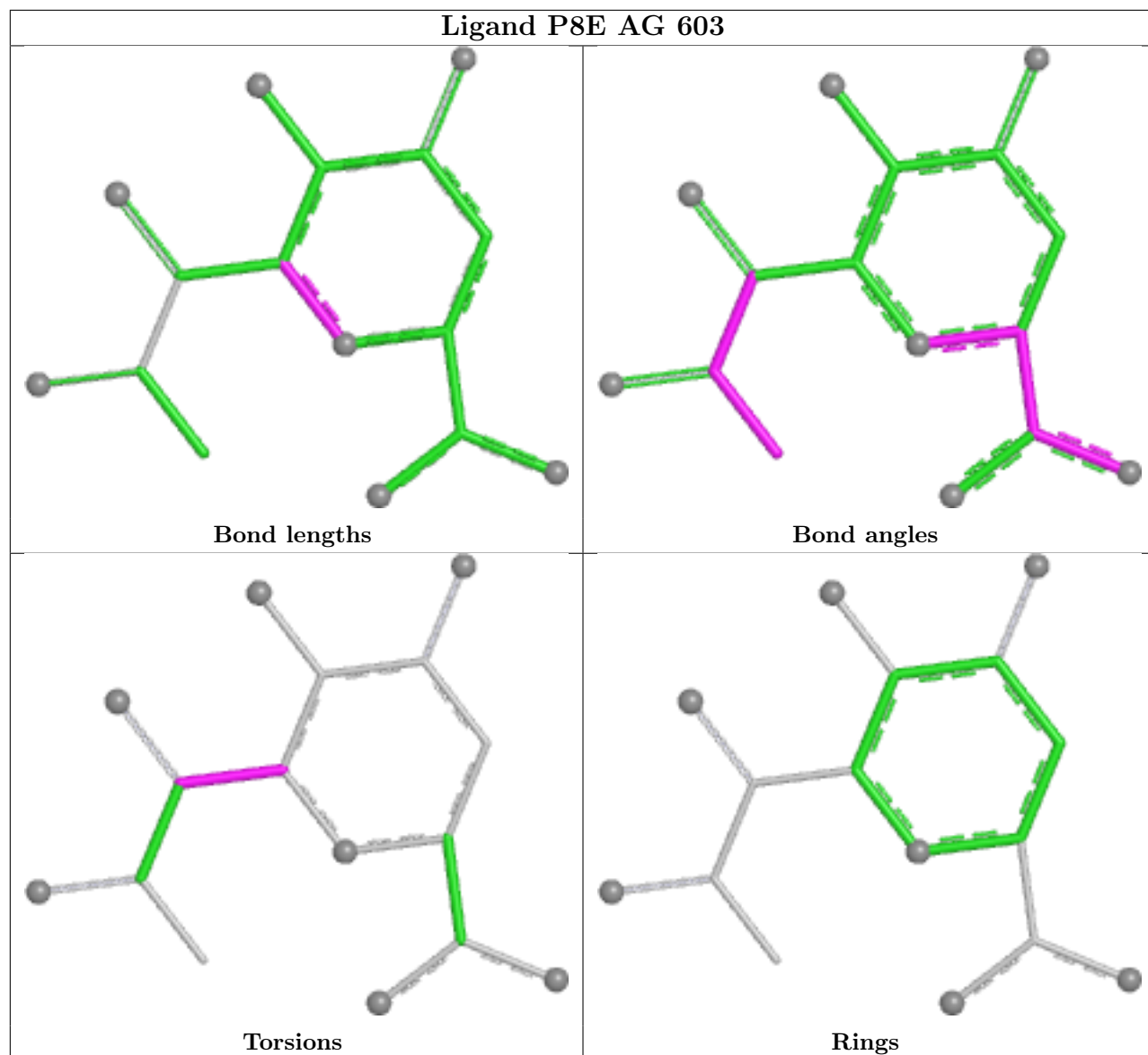


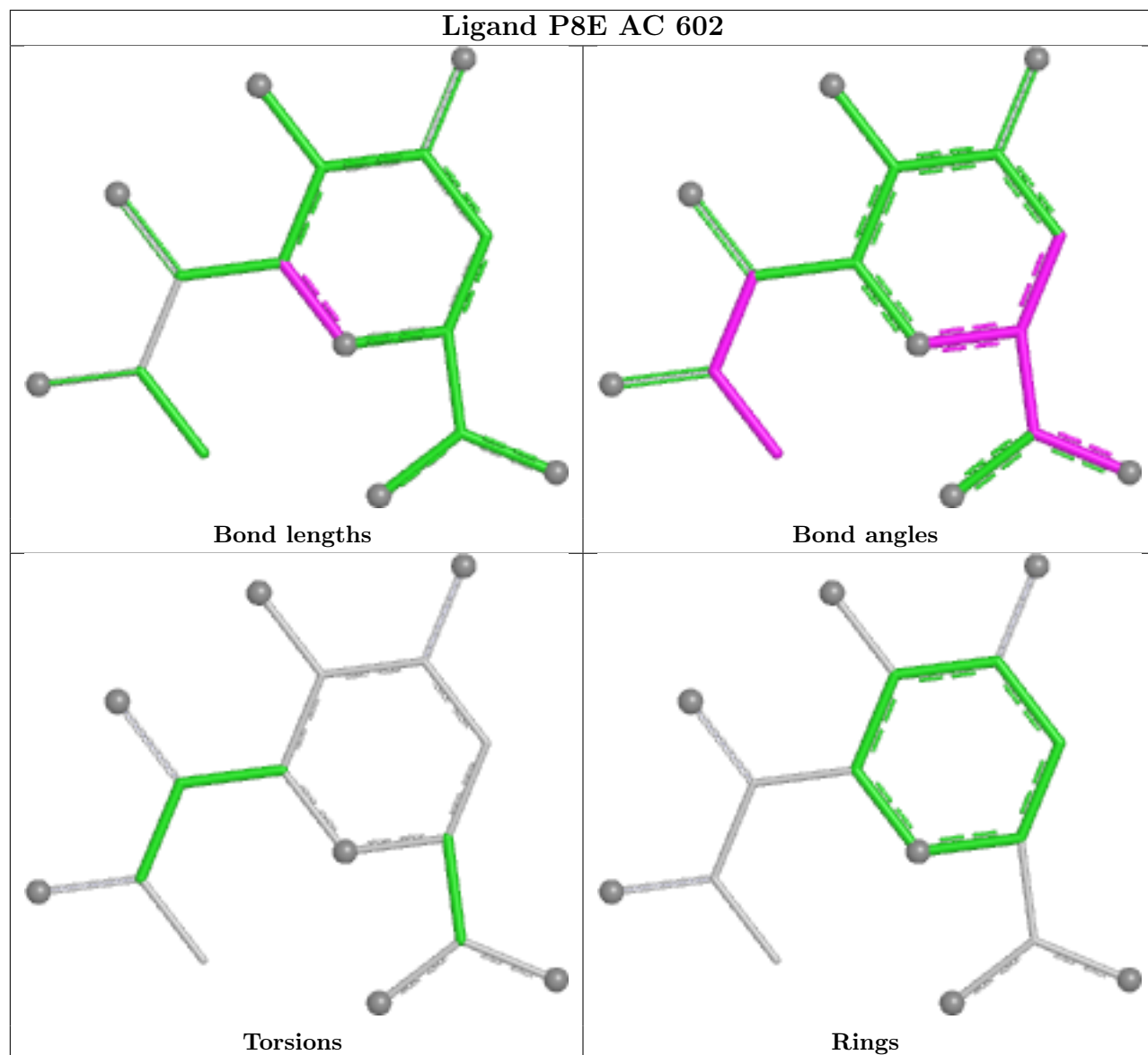


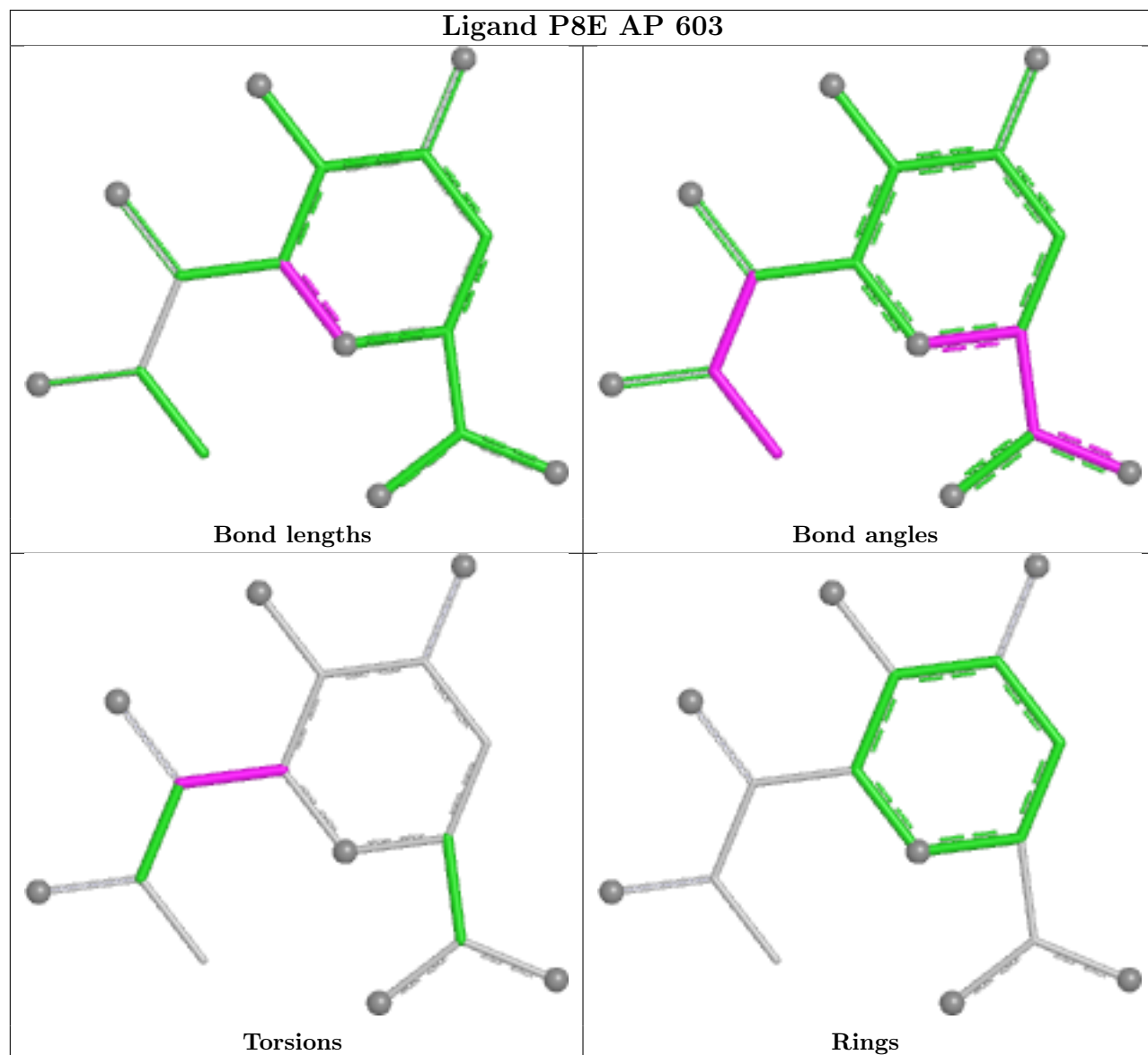


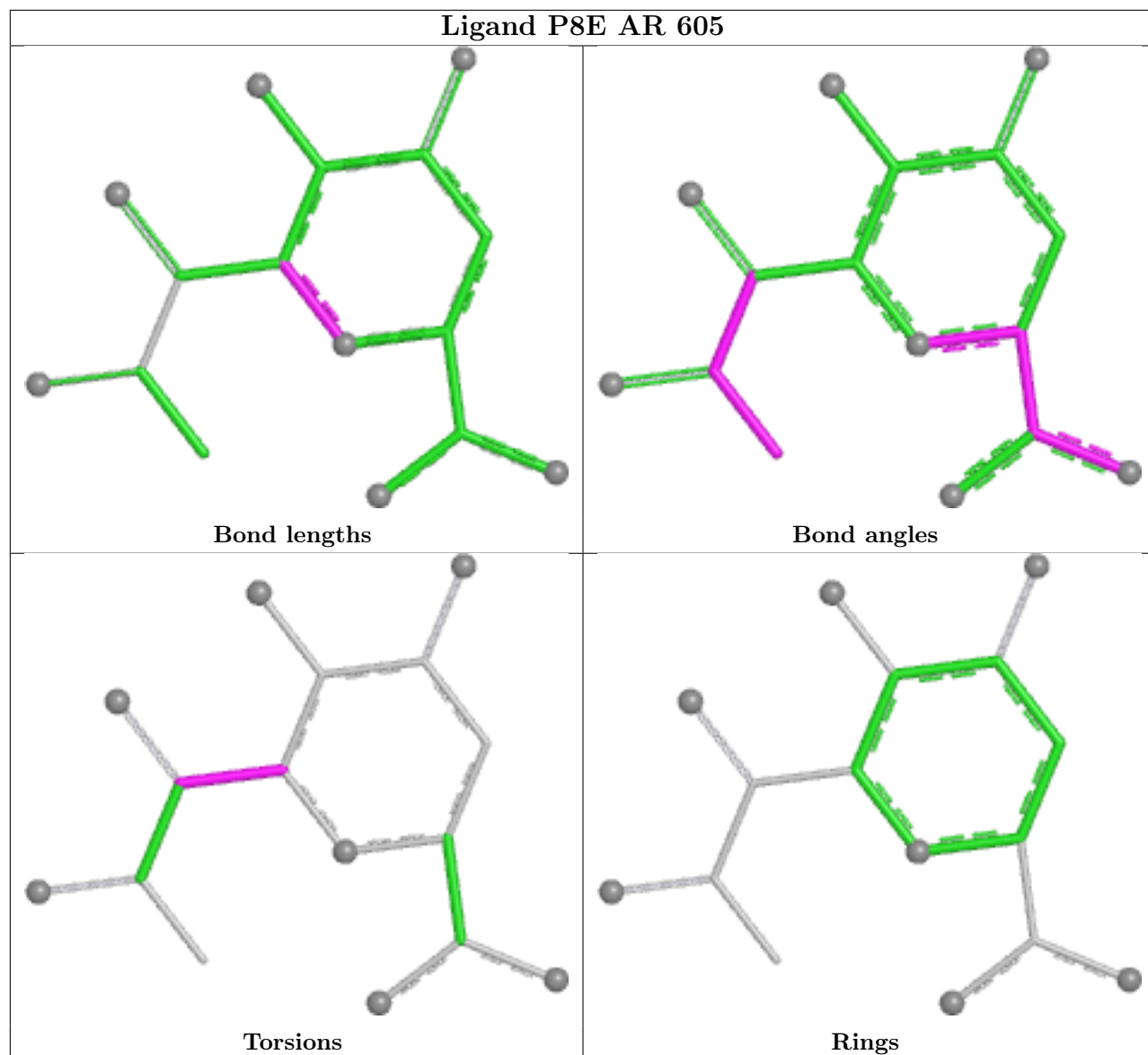


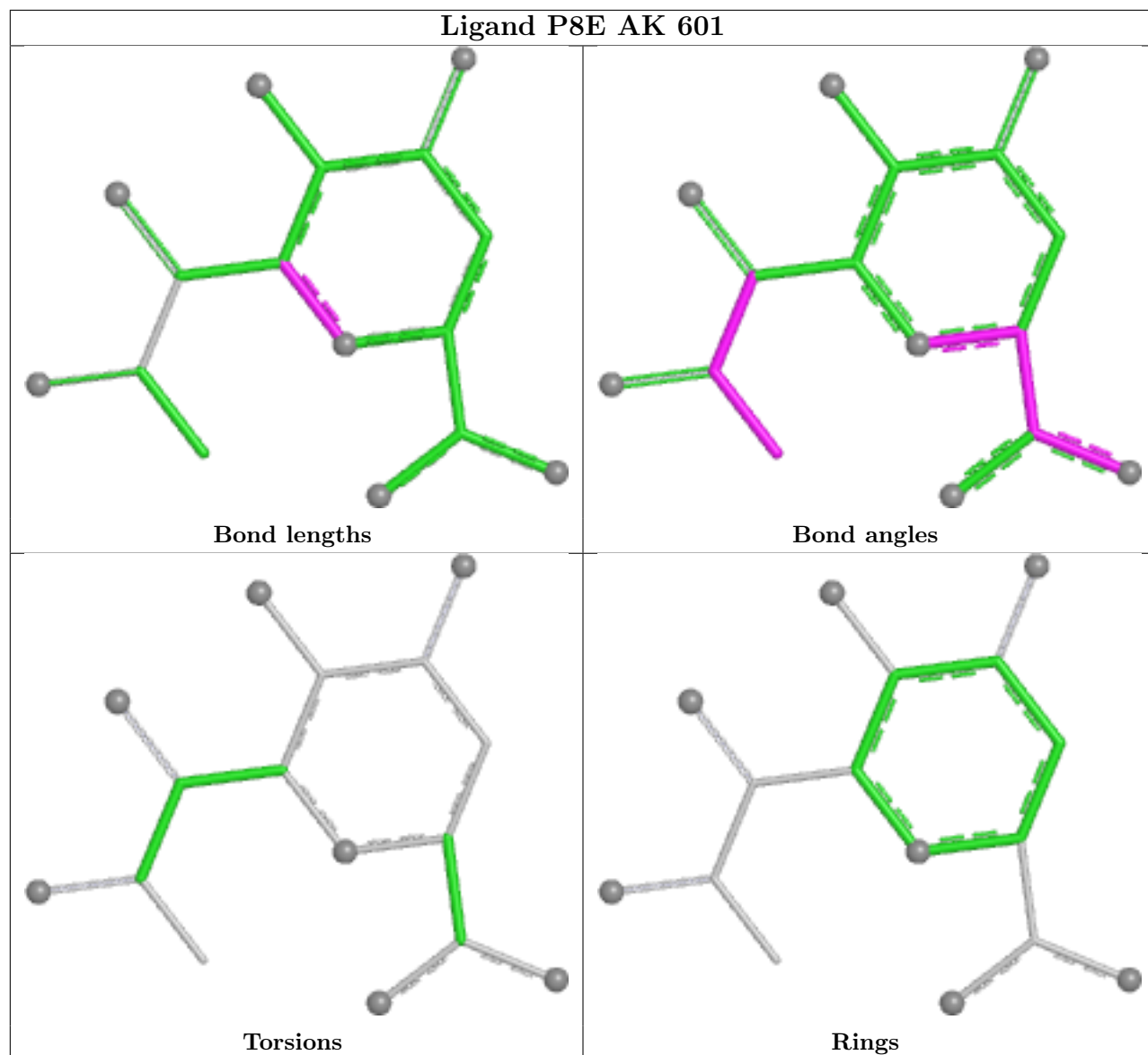


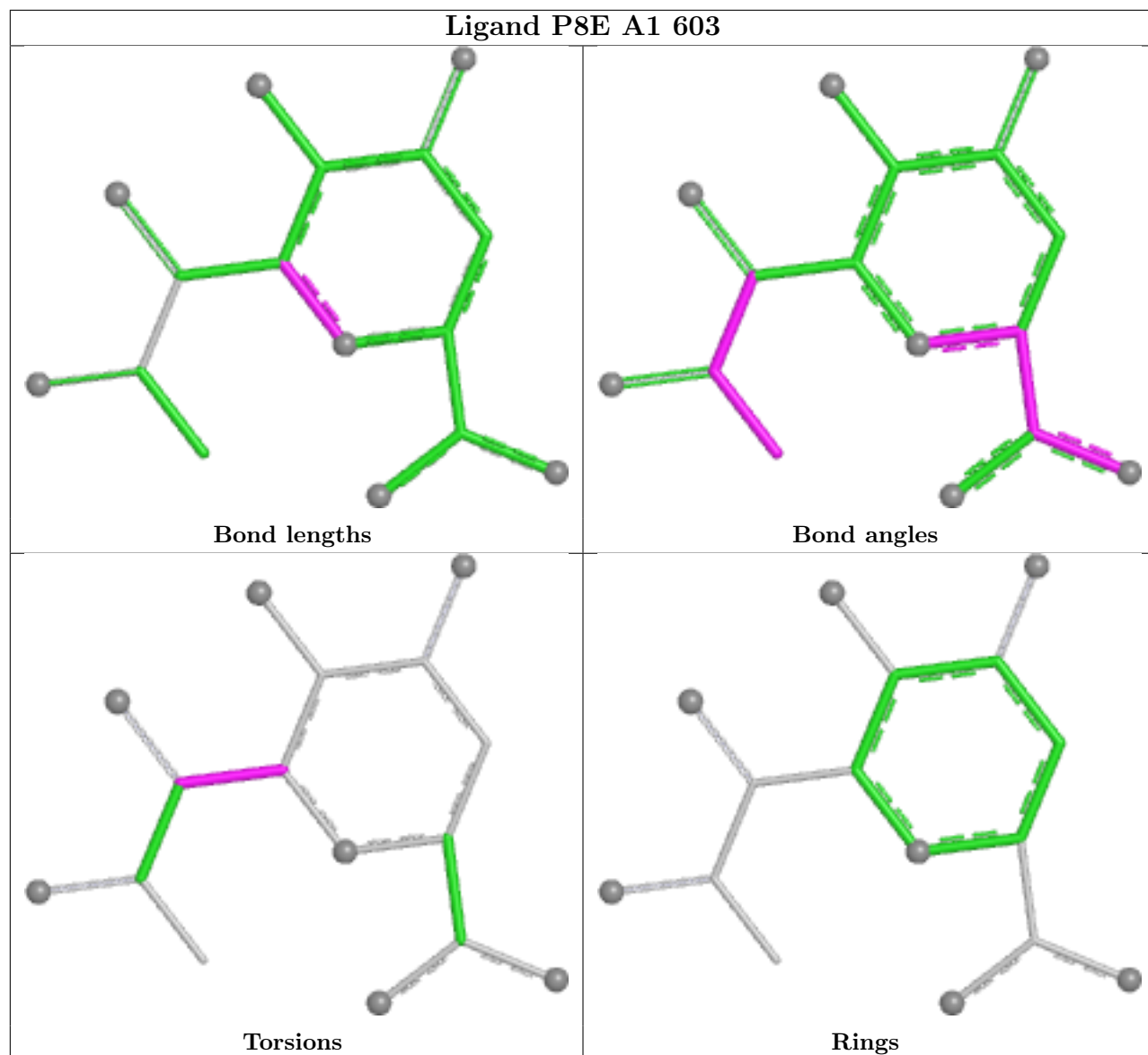


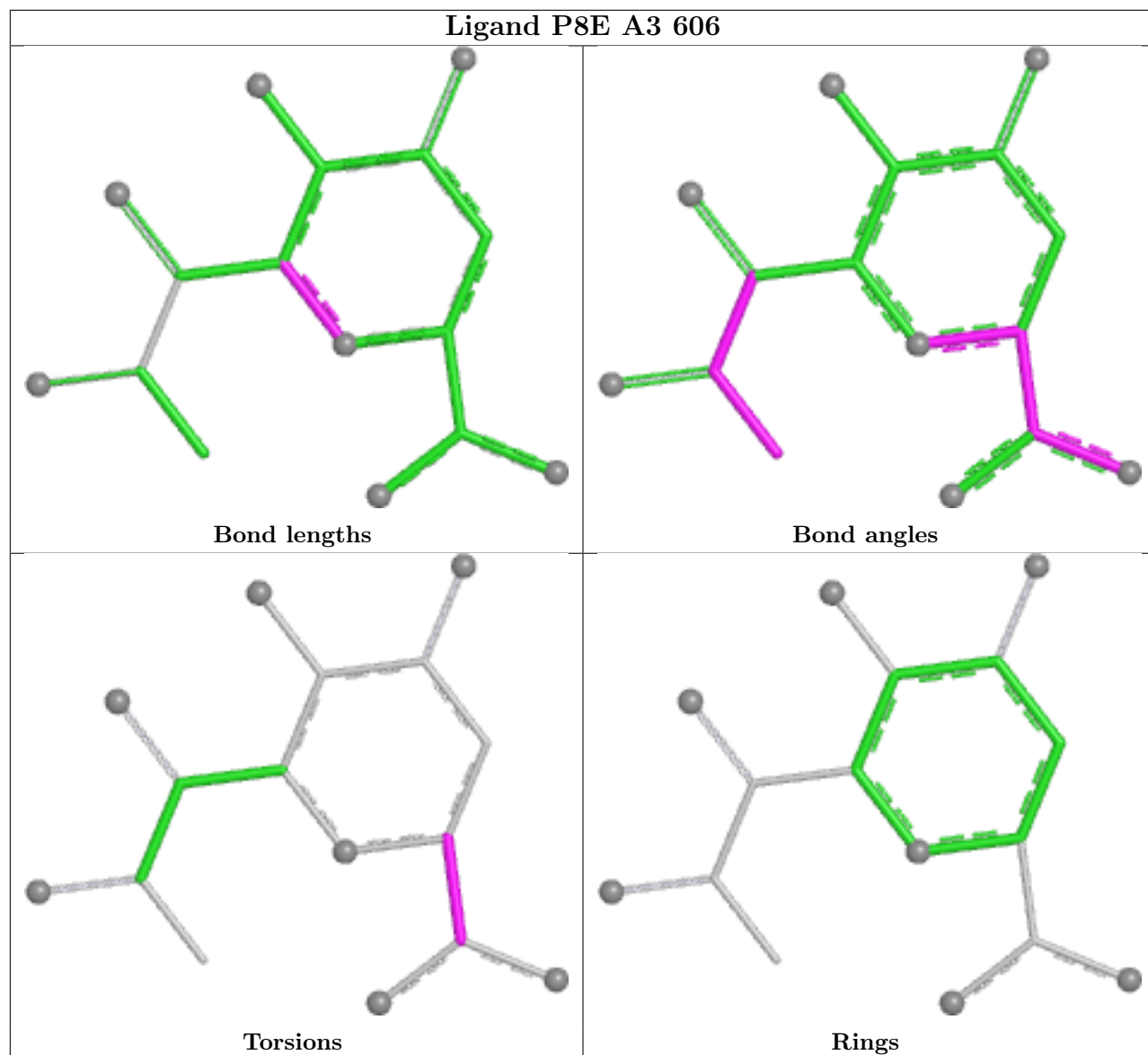


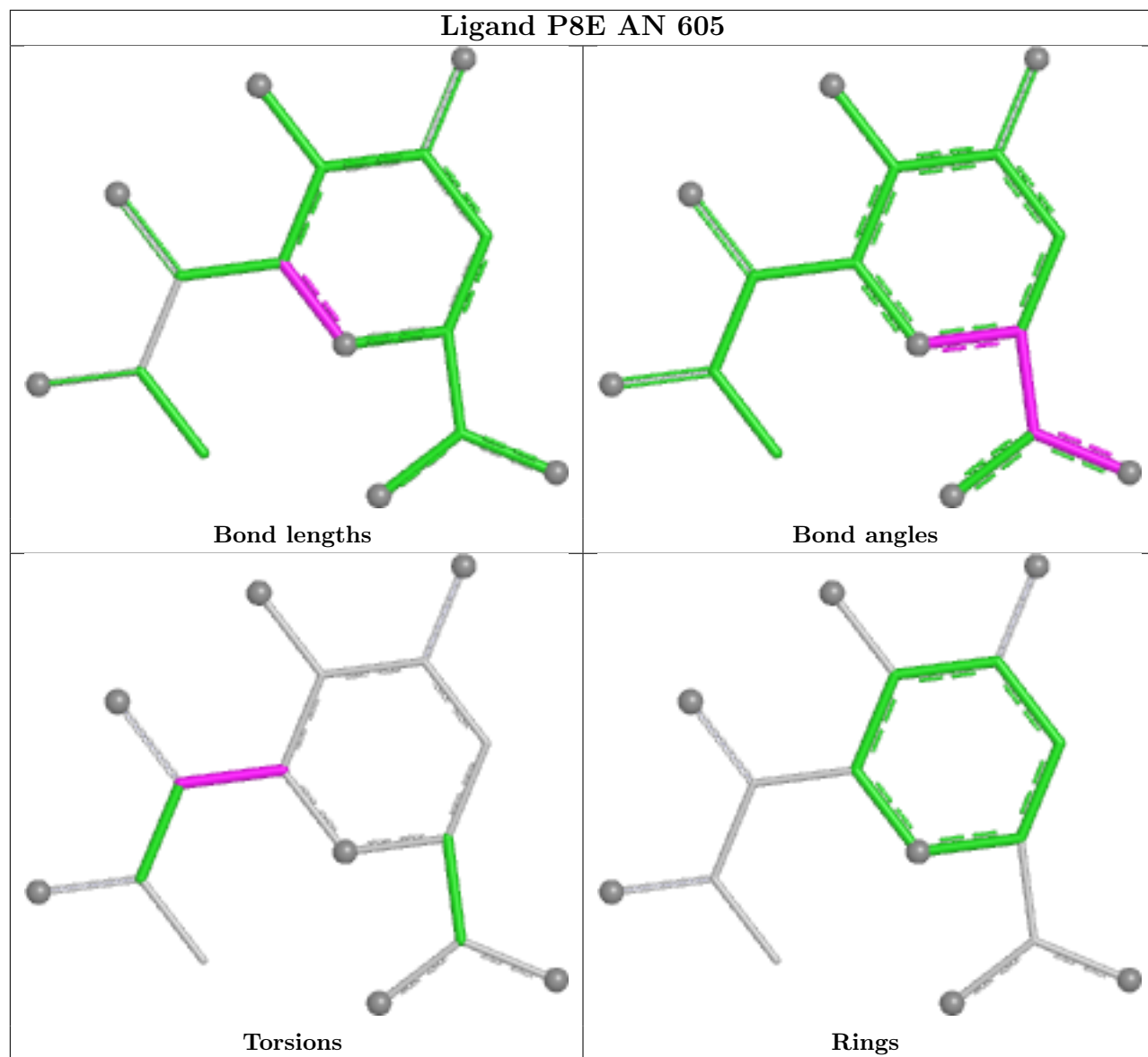




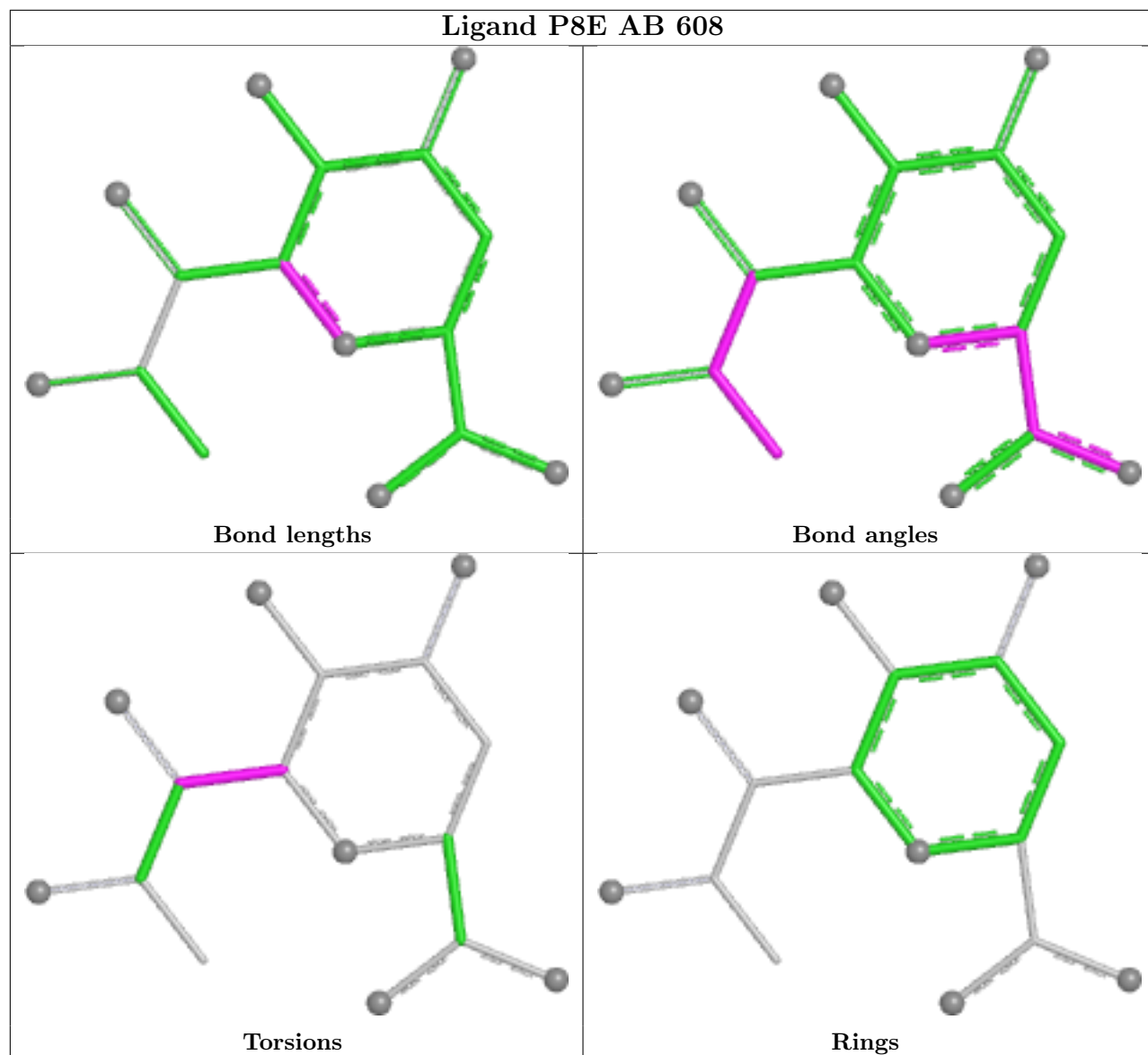


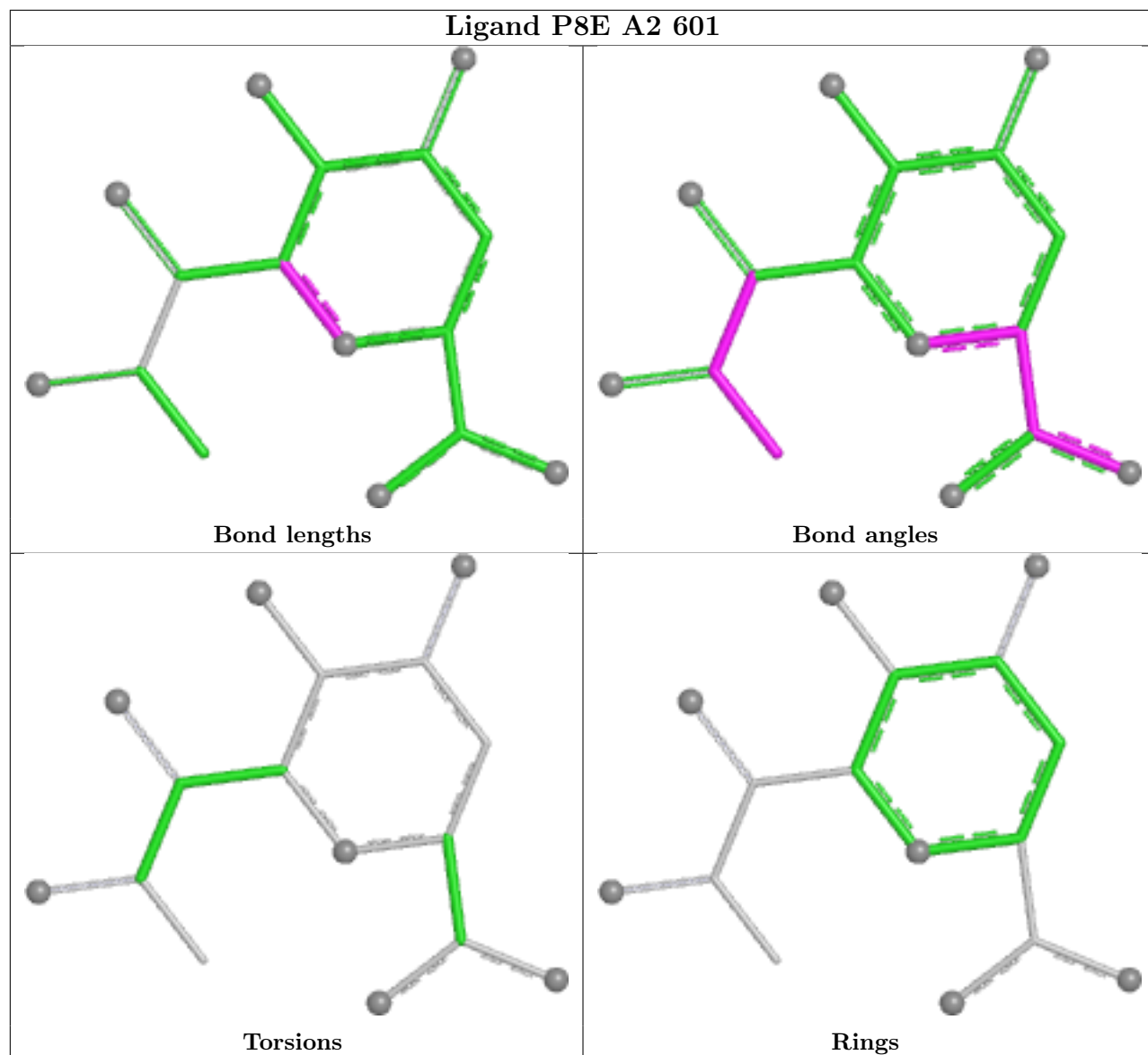


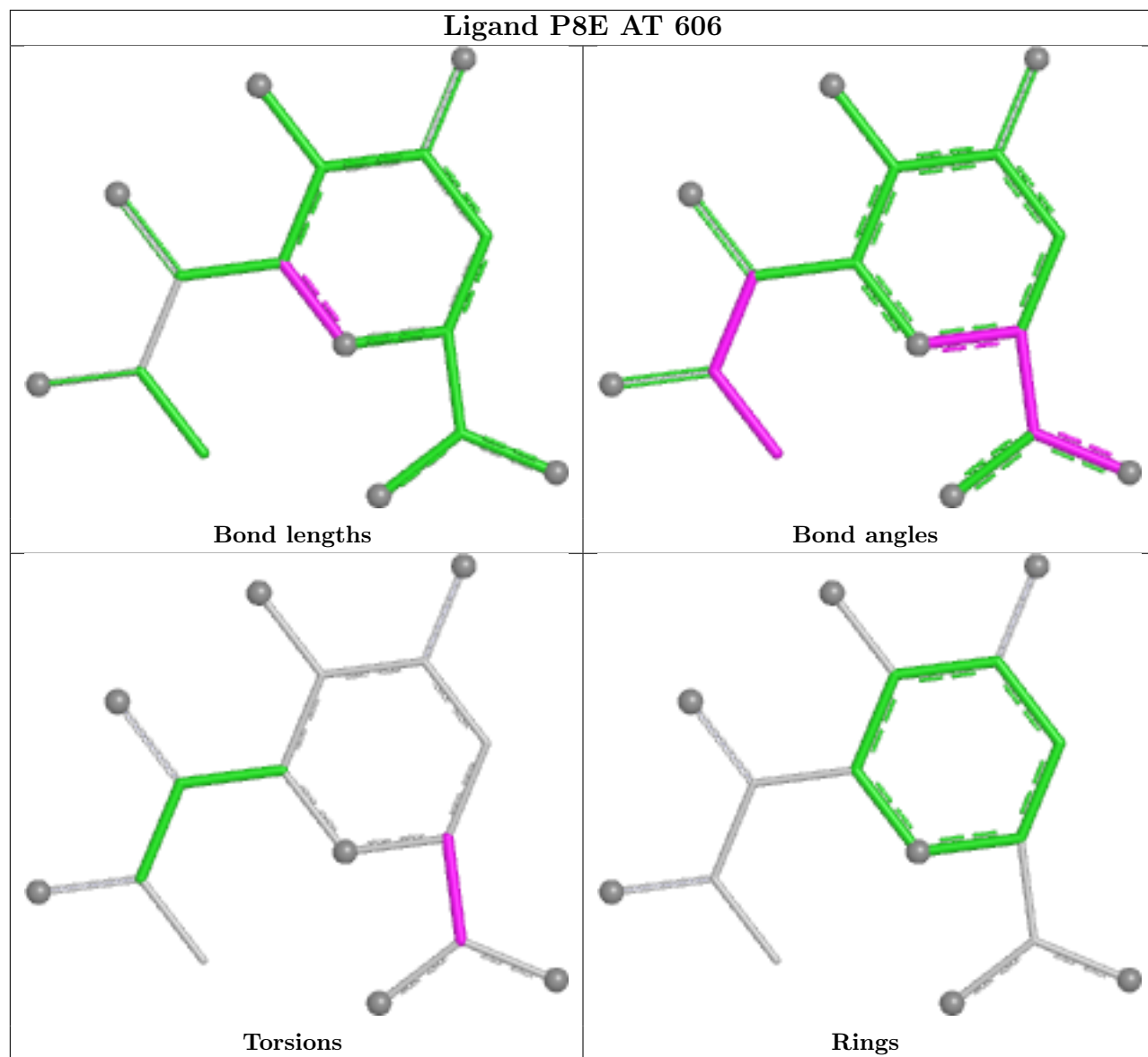


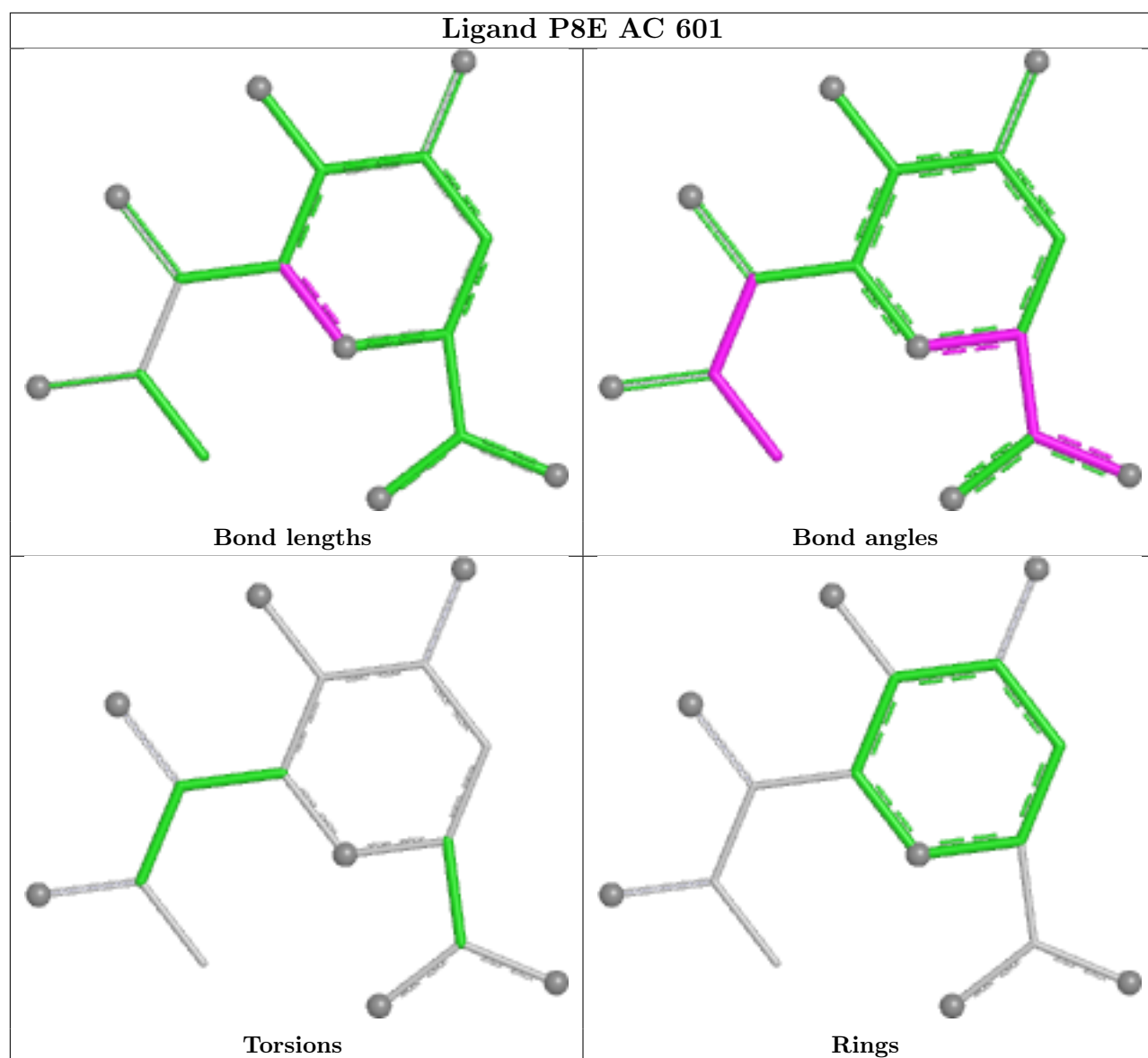


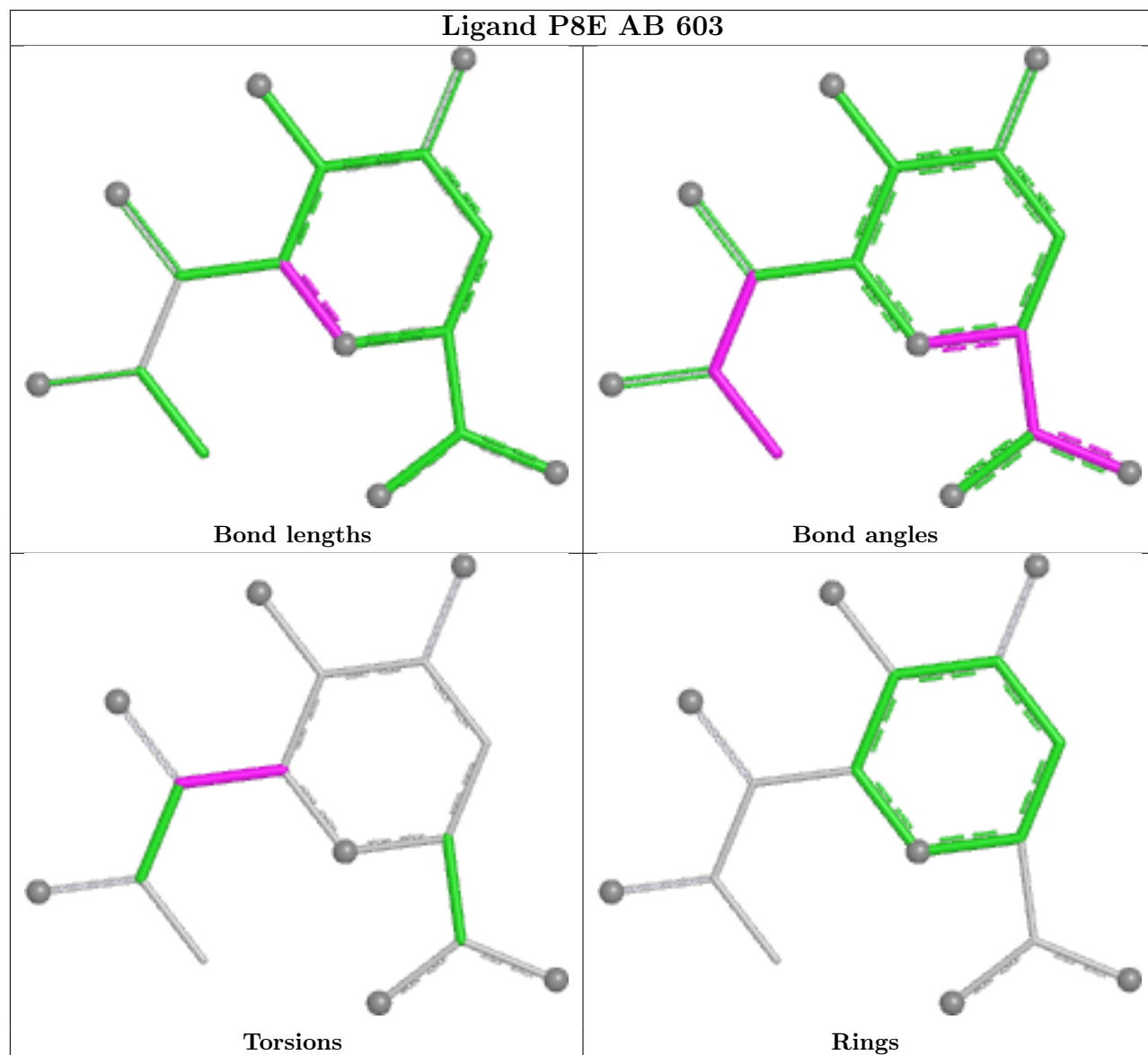


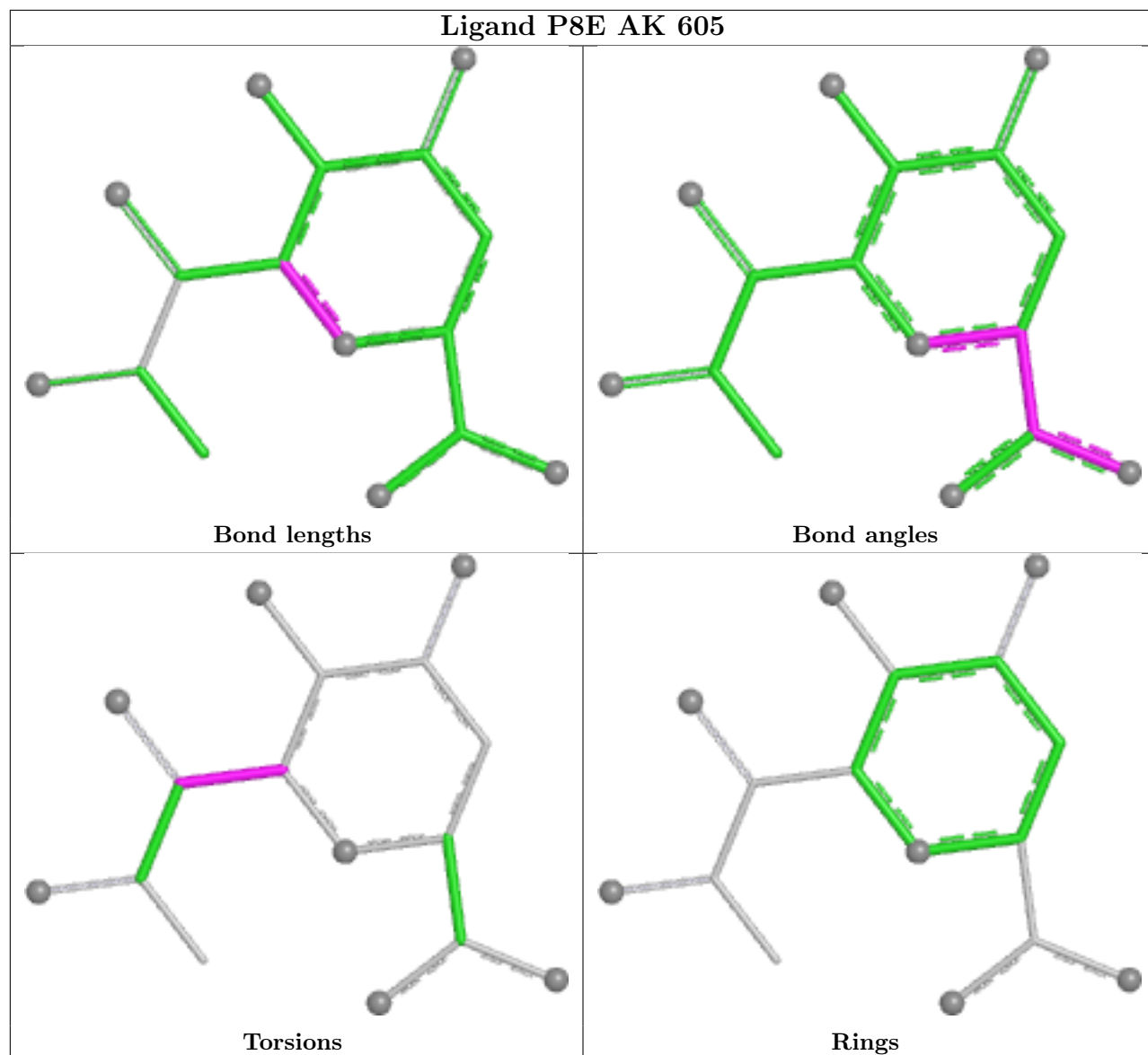


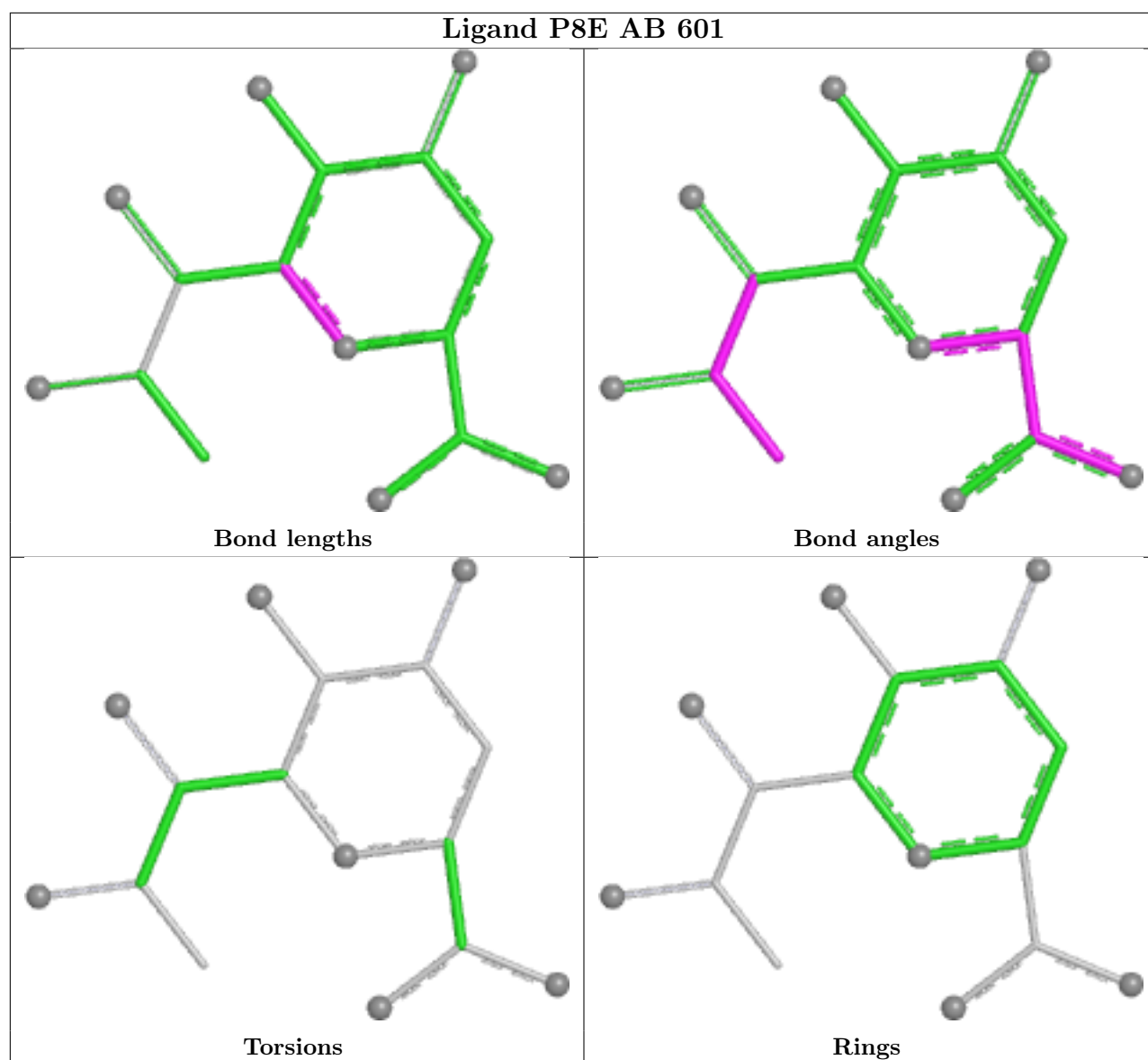


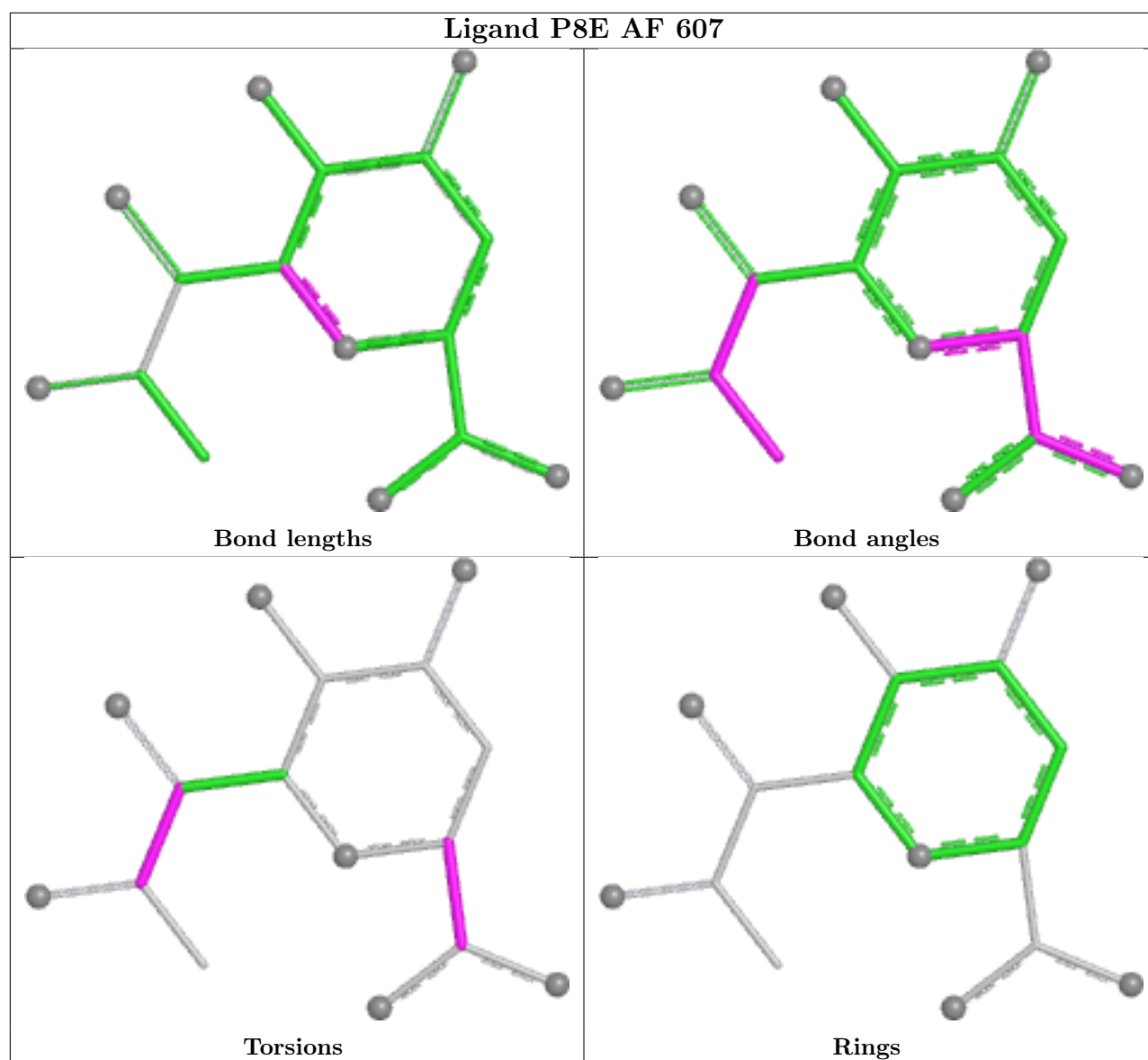




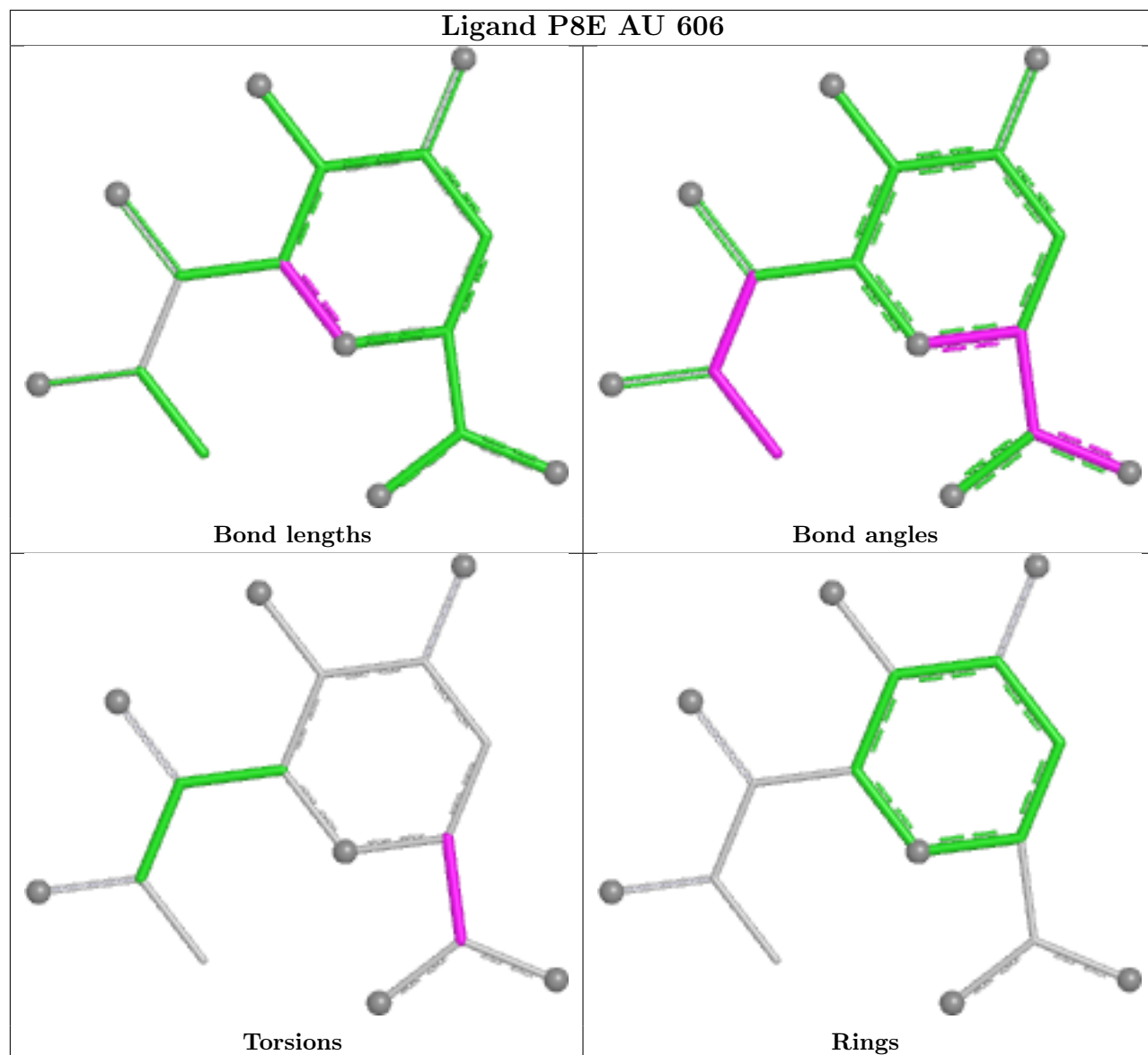


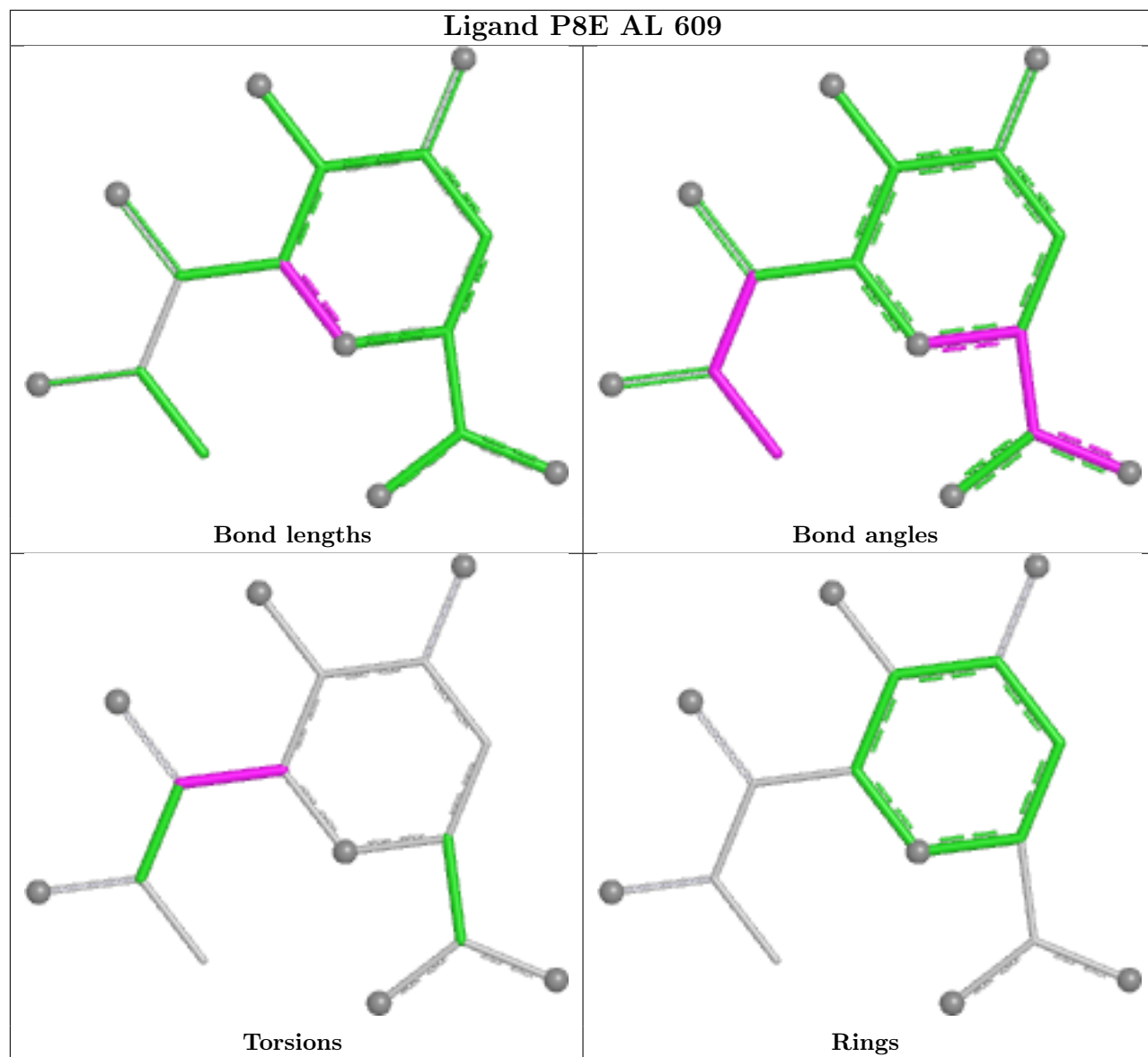


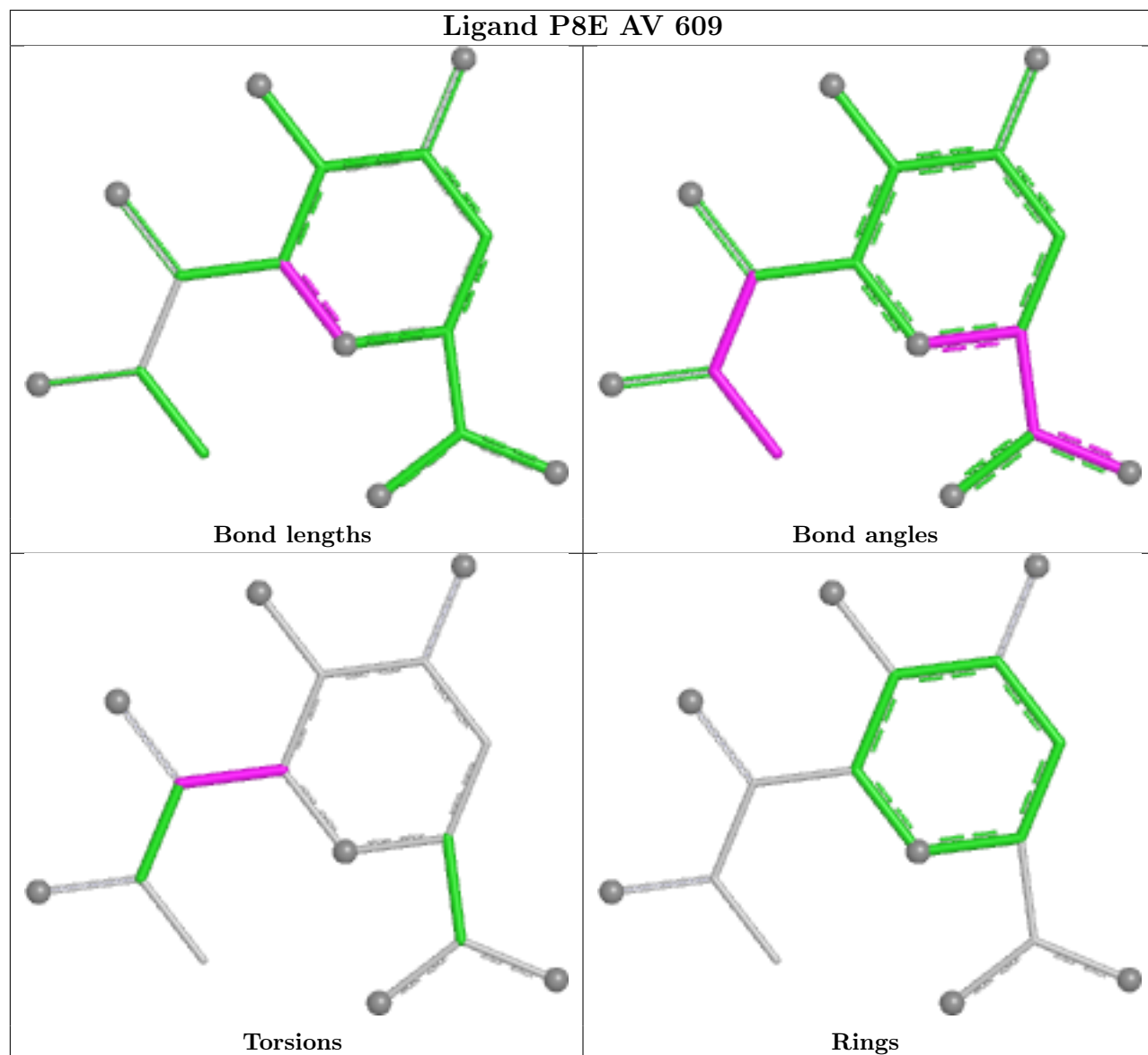


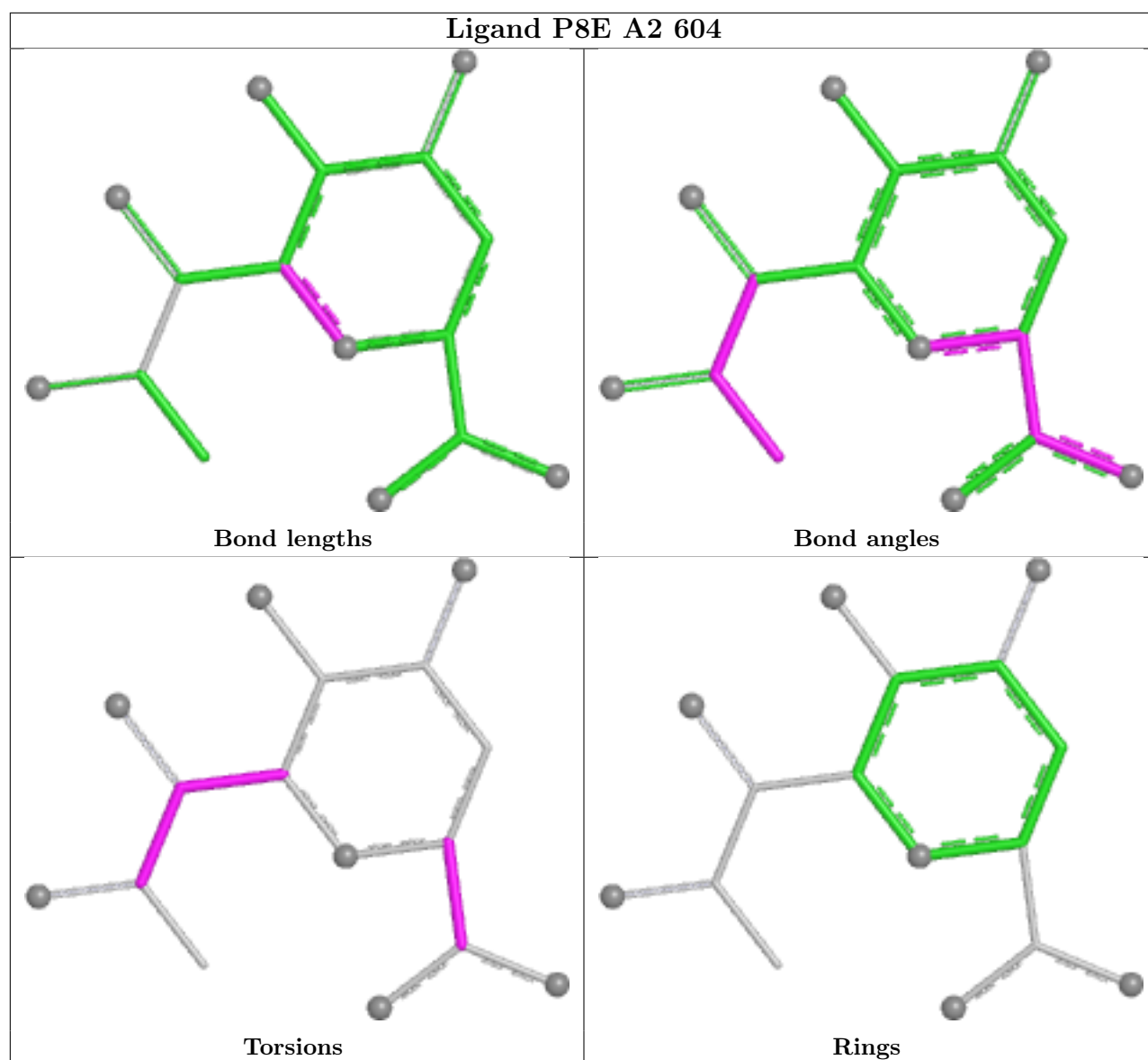


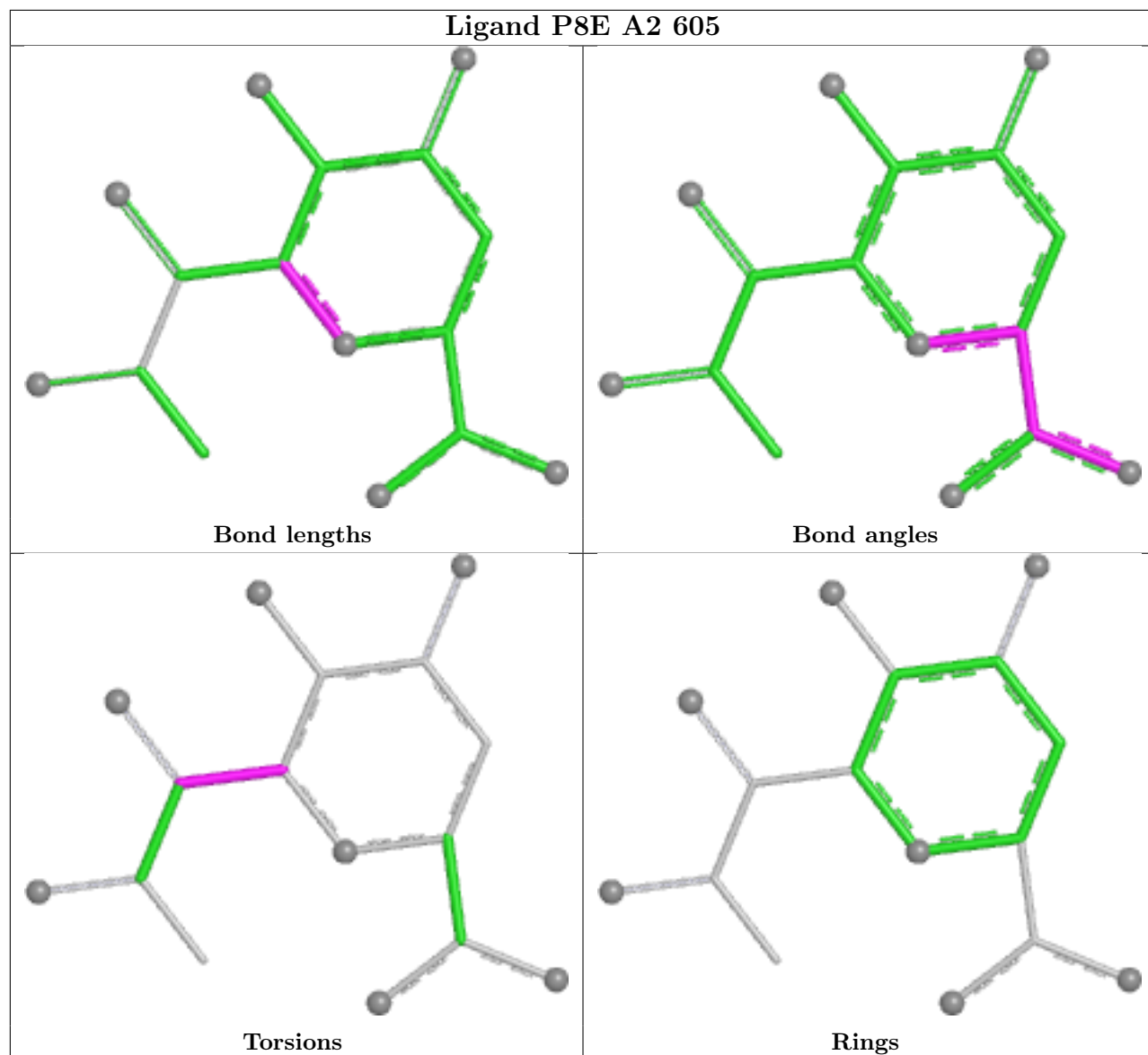


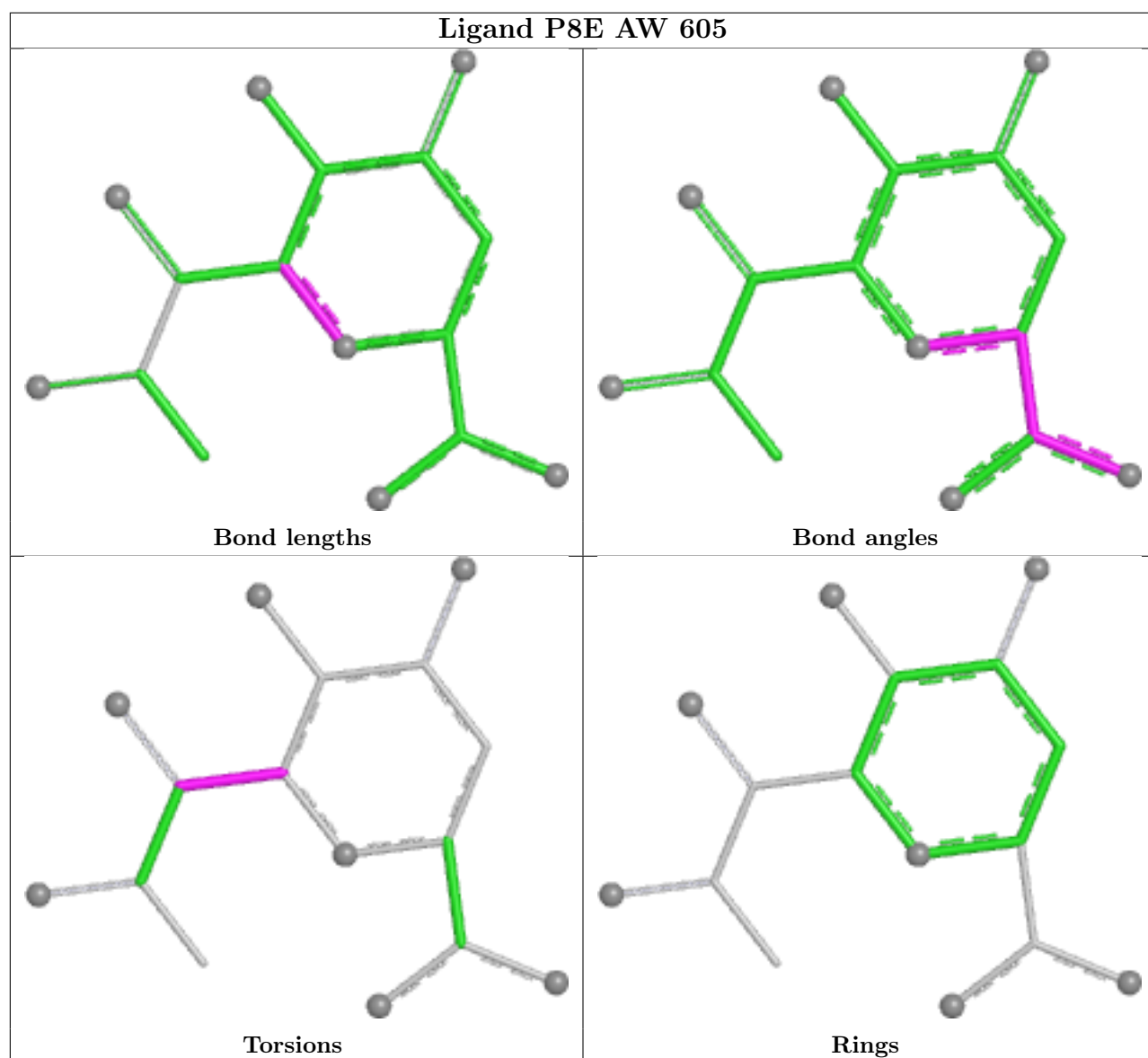


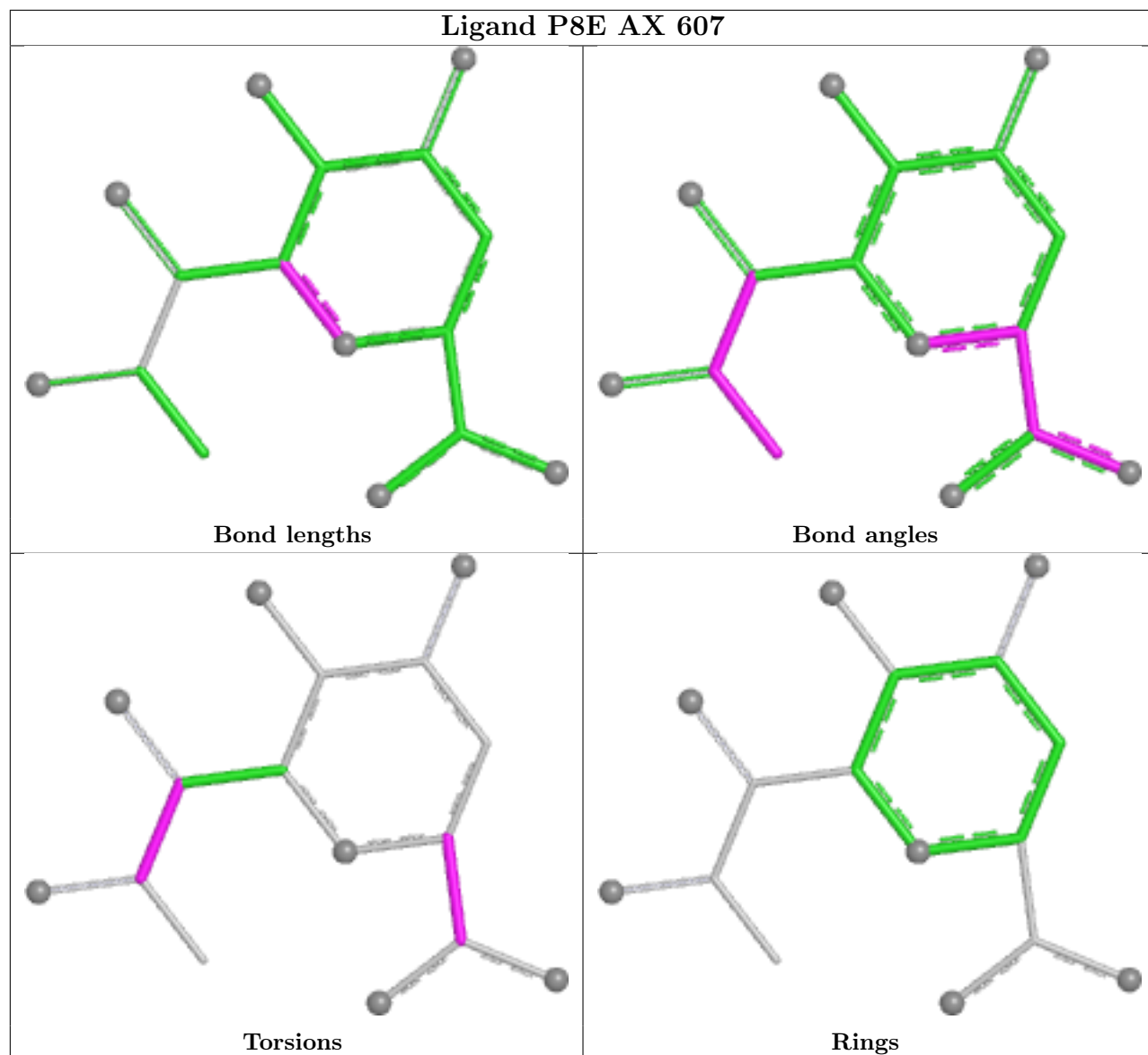


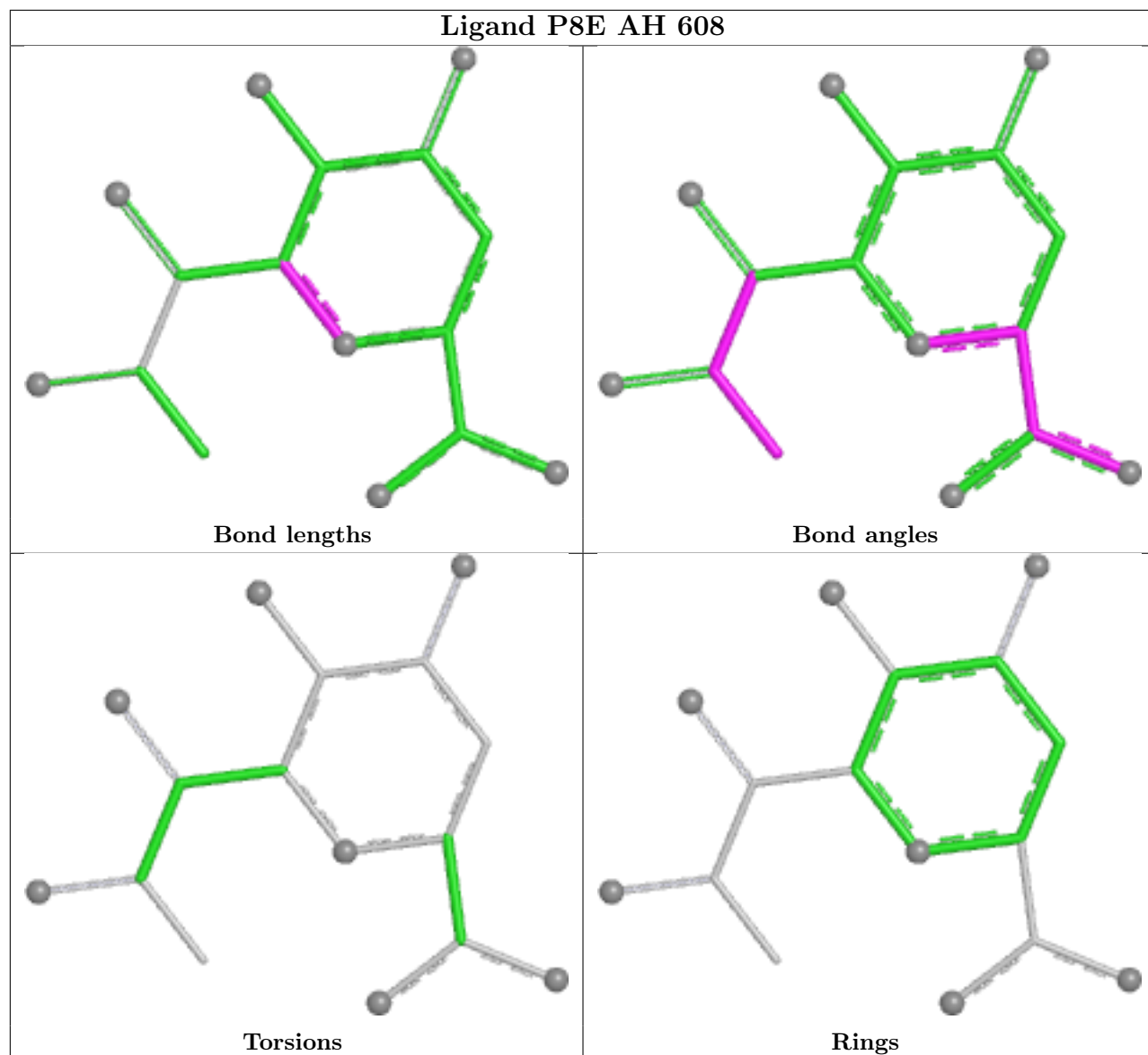




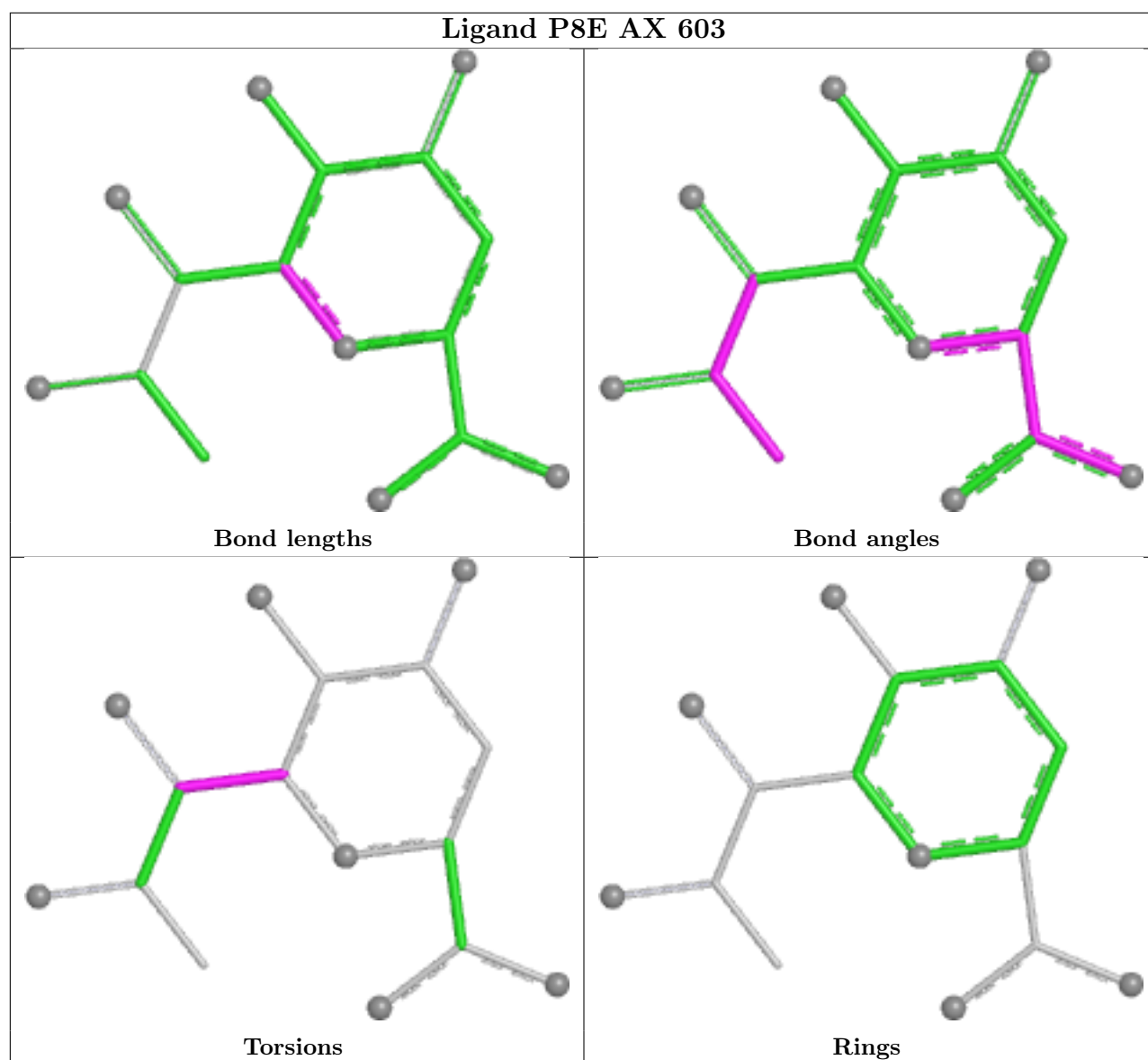


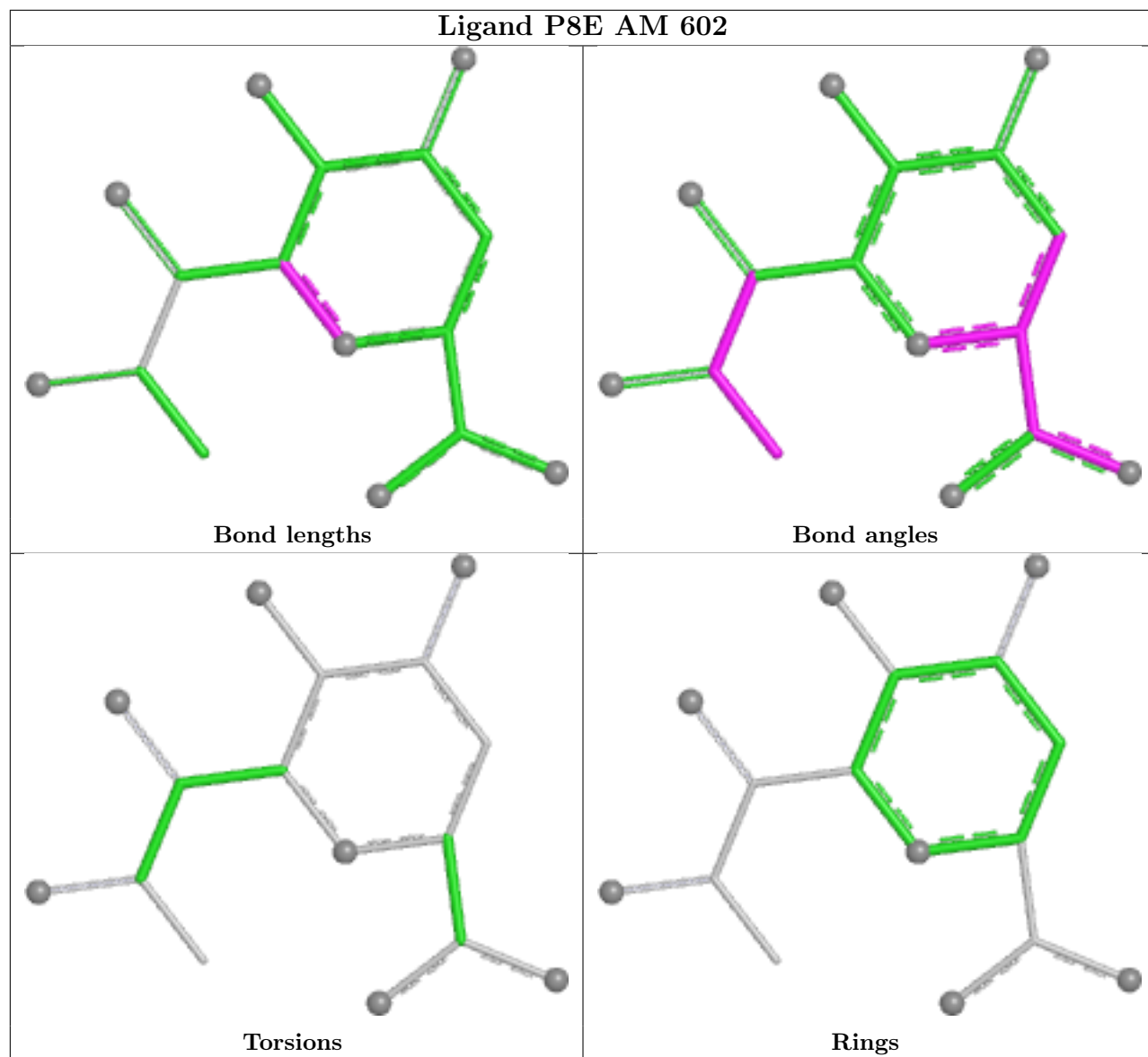


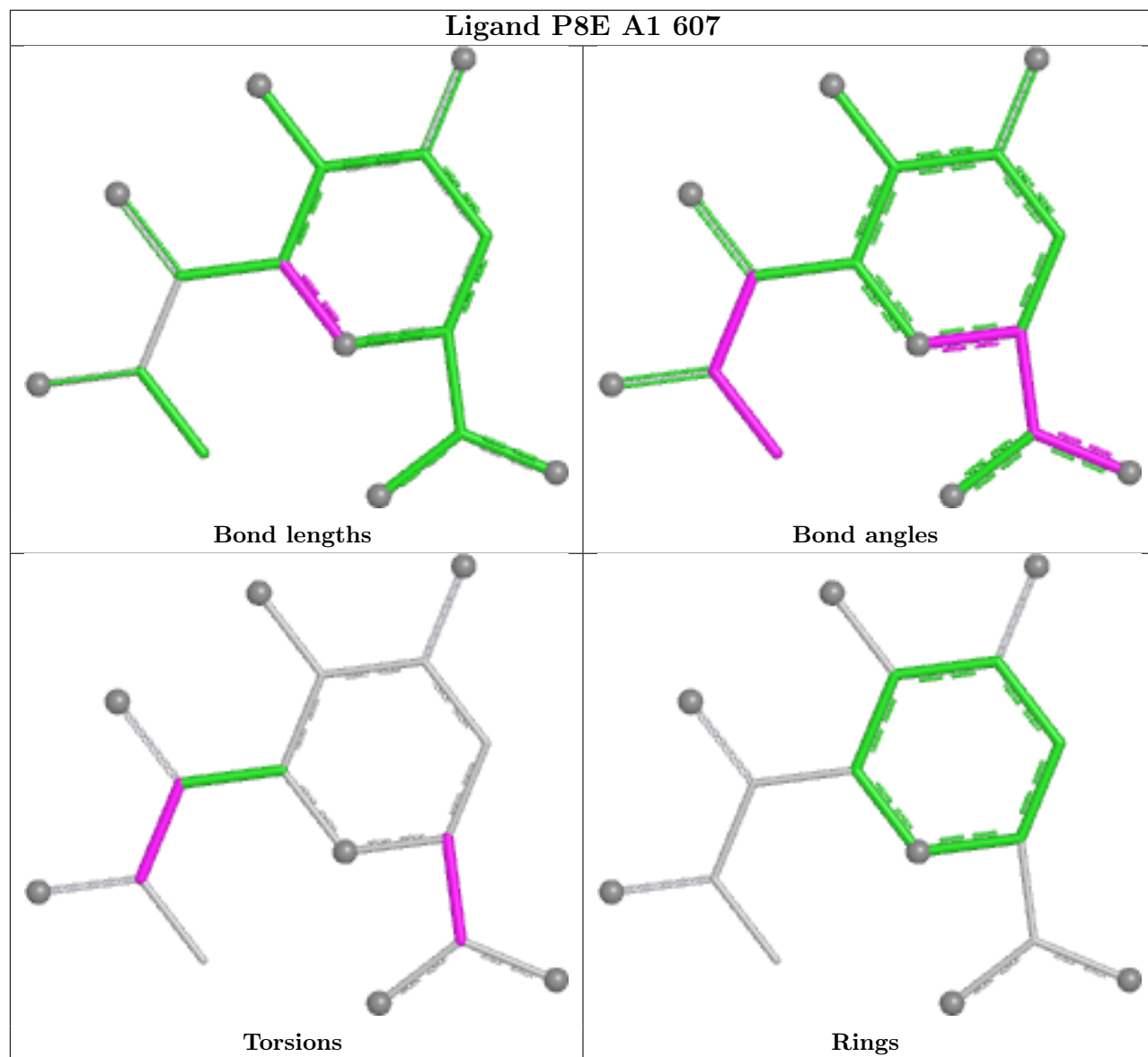


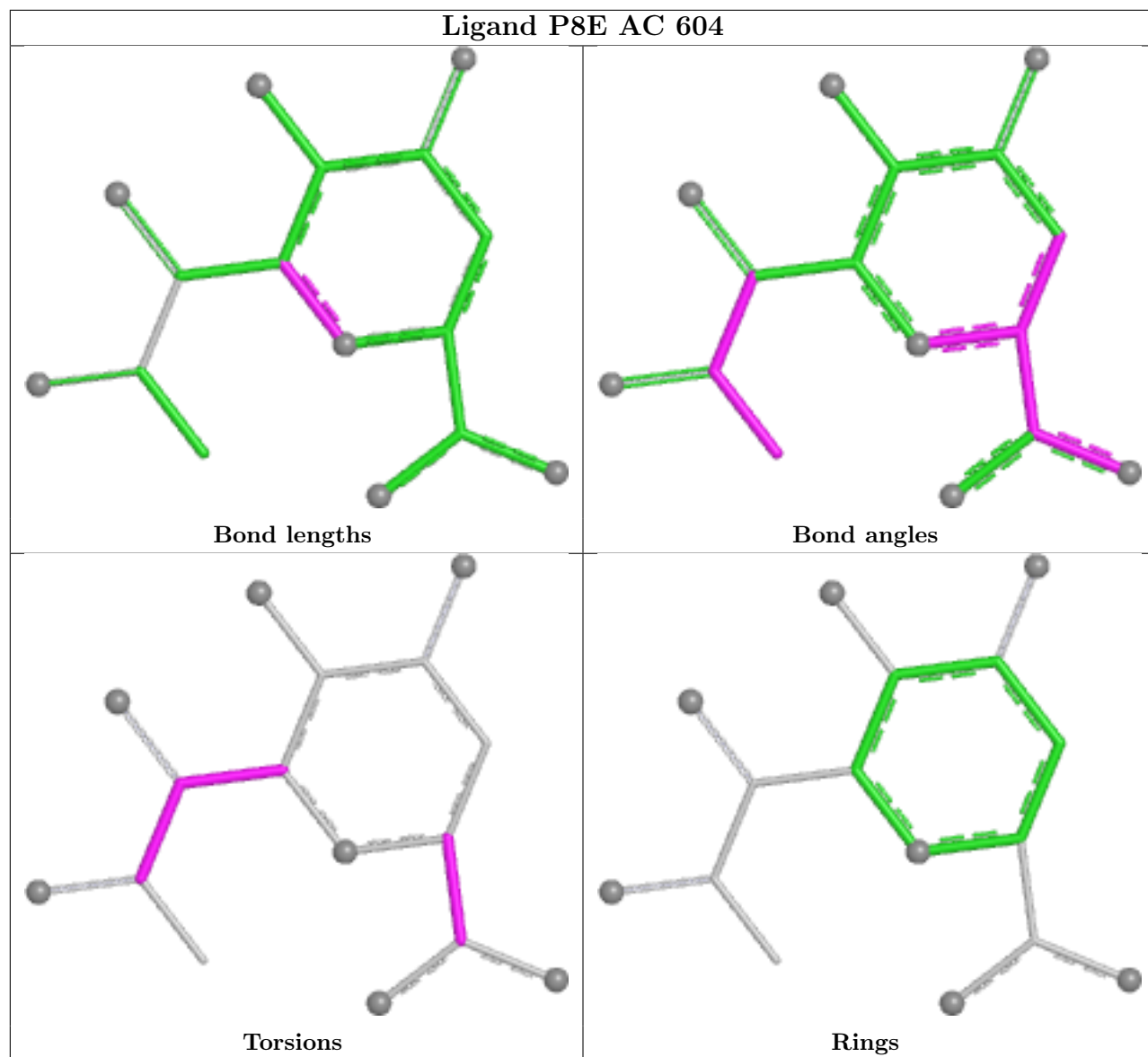


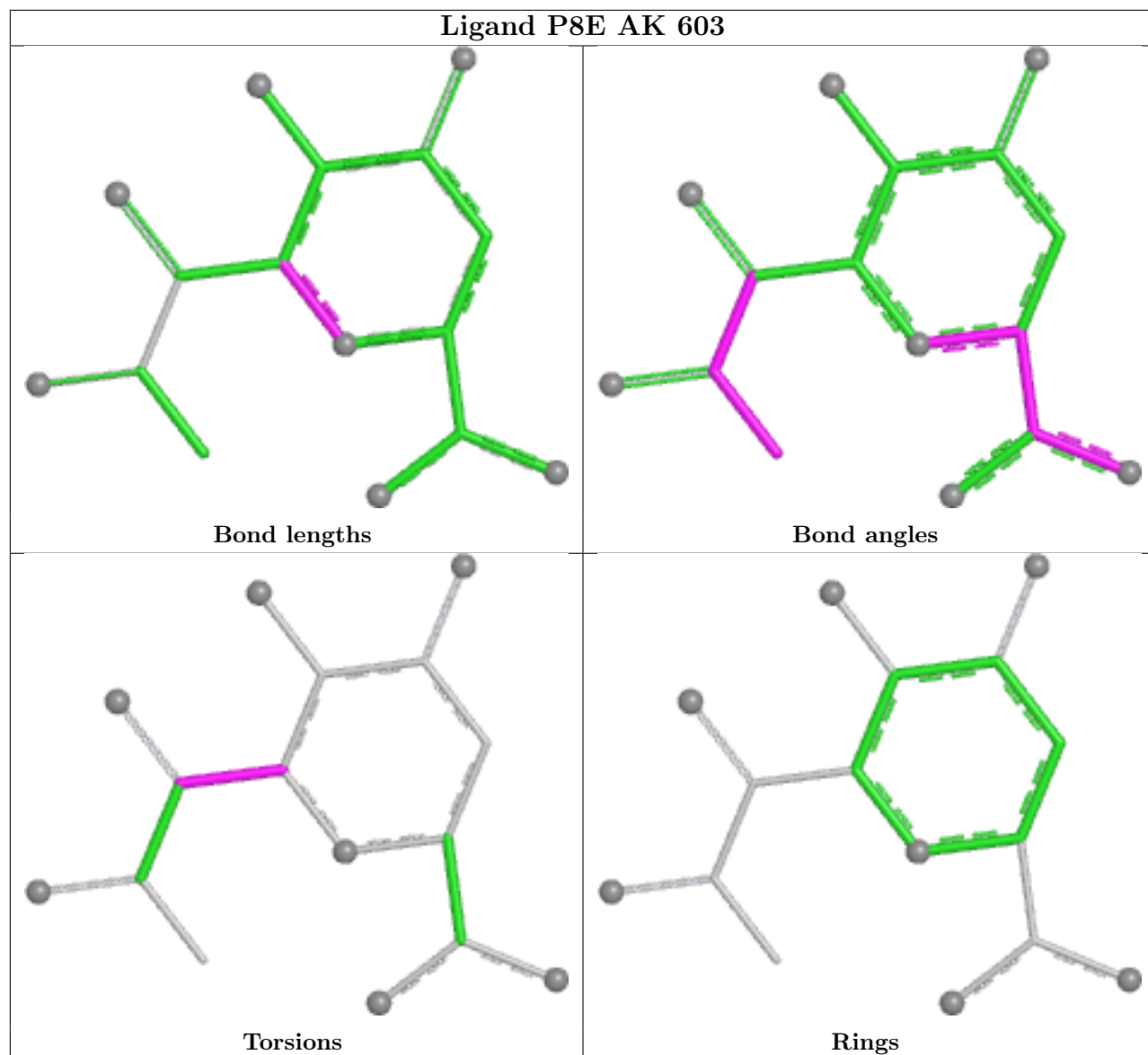


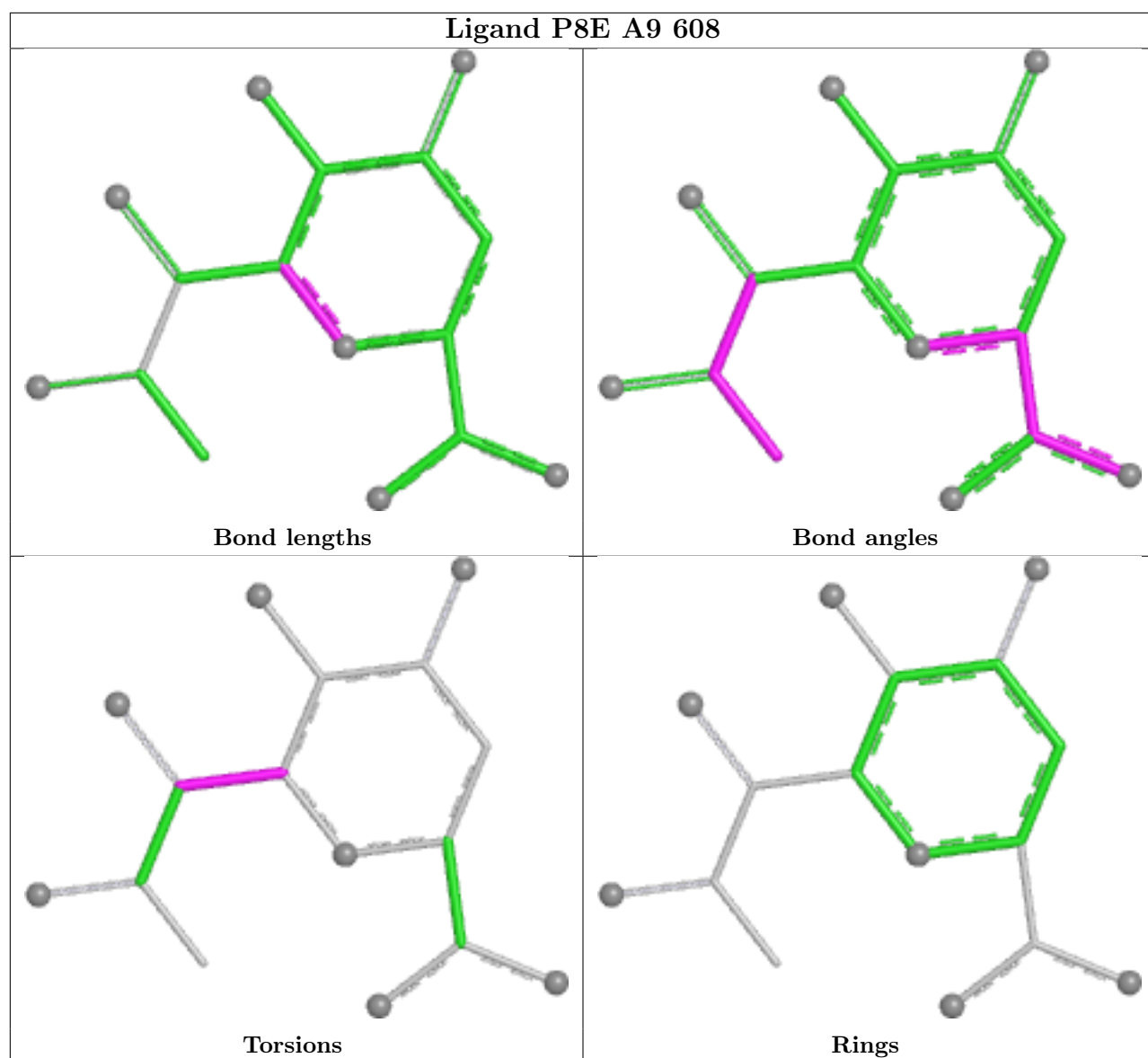


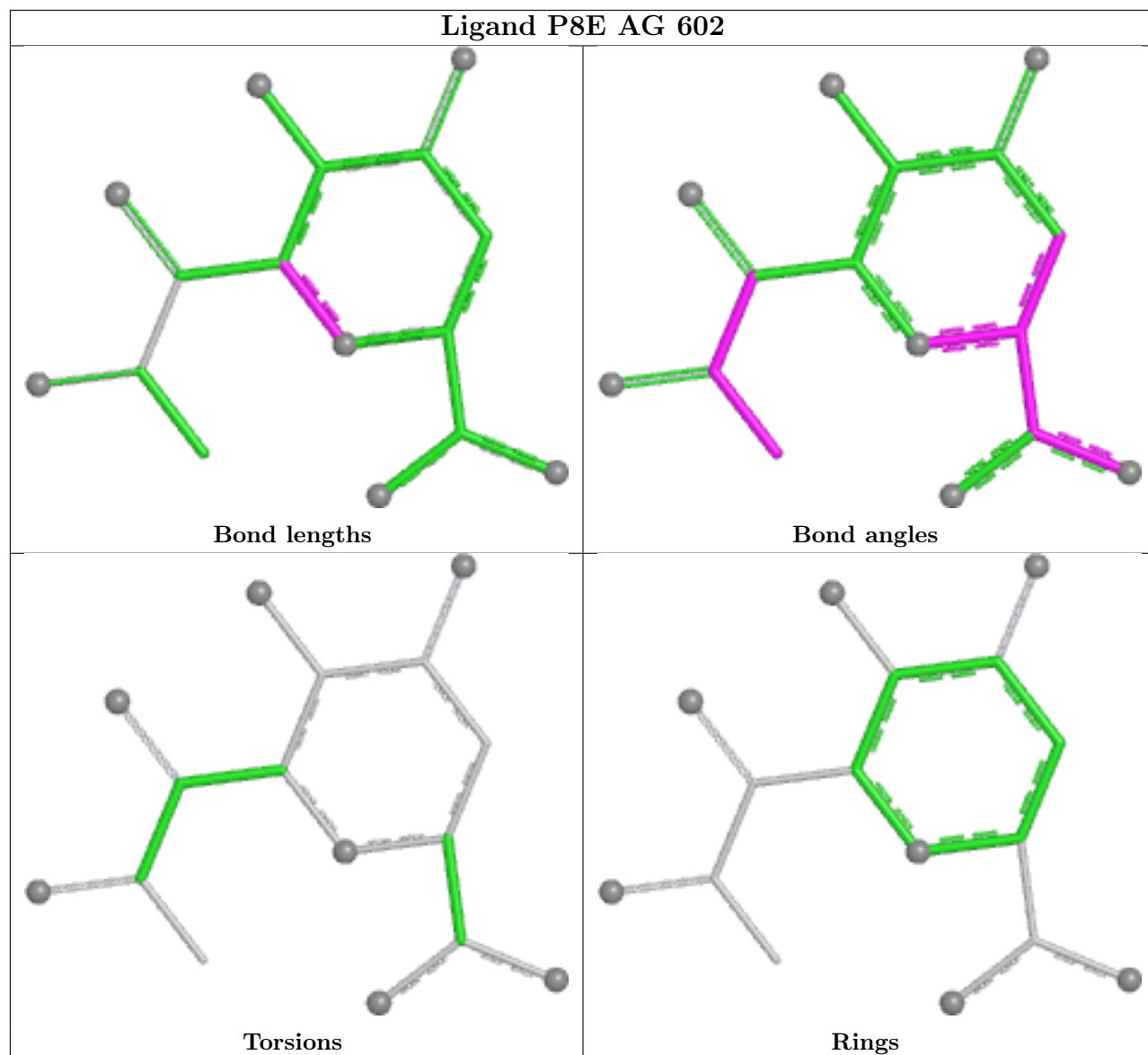


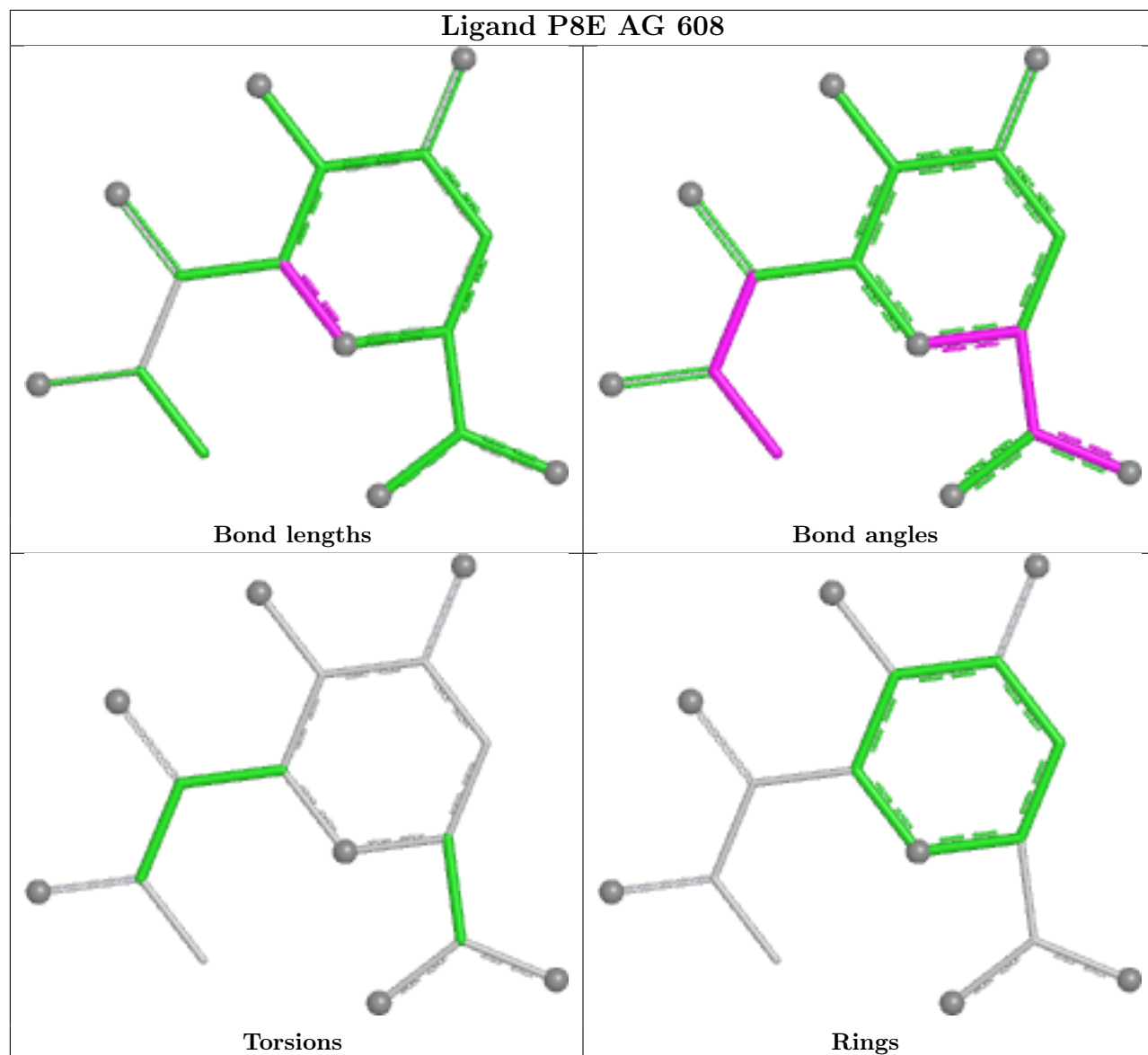




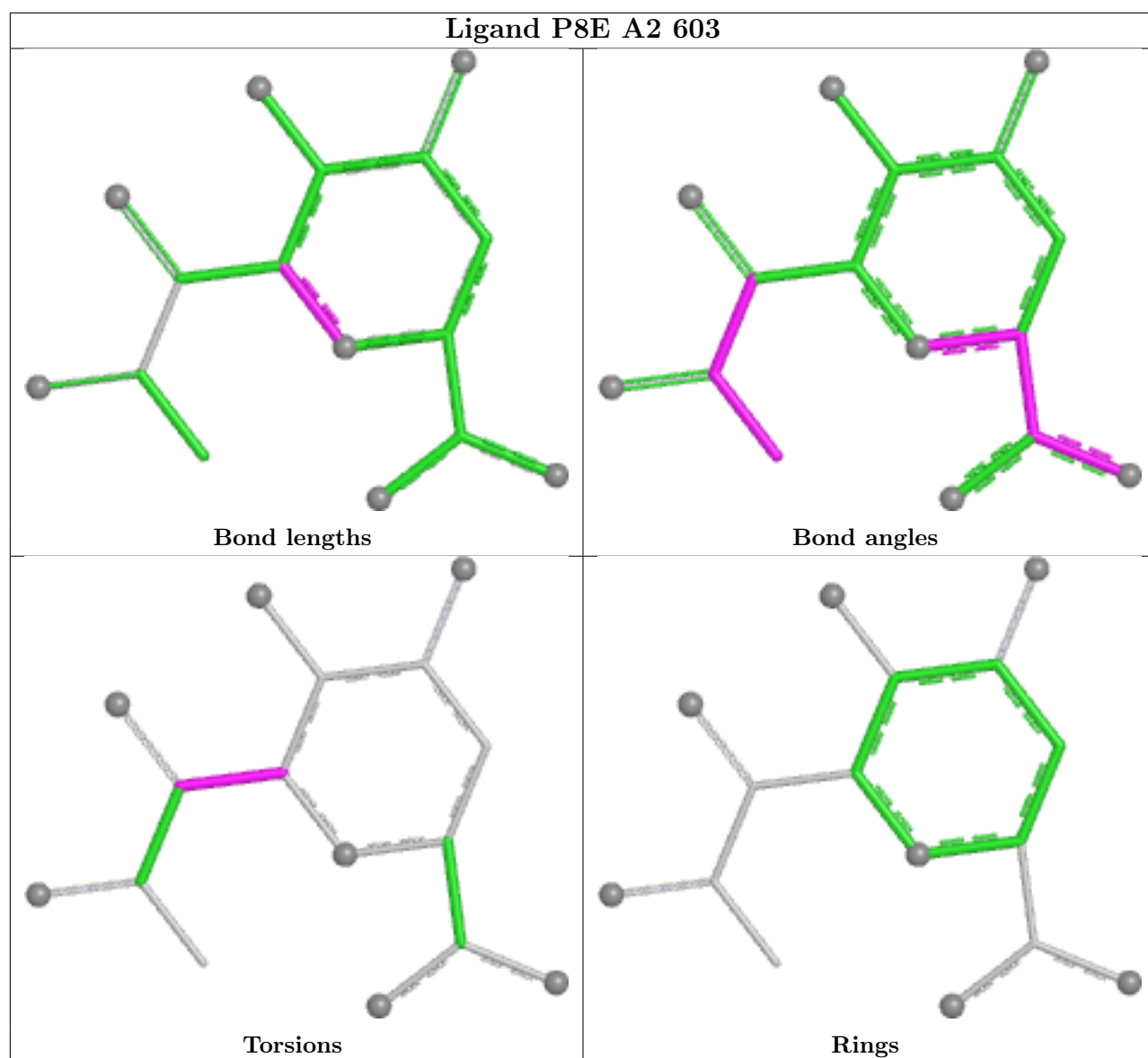


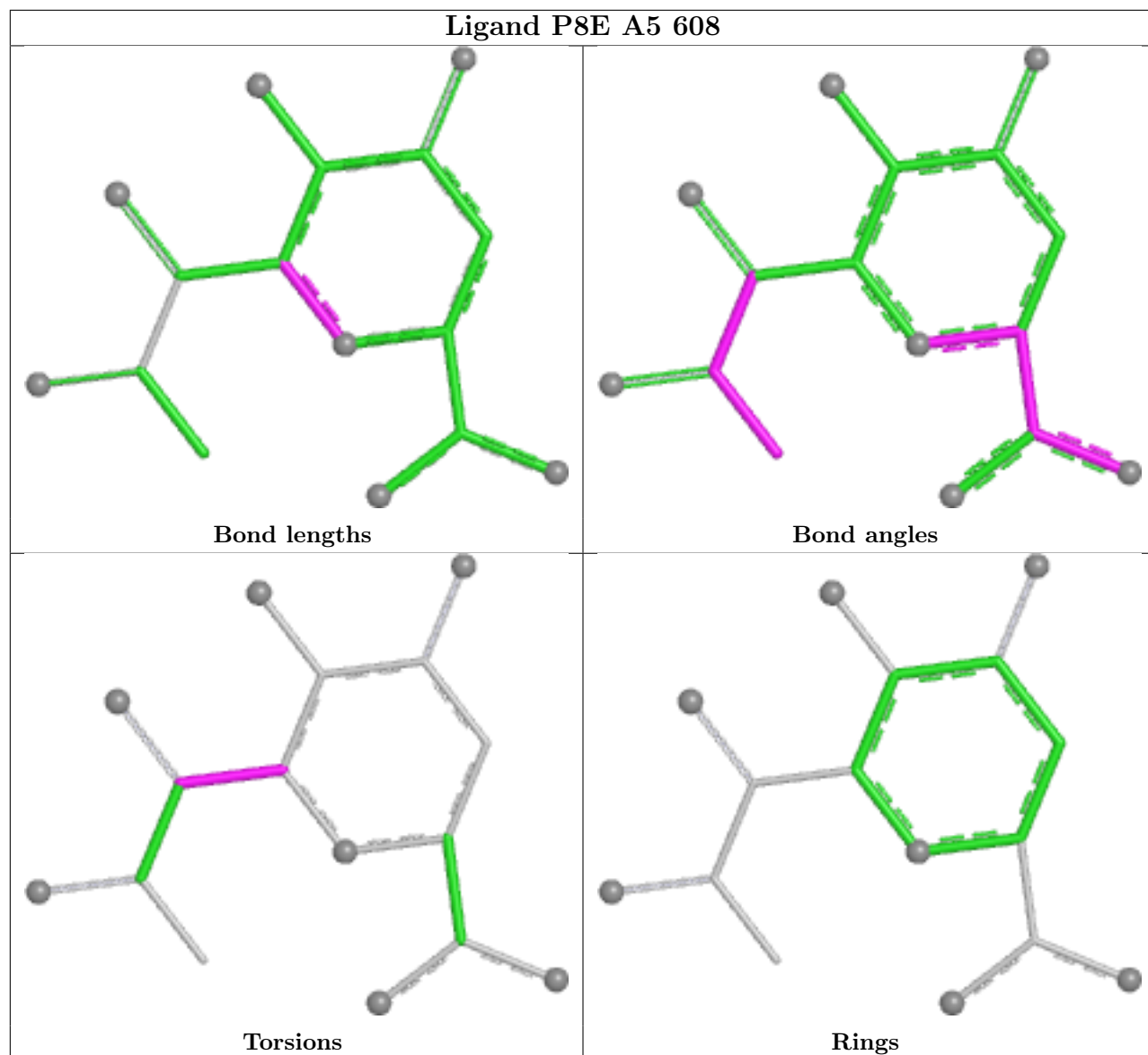


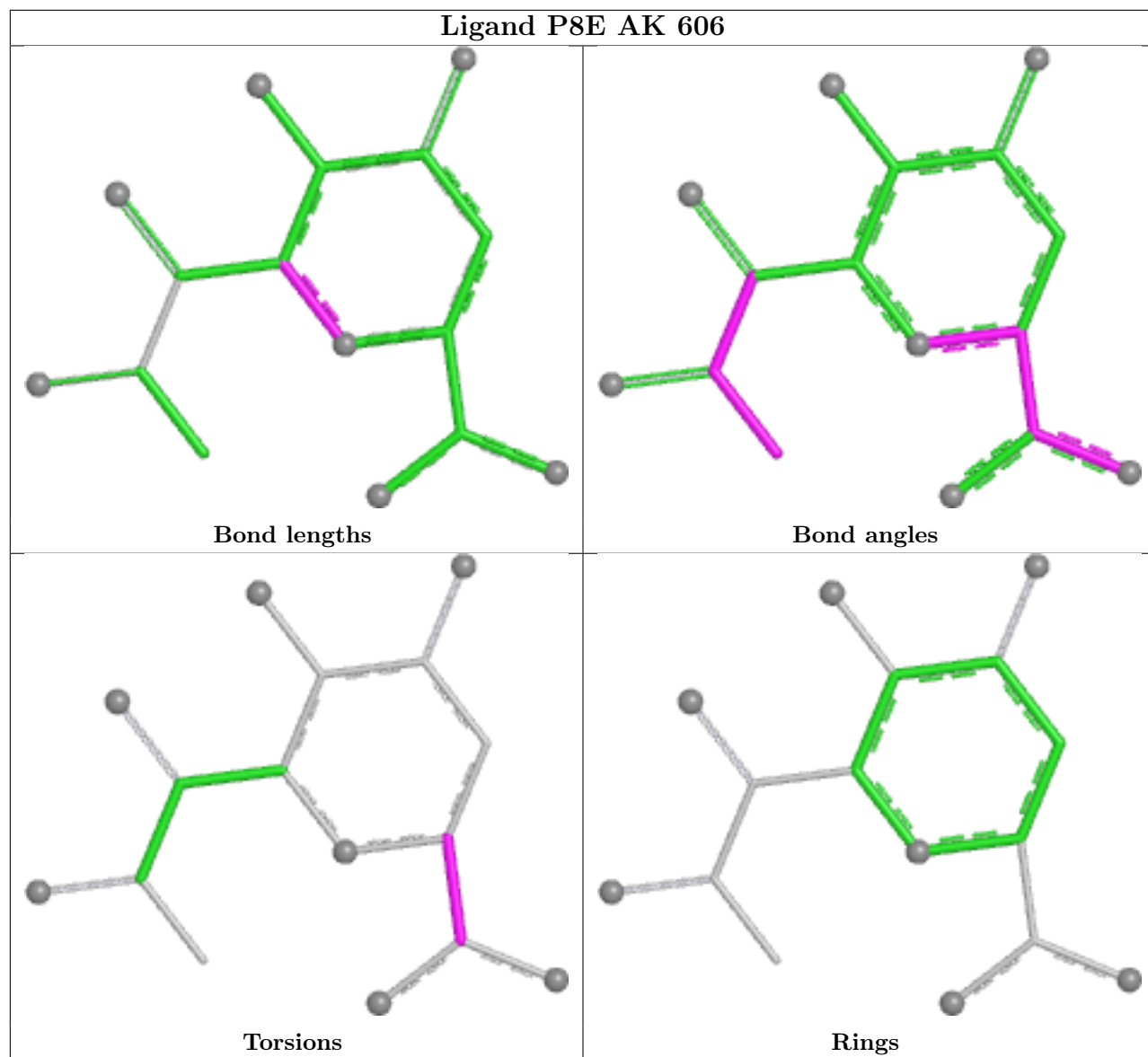


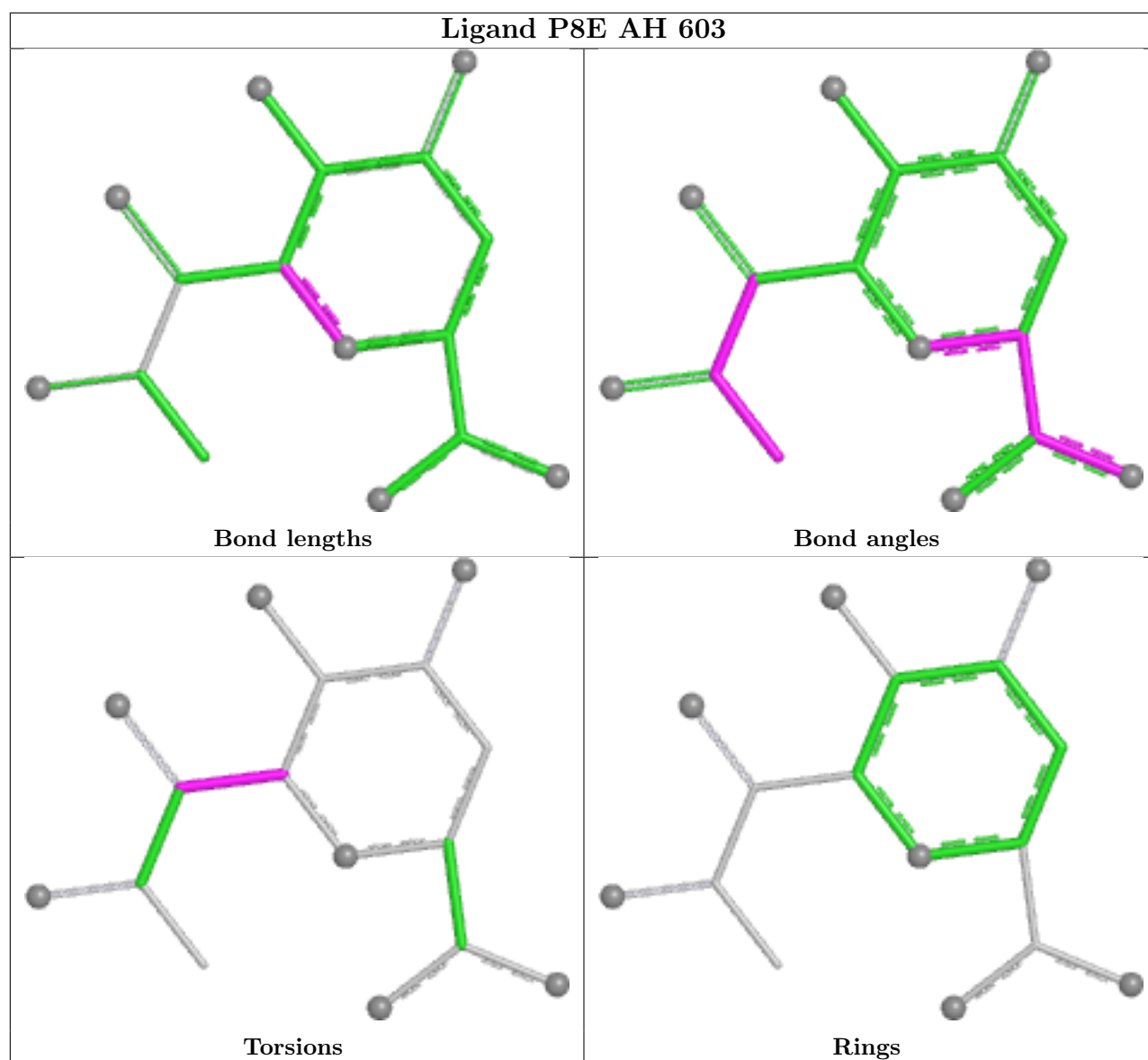


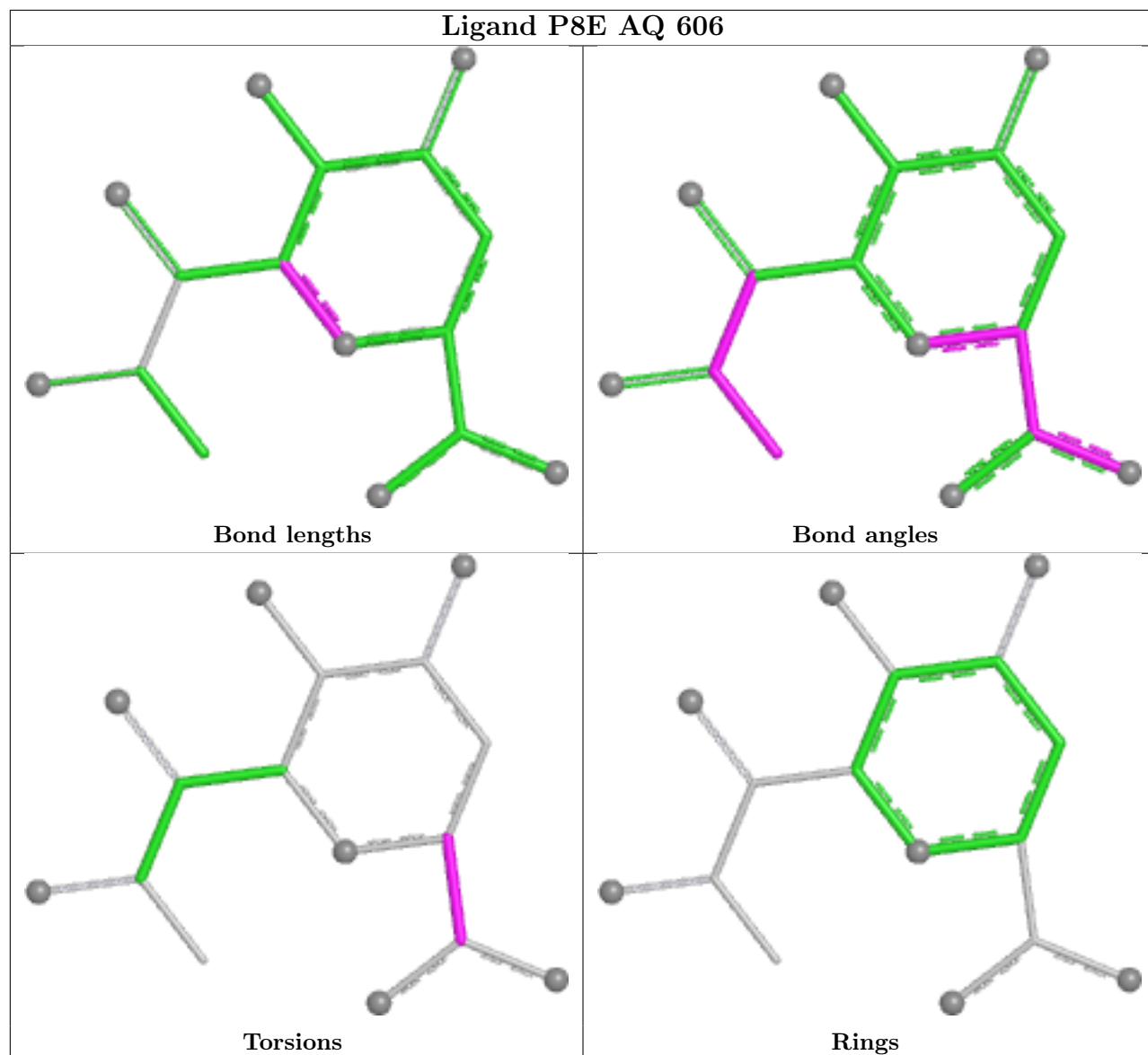


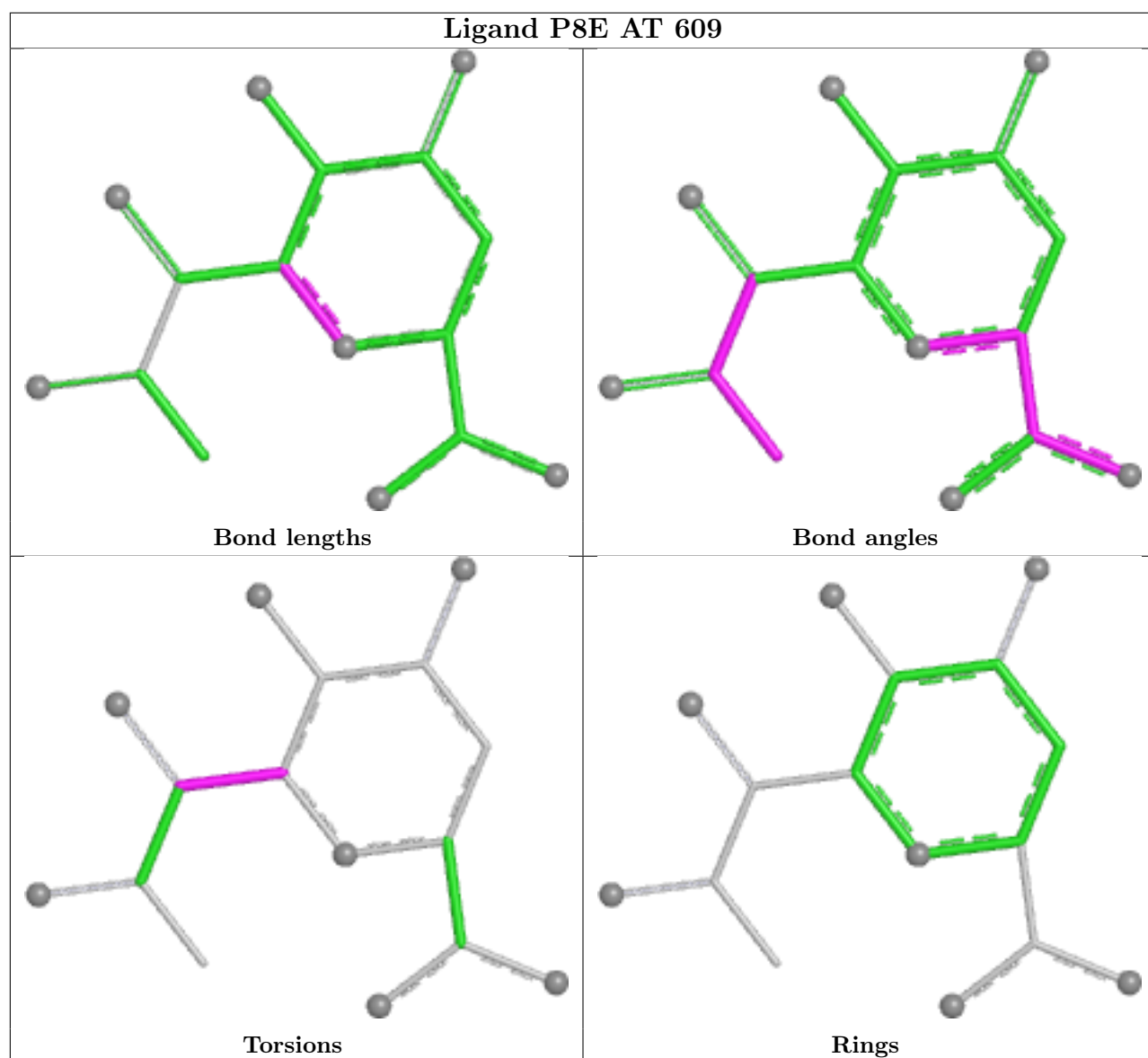


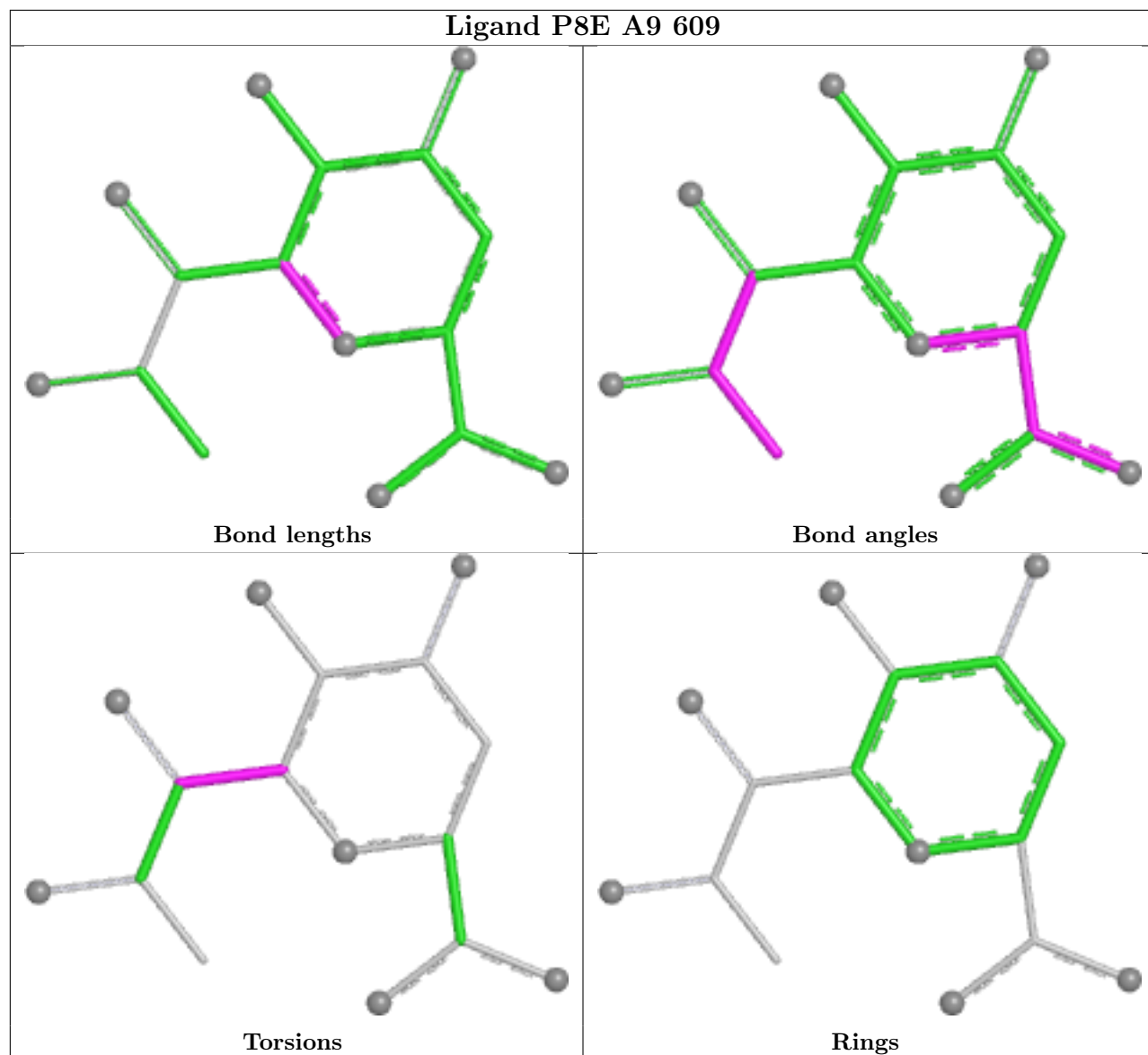


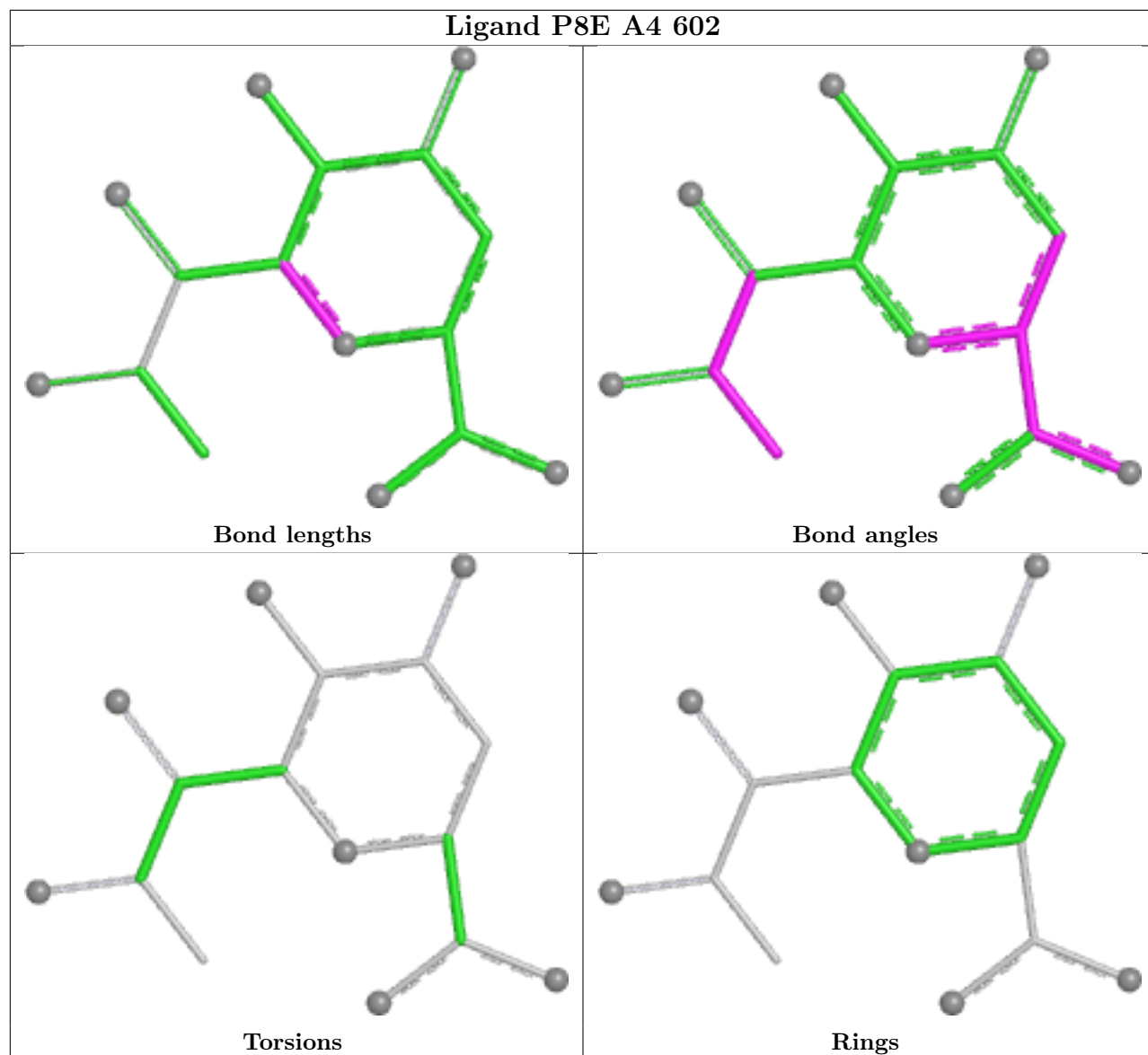






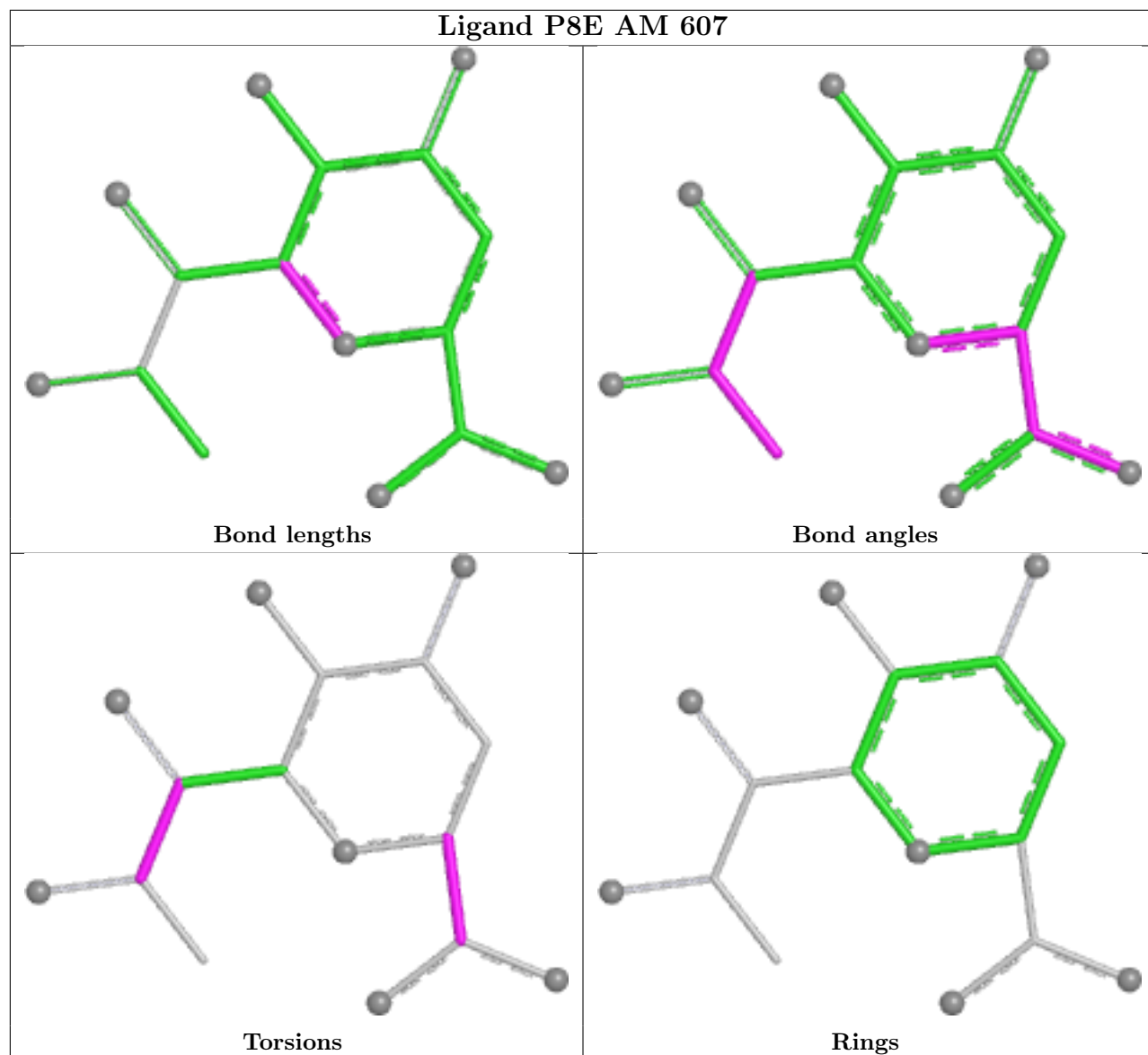


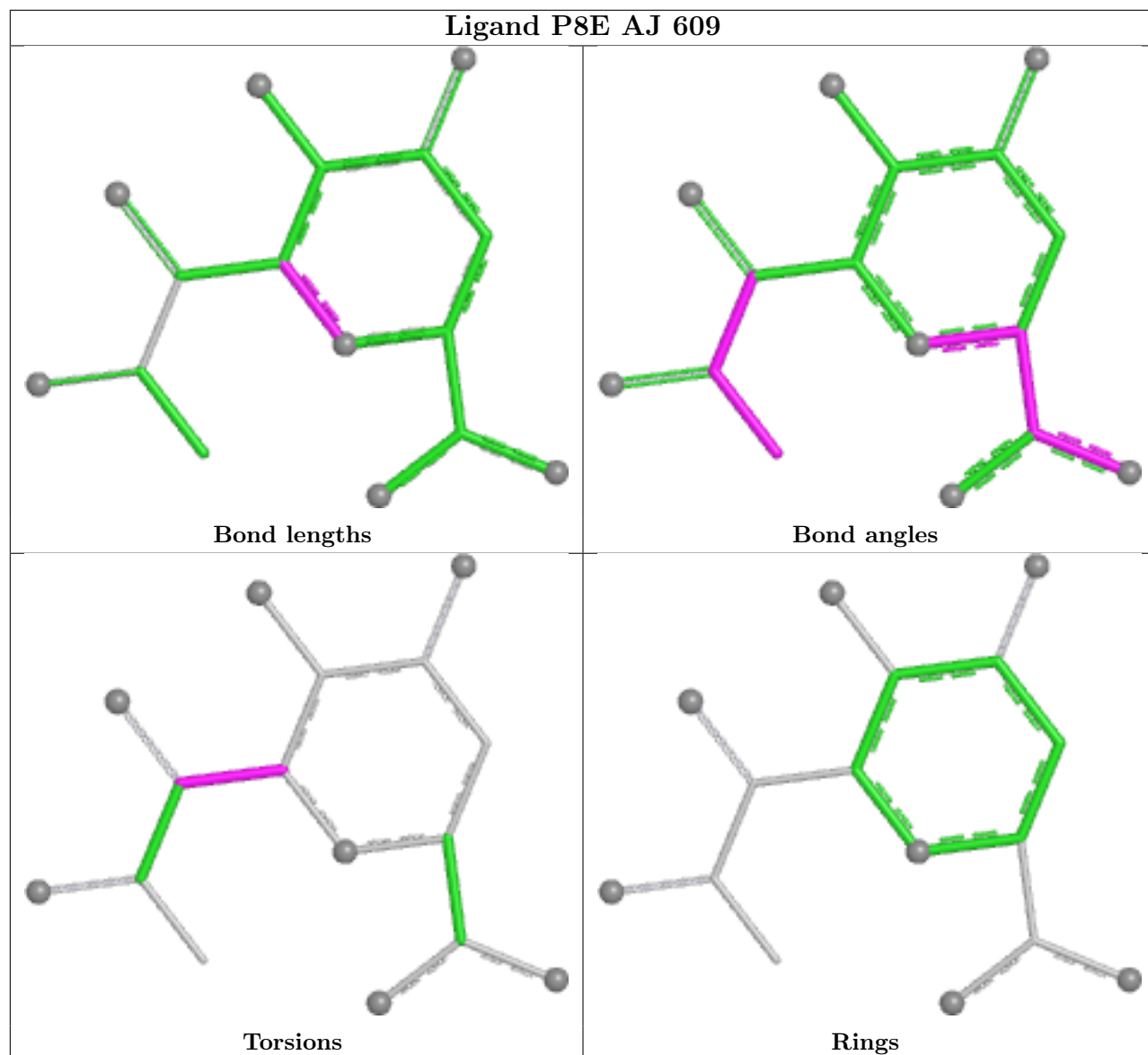


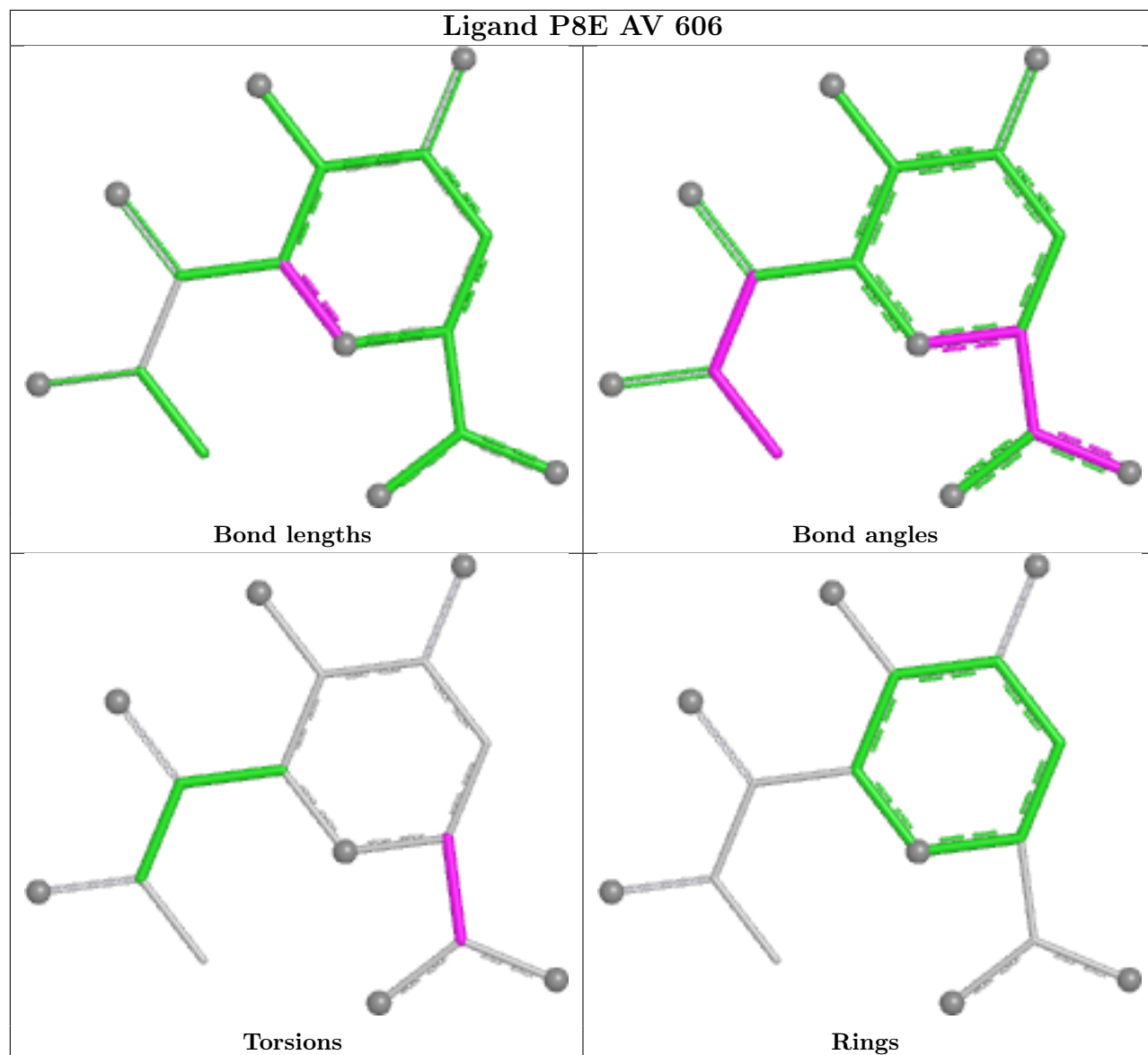


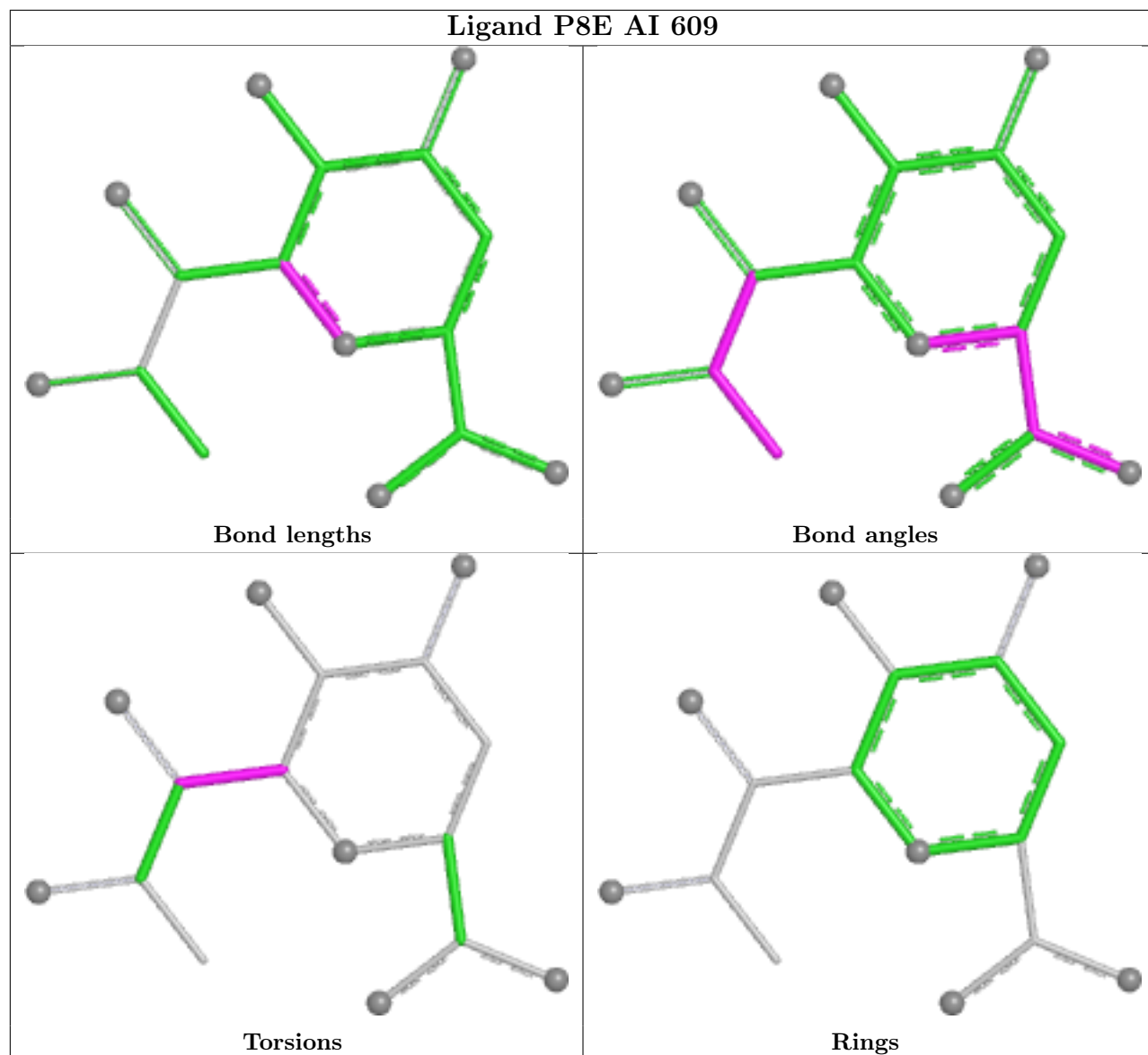


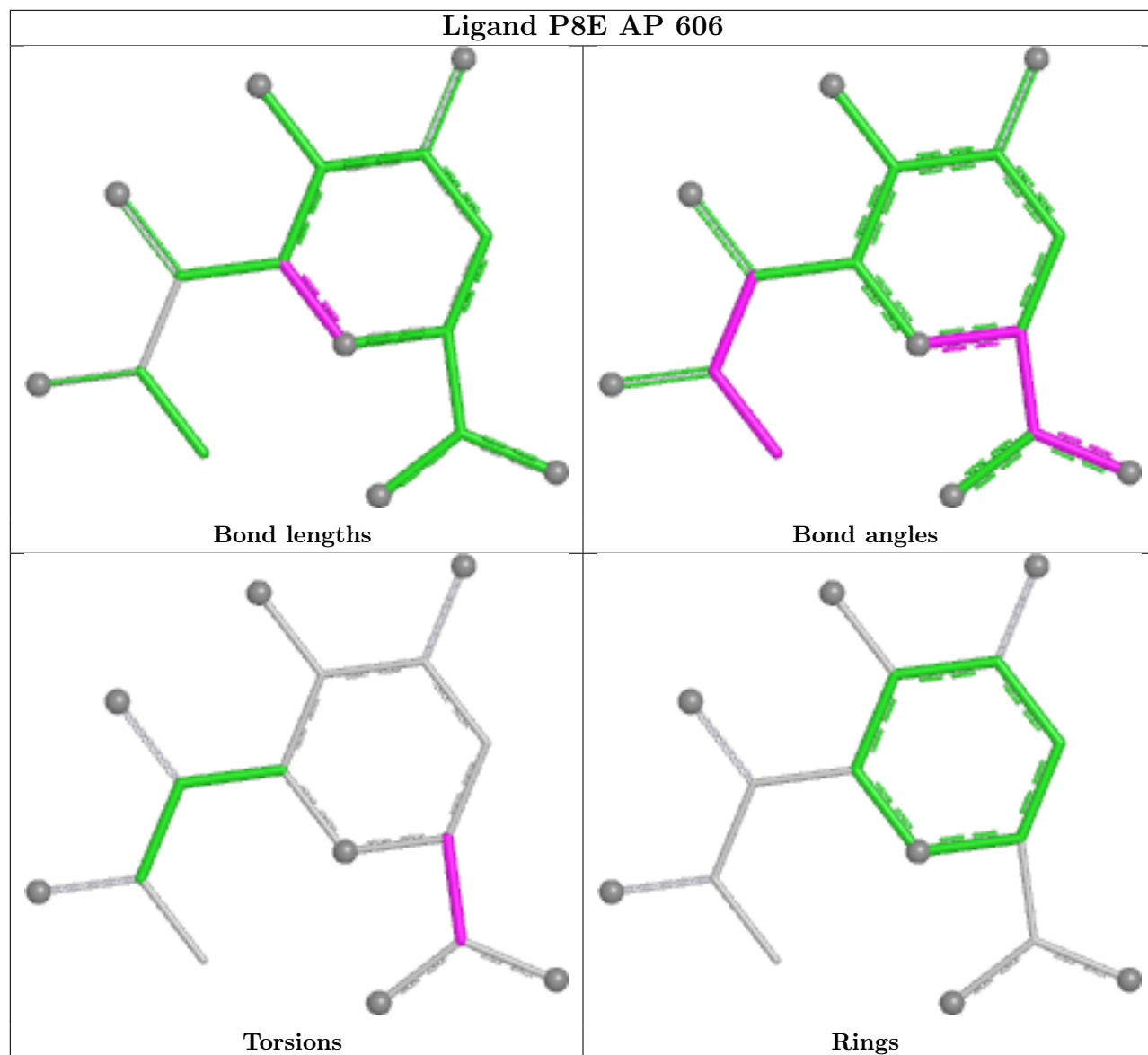
## Ligand P8E AM 607

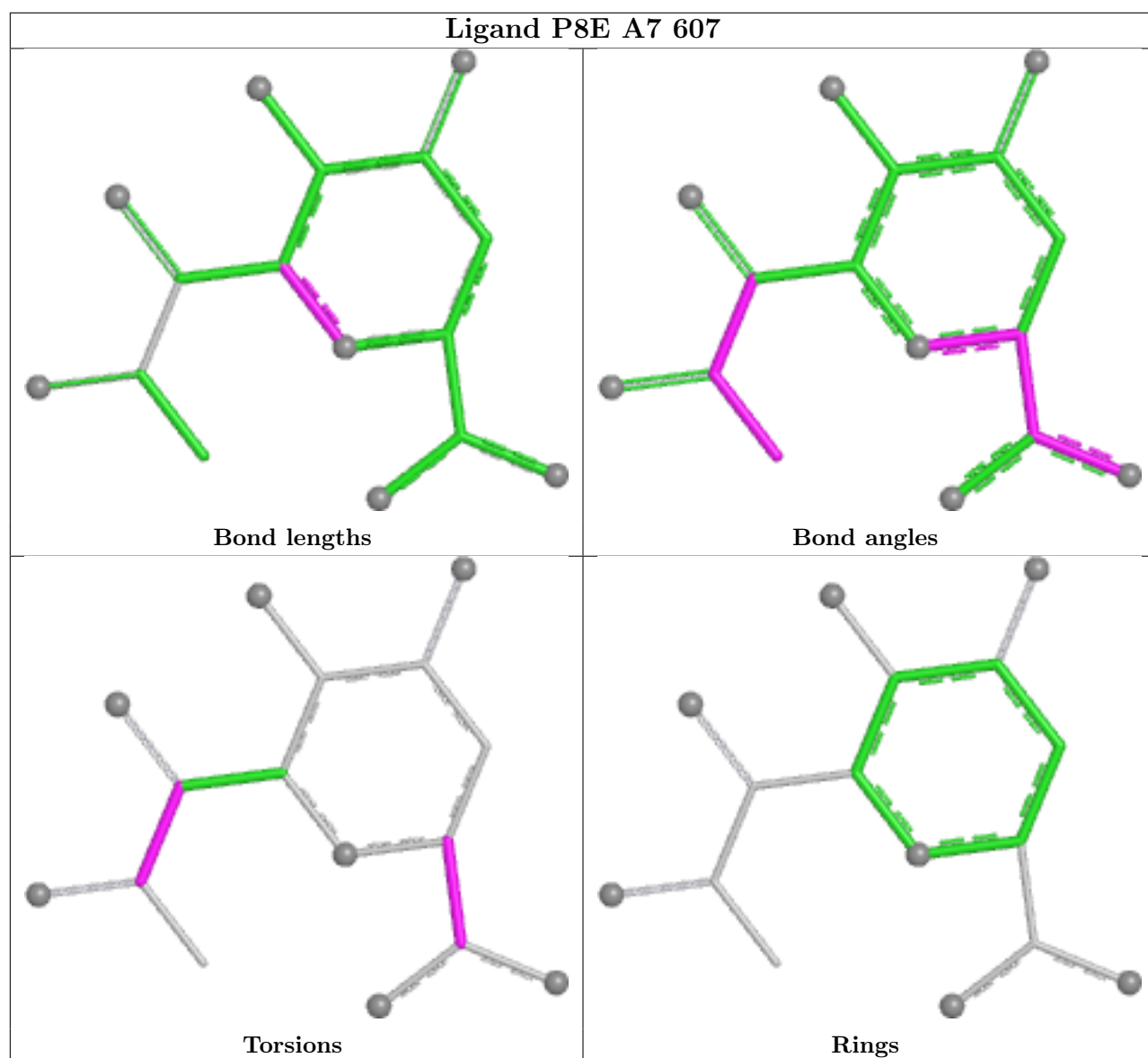


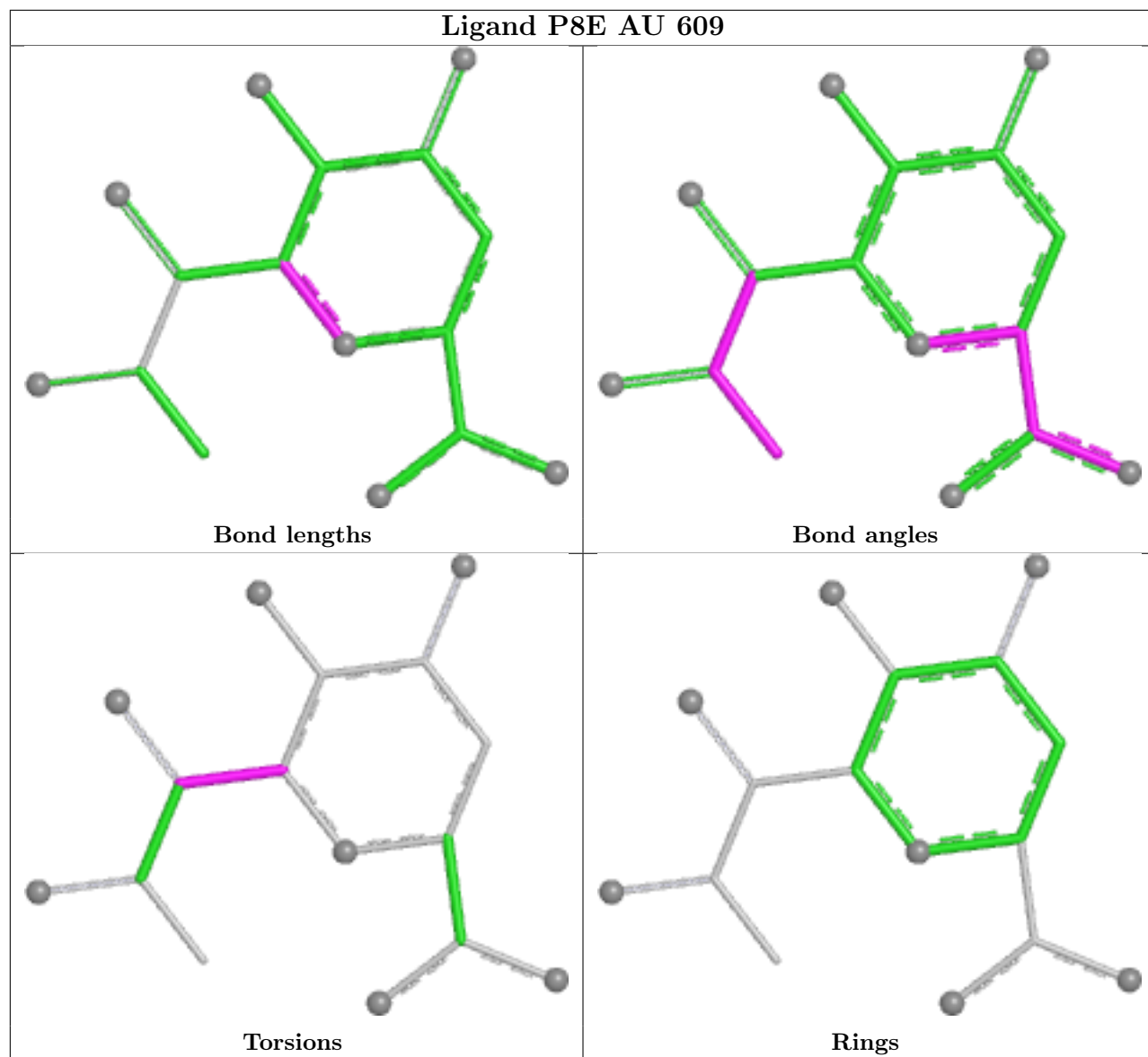


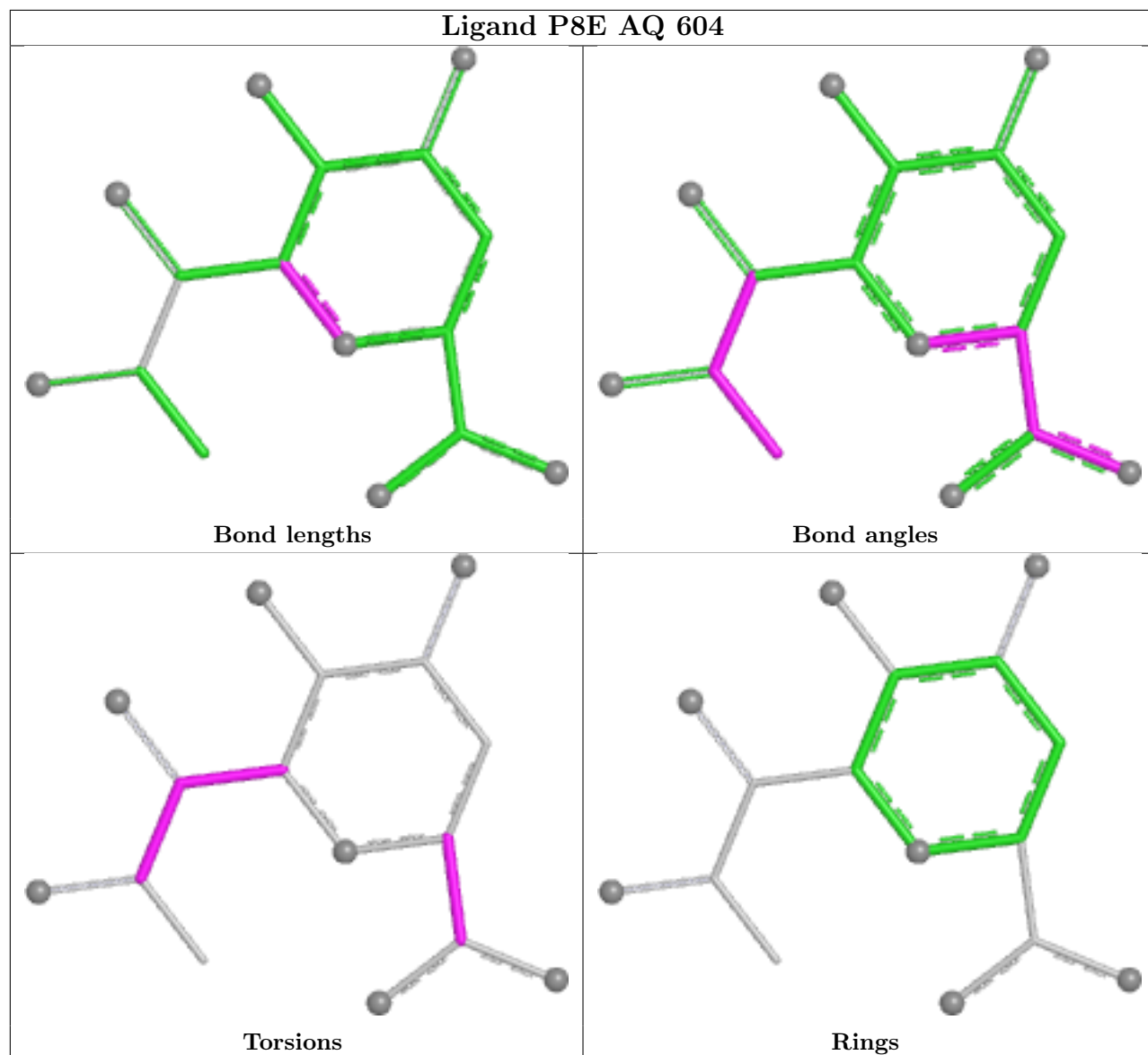




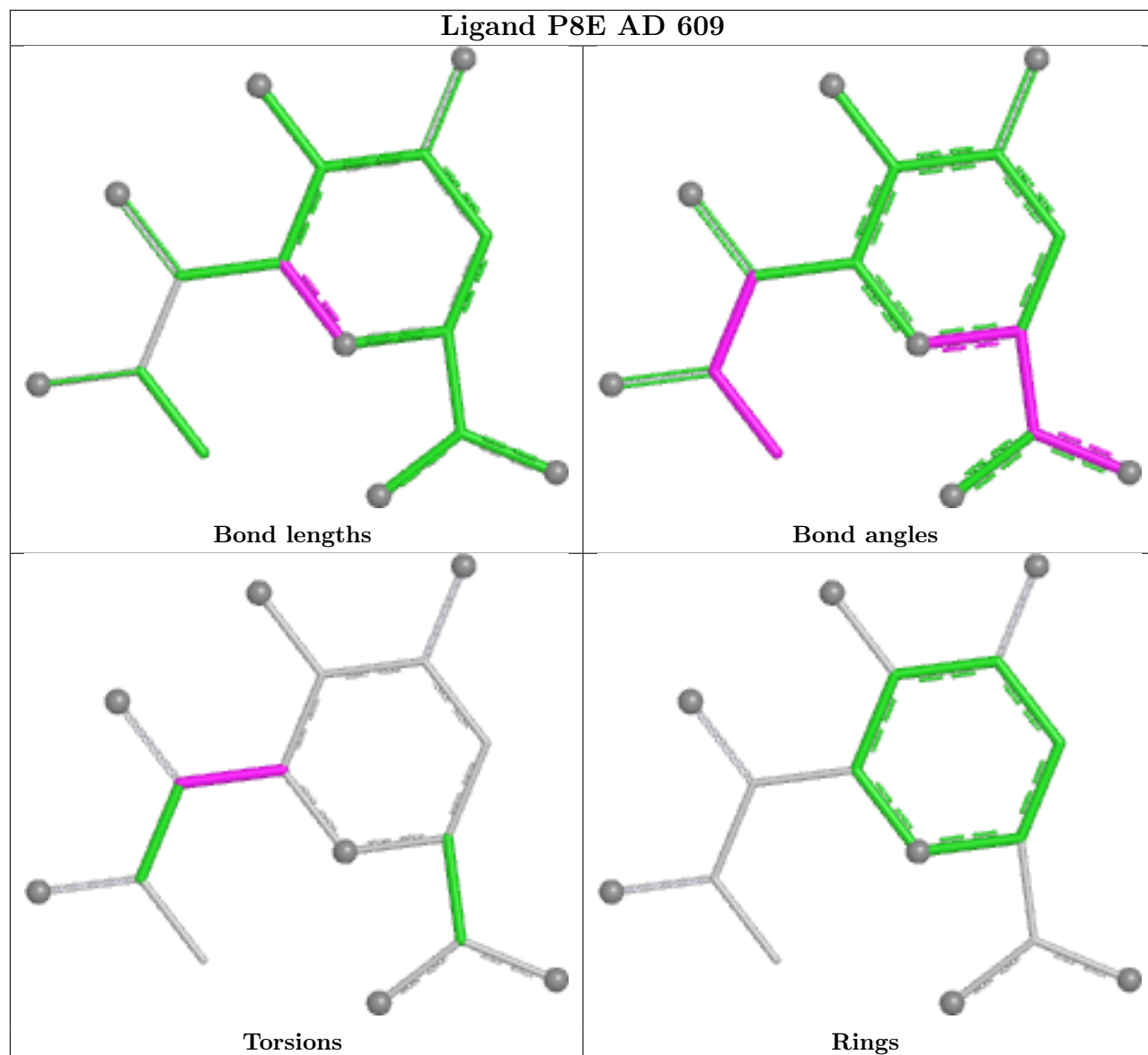


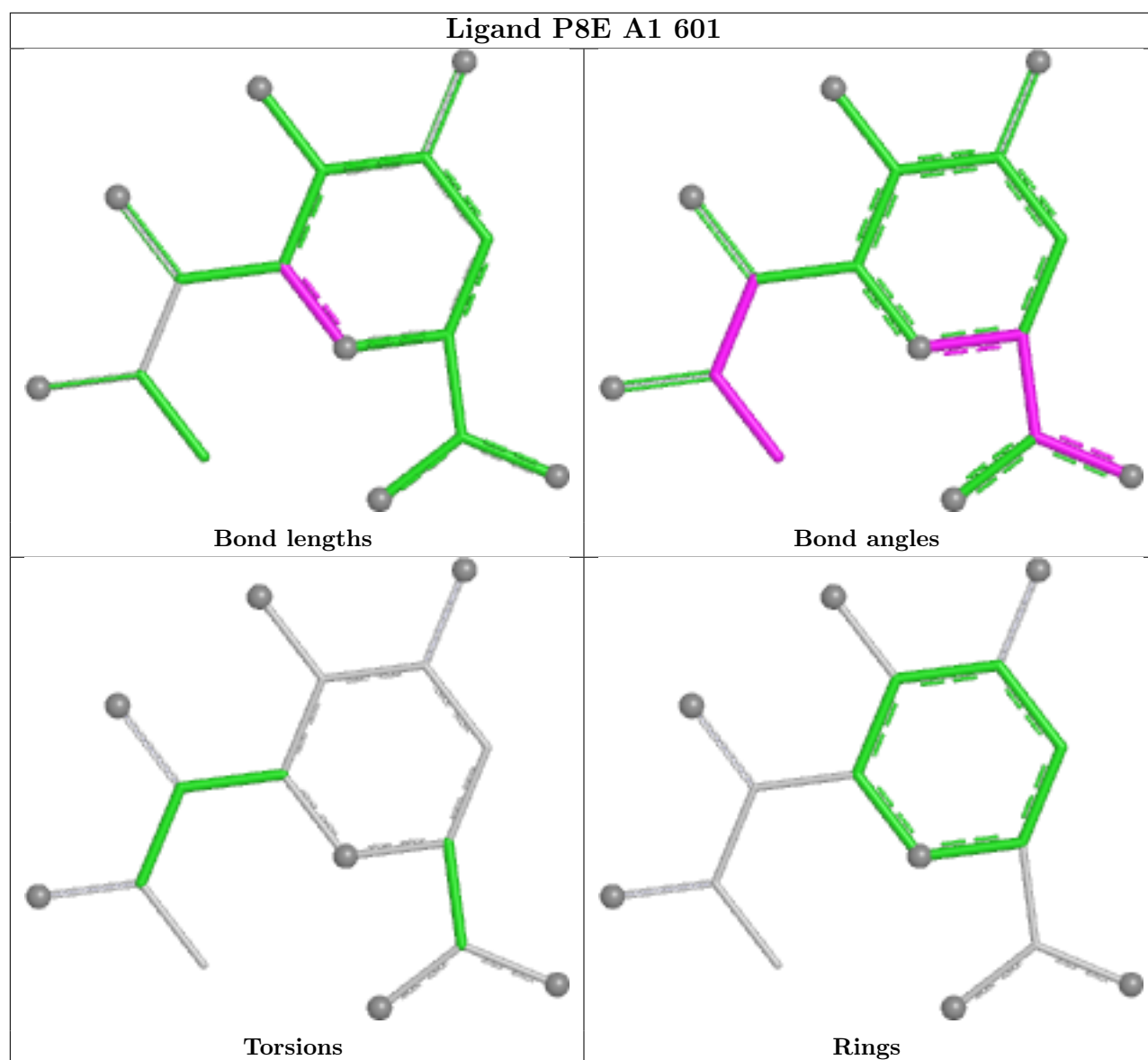


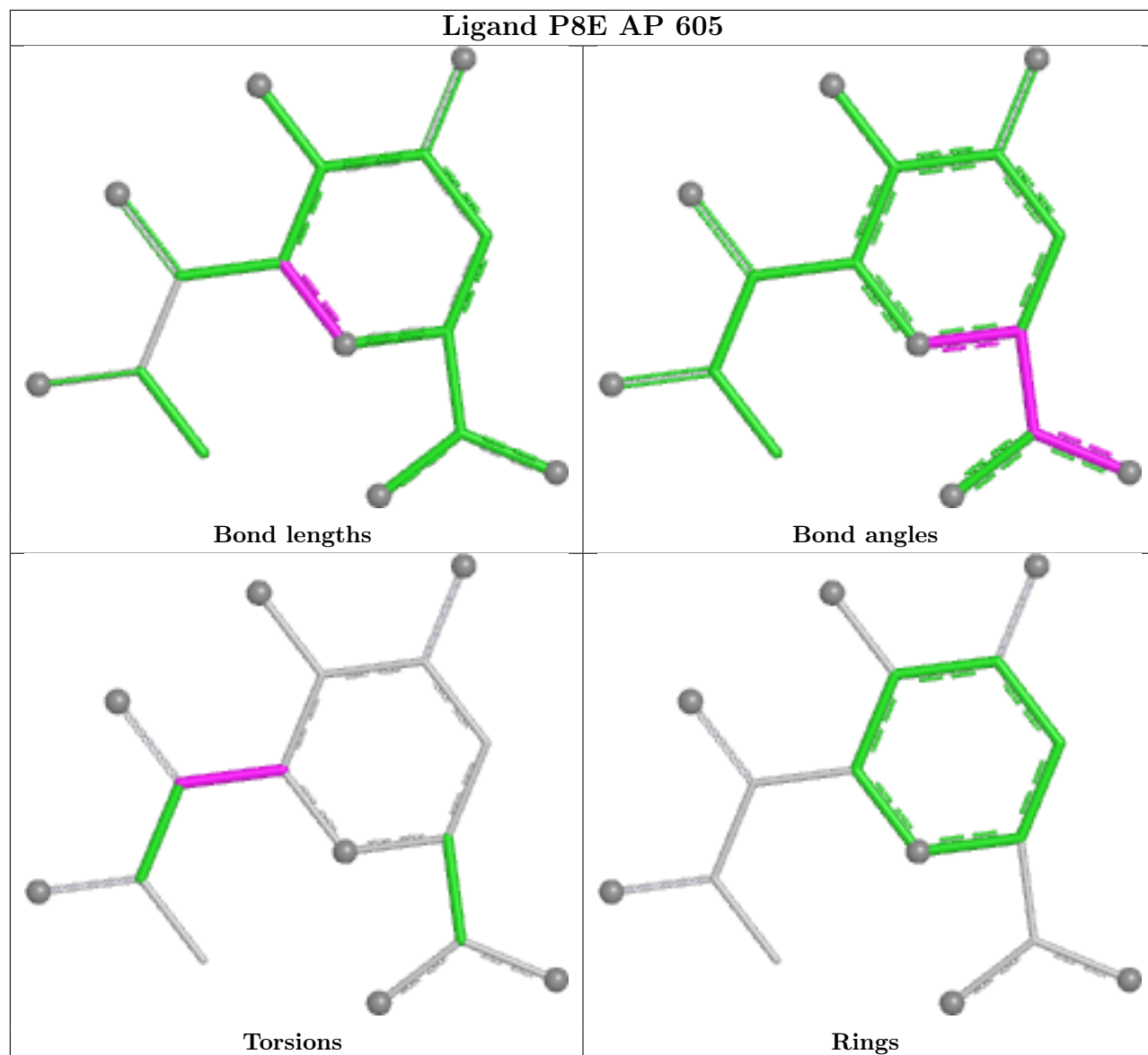


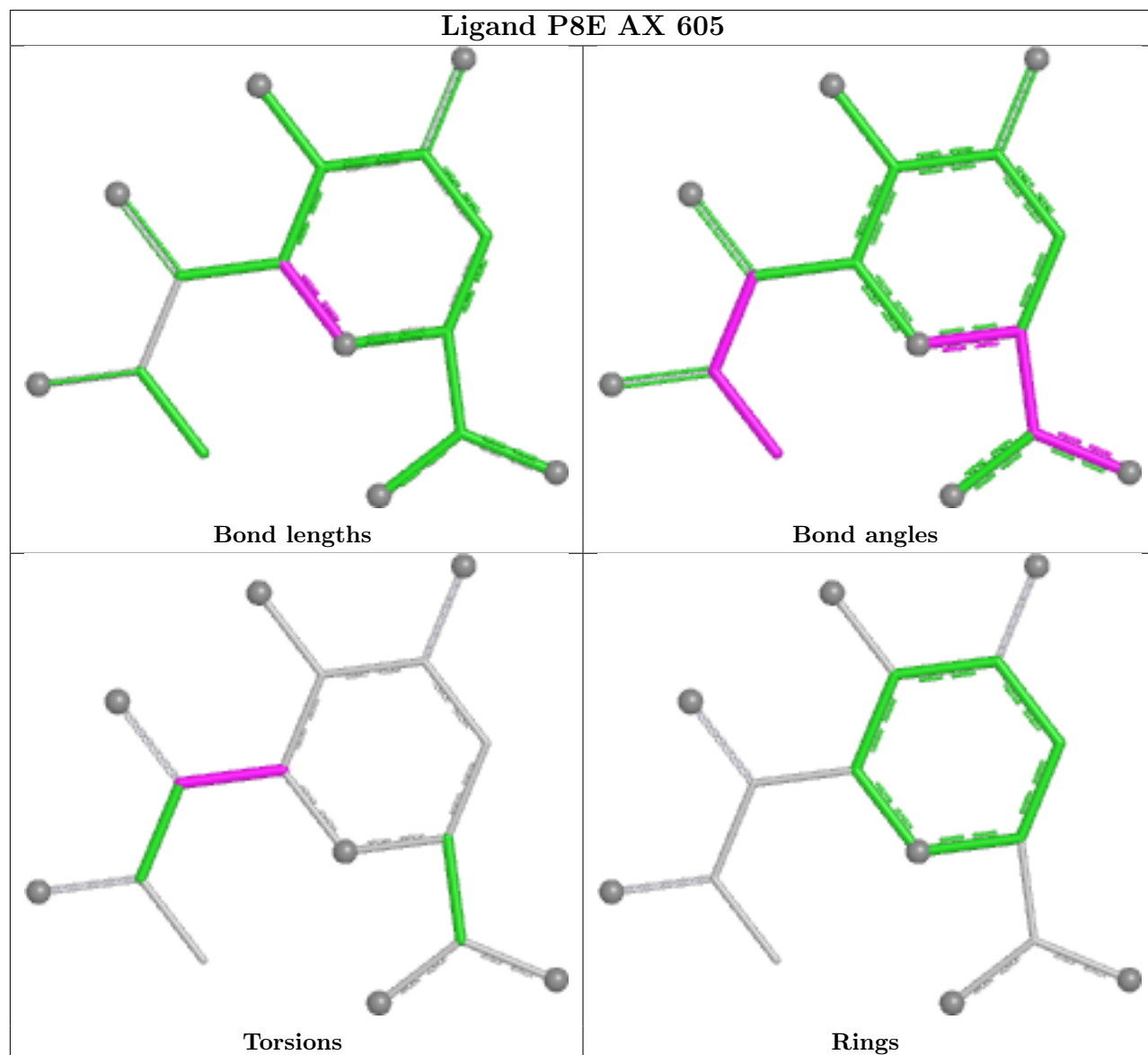


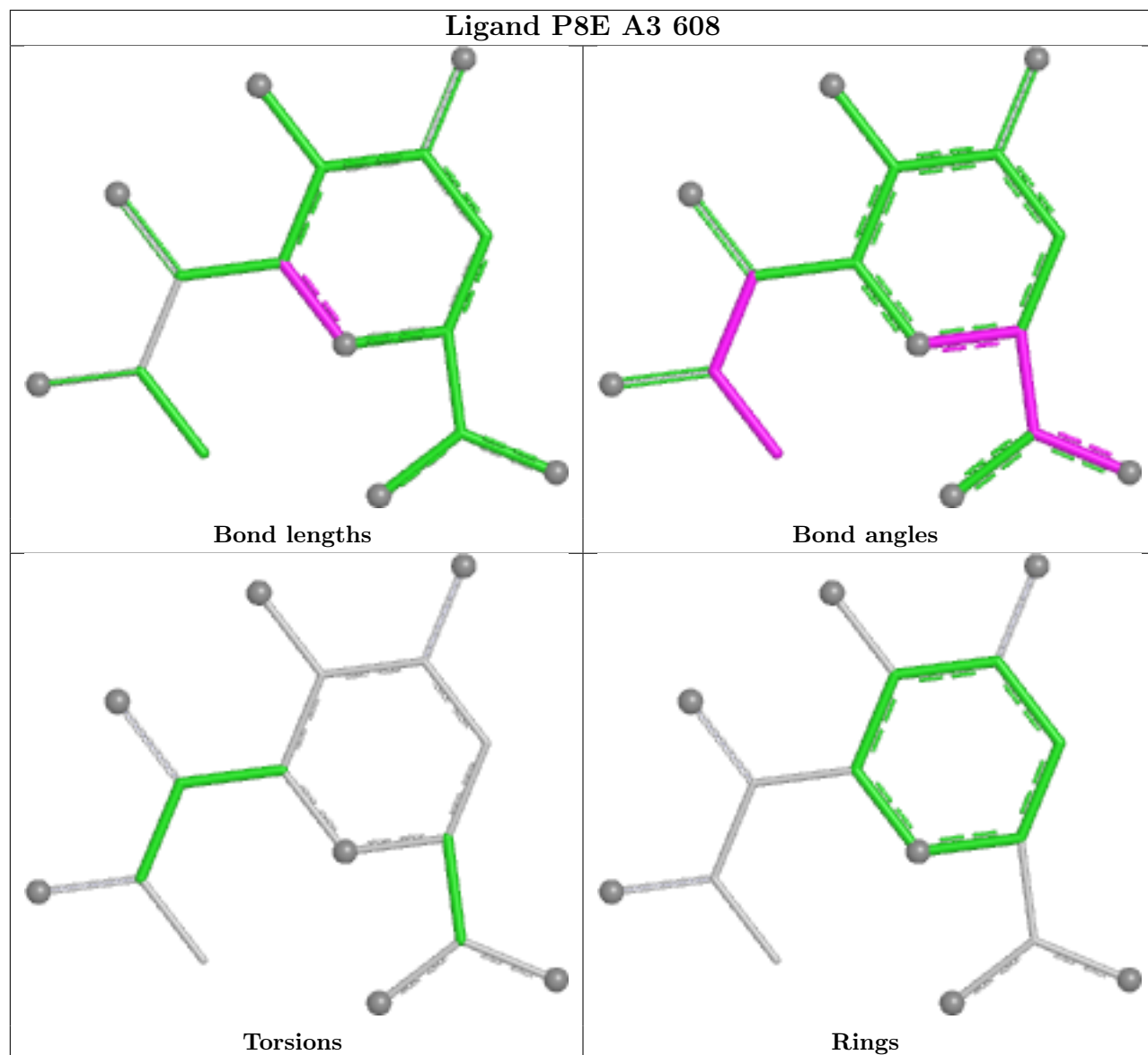


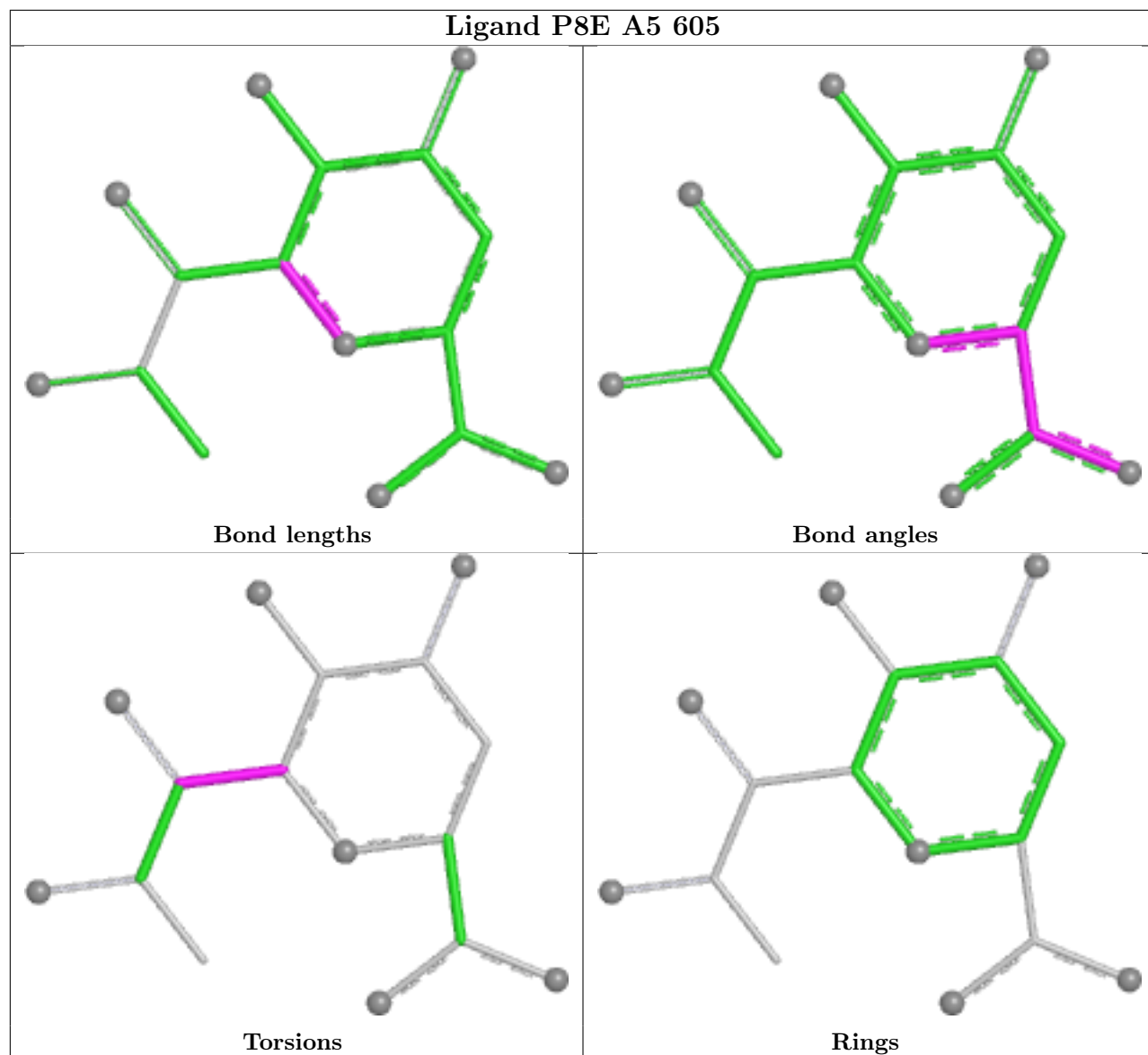


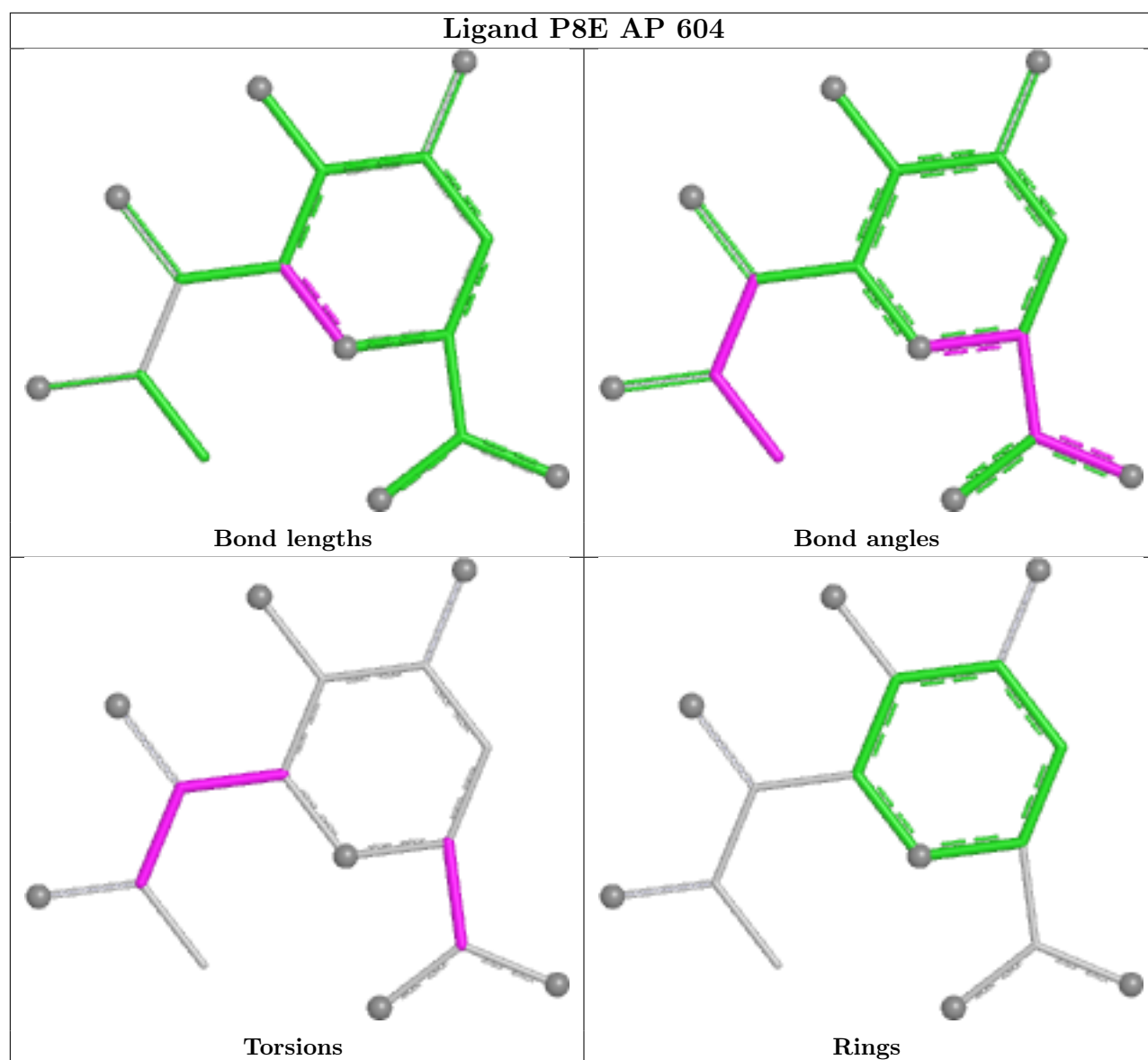


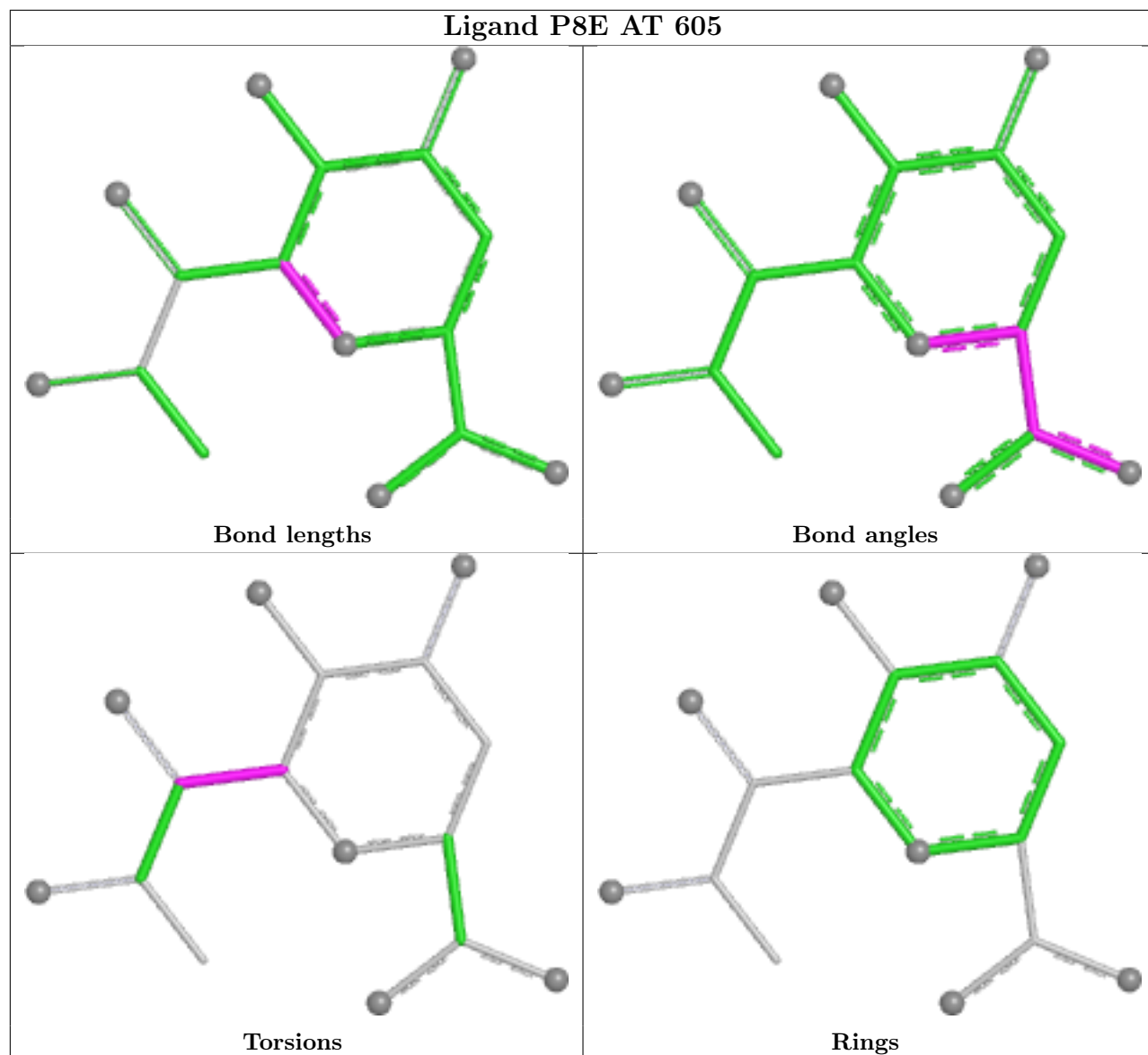




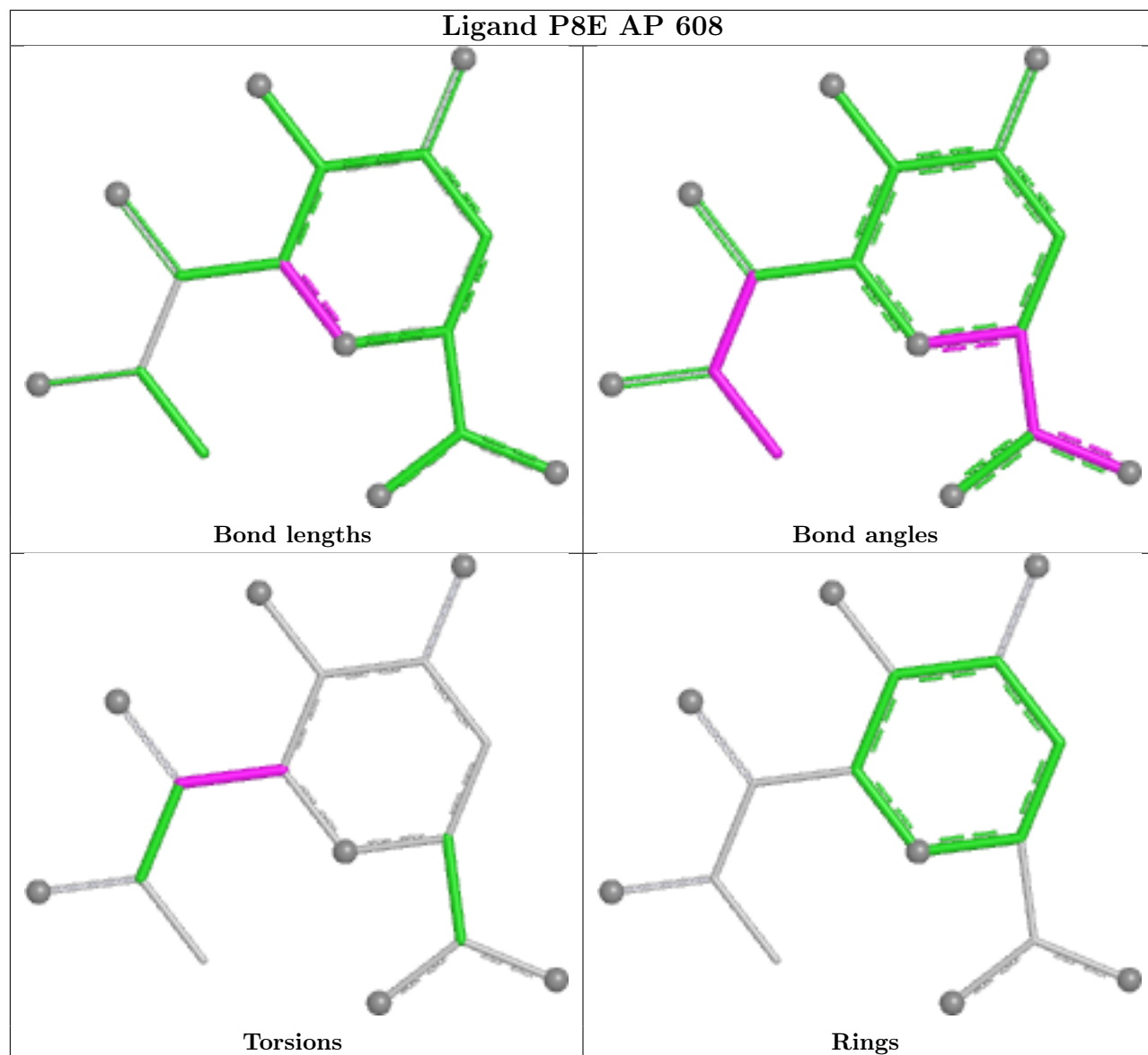


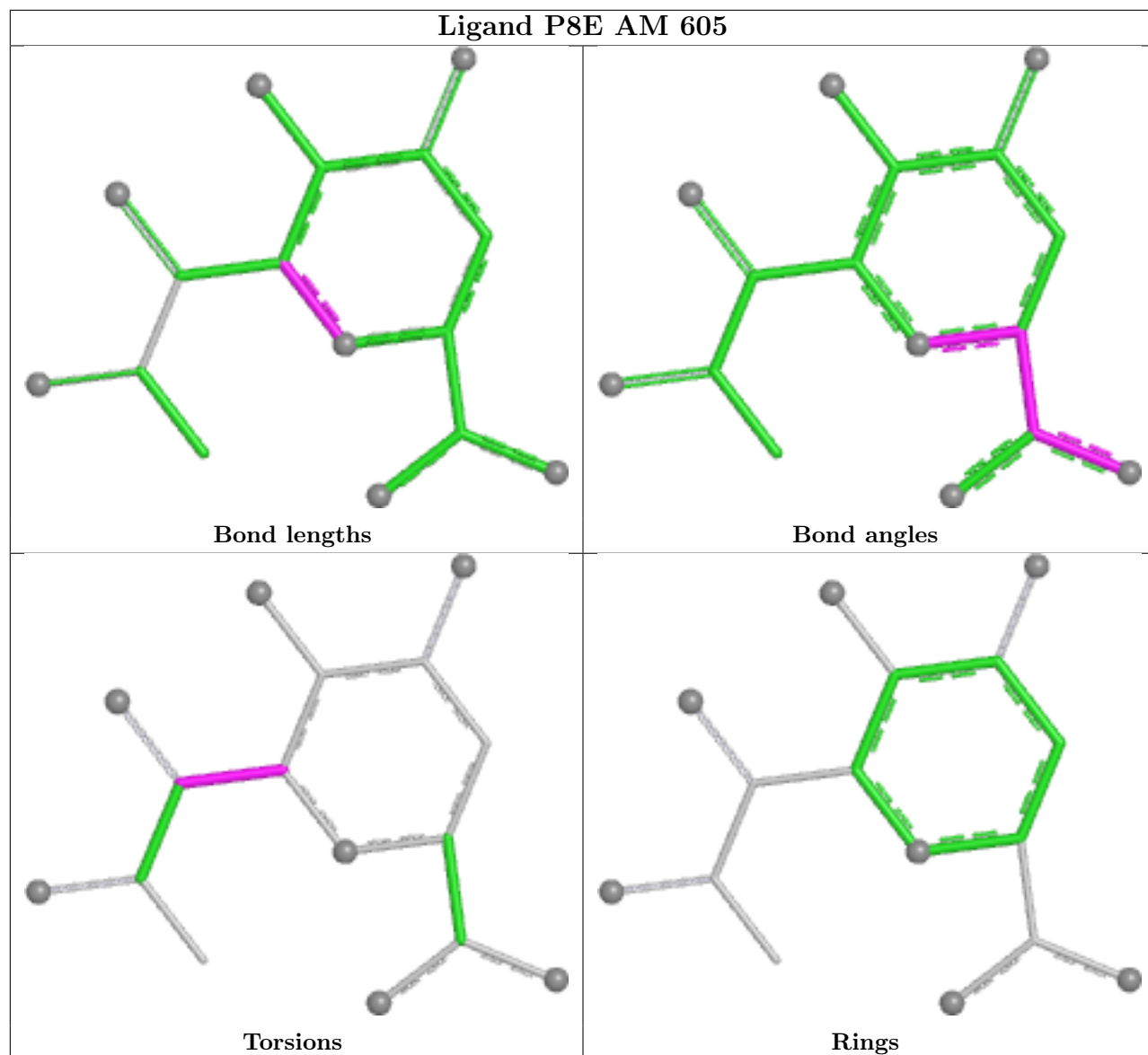


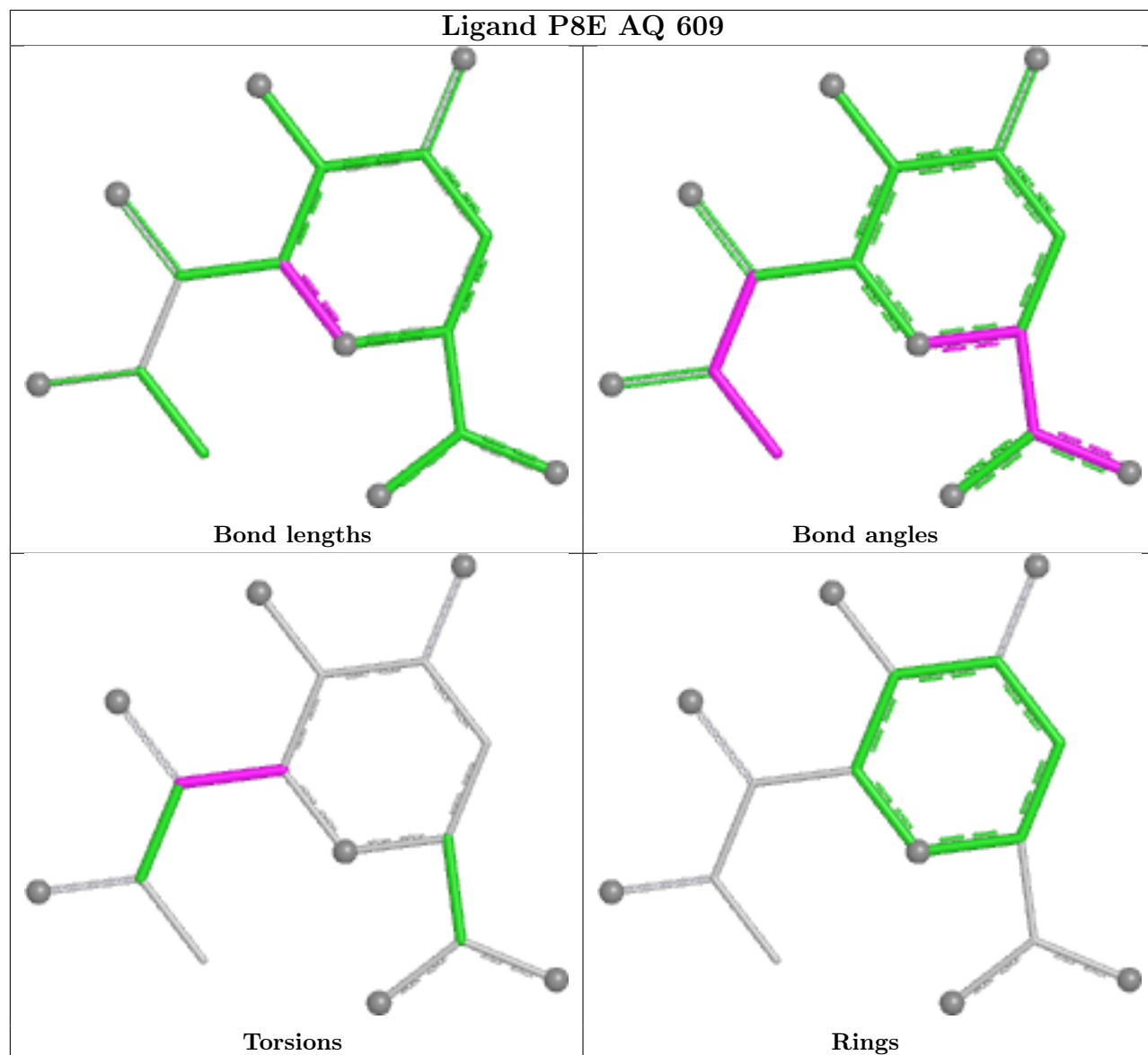


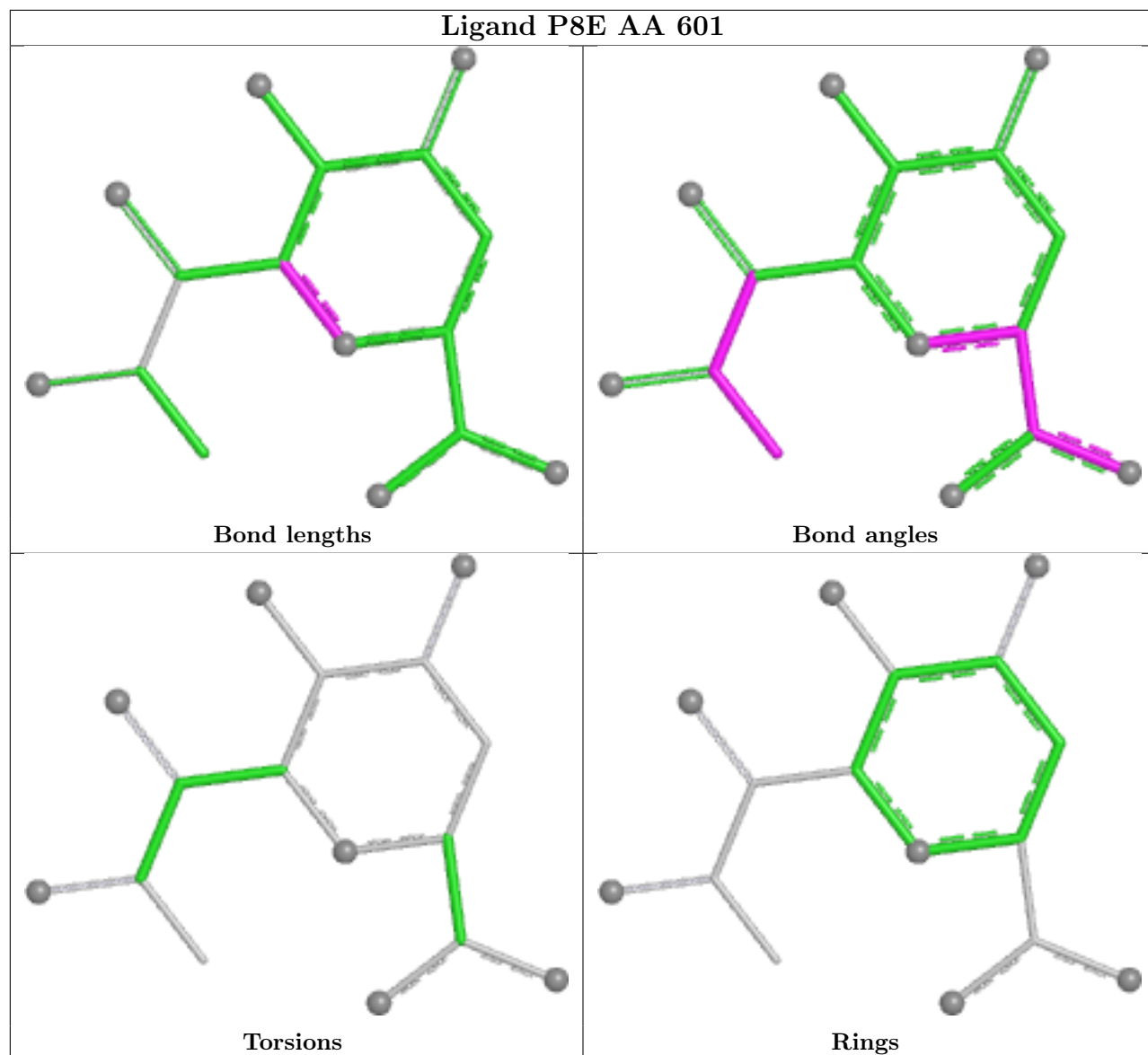


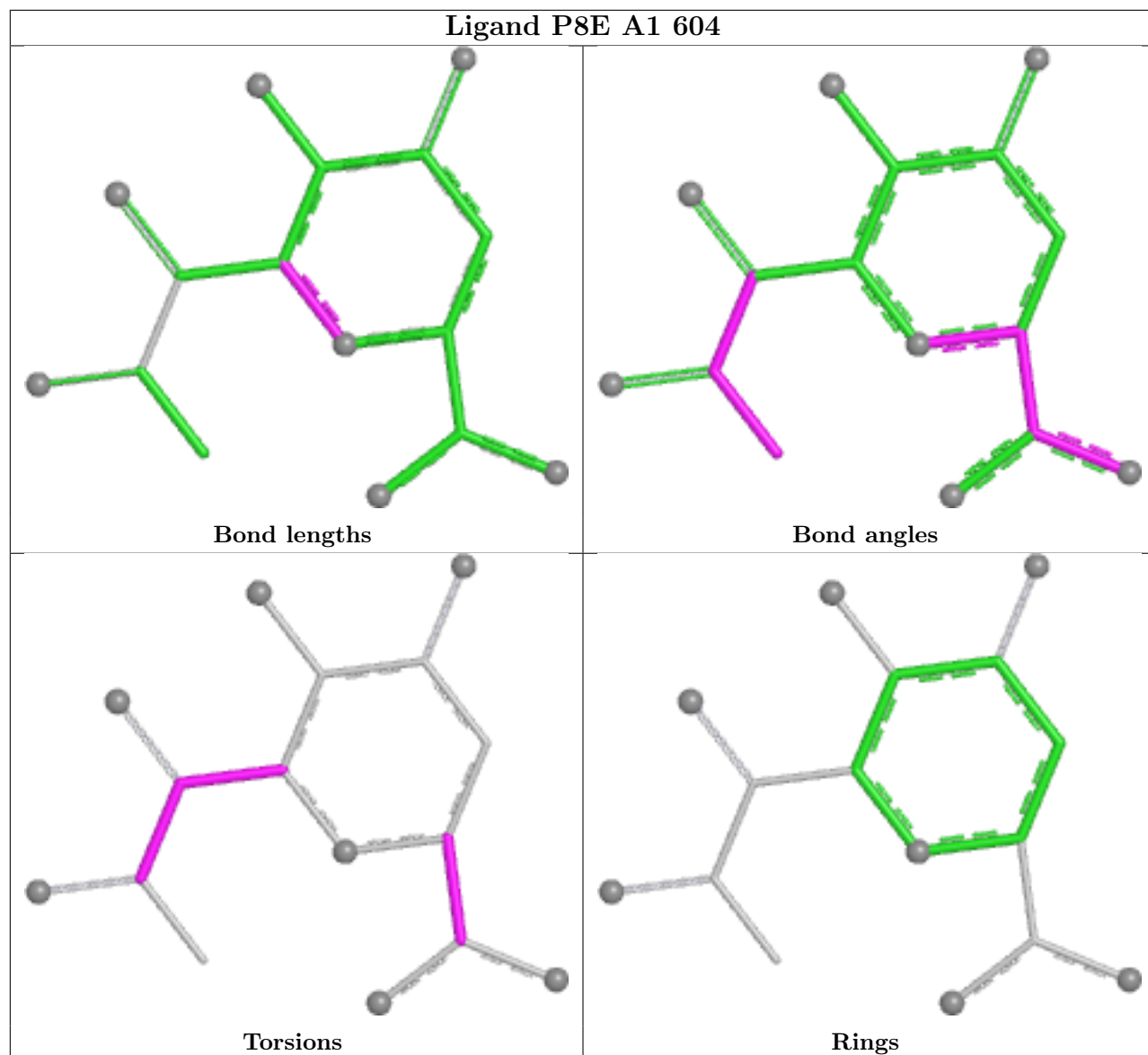


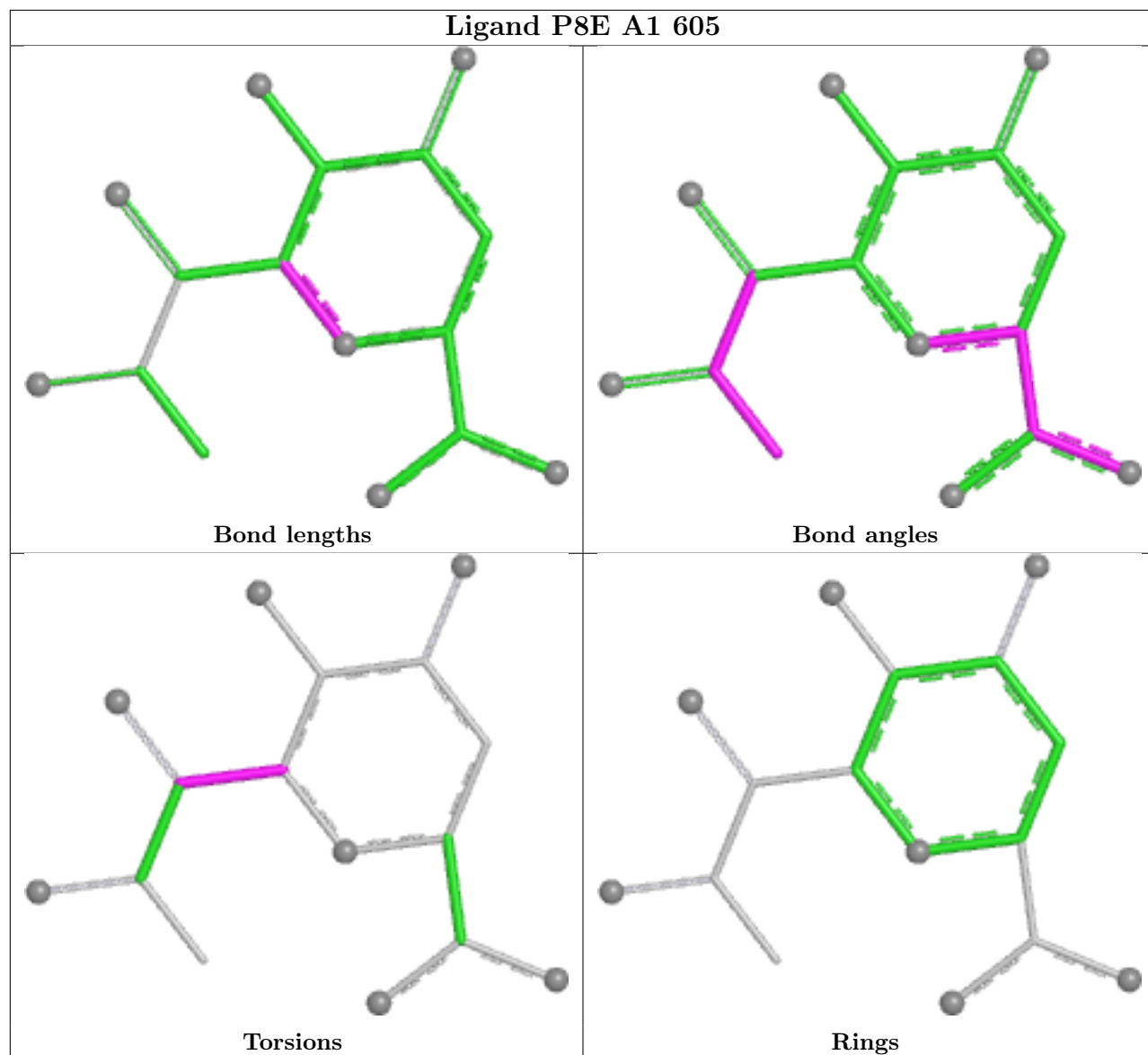


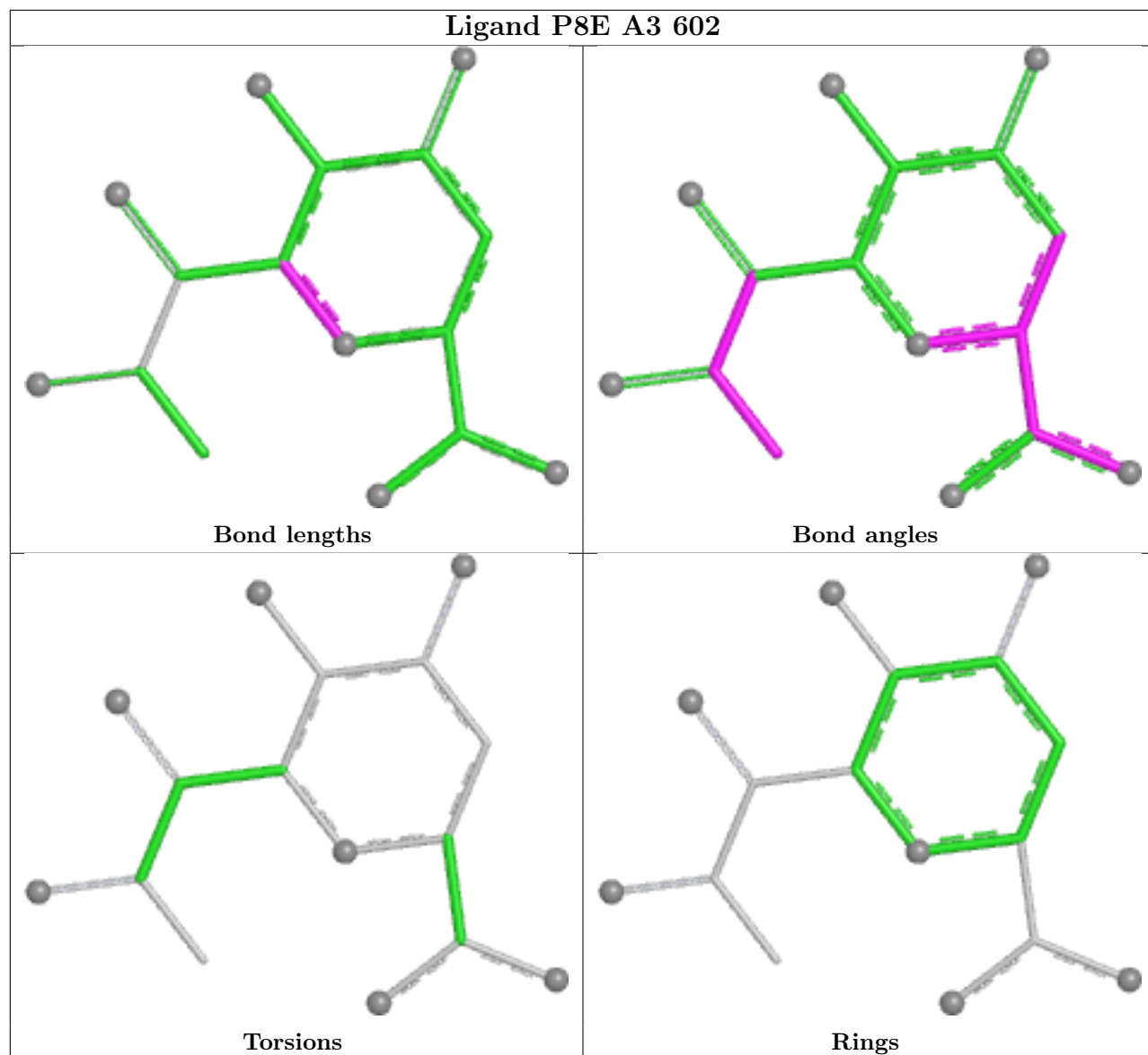


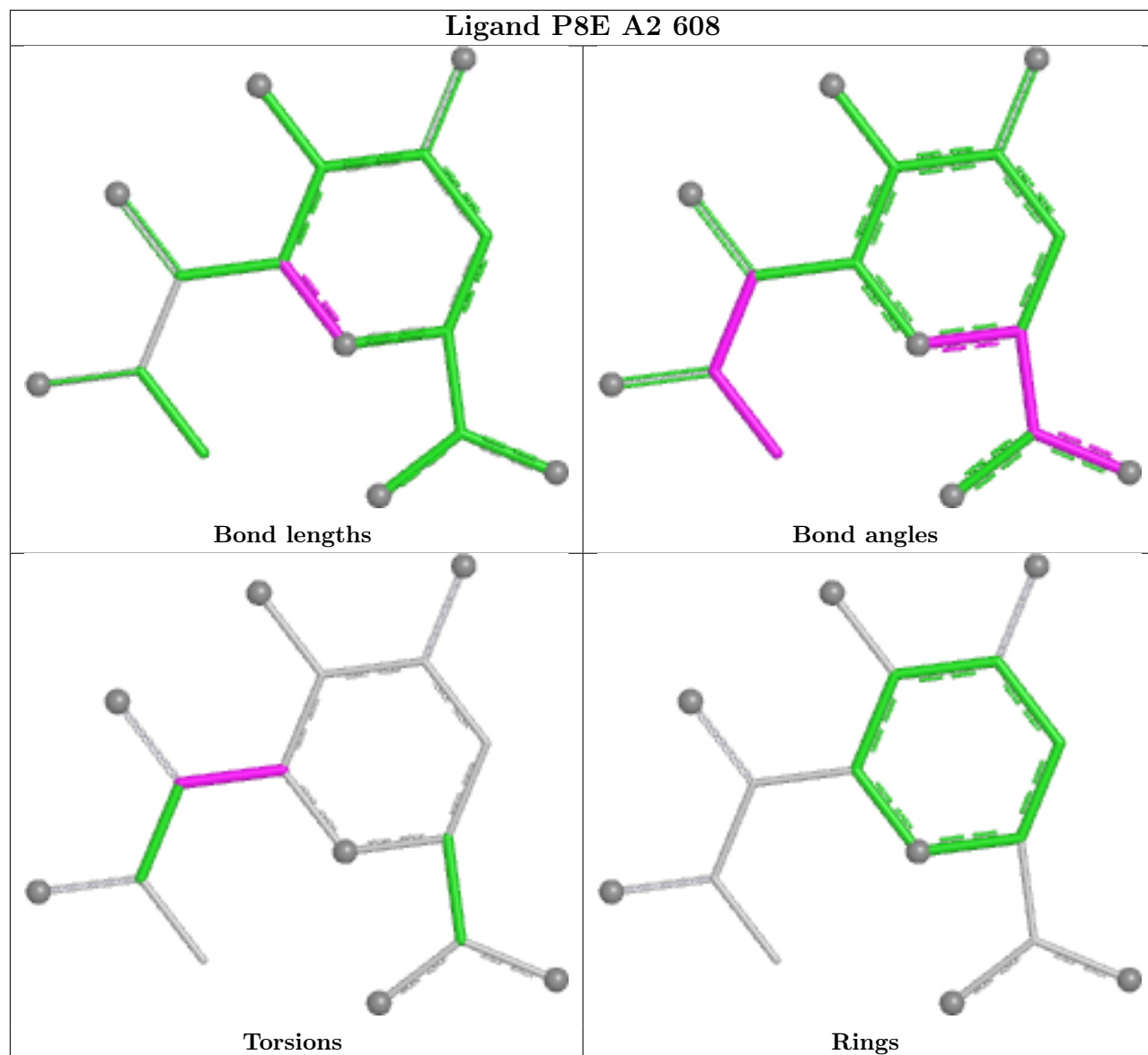




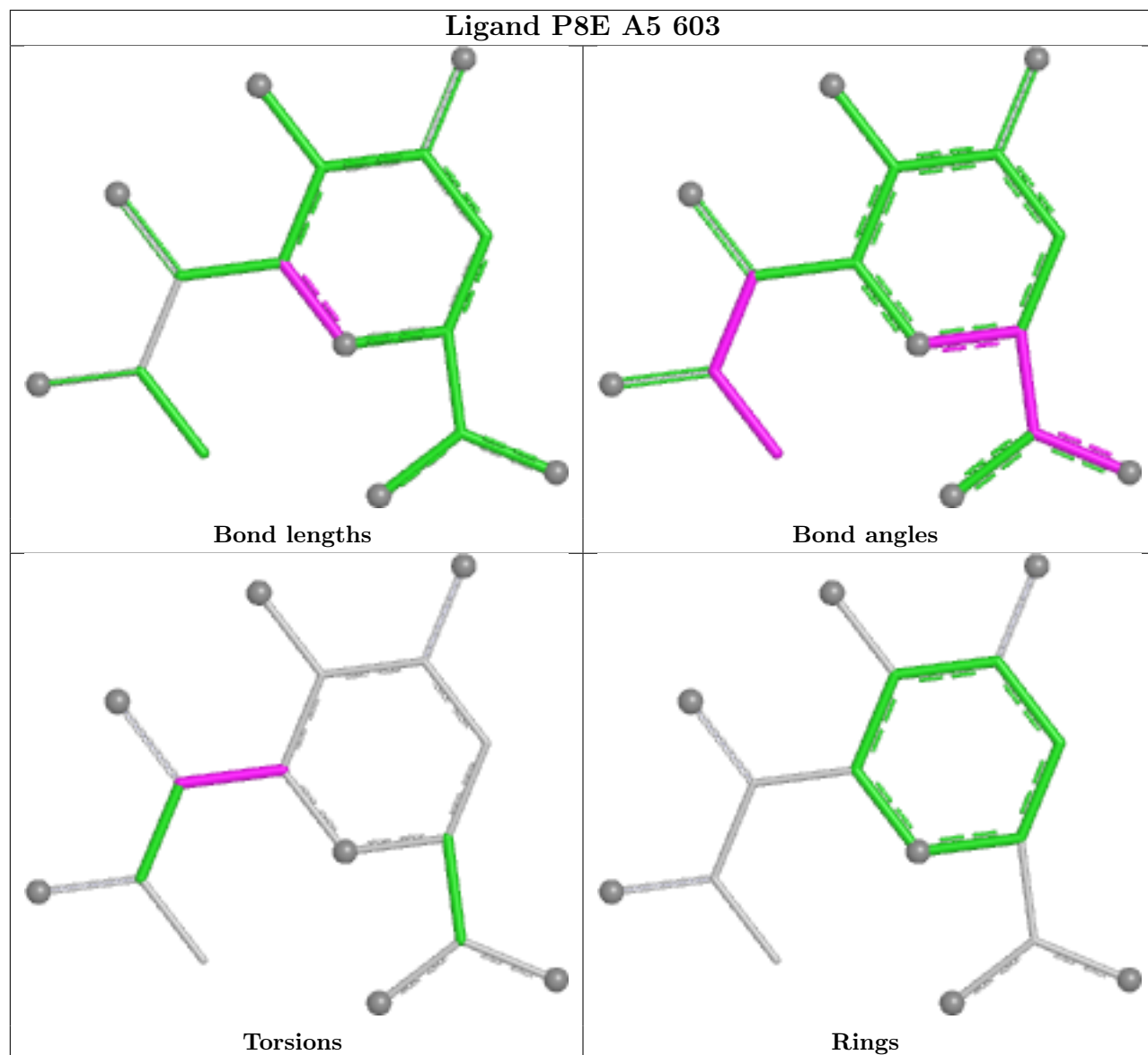


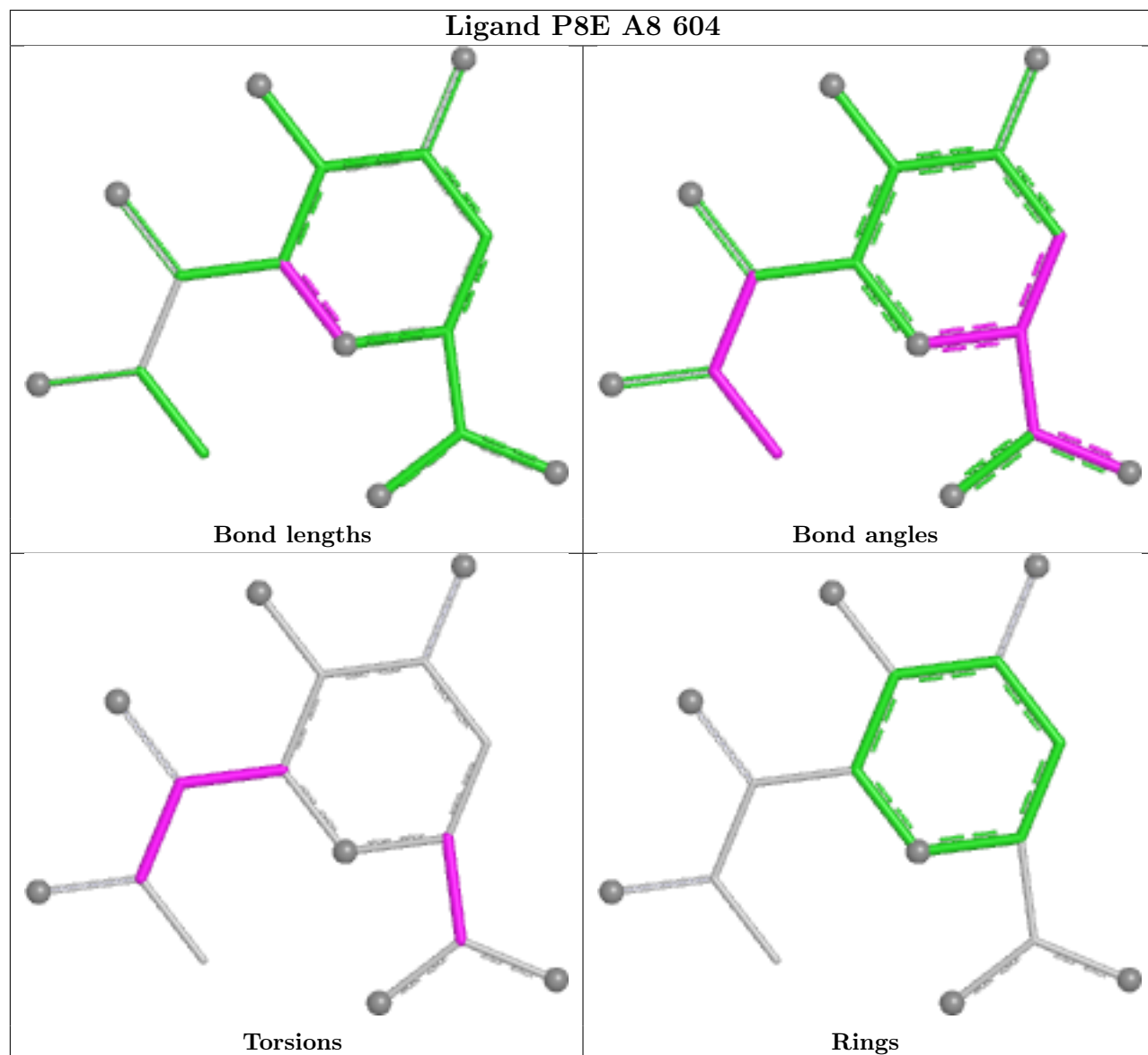


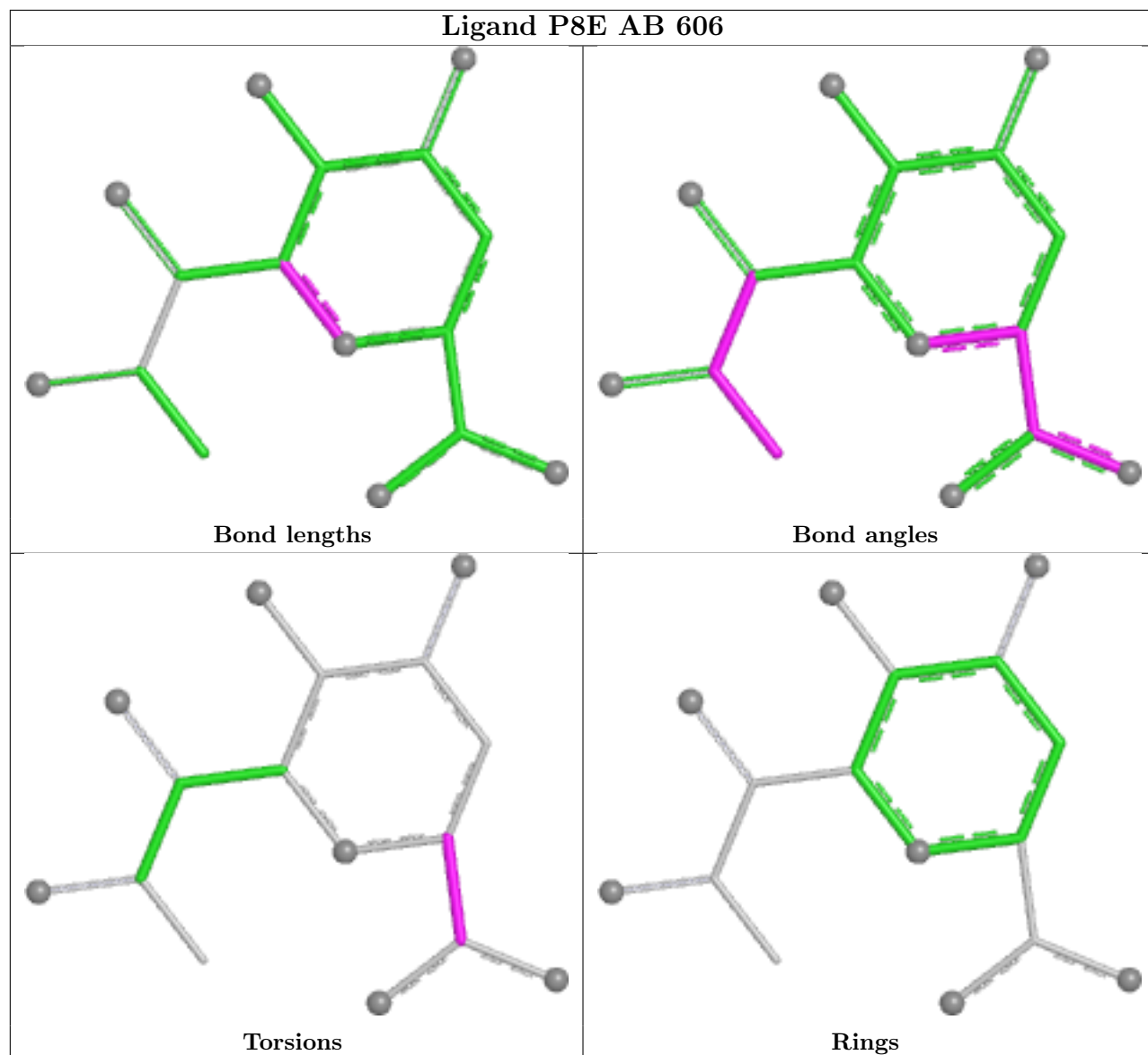


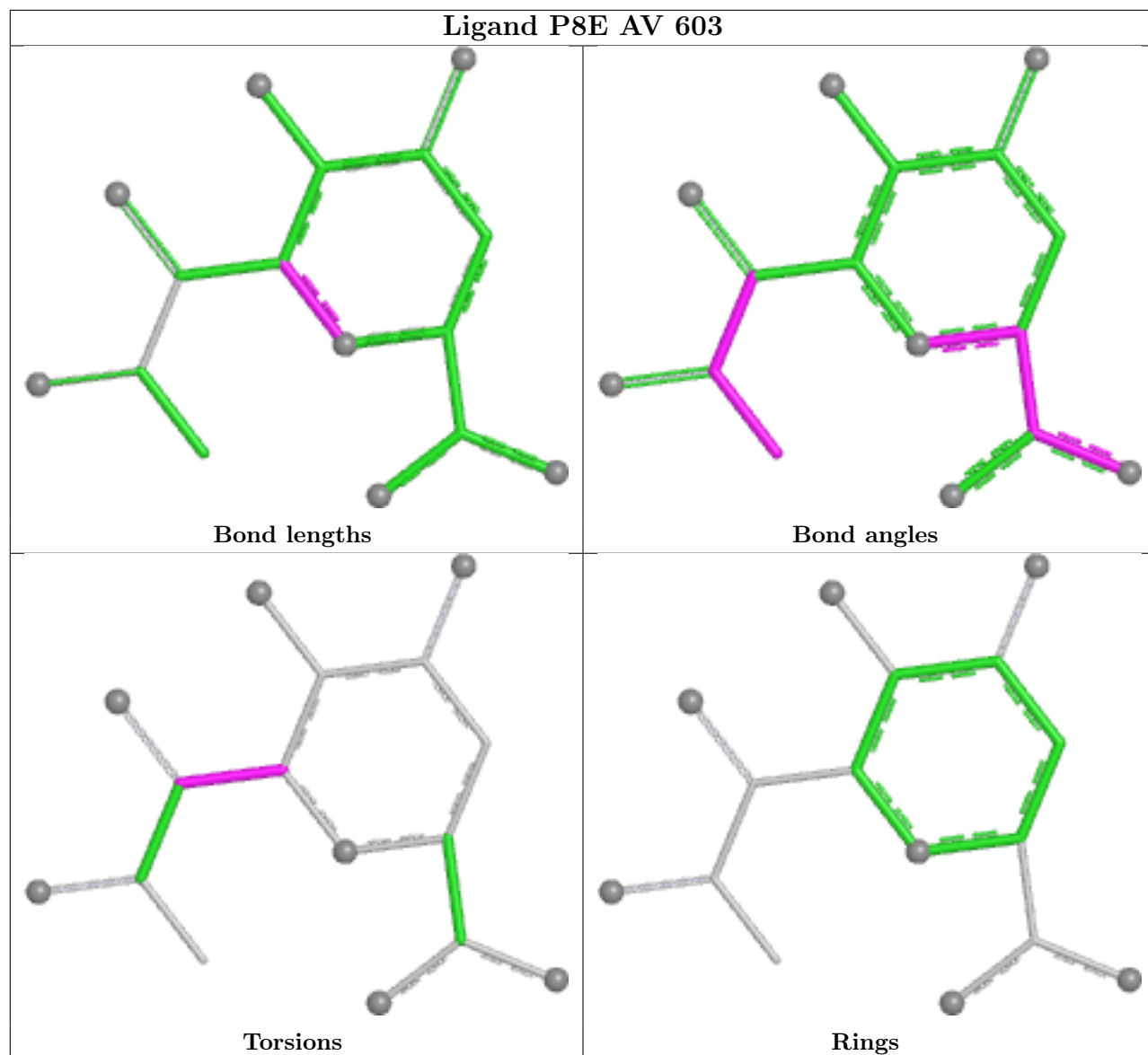


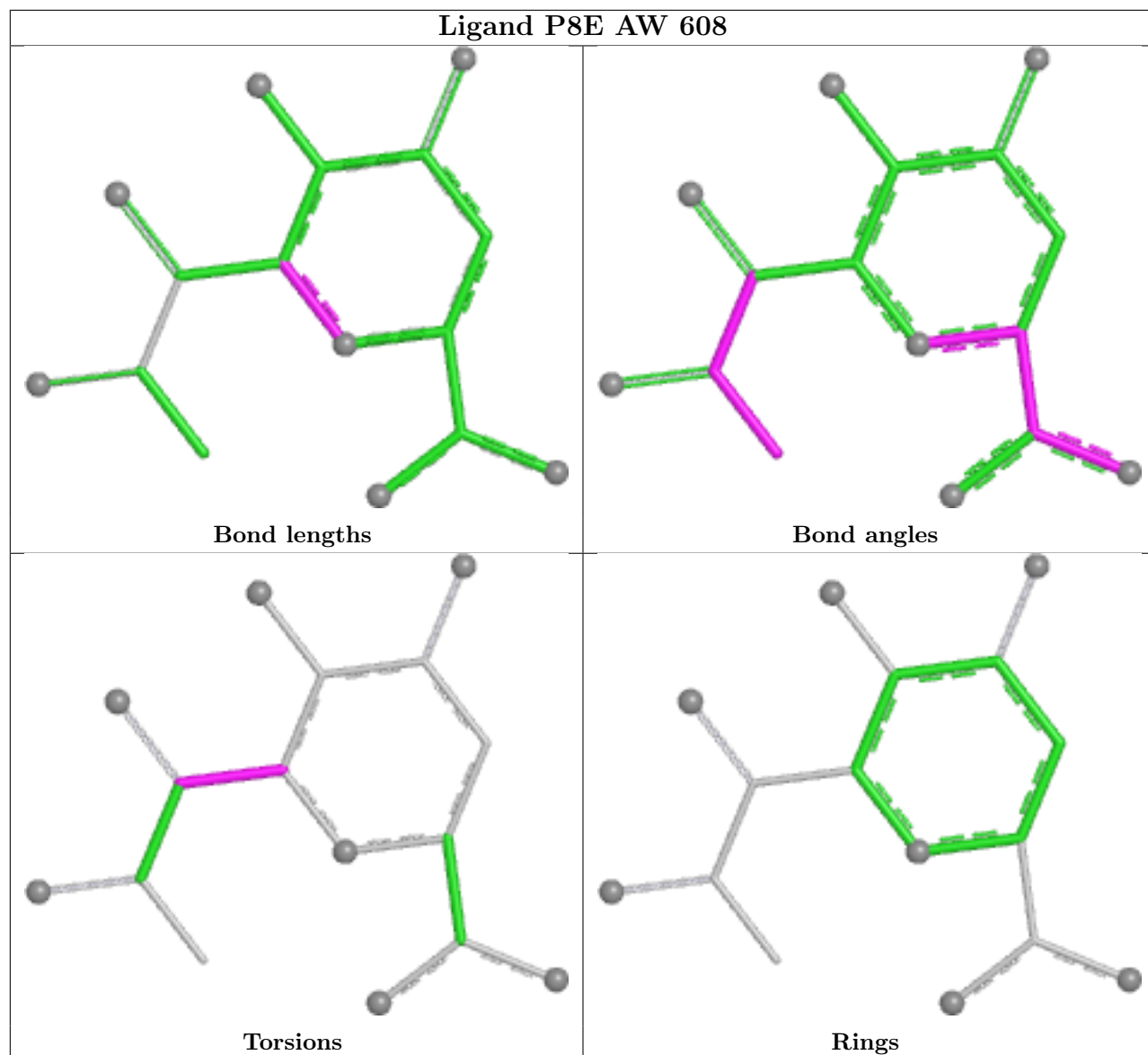


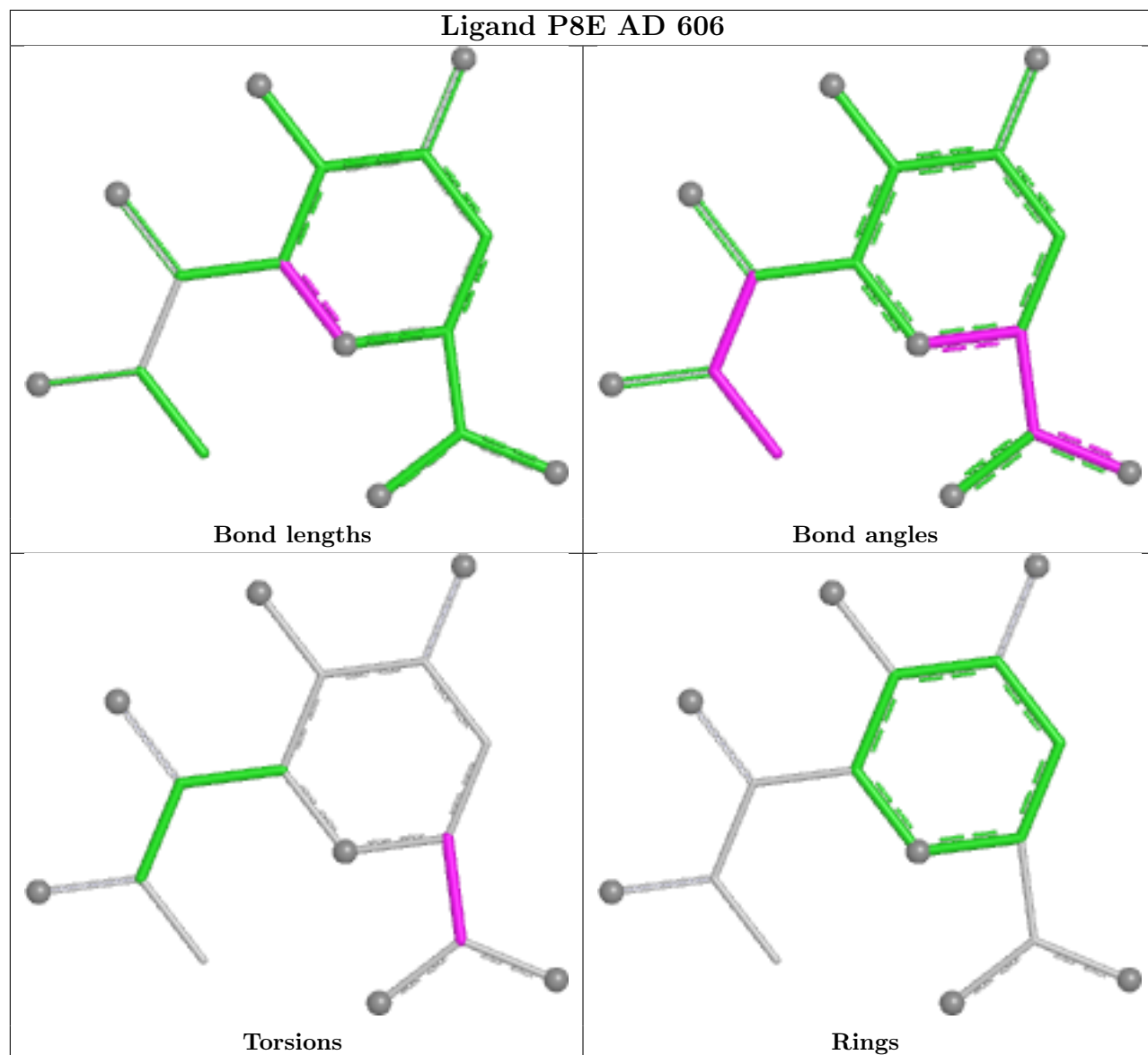


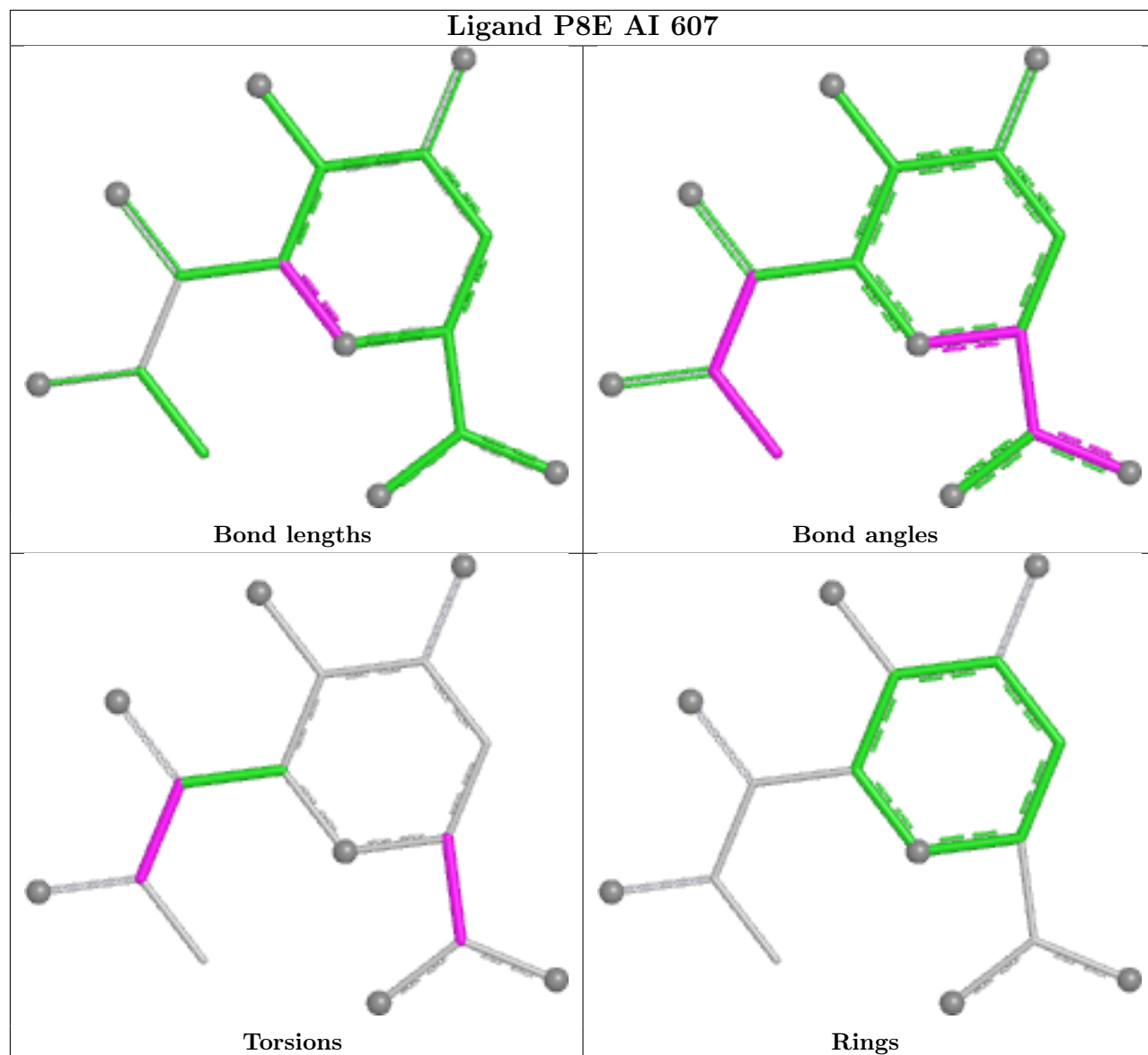


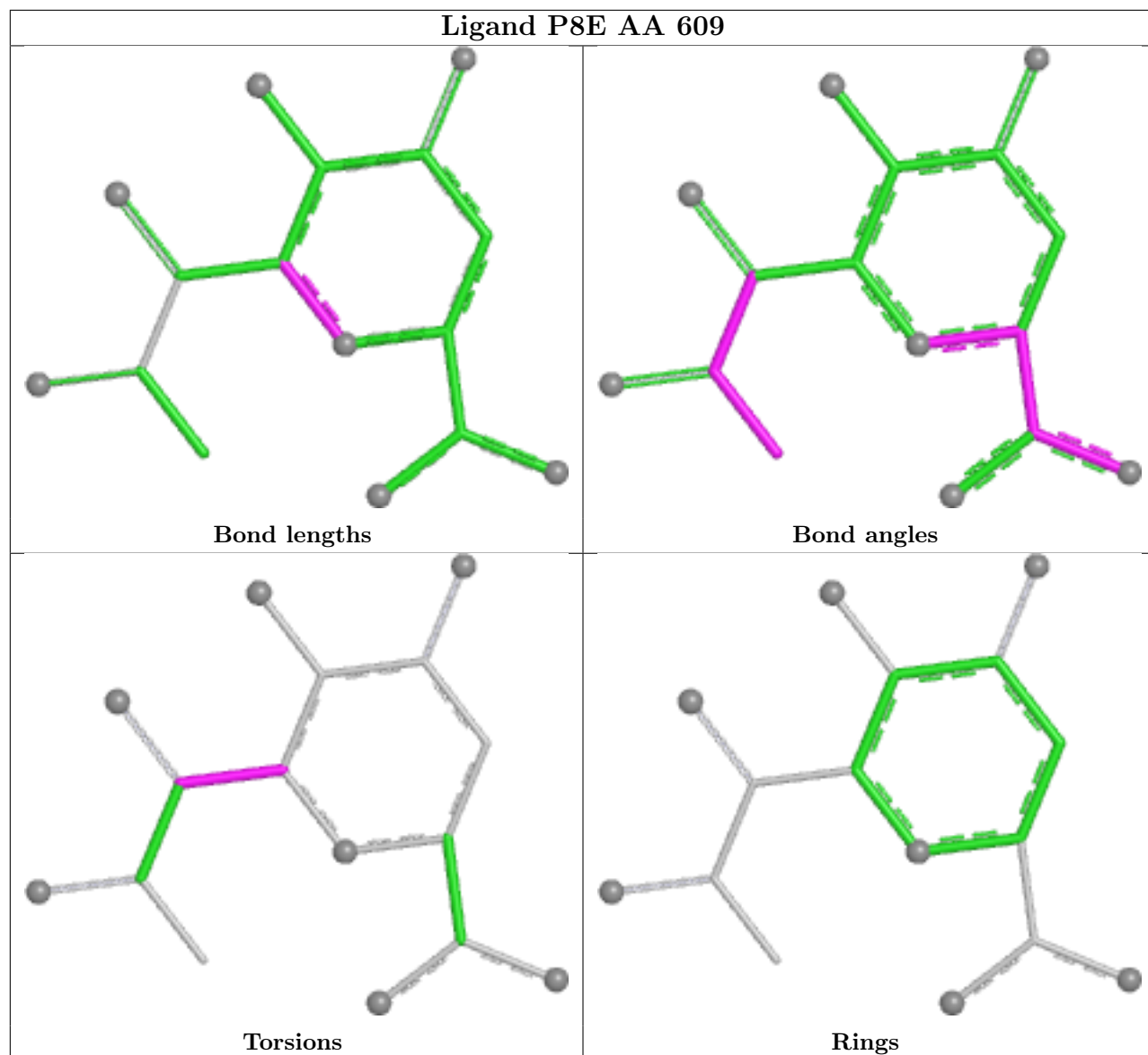




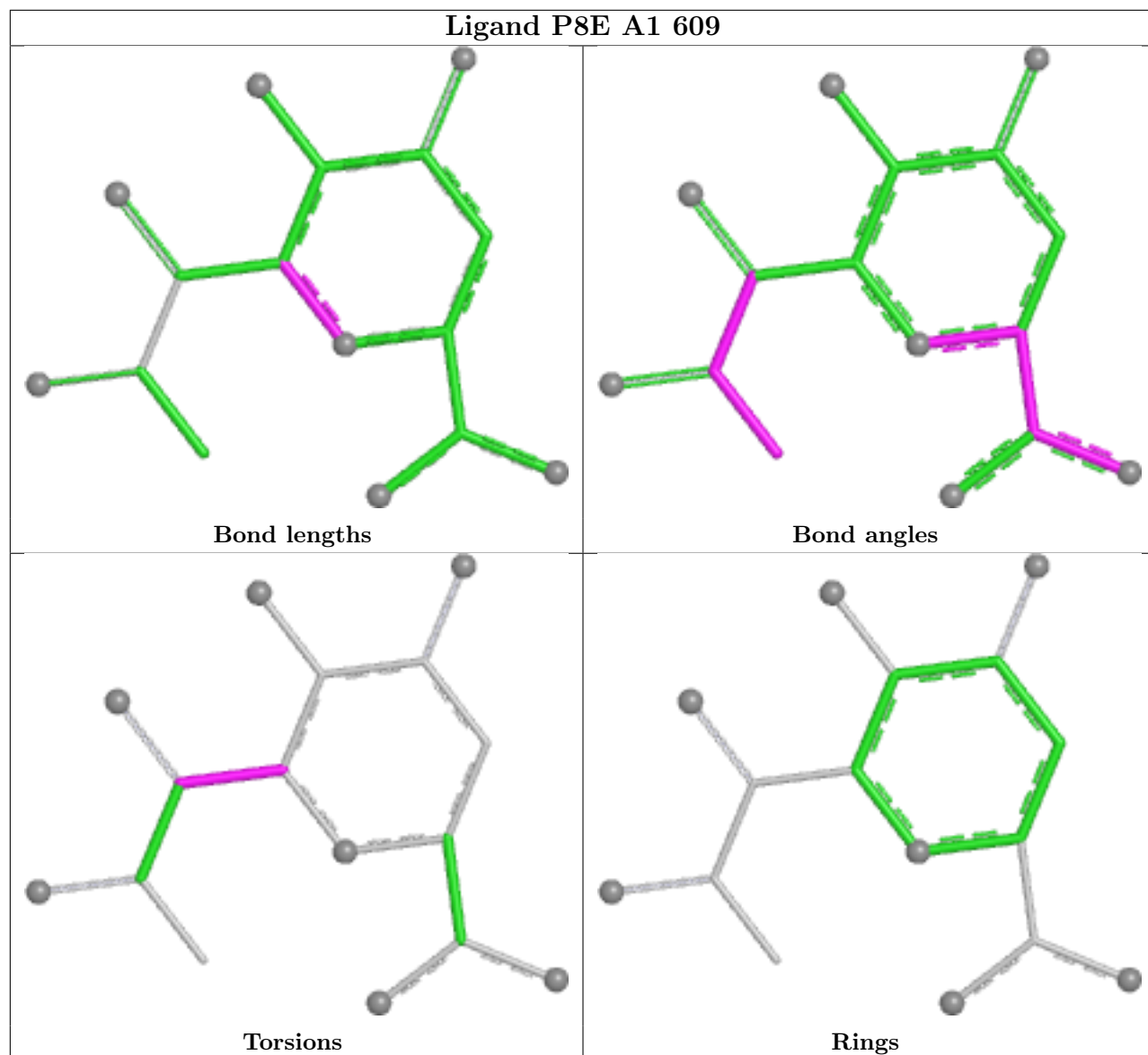


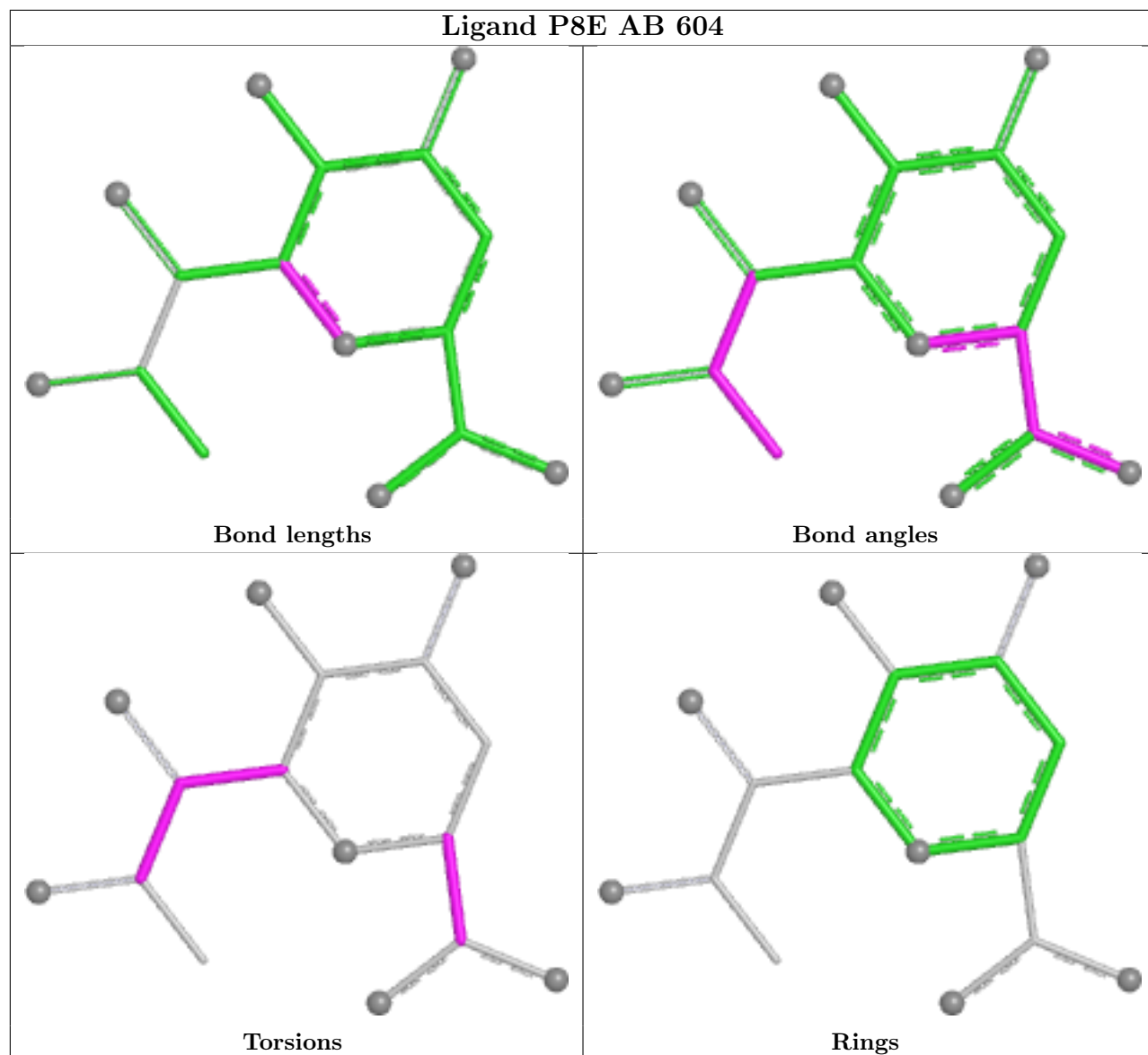


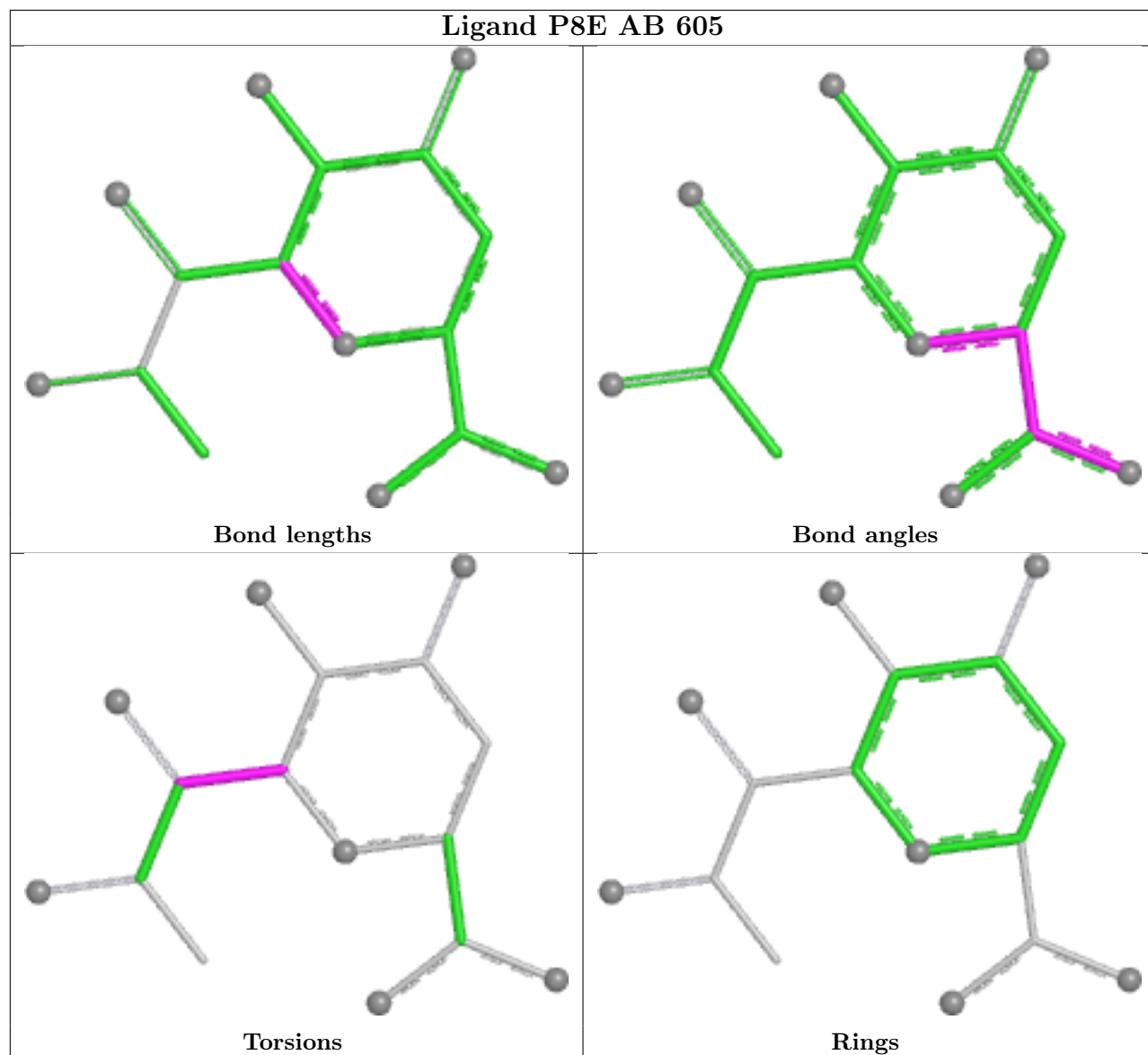


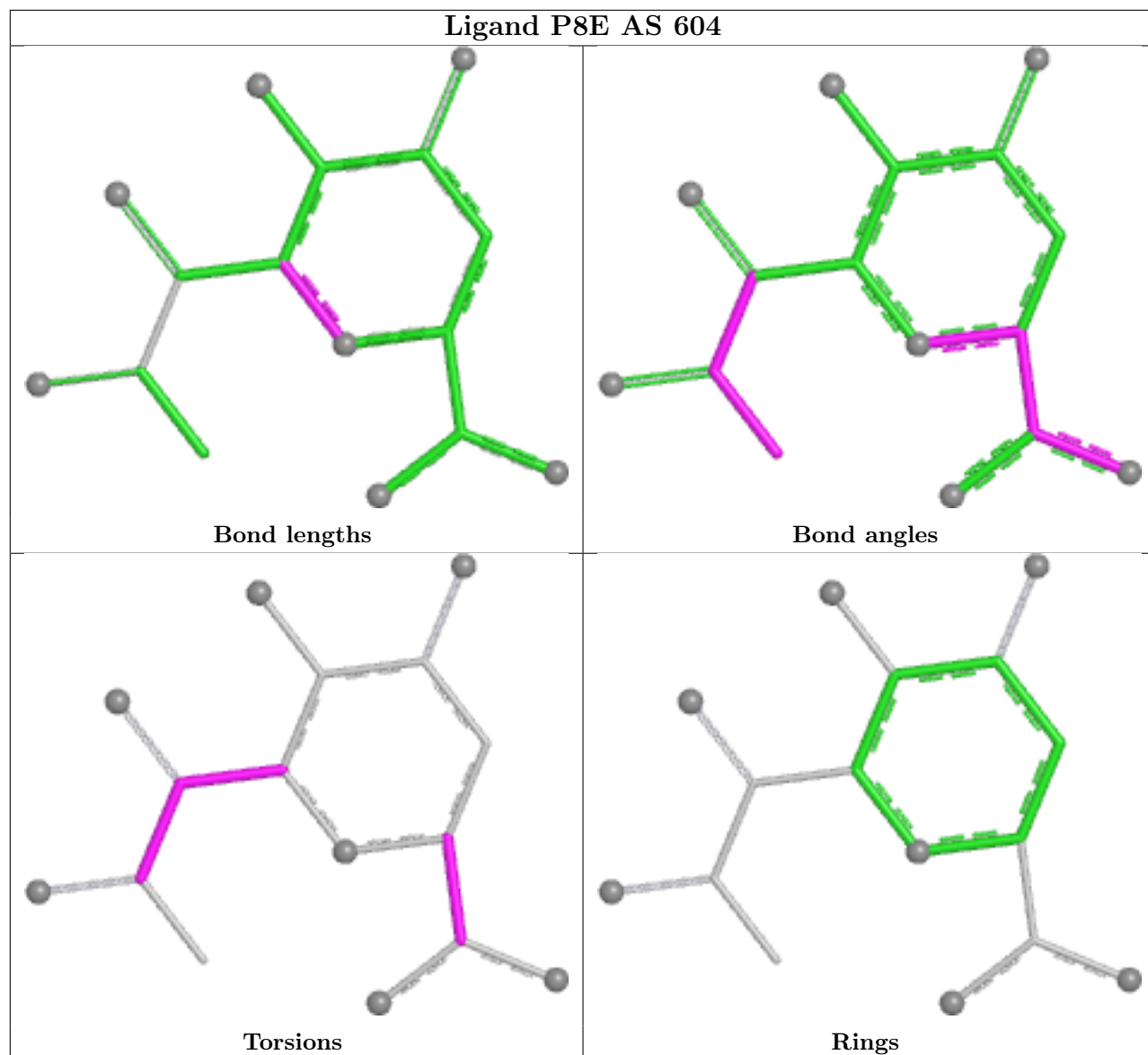


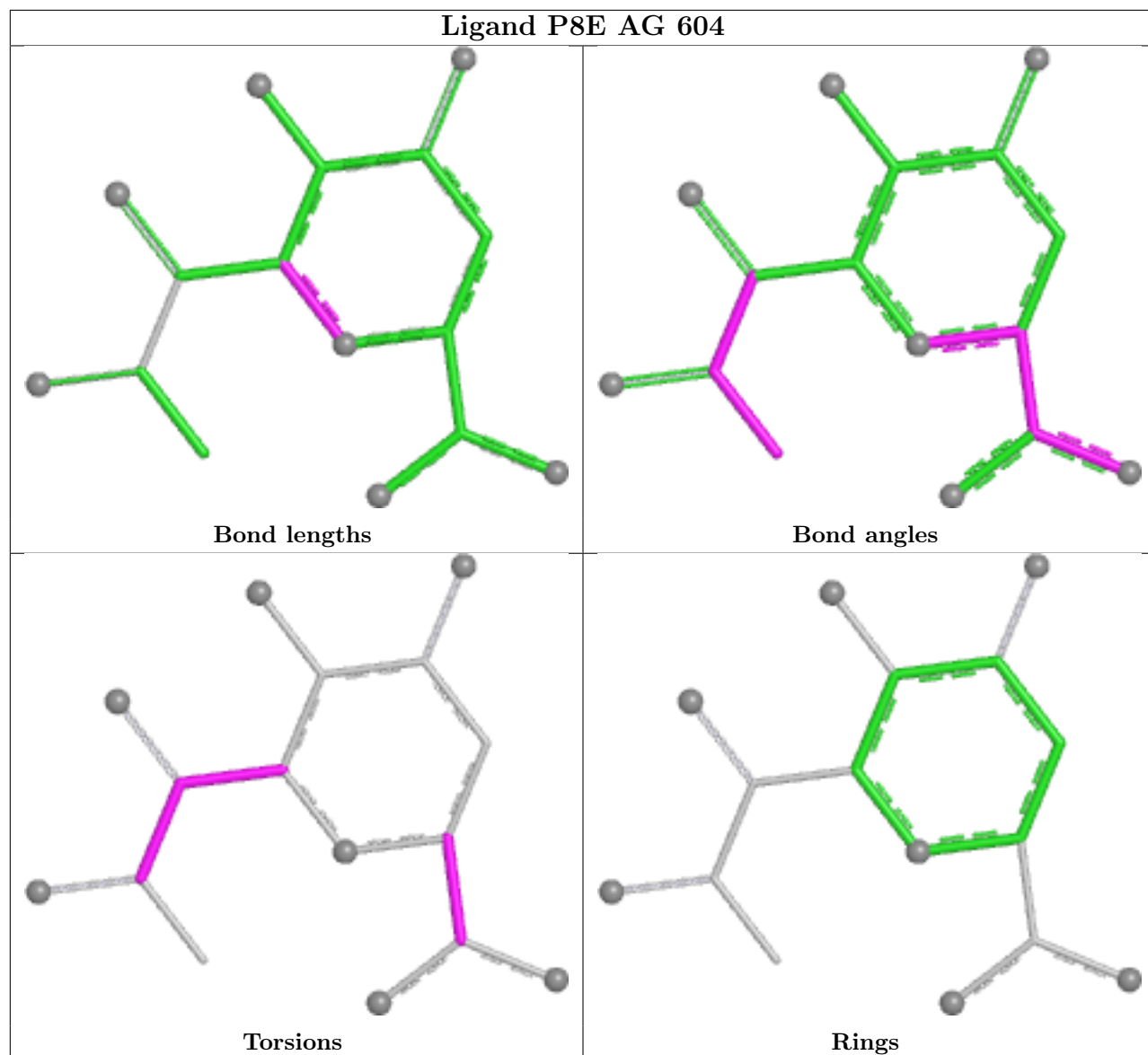


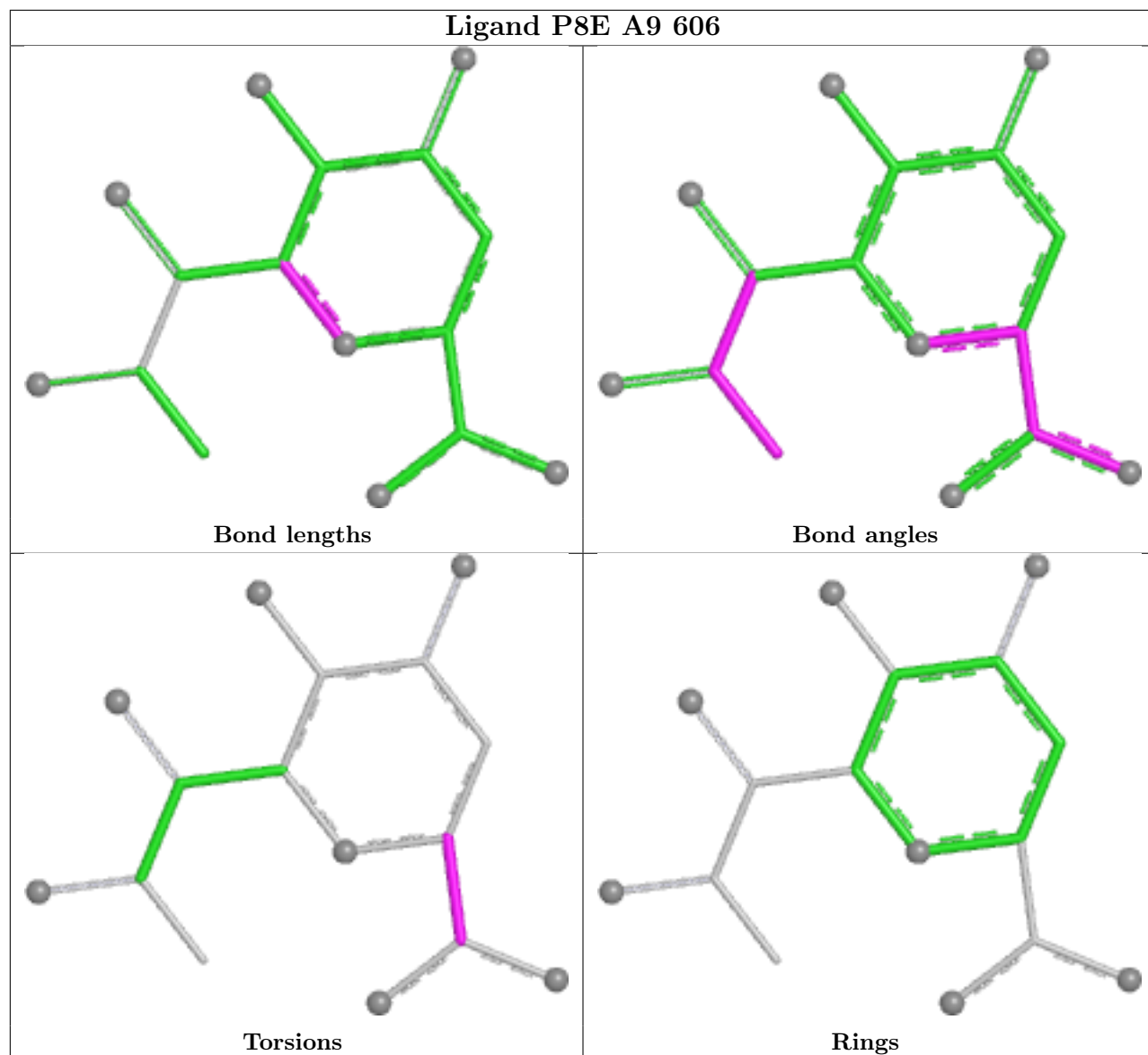


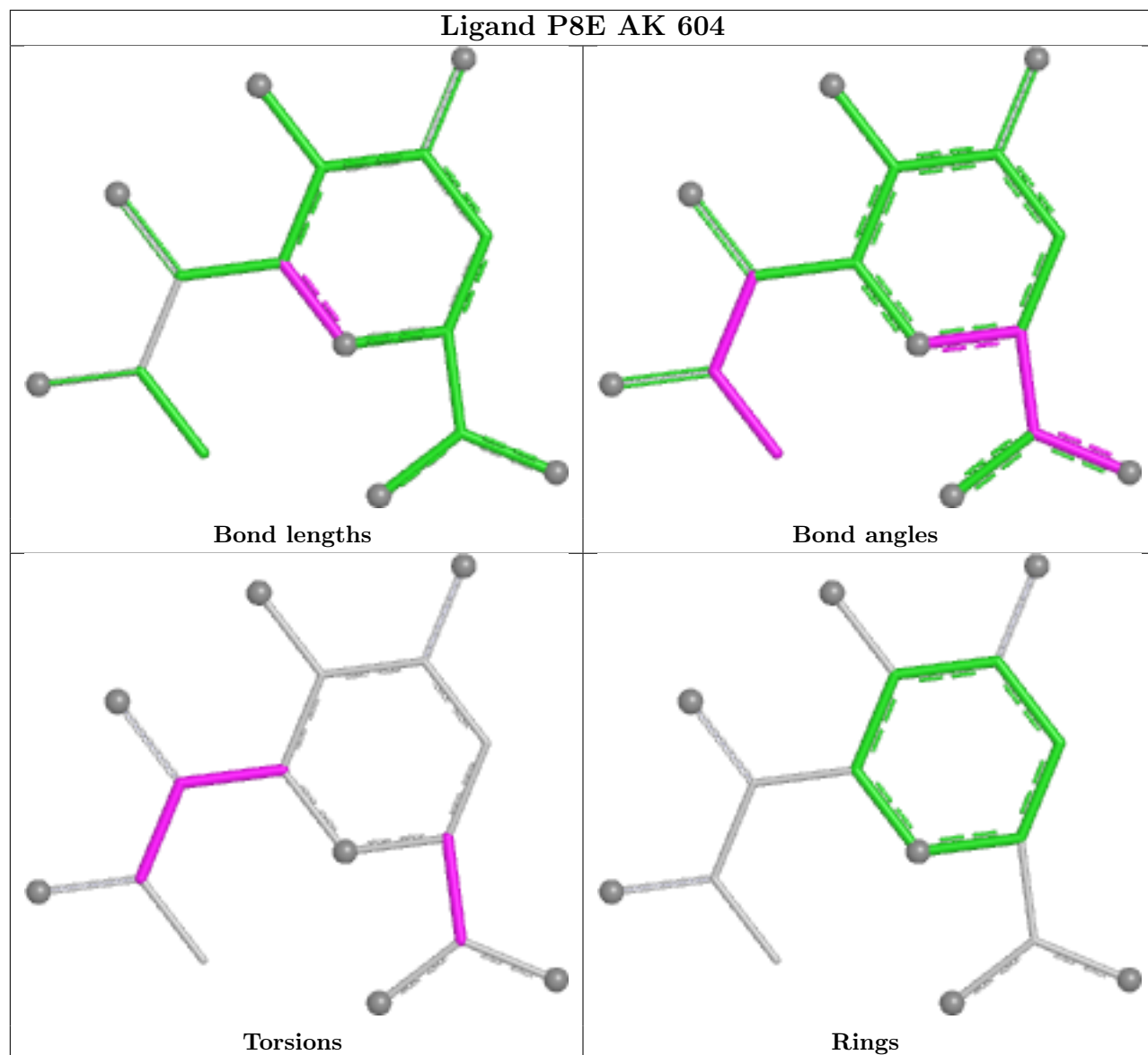


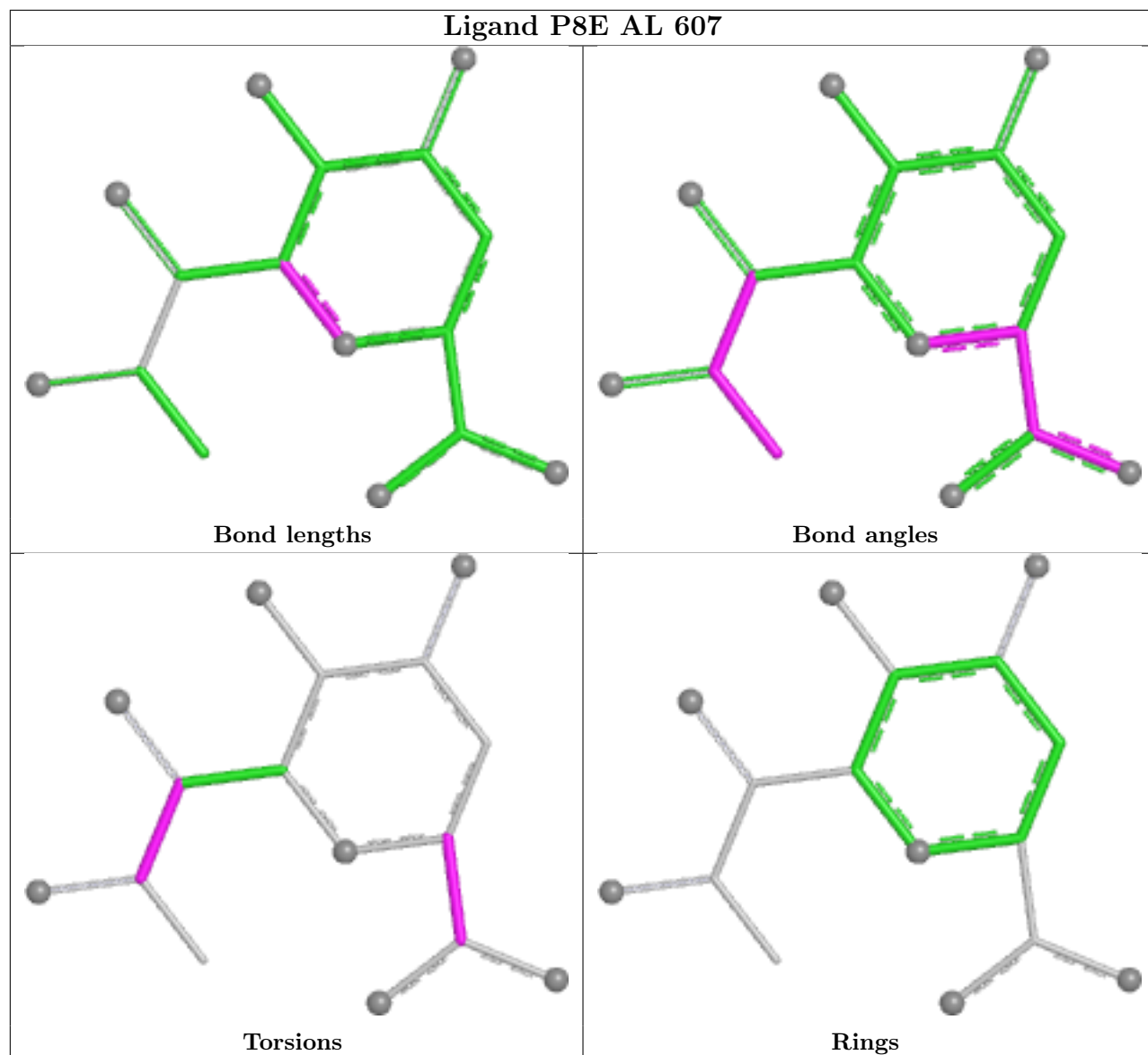




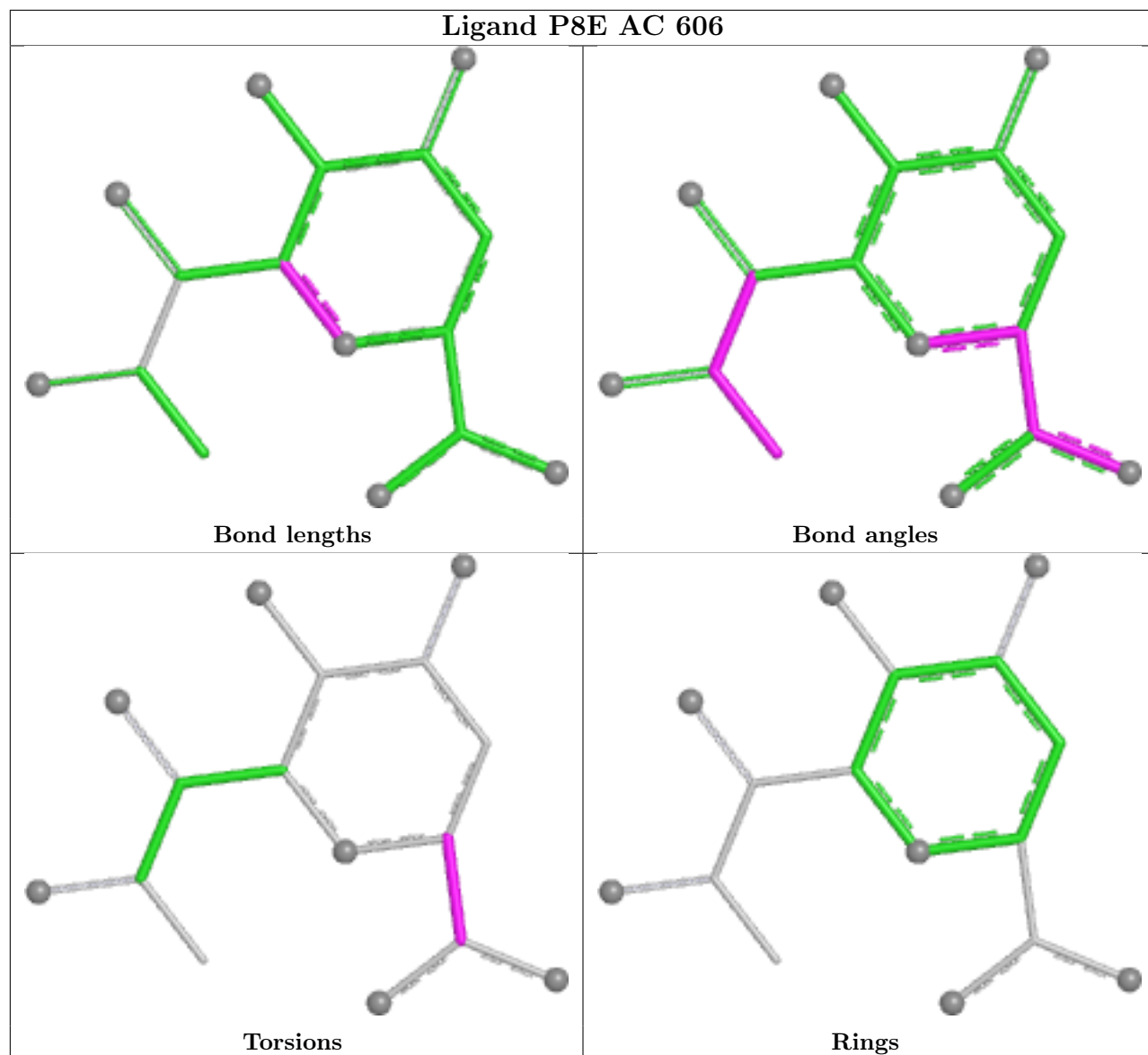


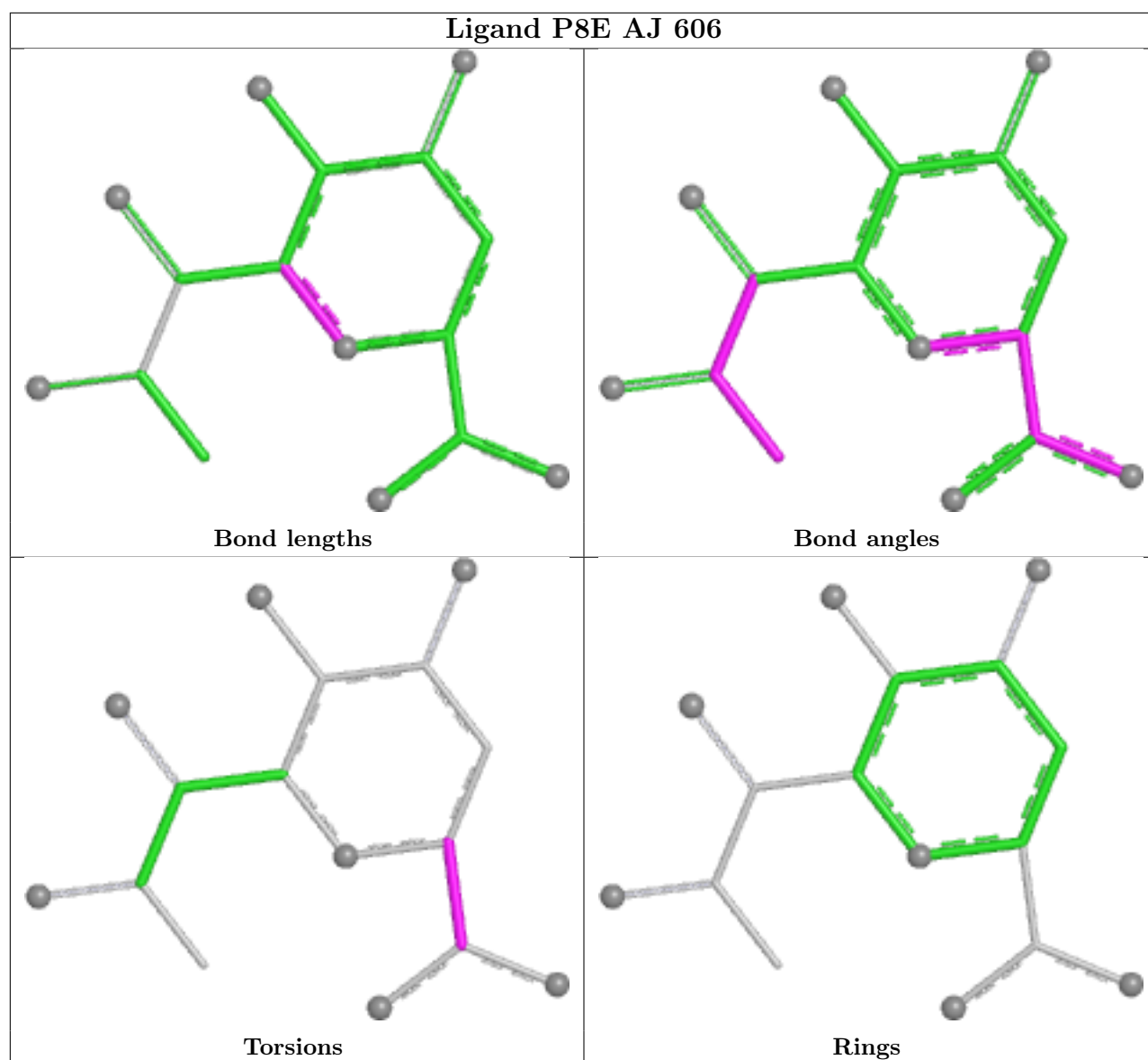


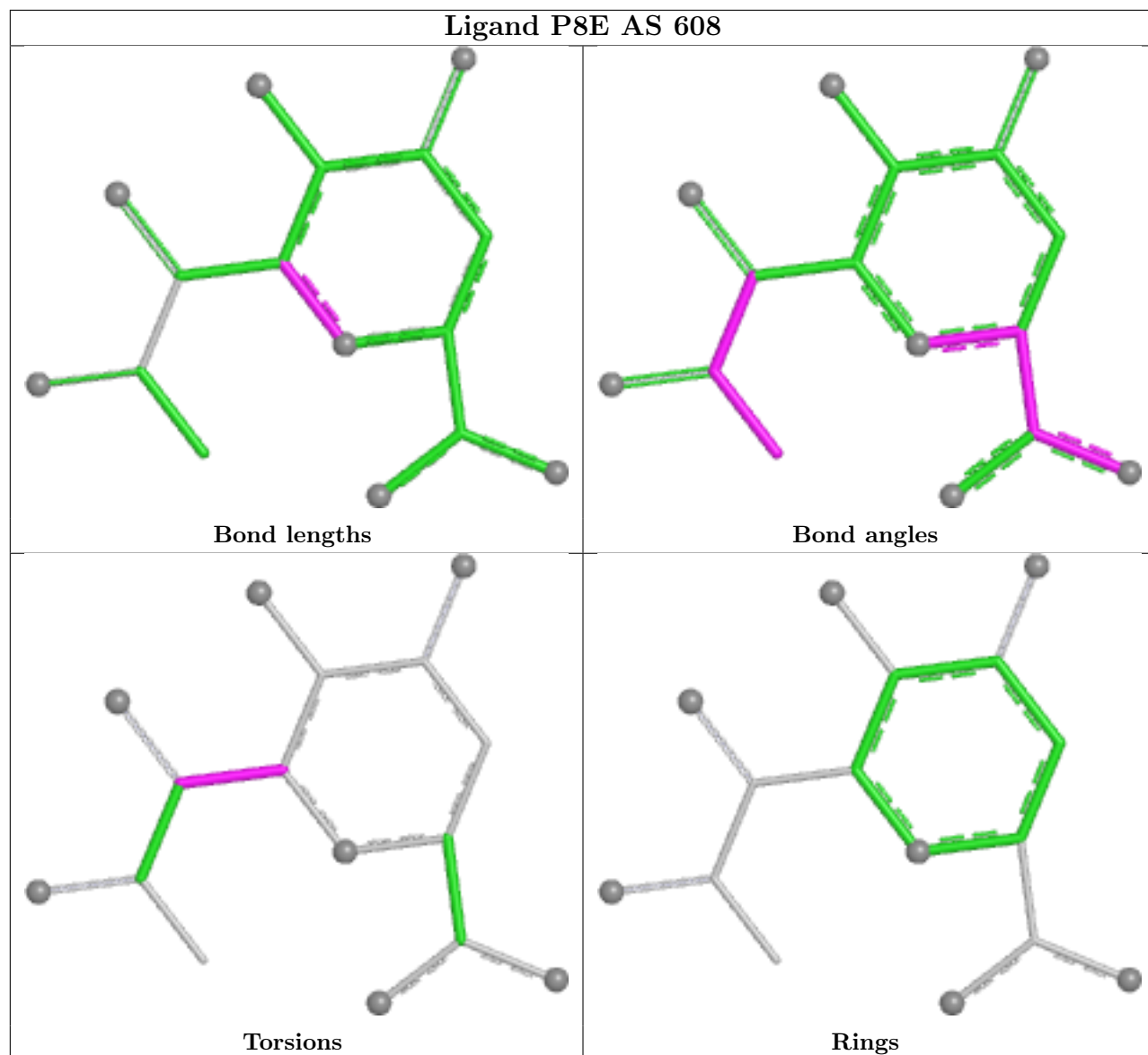


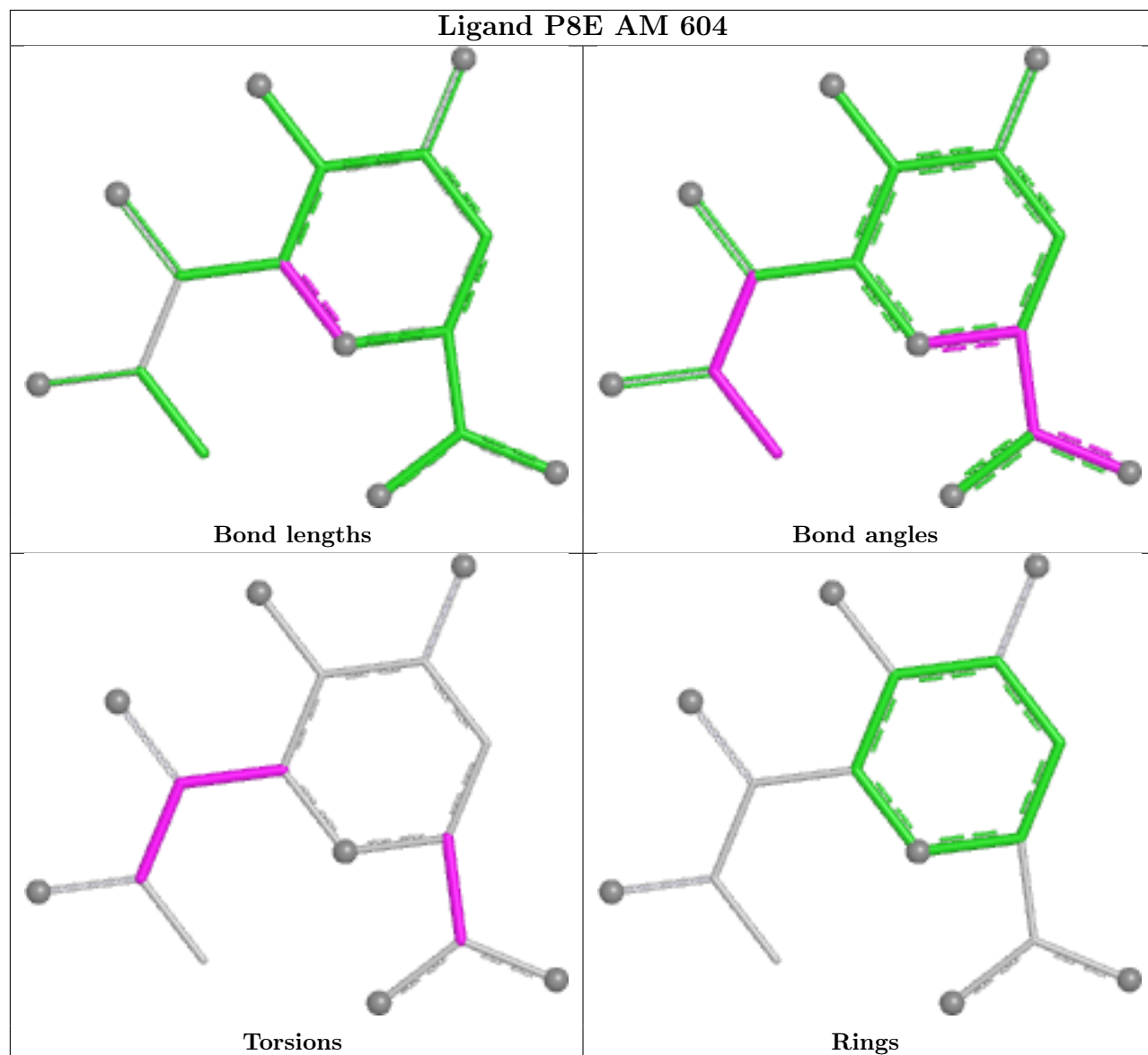


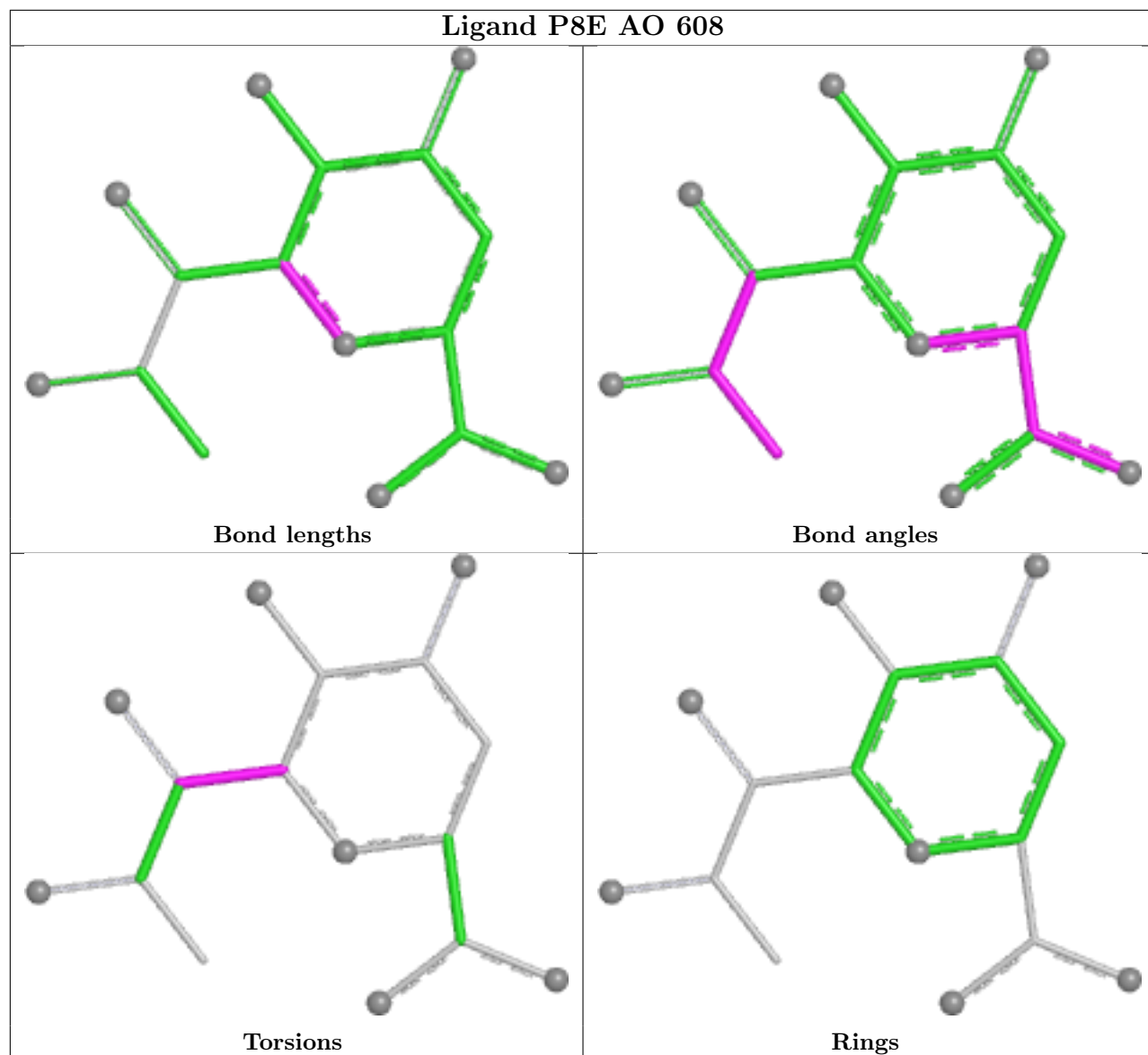


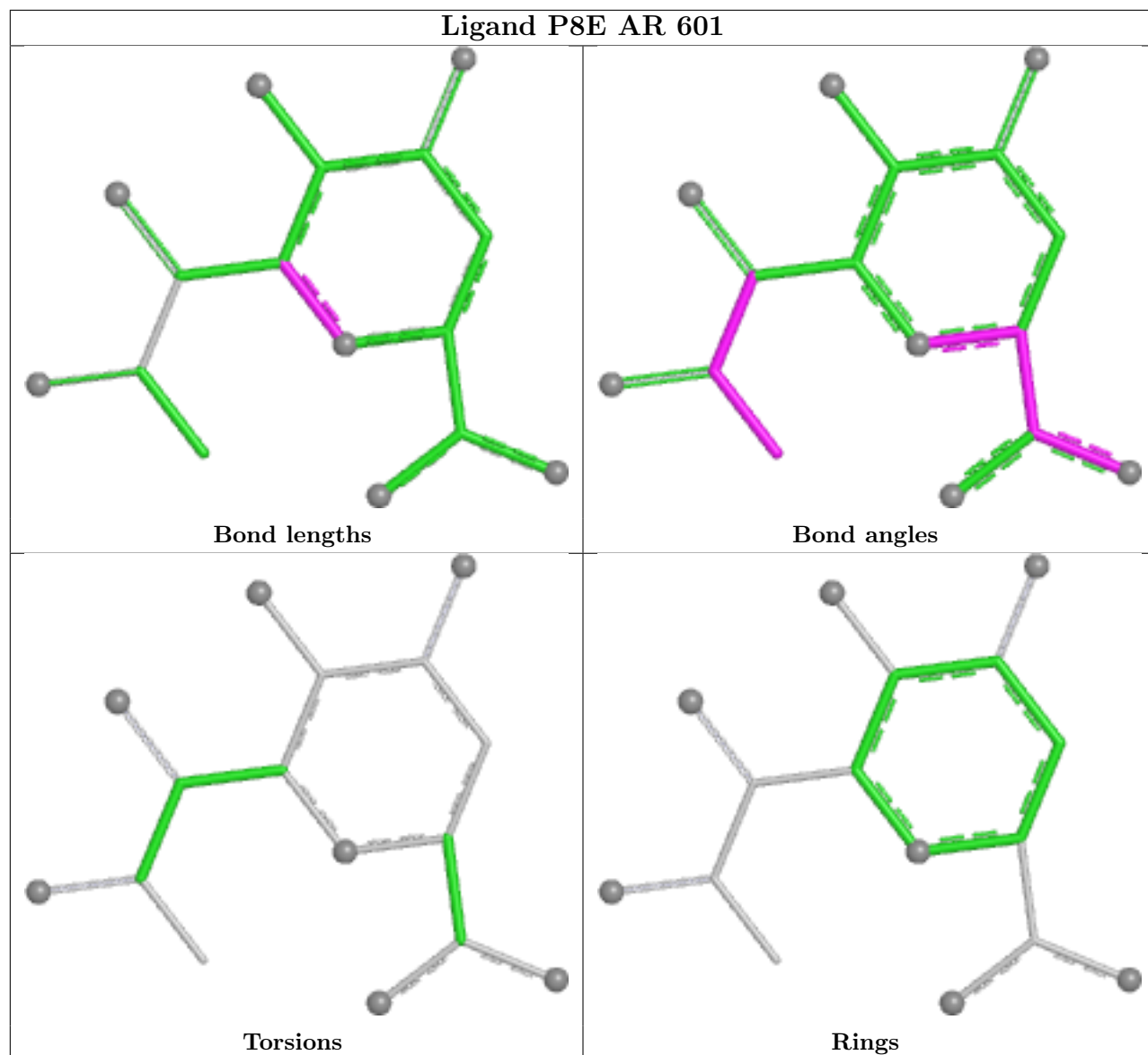


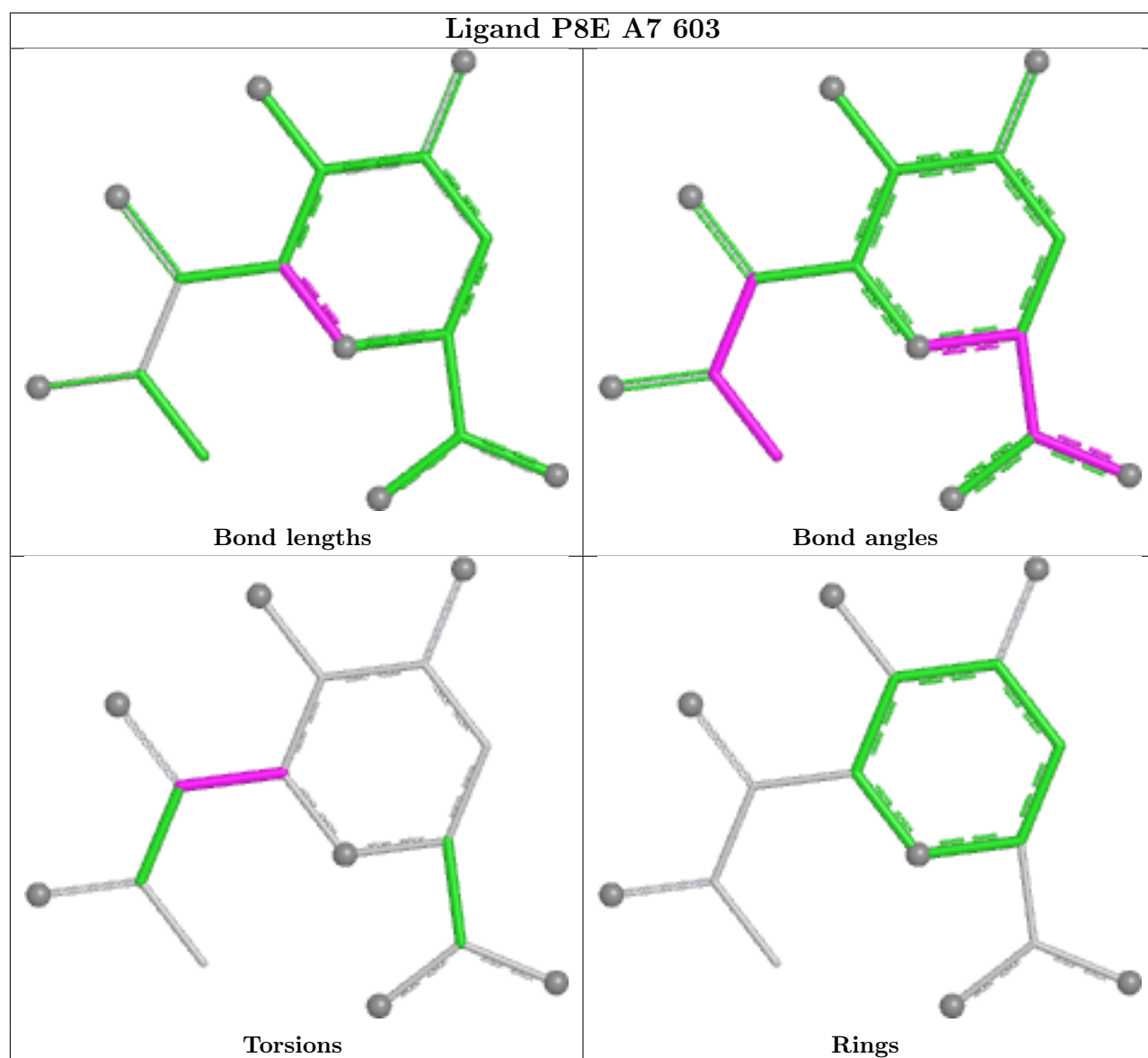


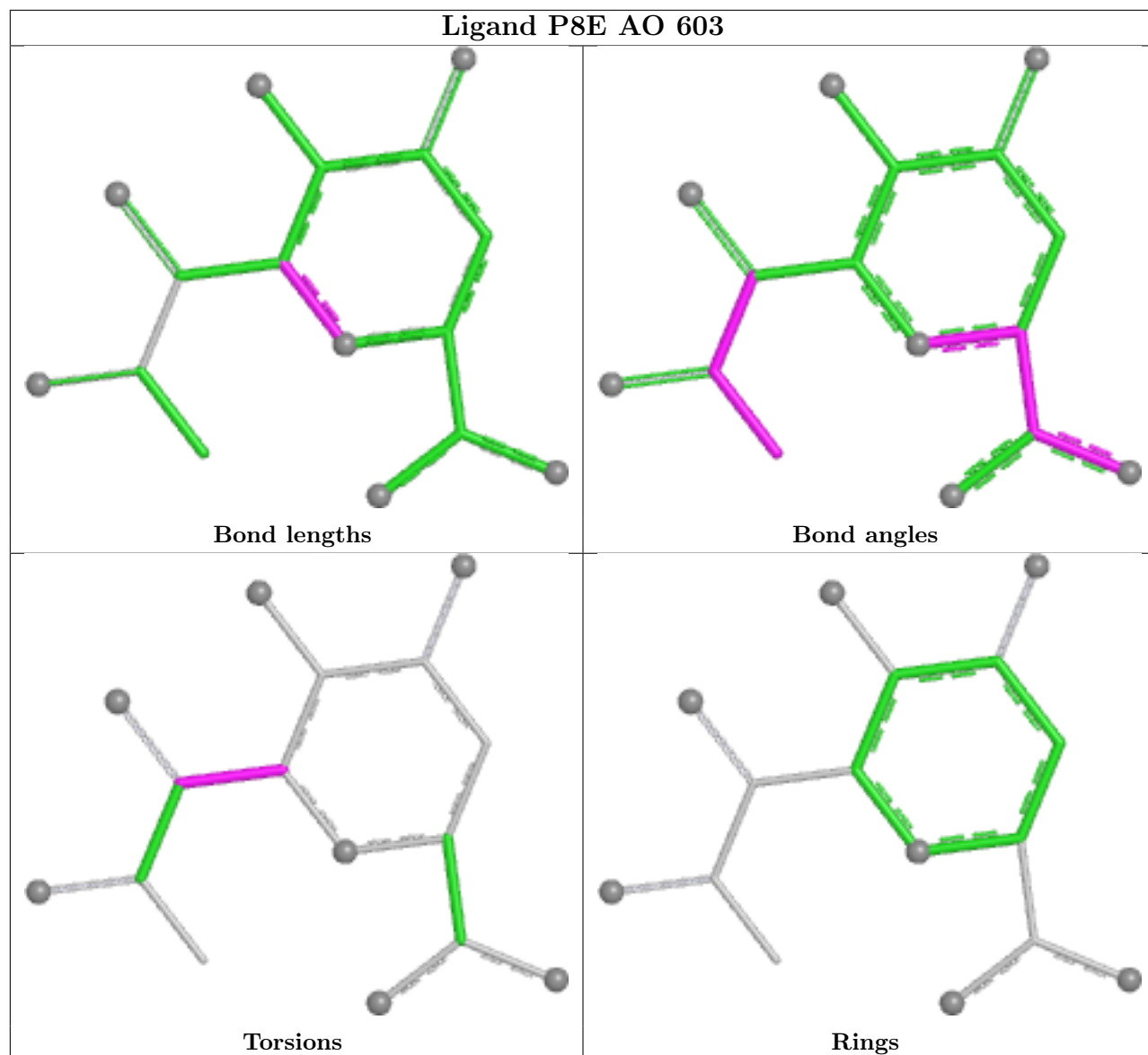




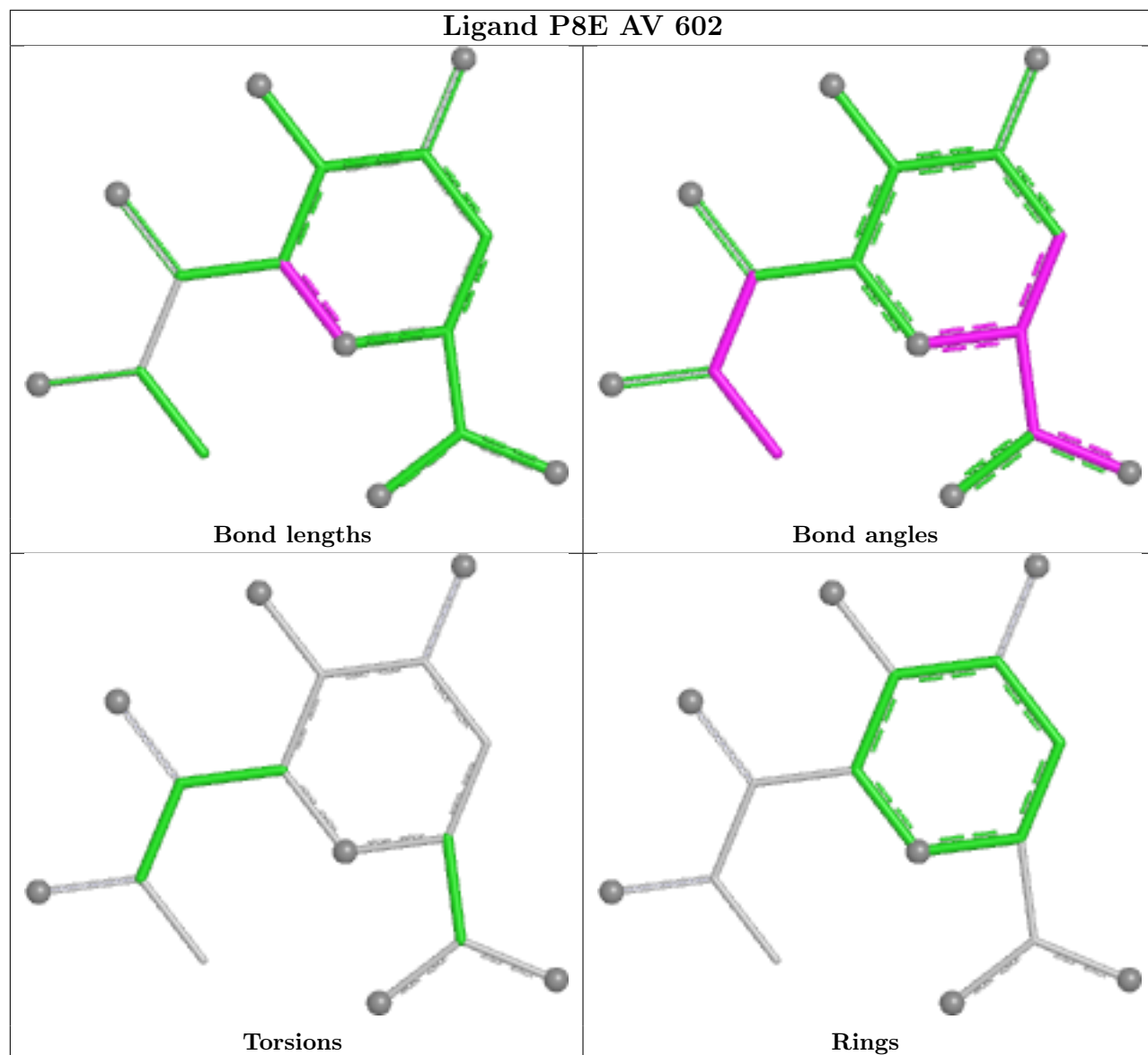


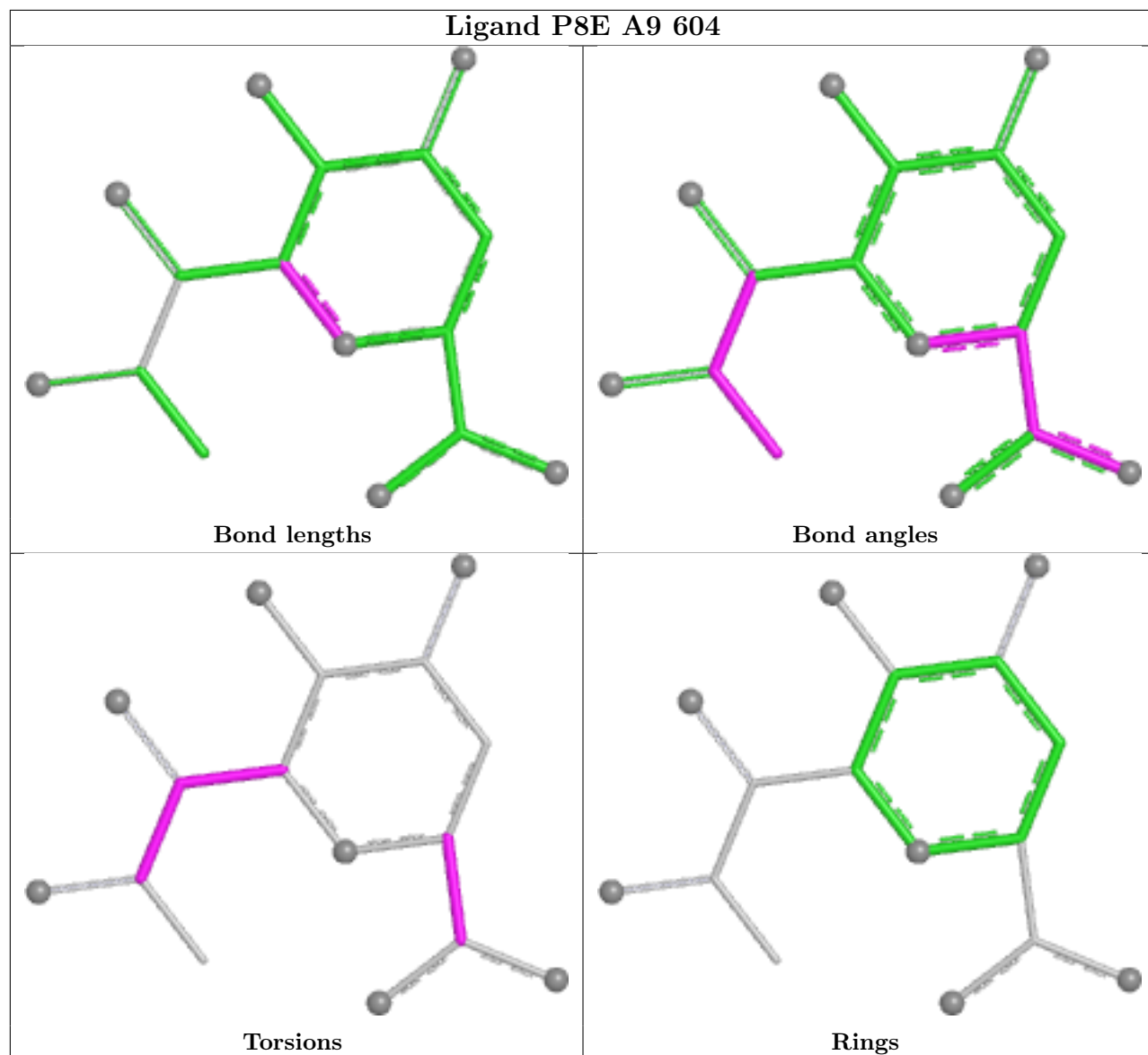


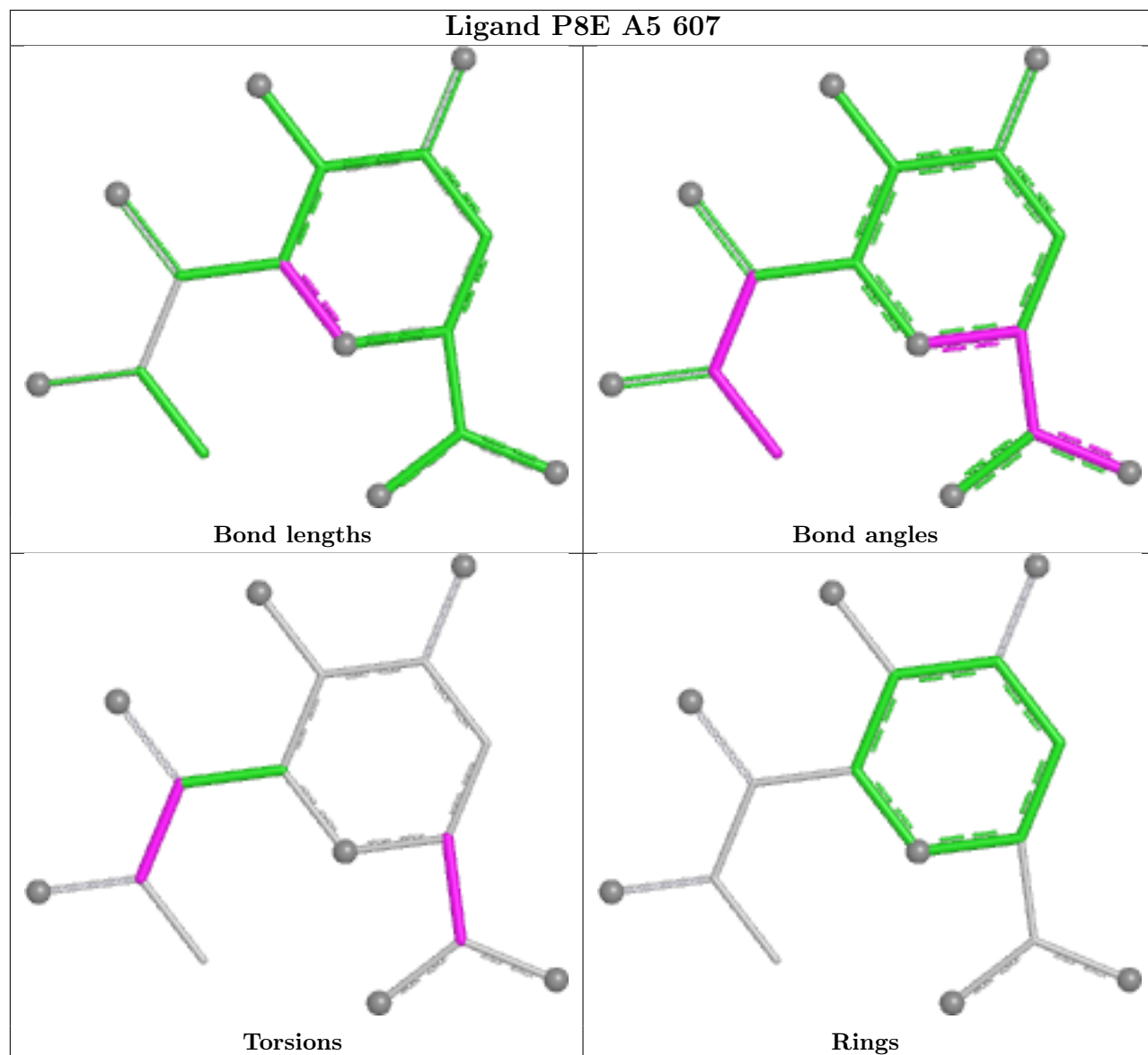


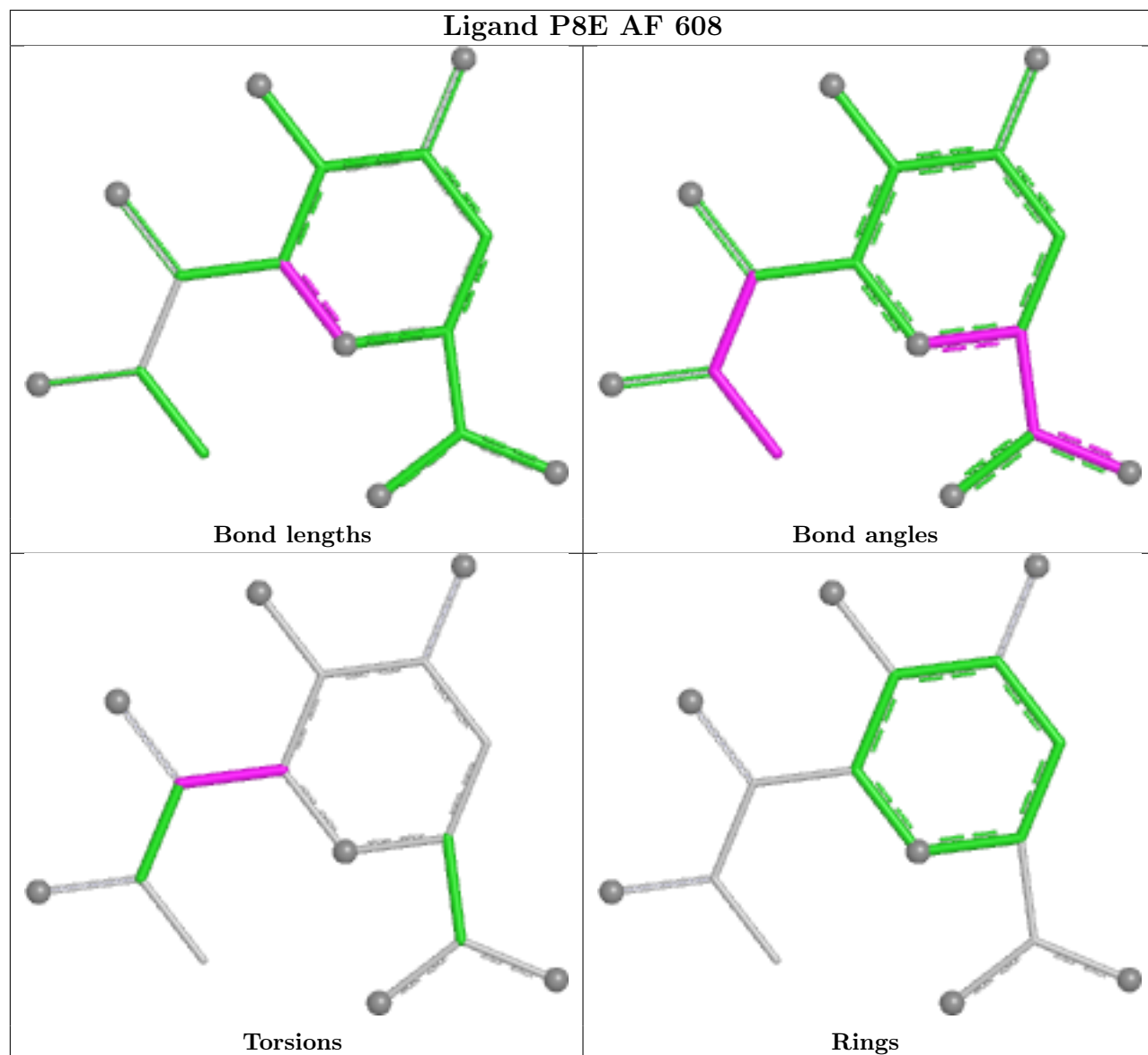


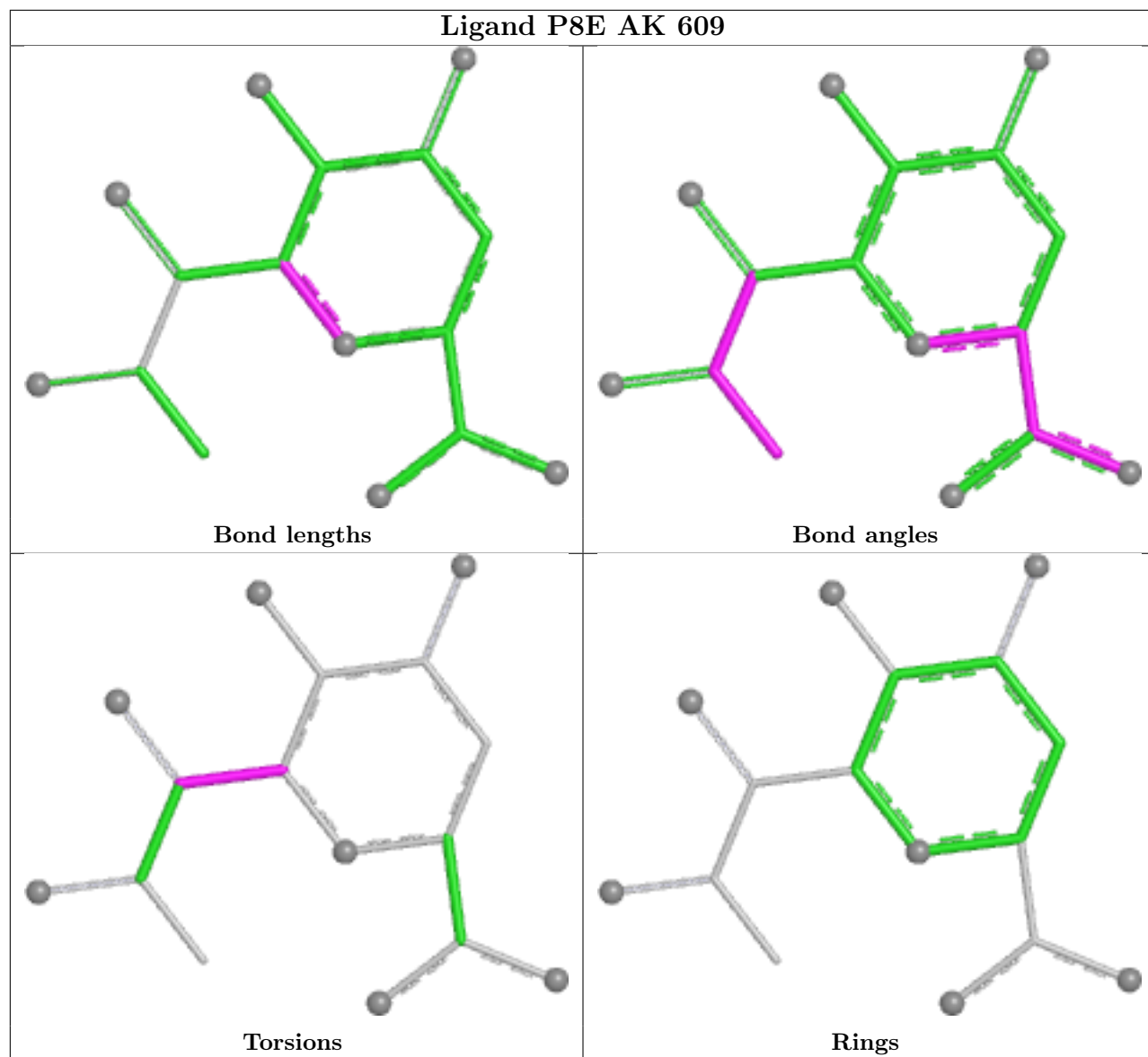


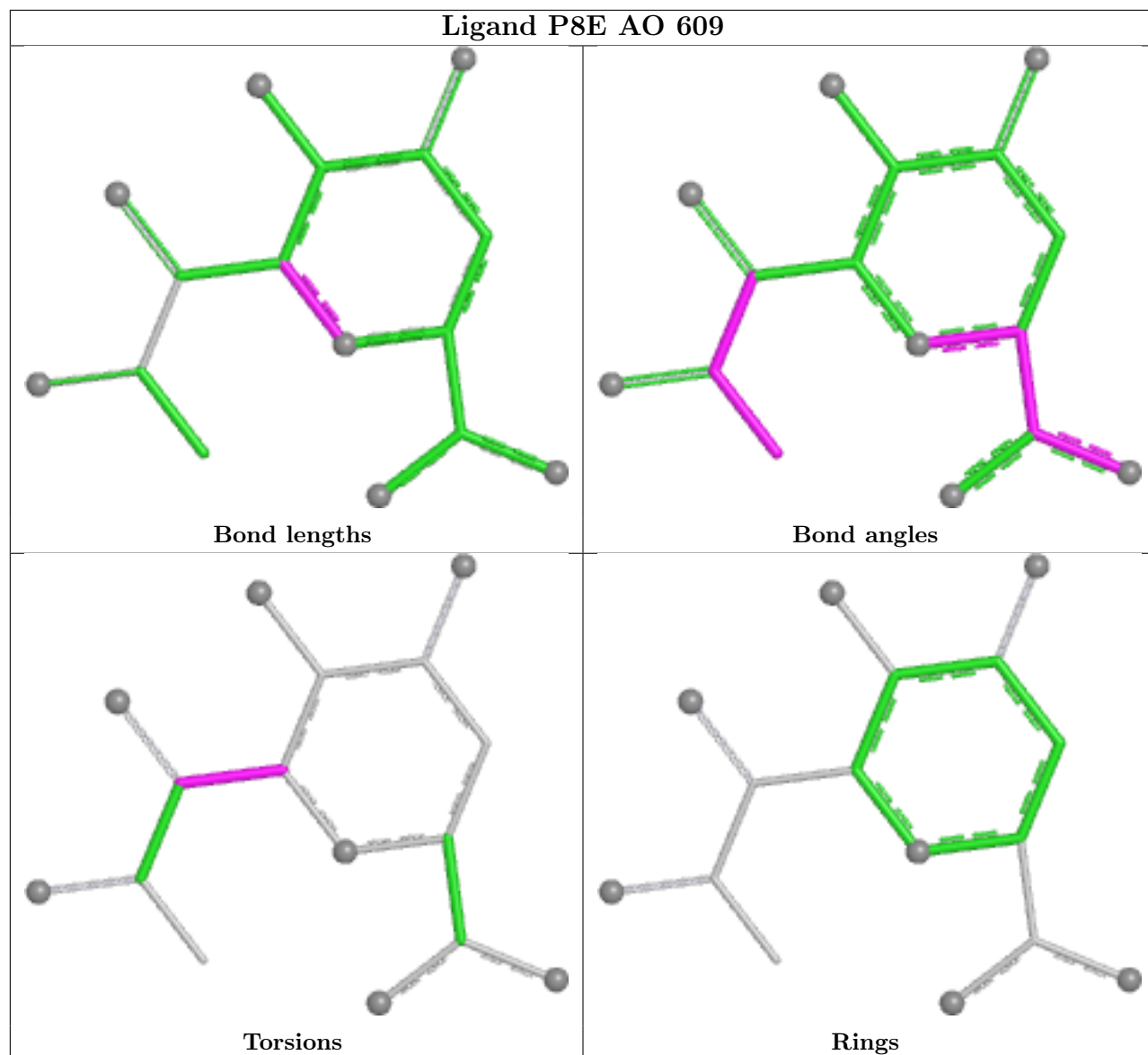


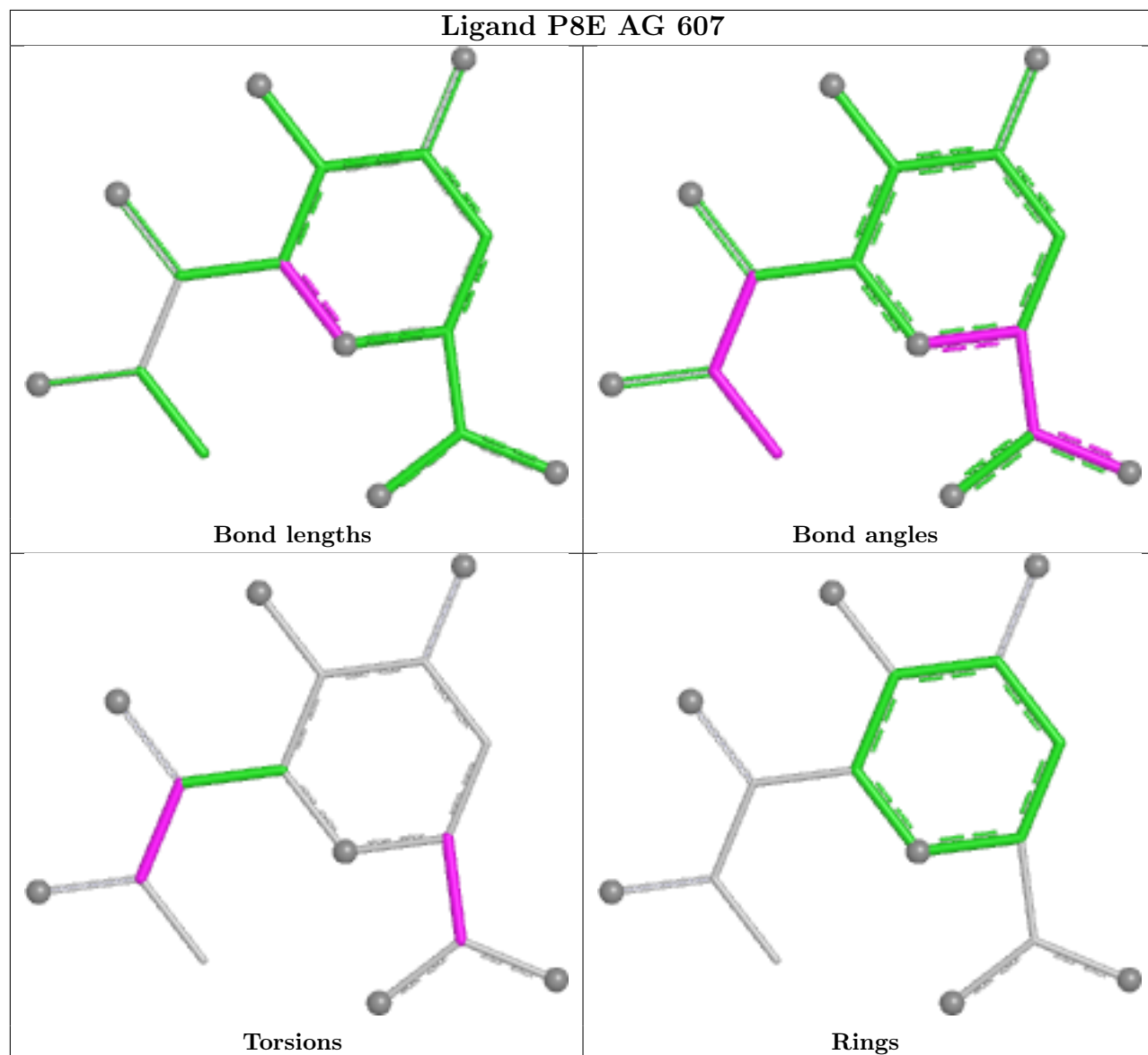


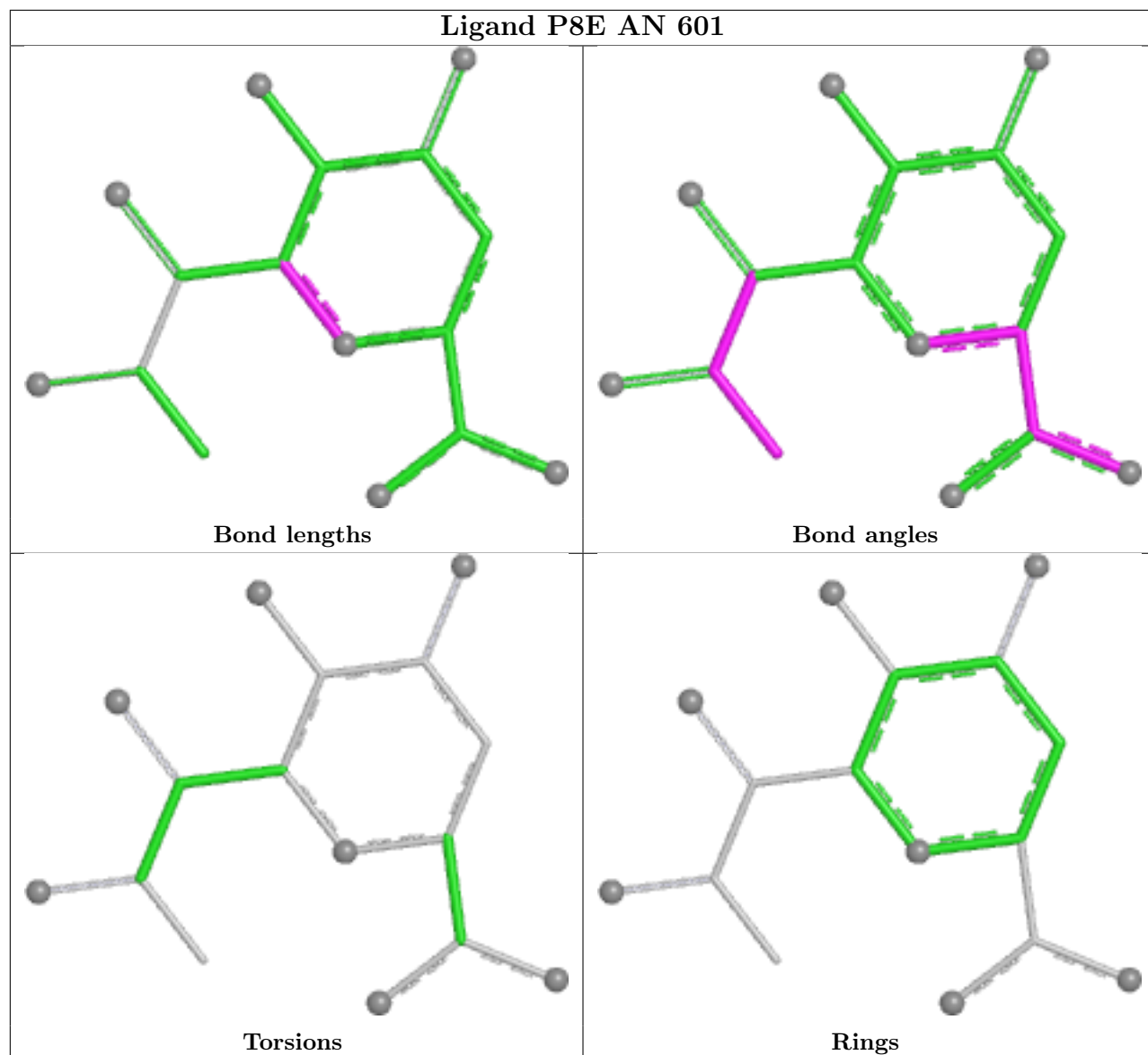




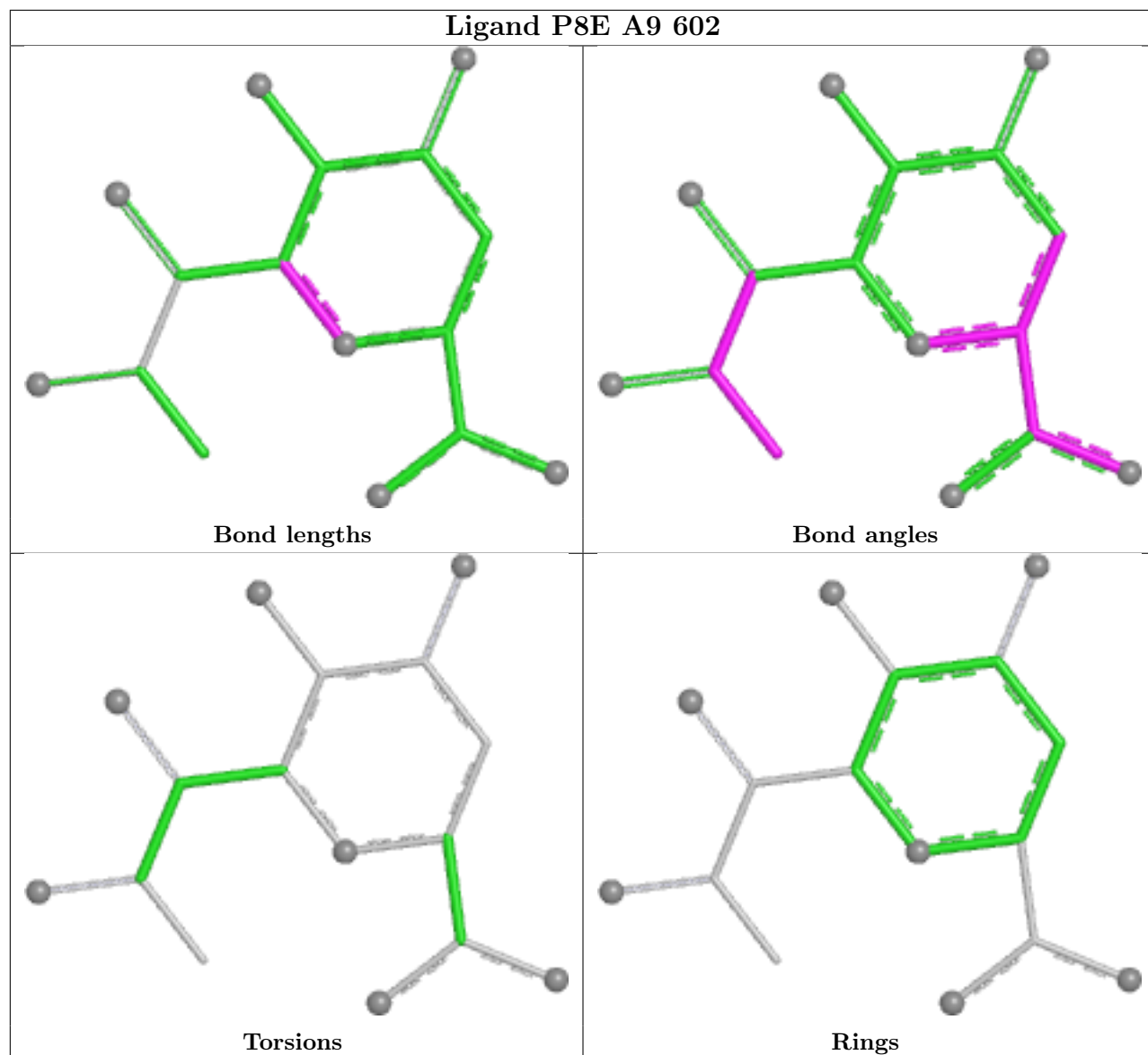


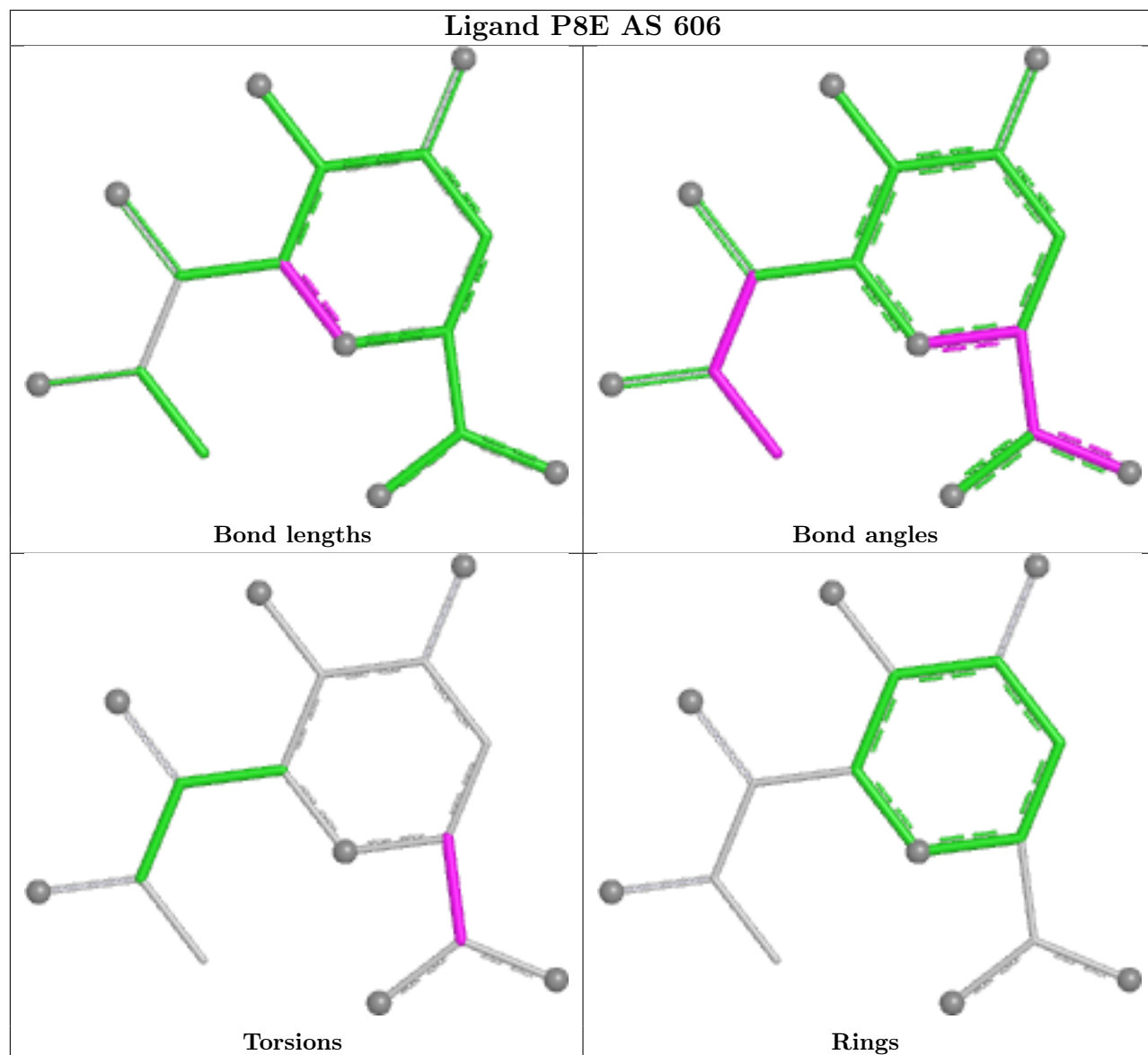


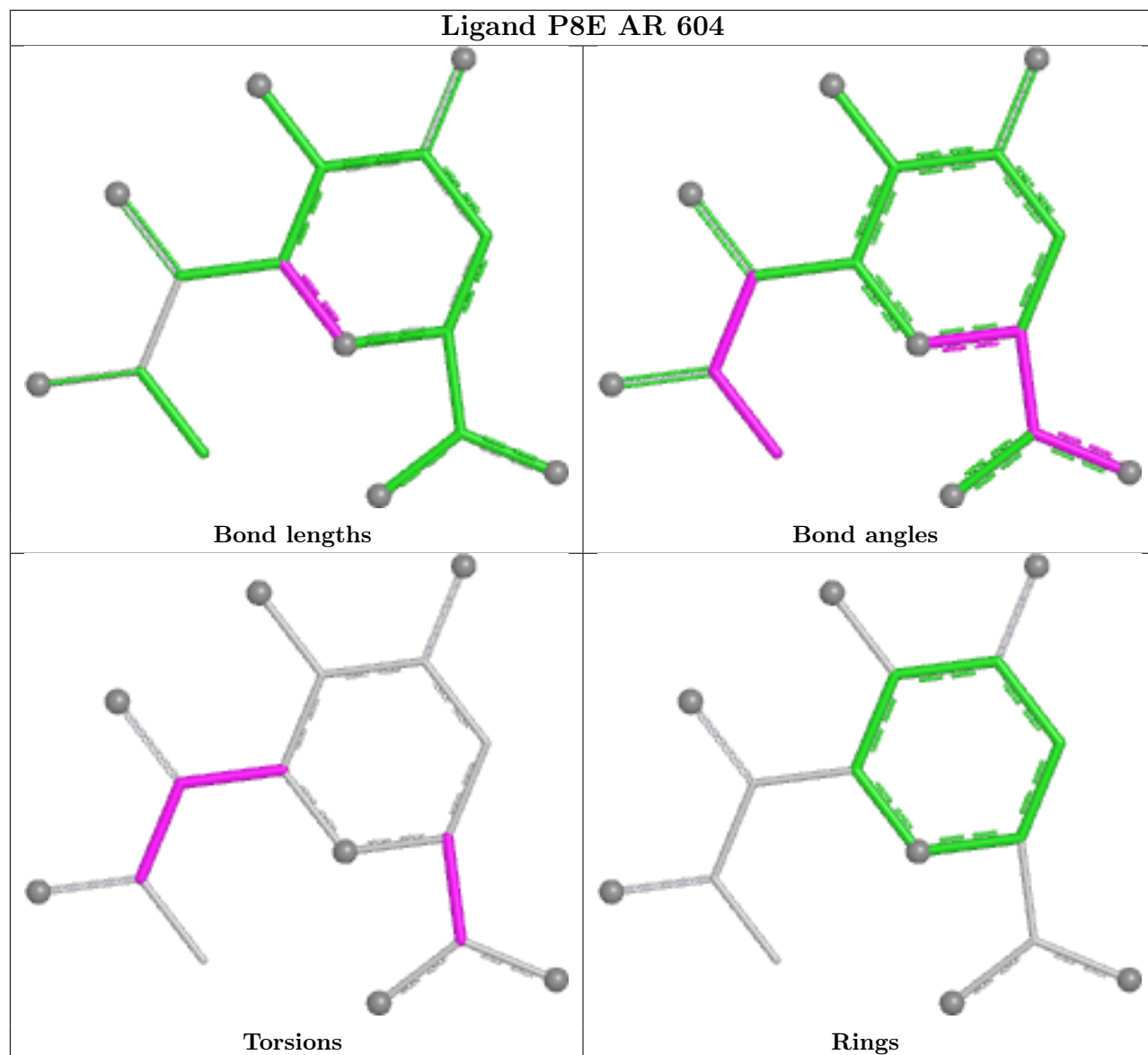


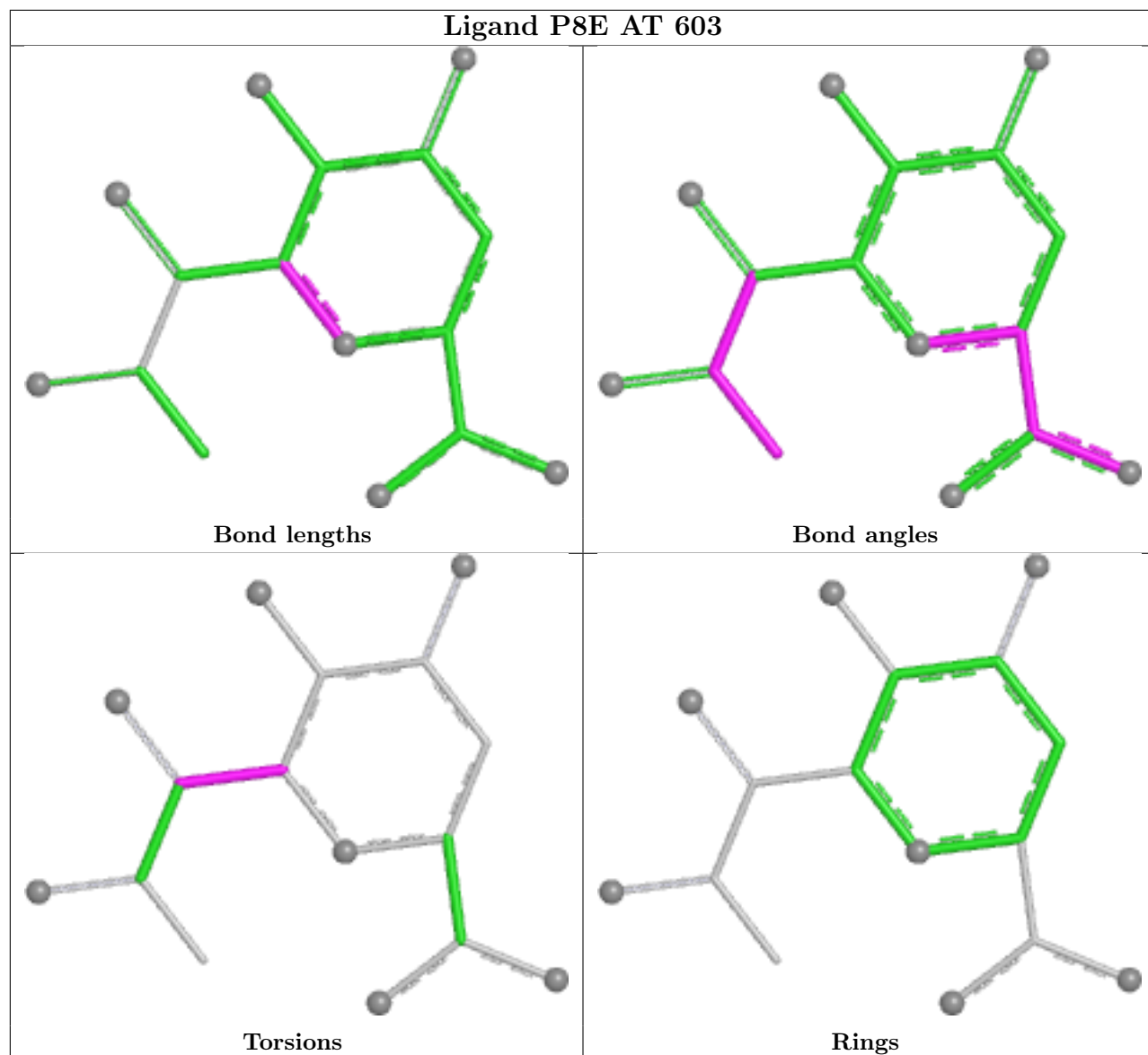


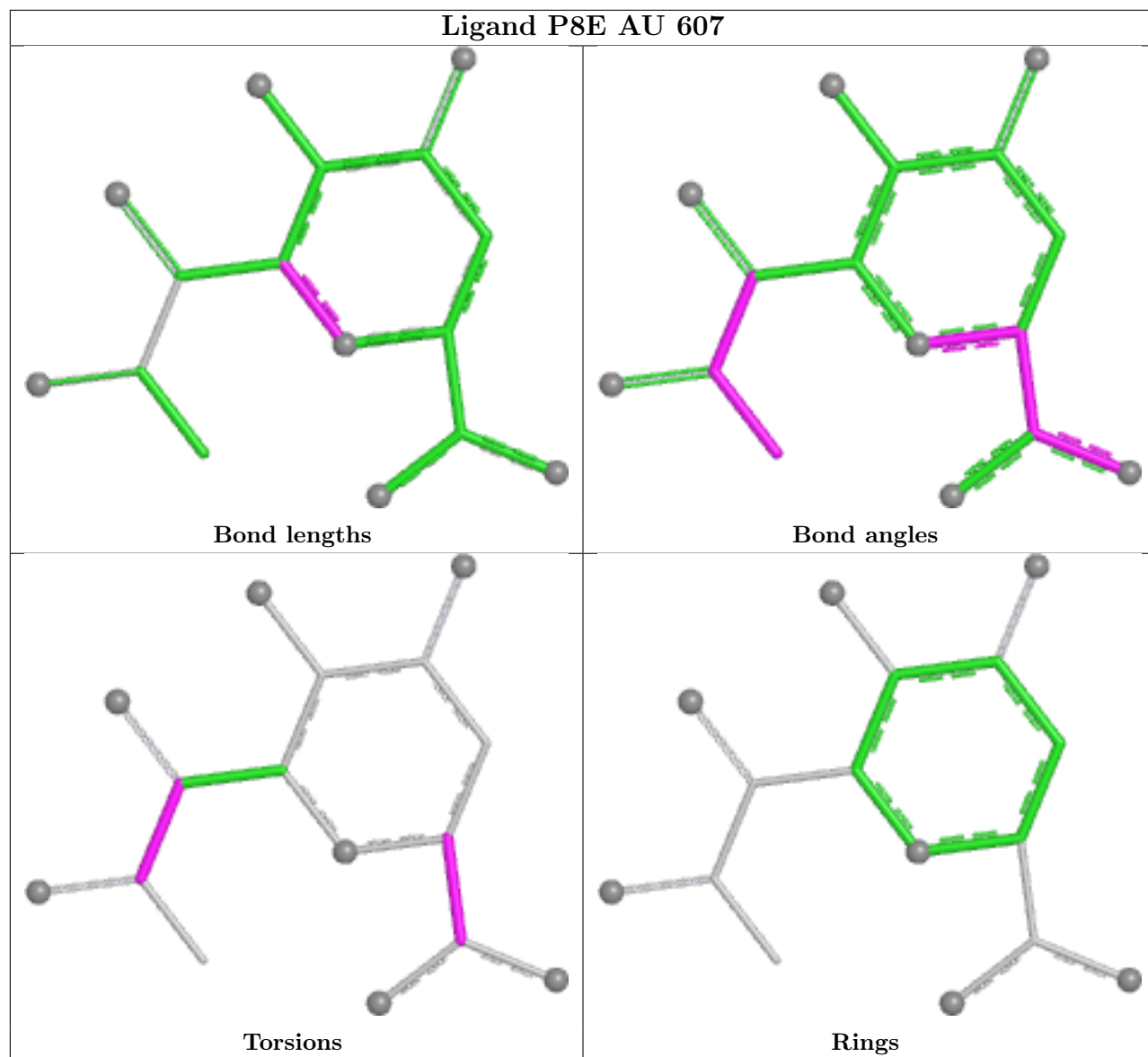


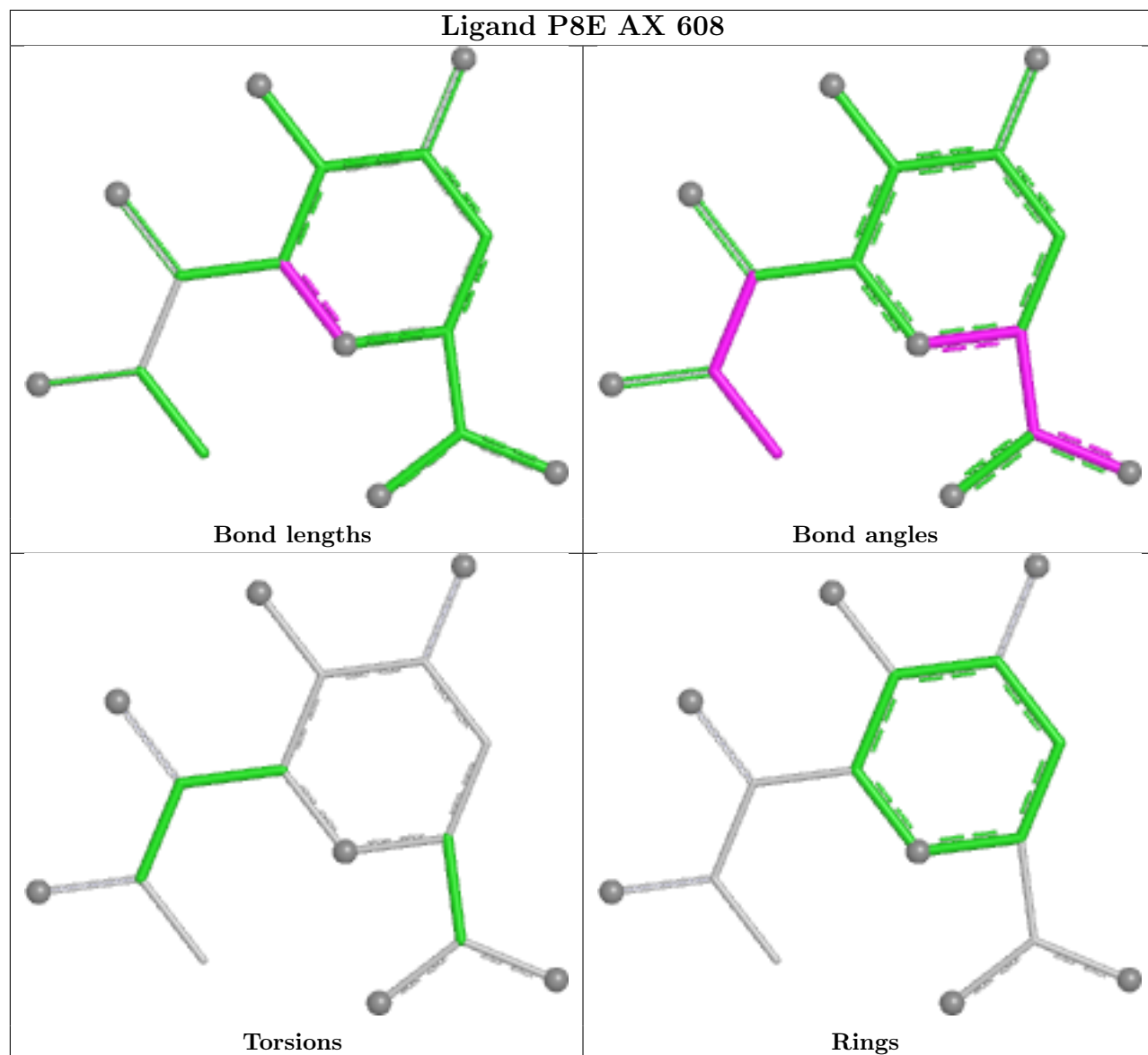


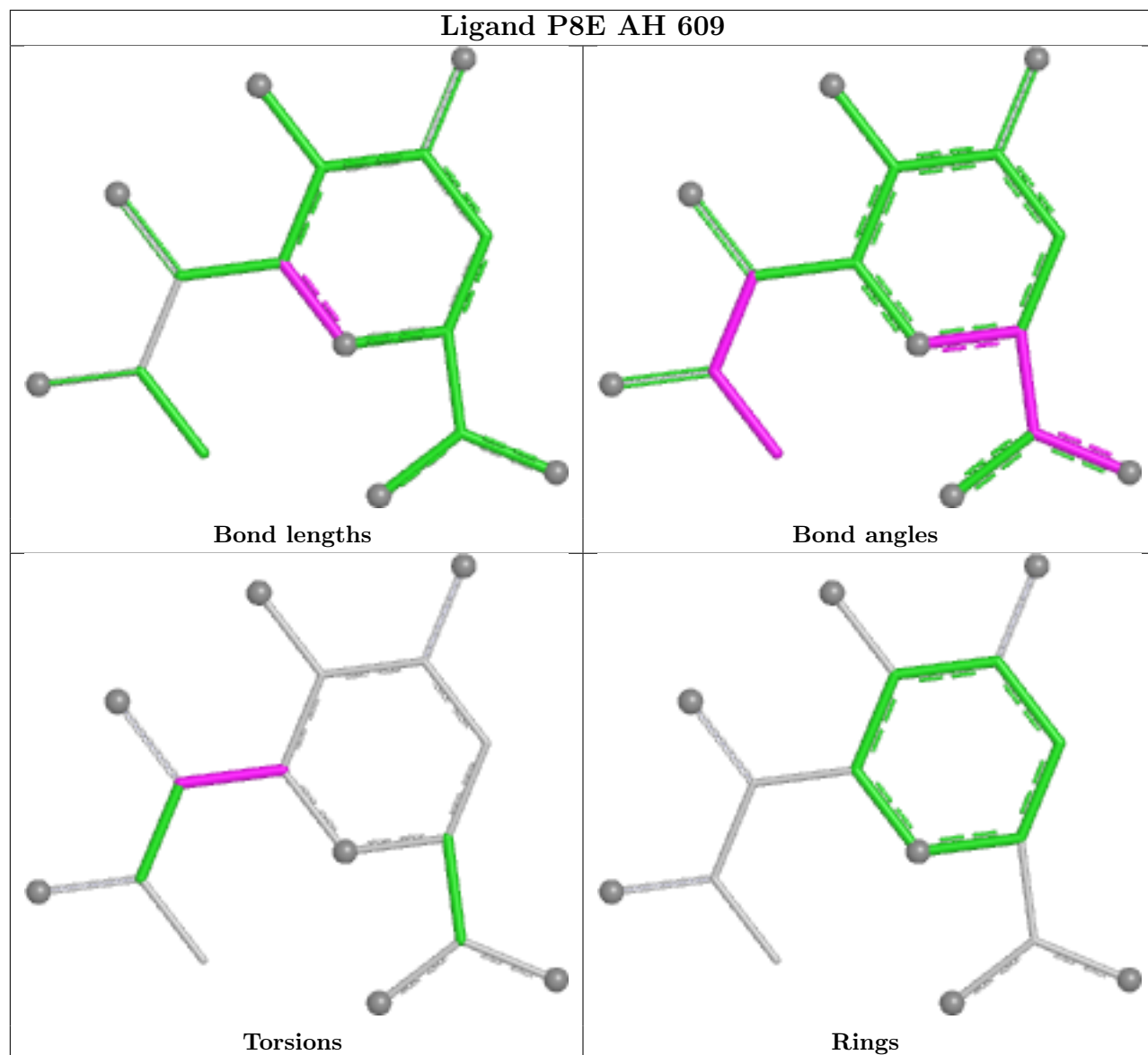


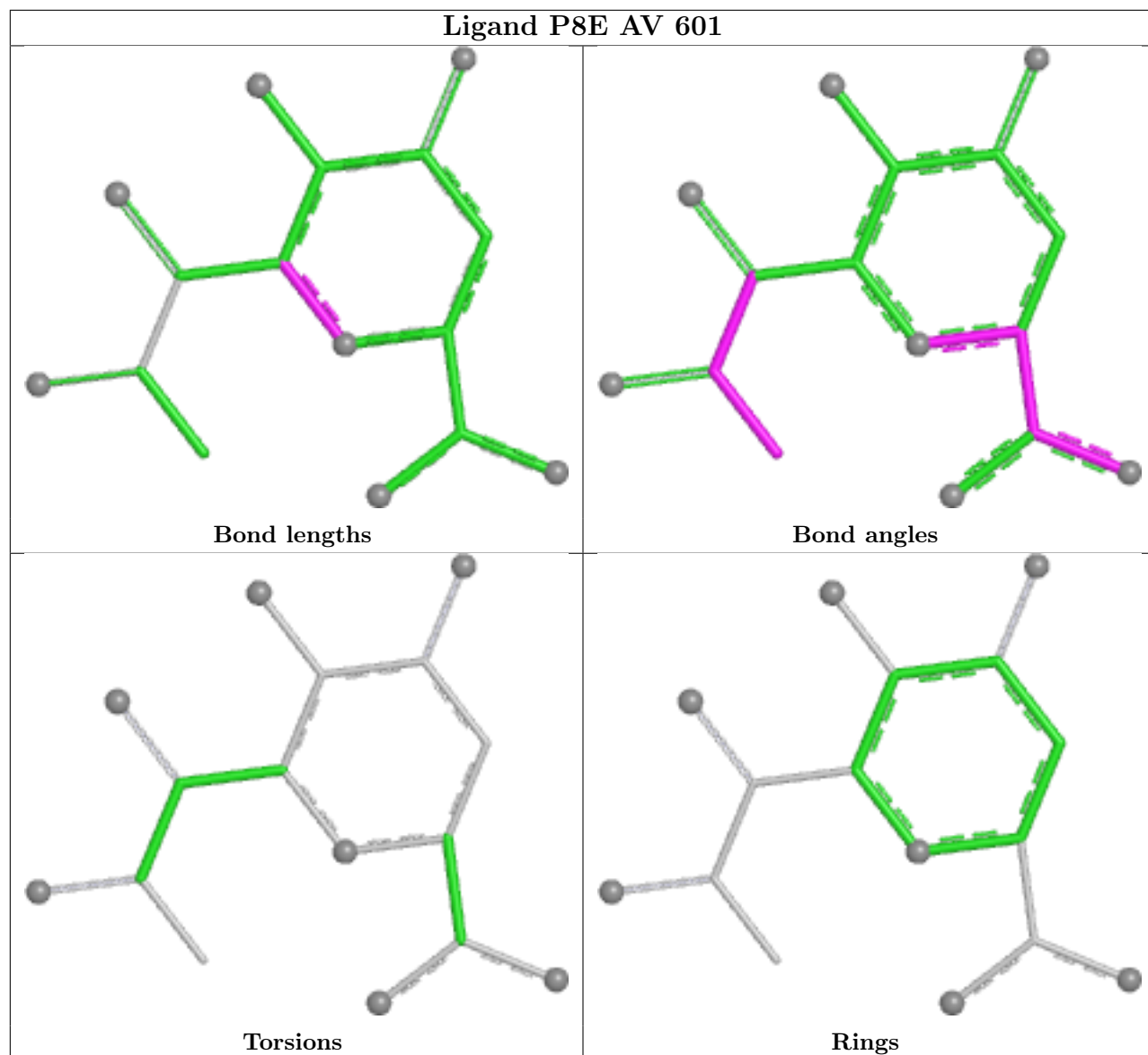




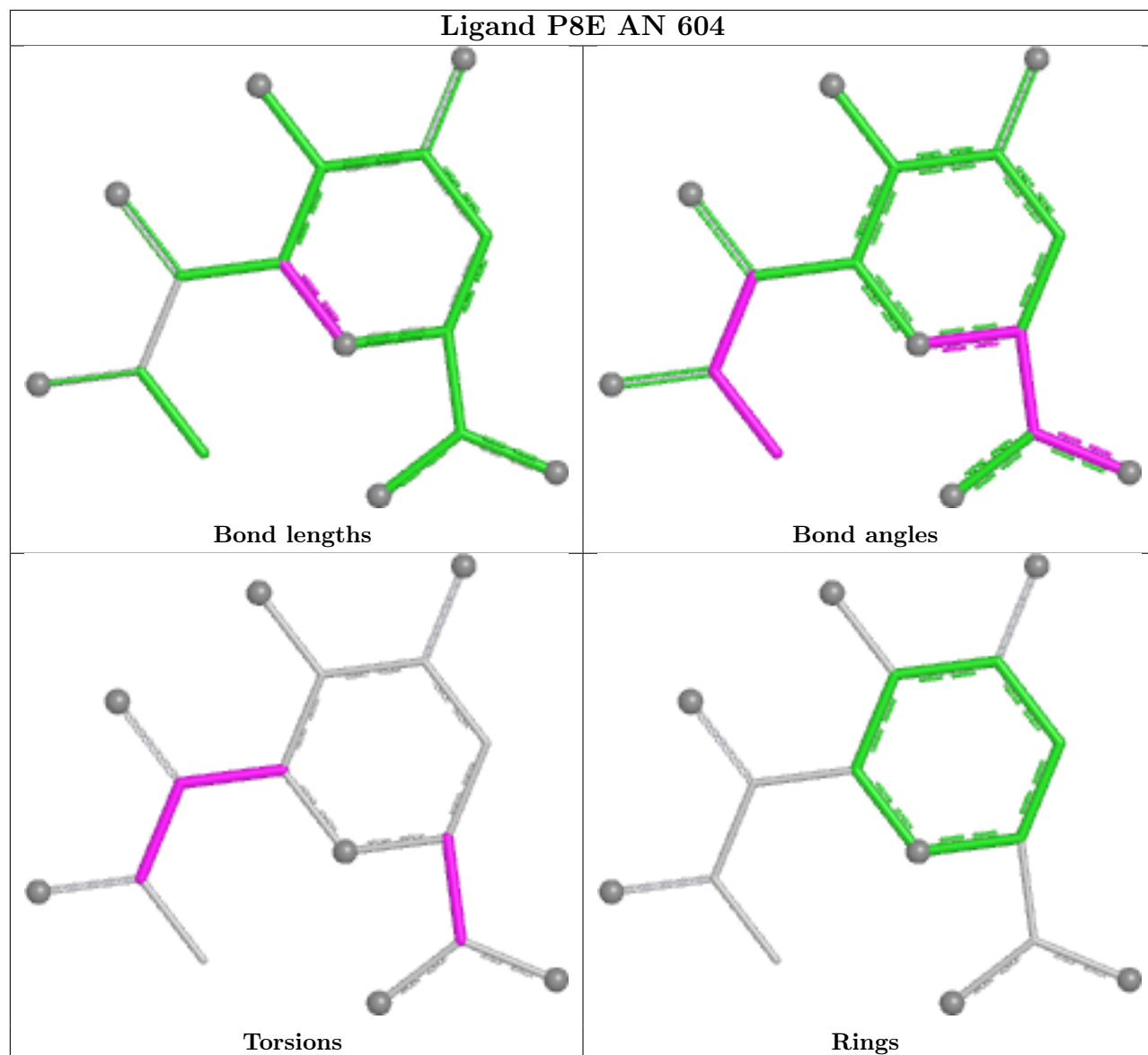


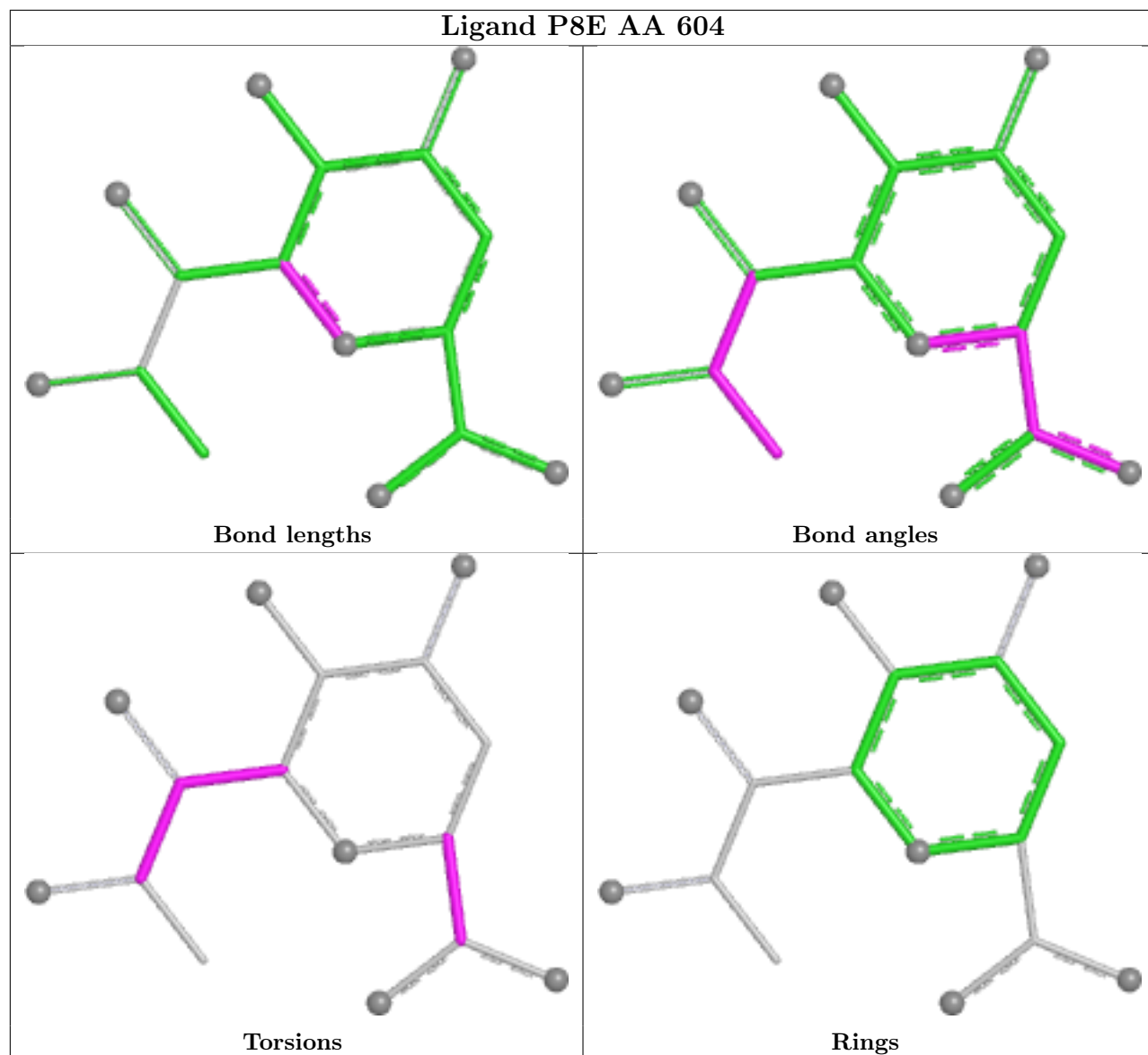


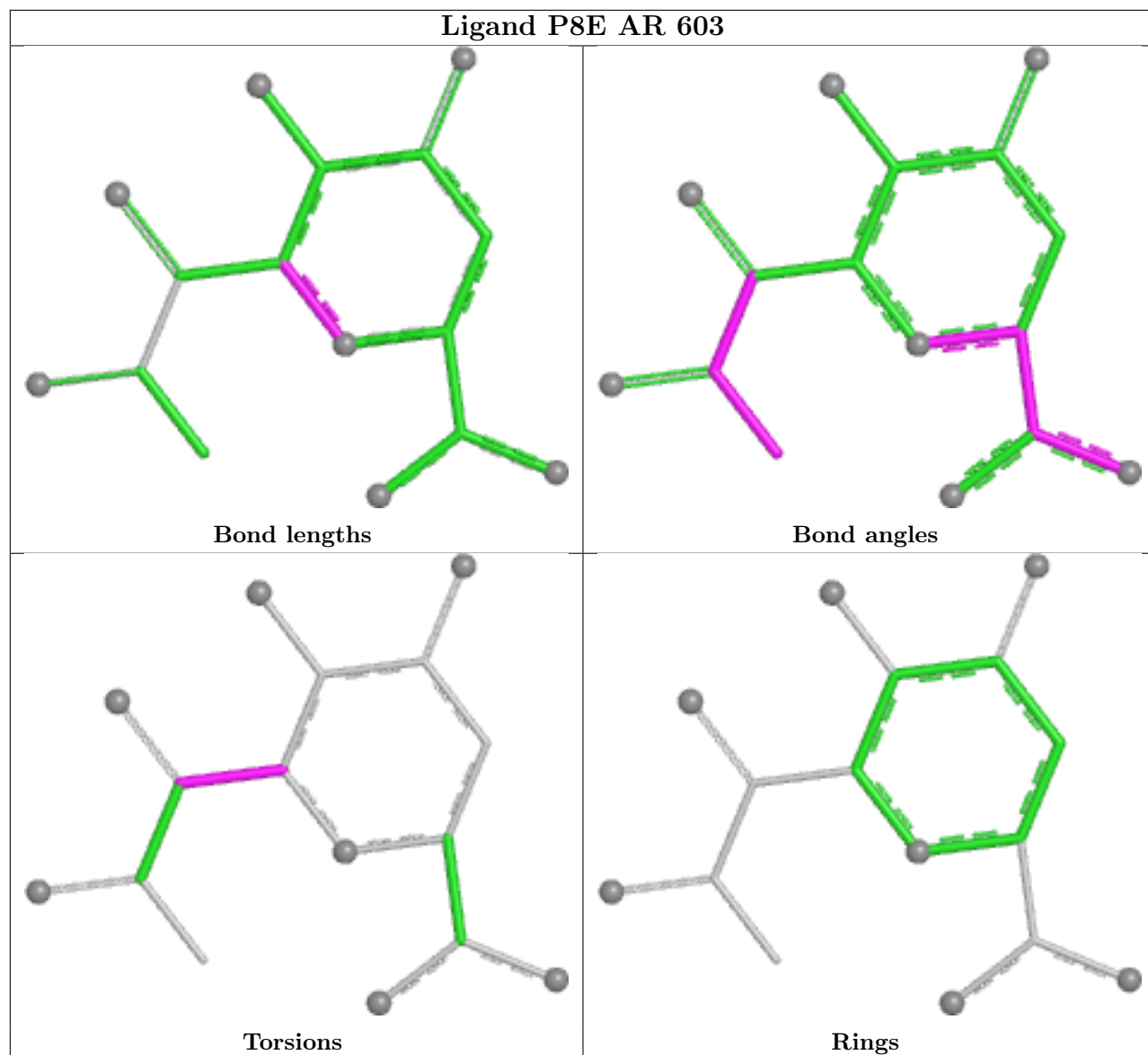


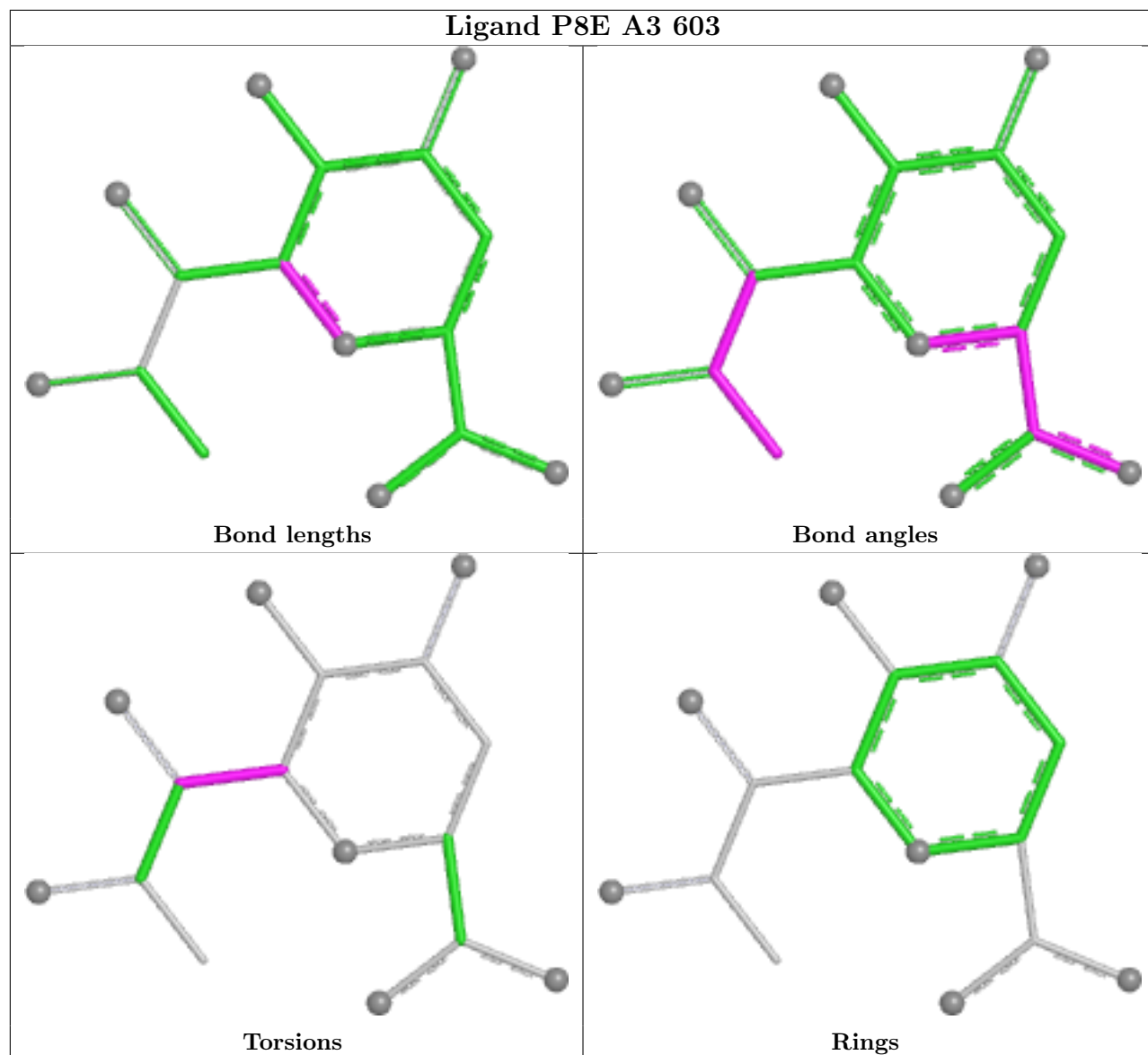


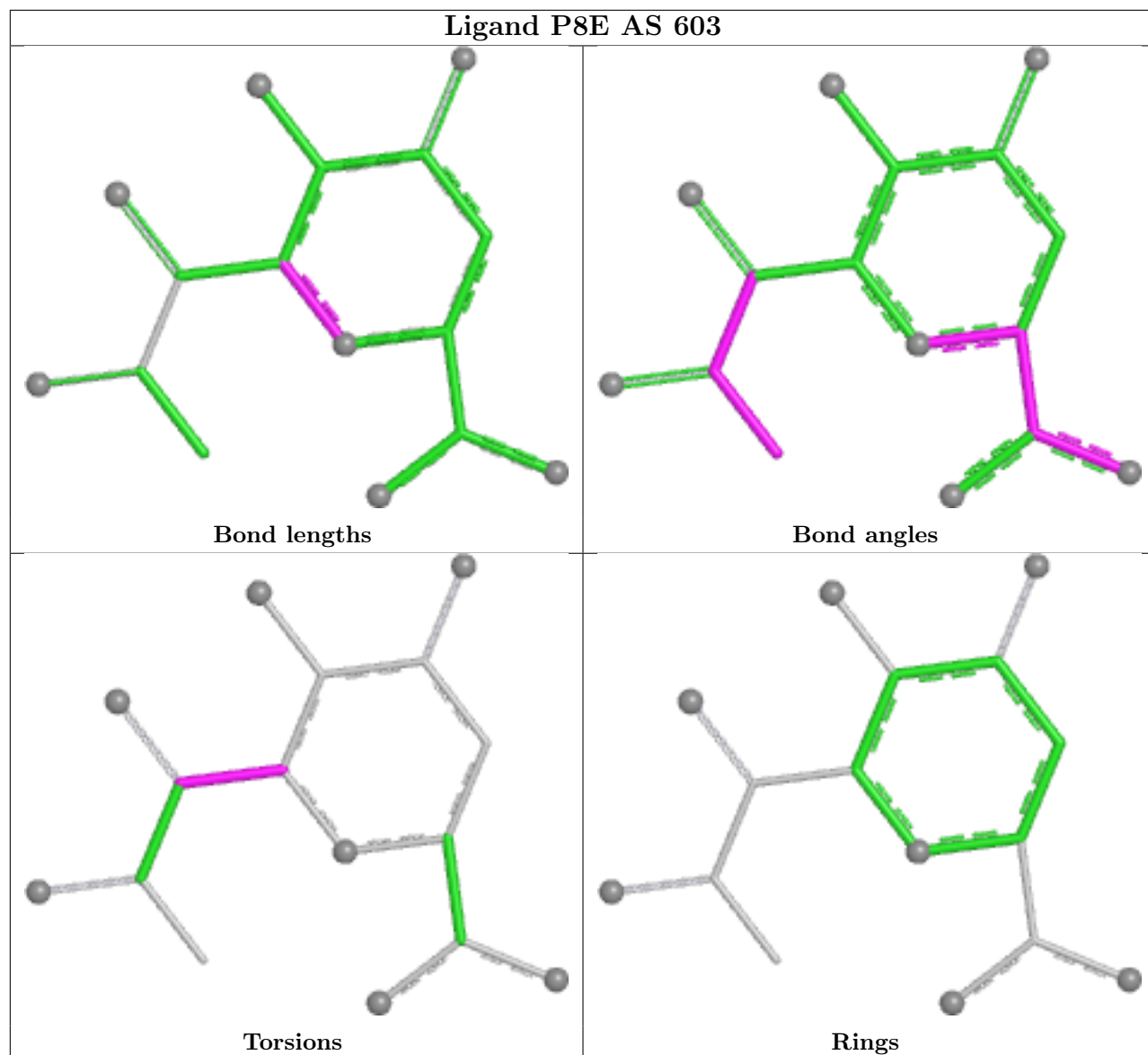


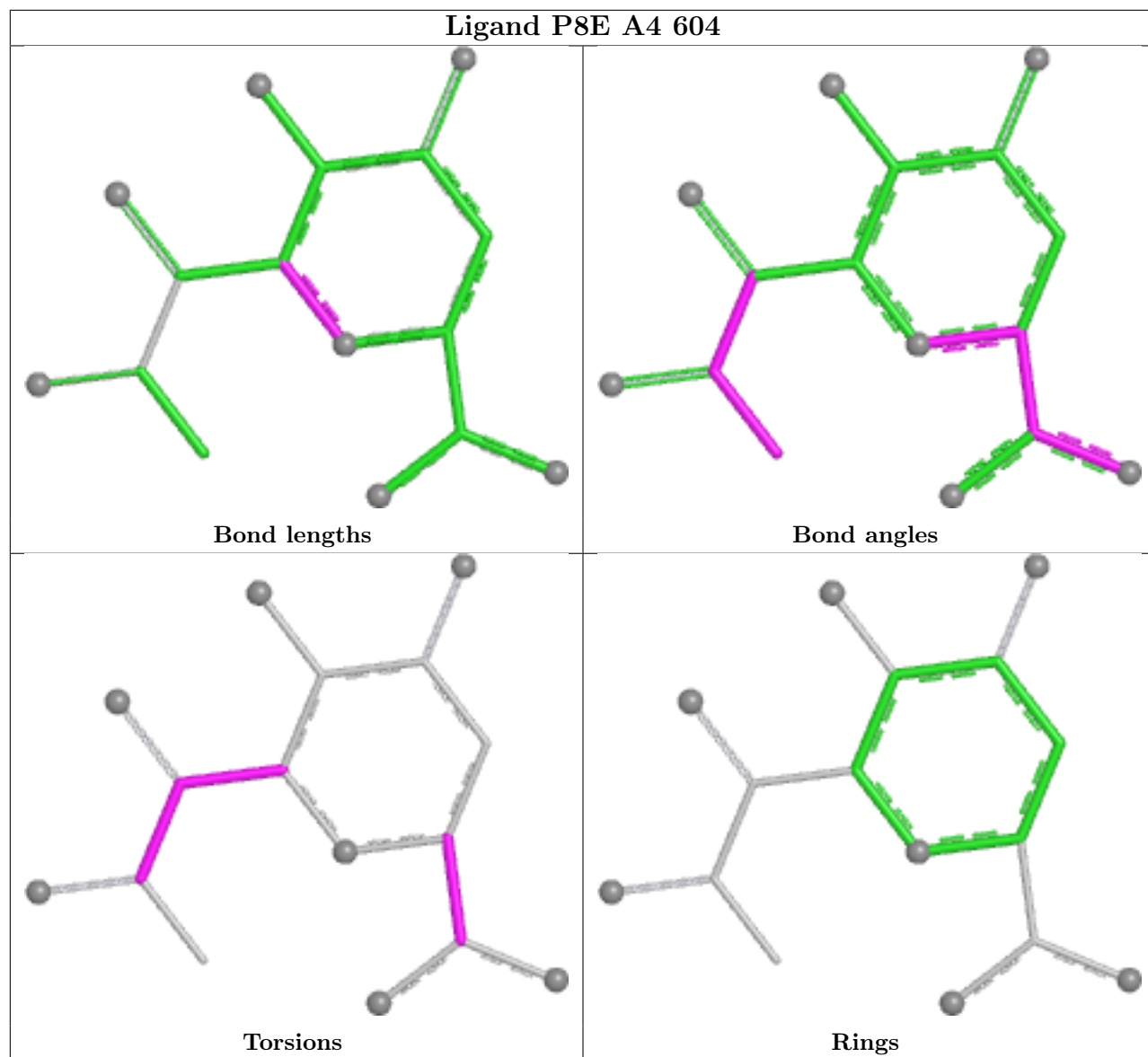


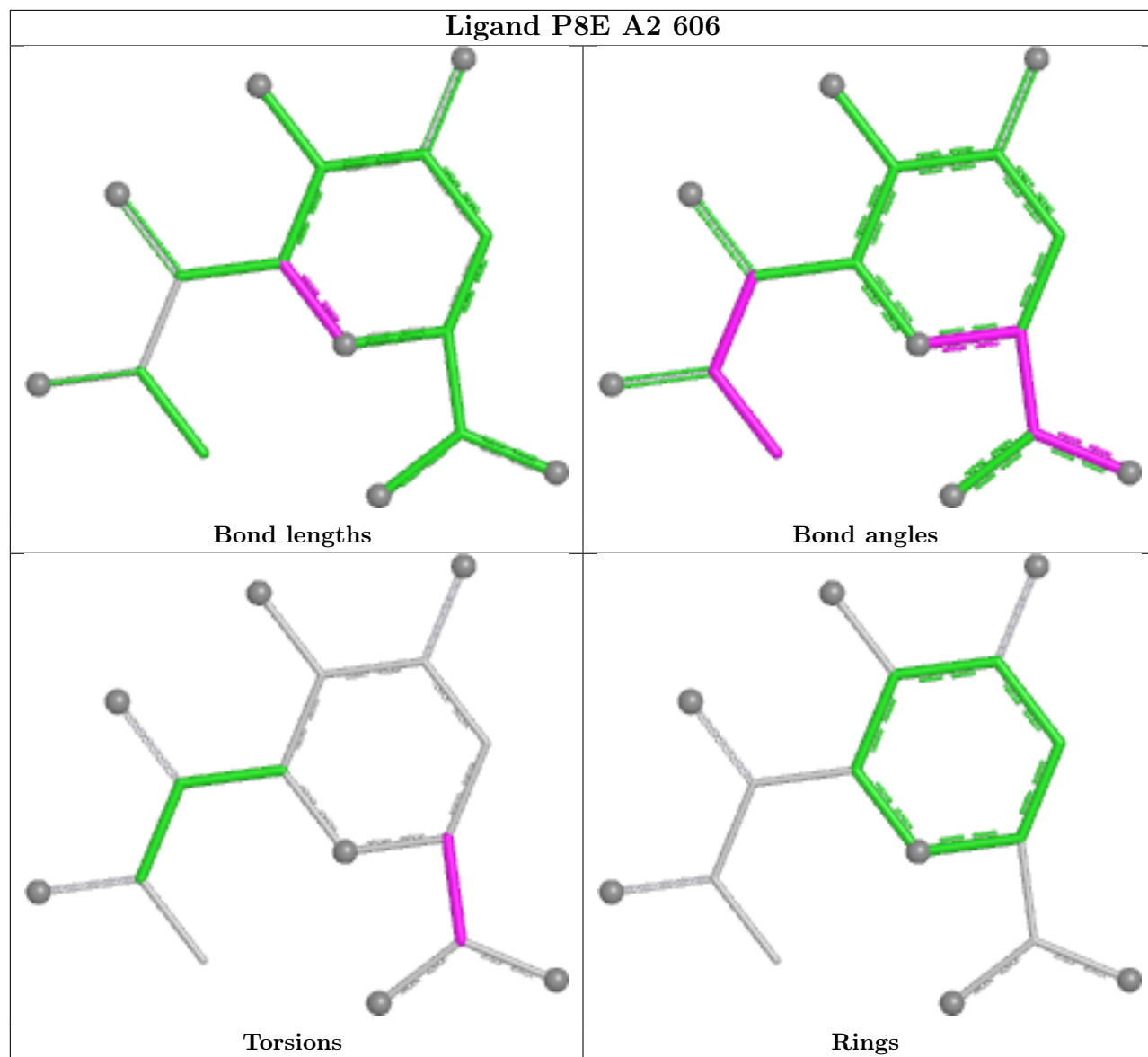


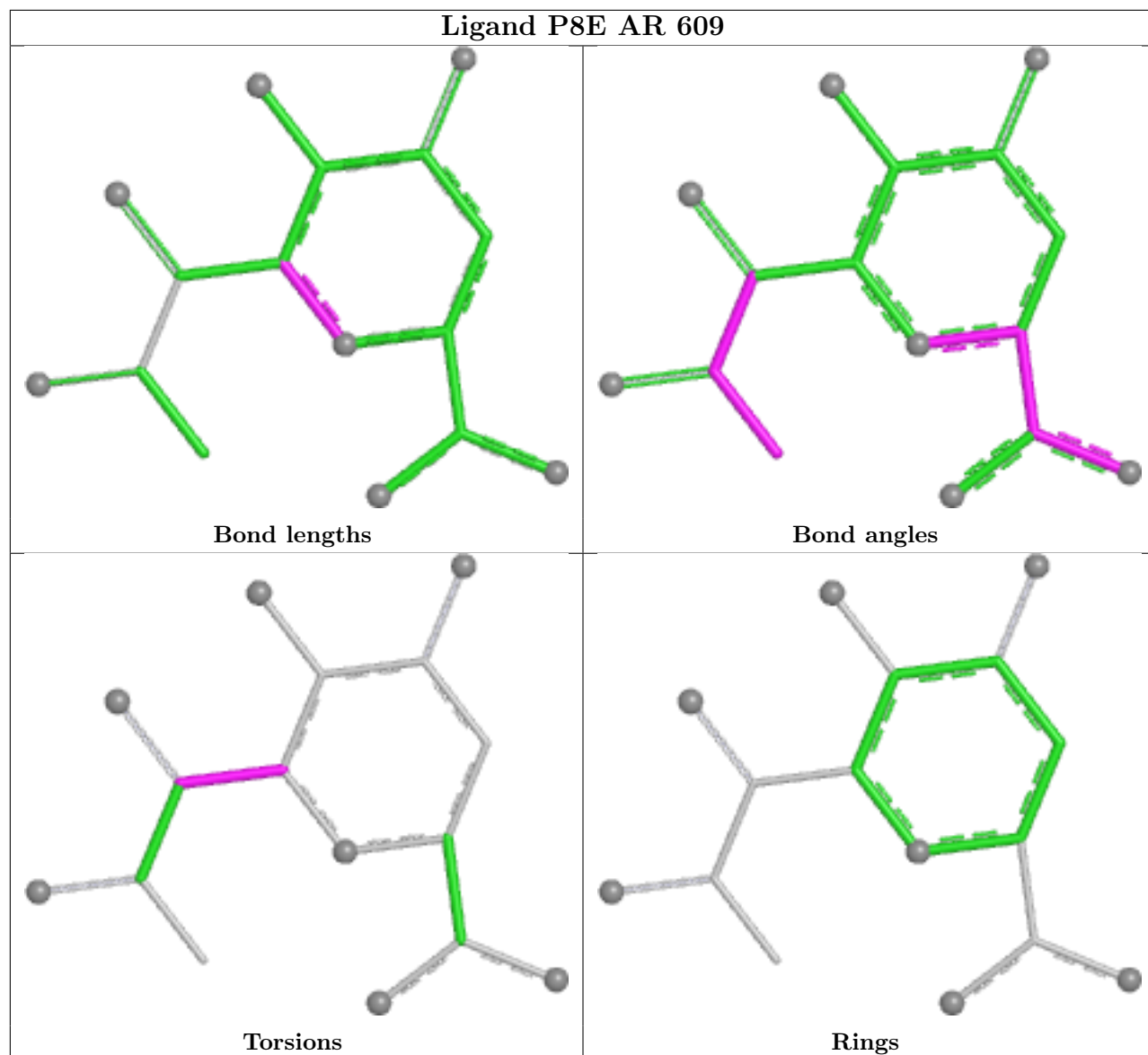




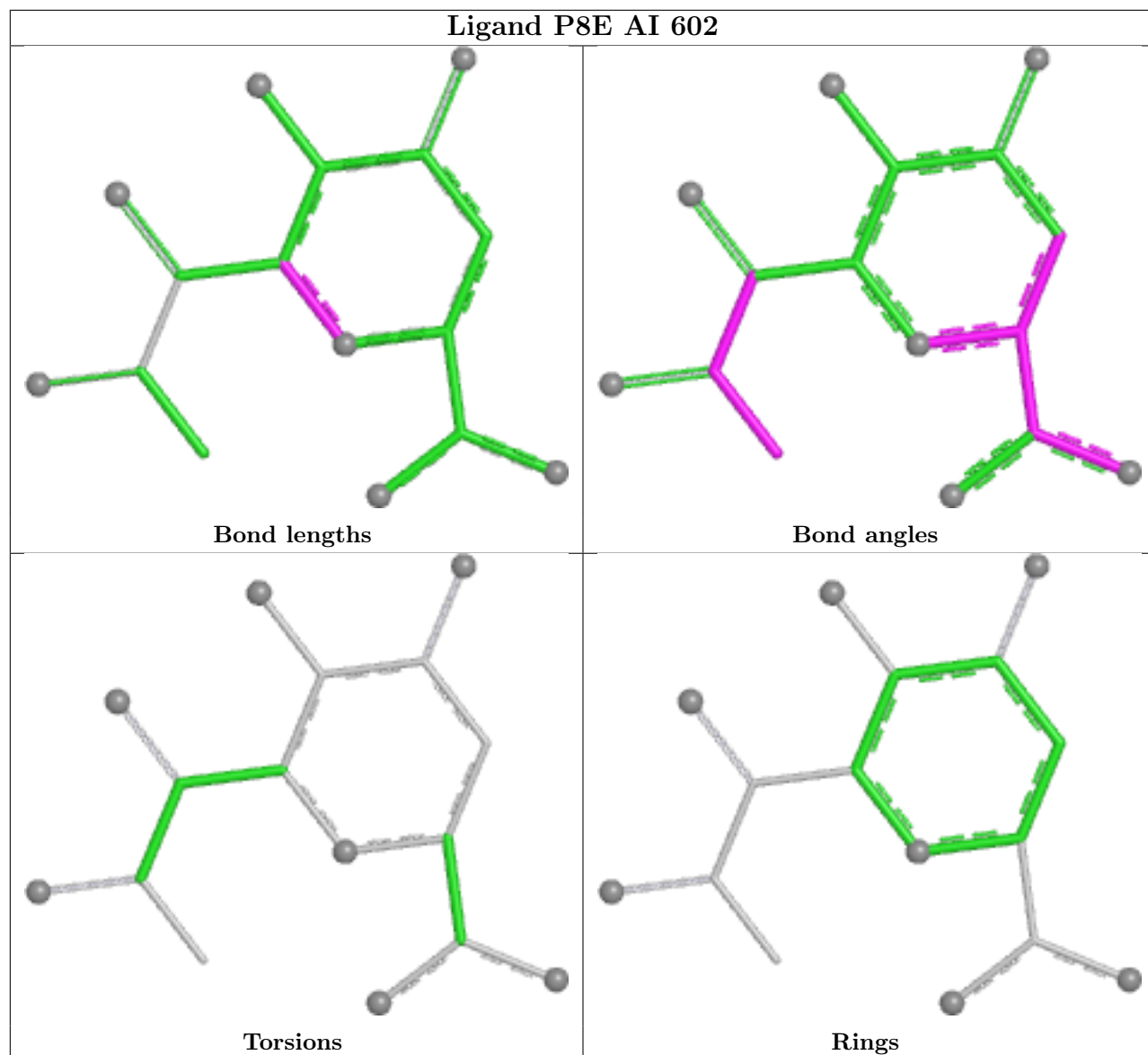


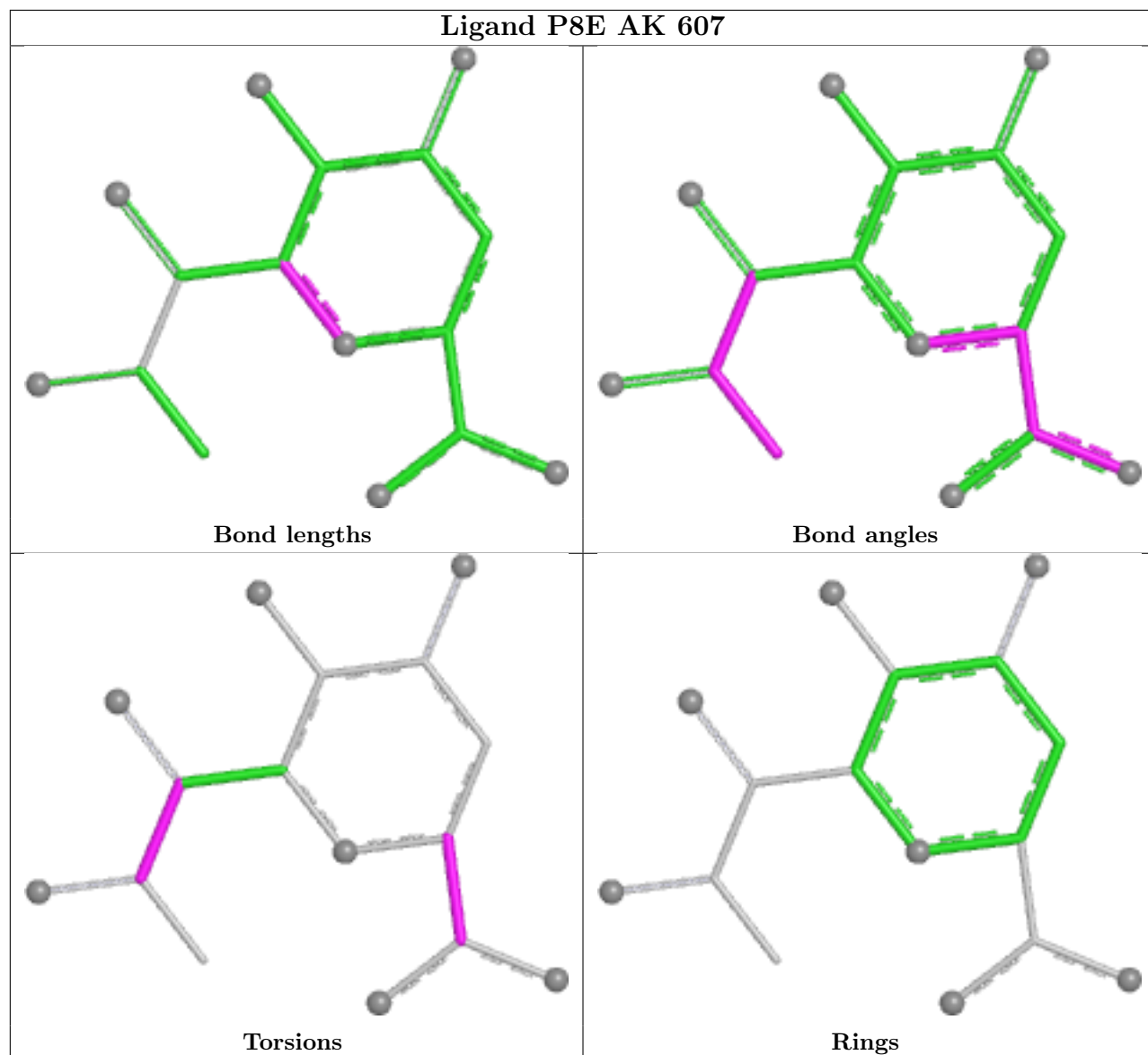


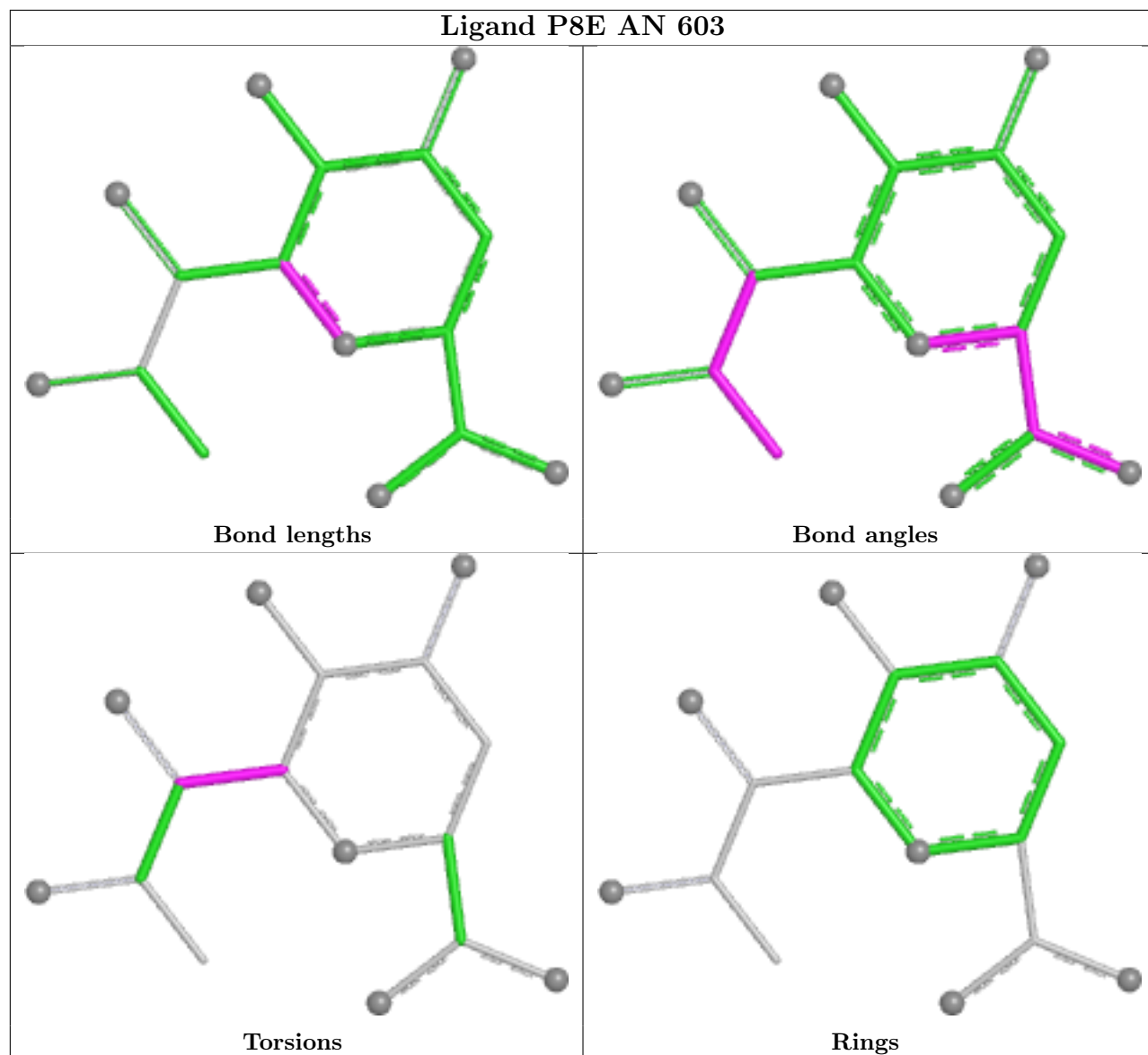


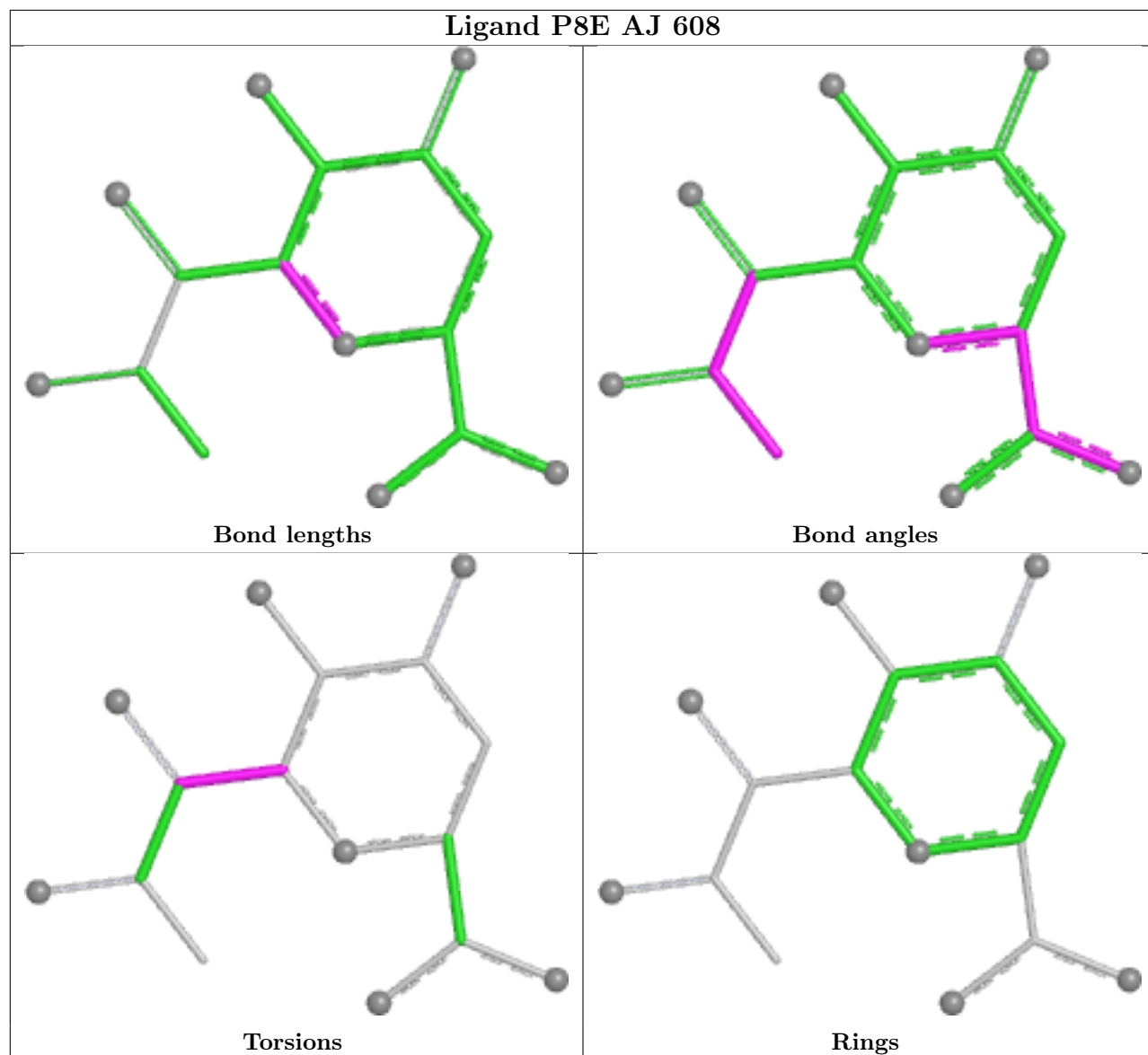


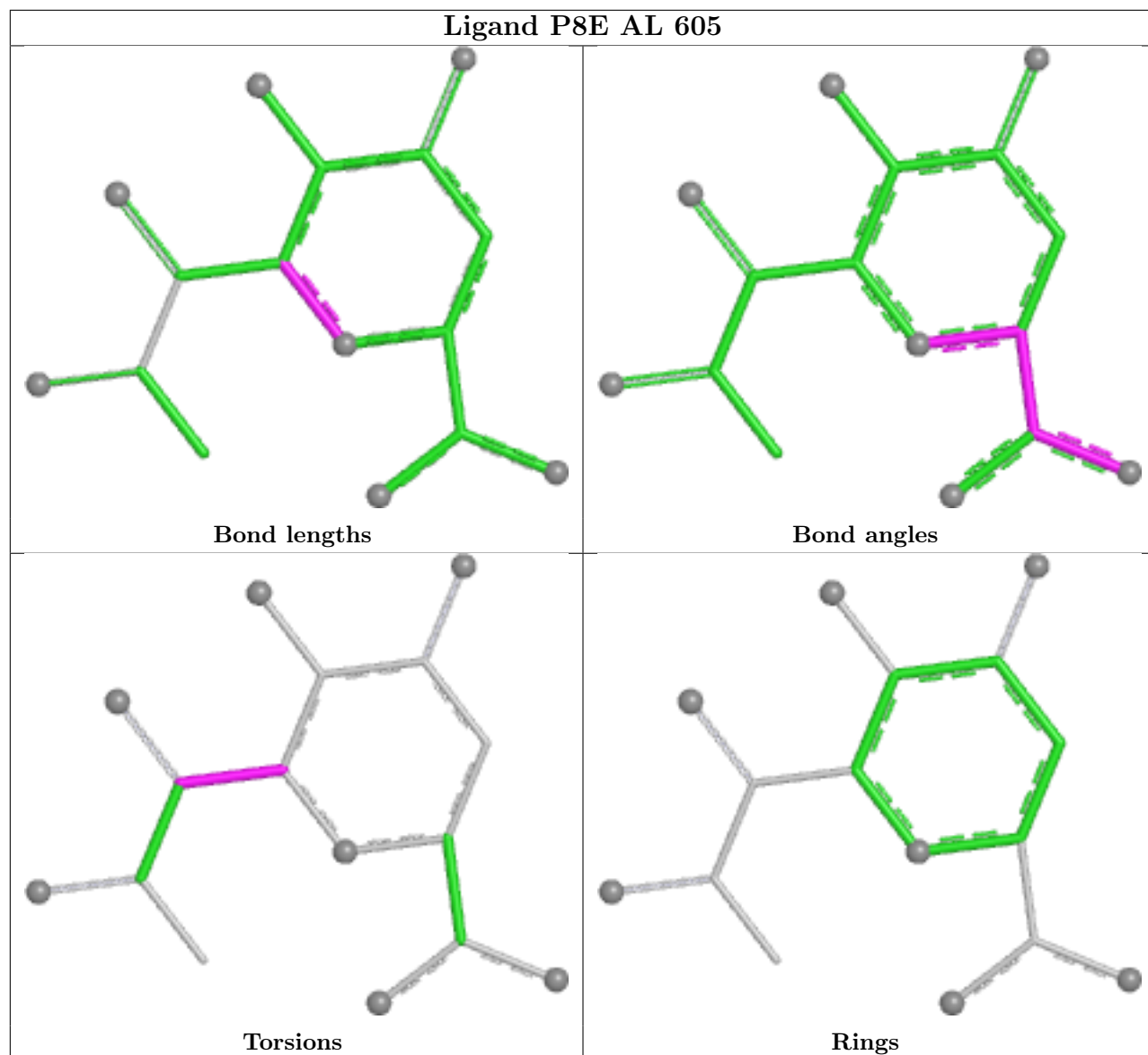


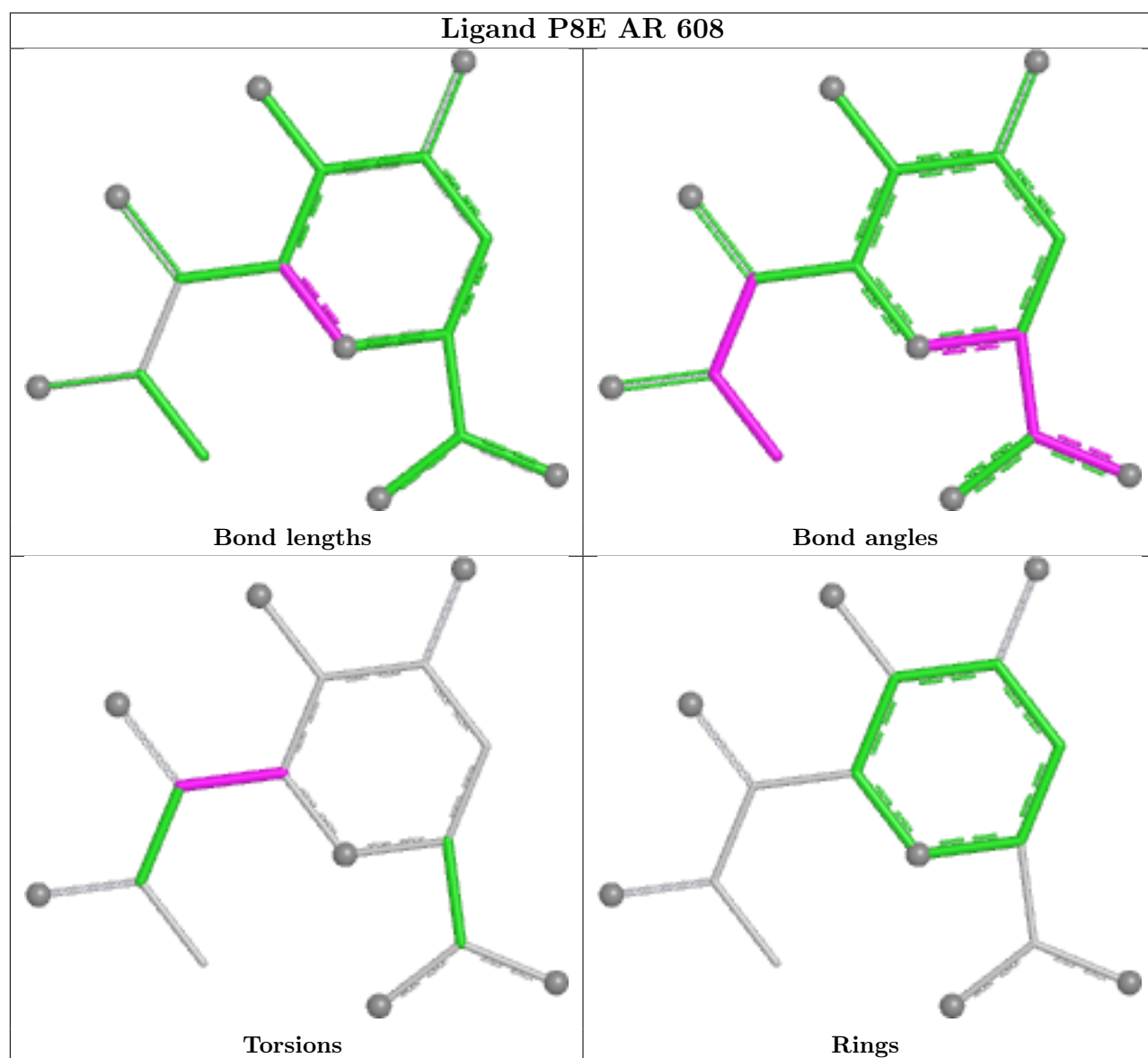


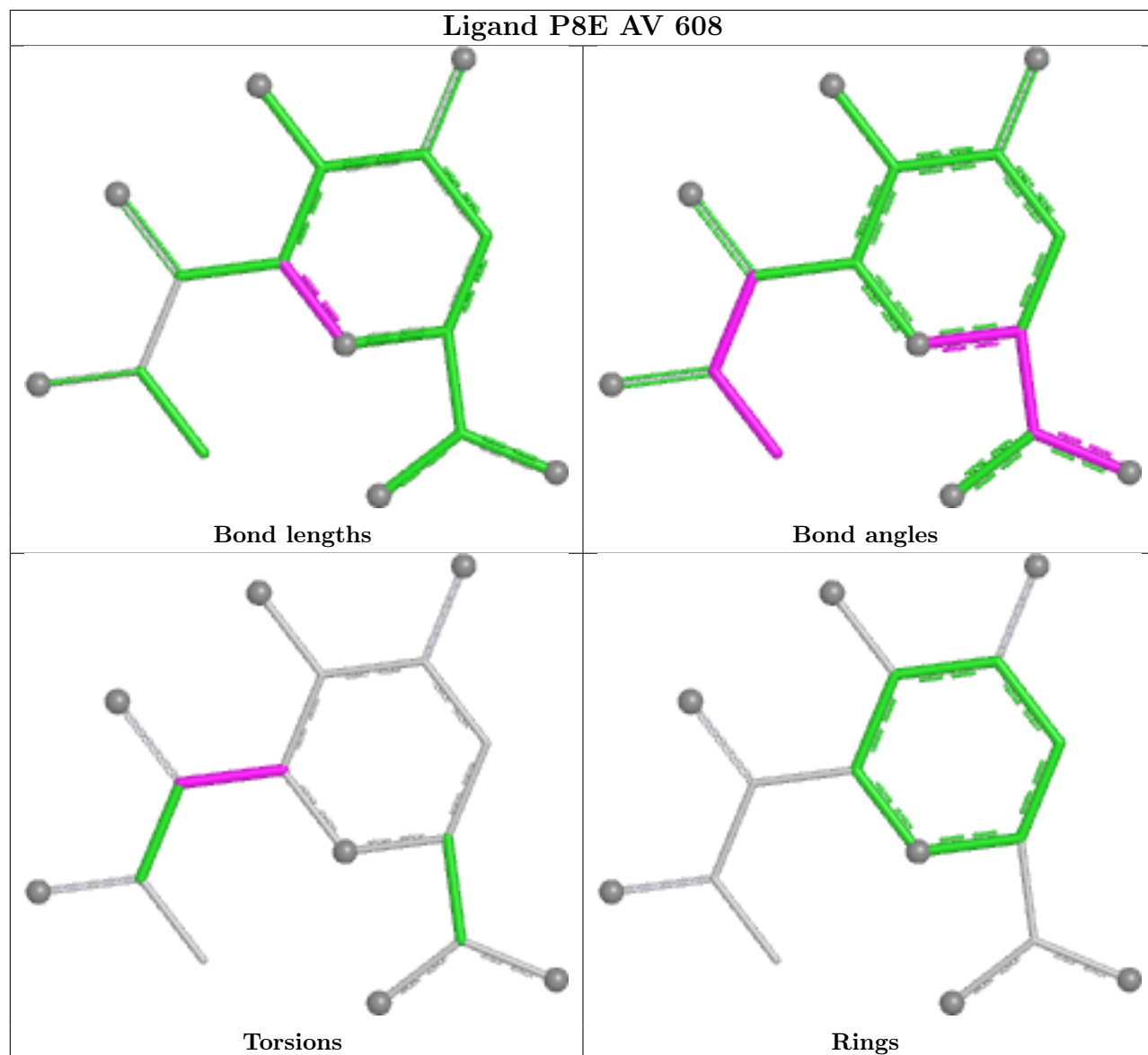


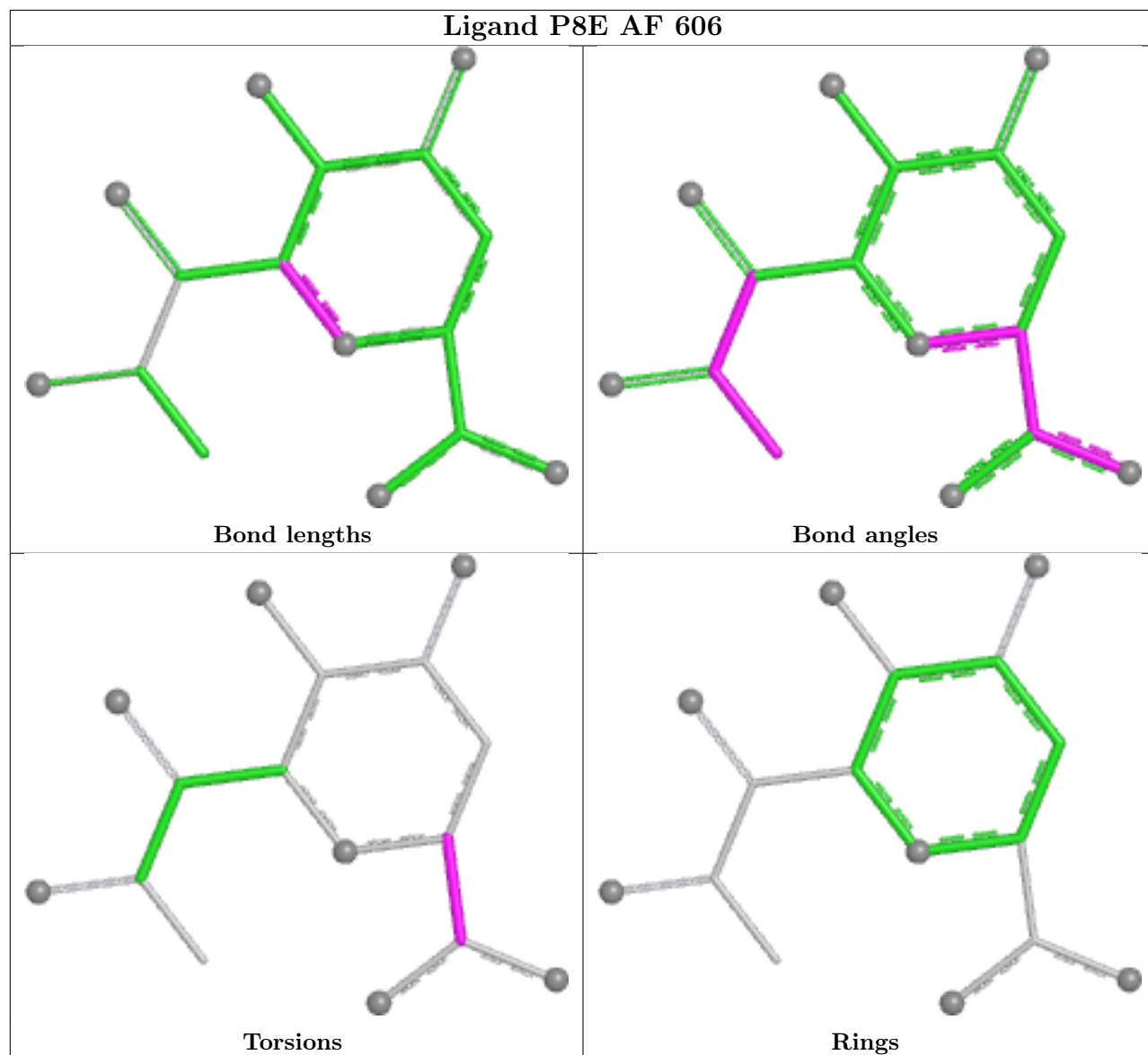




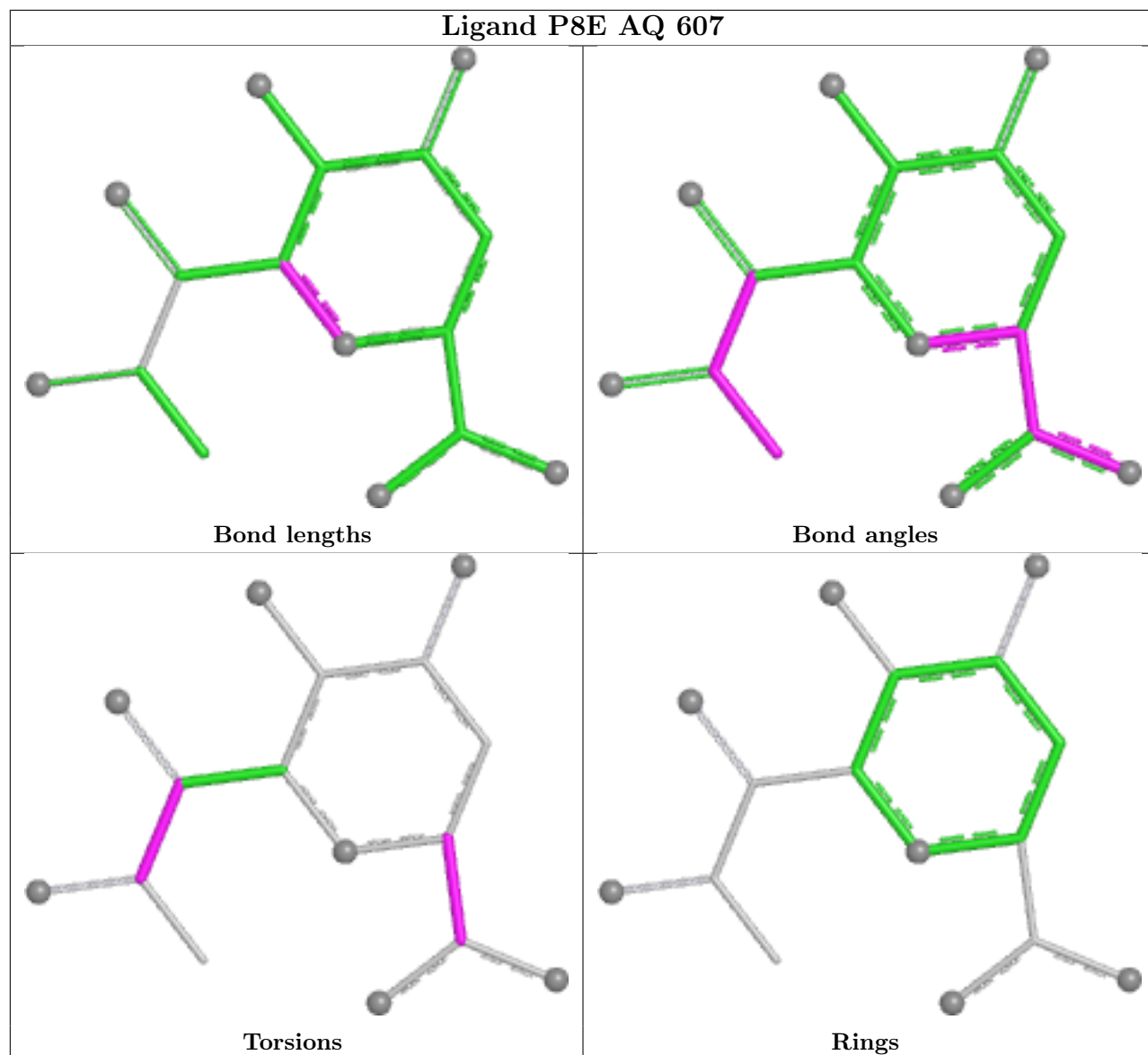


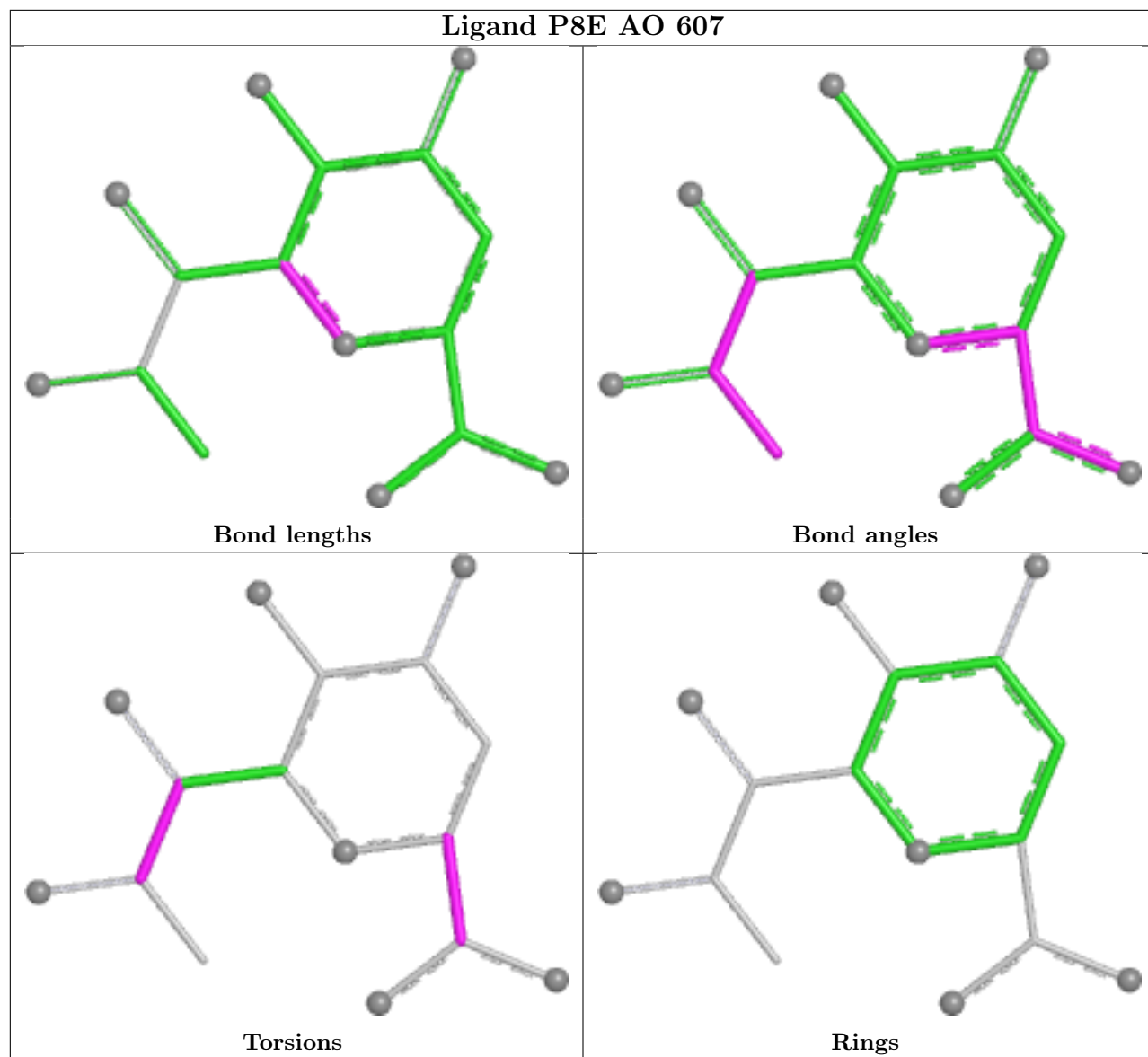


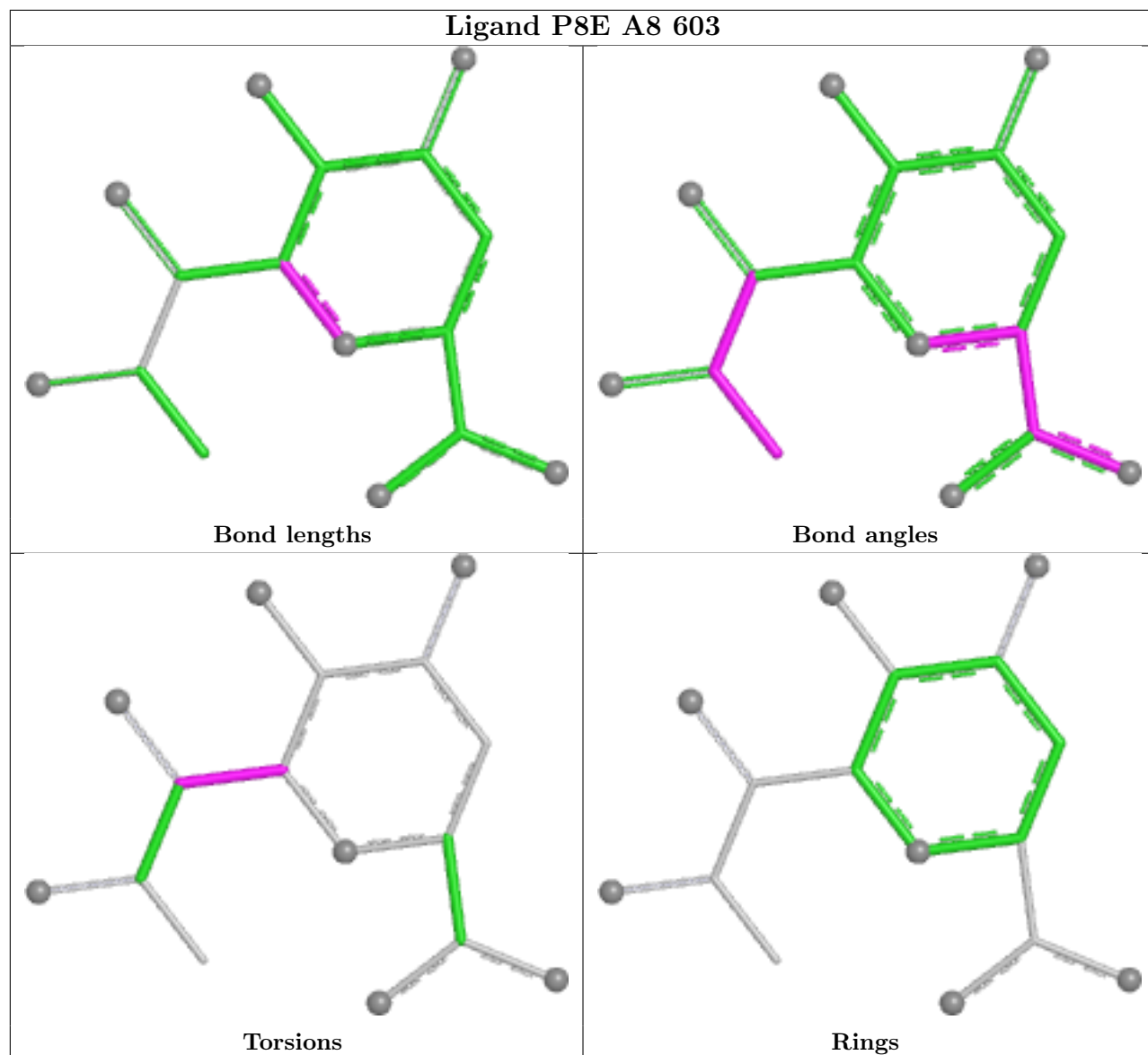


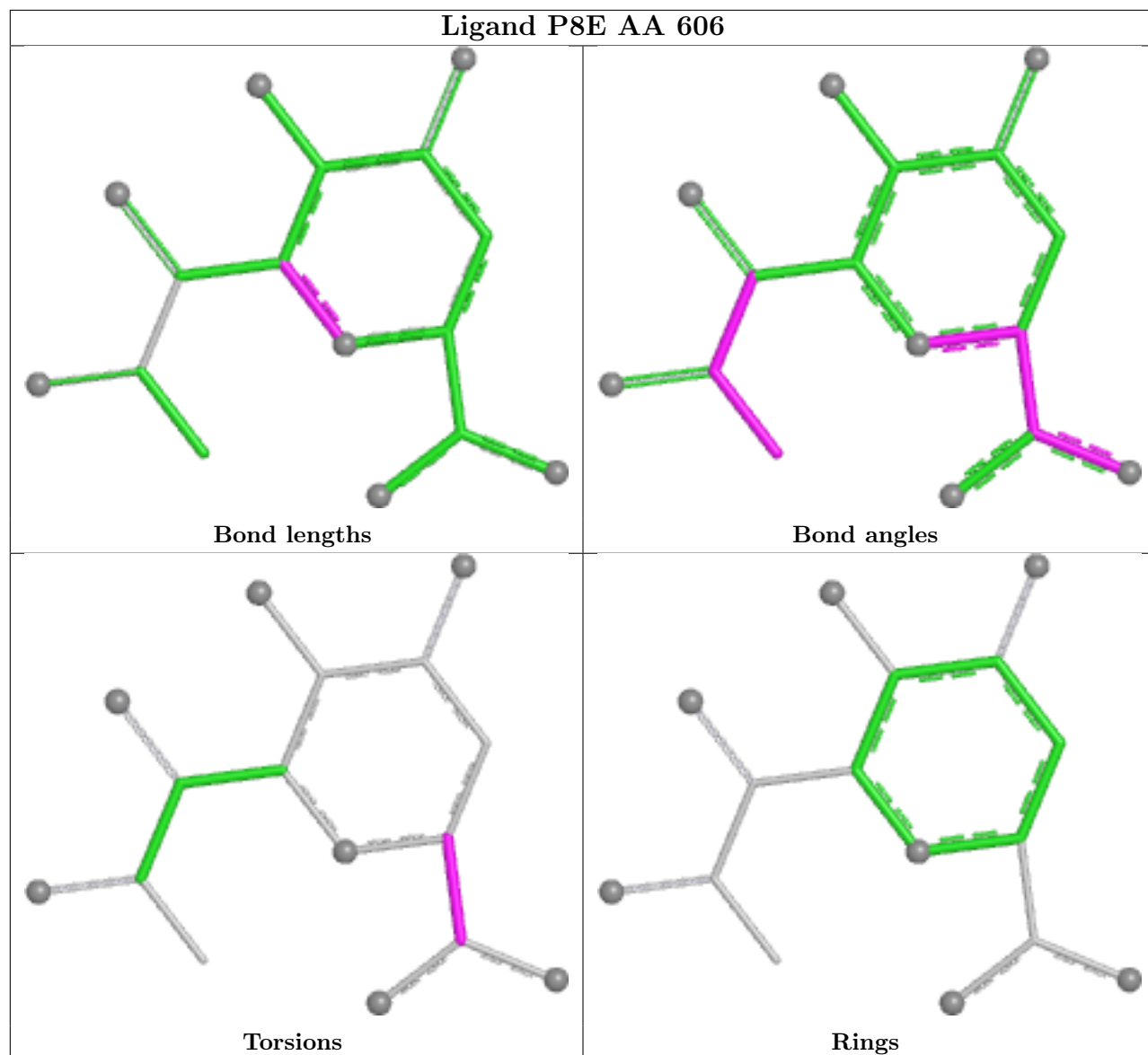


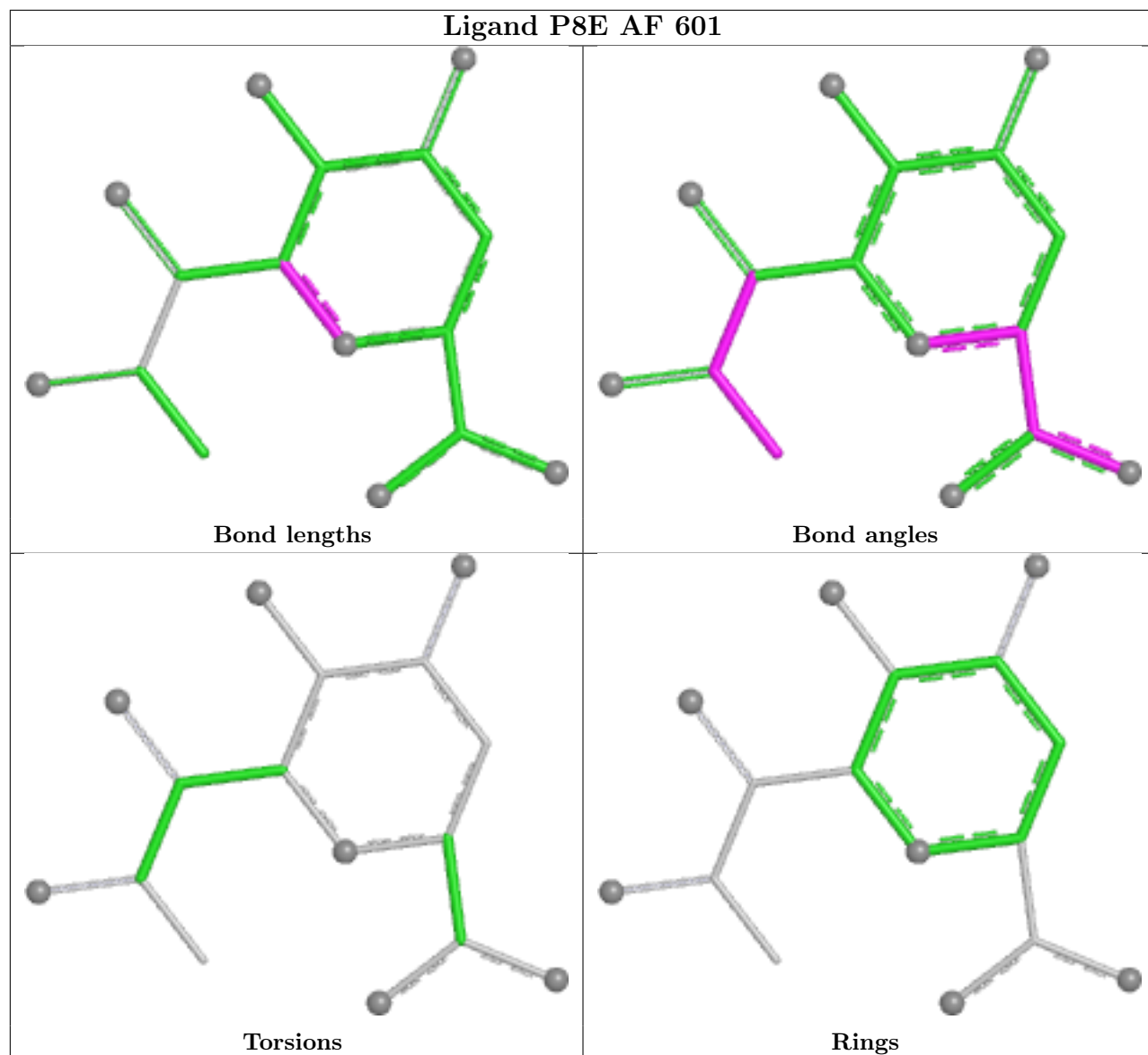


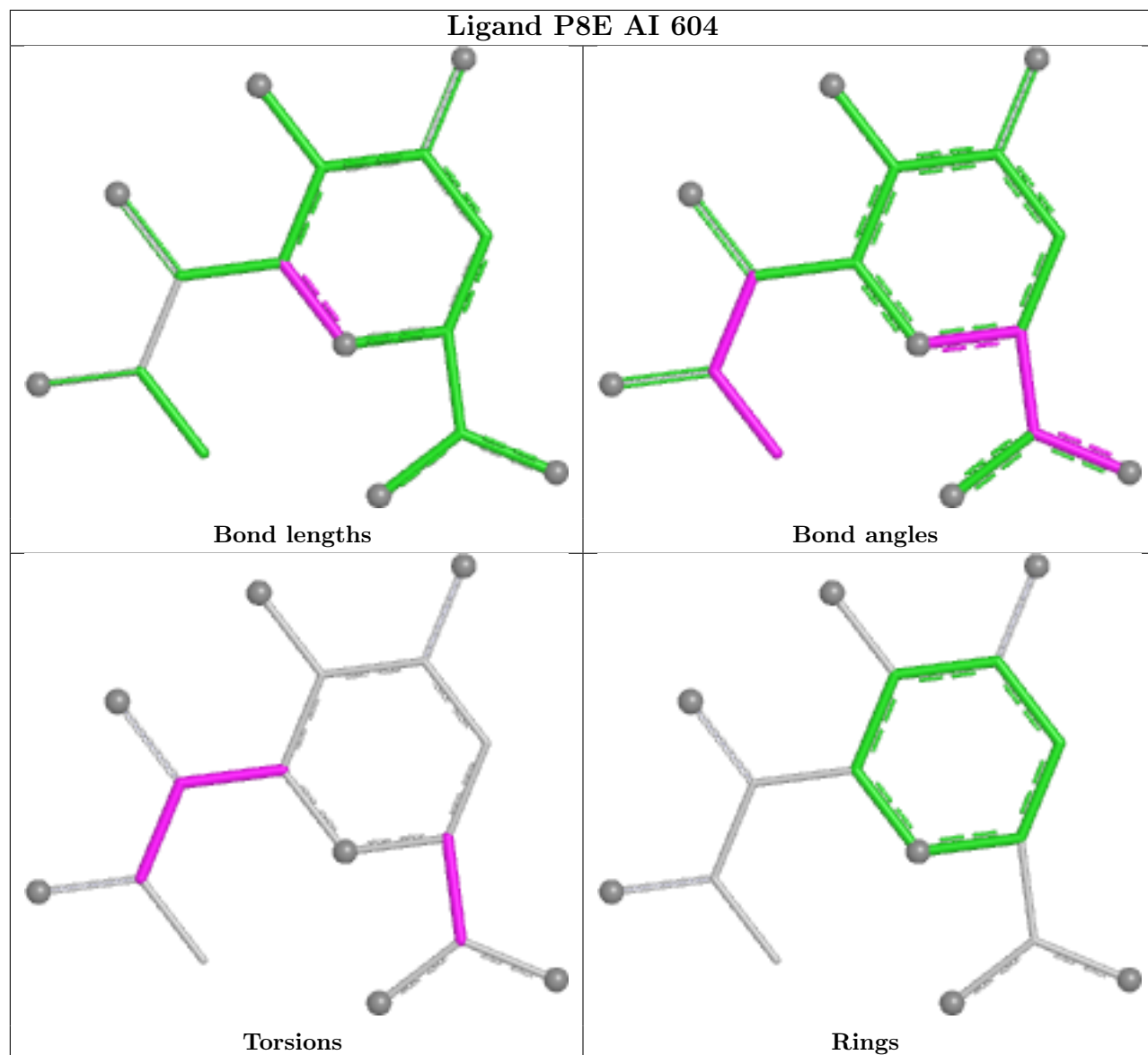


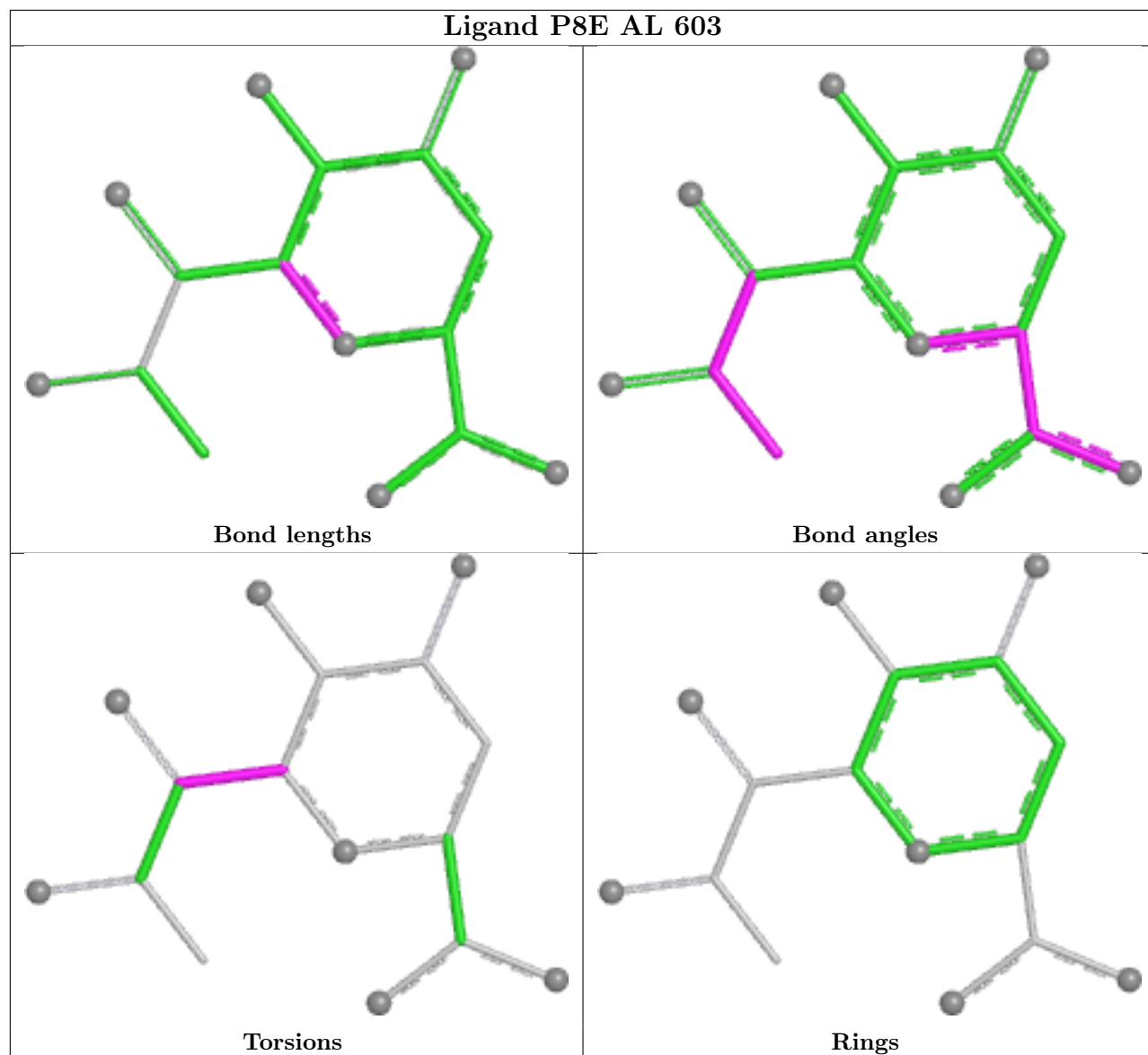


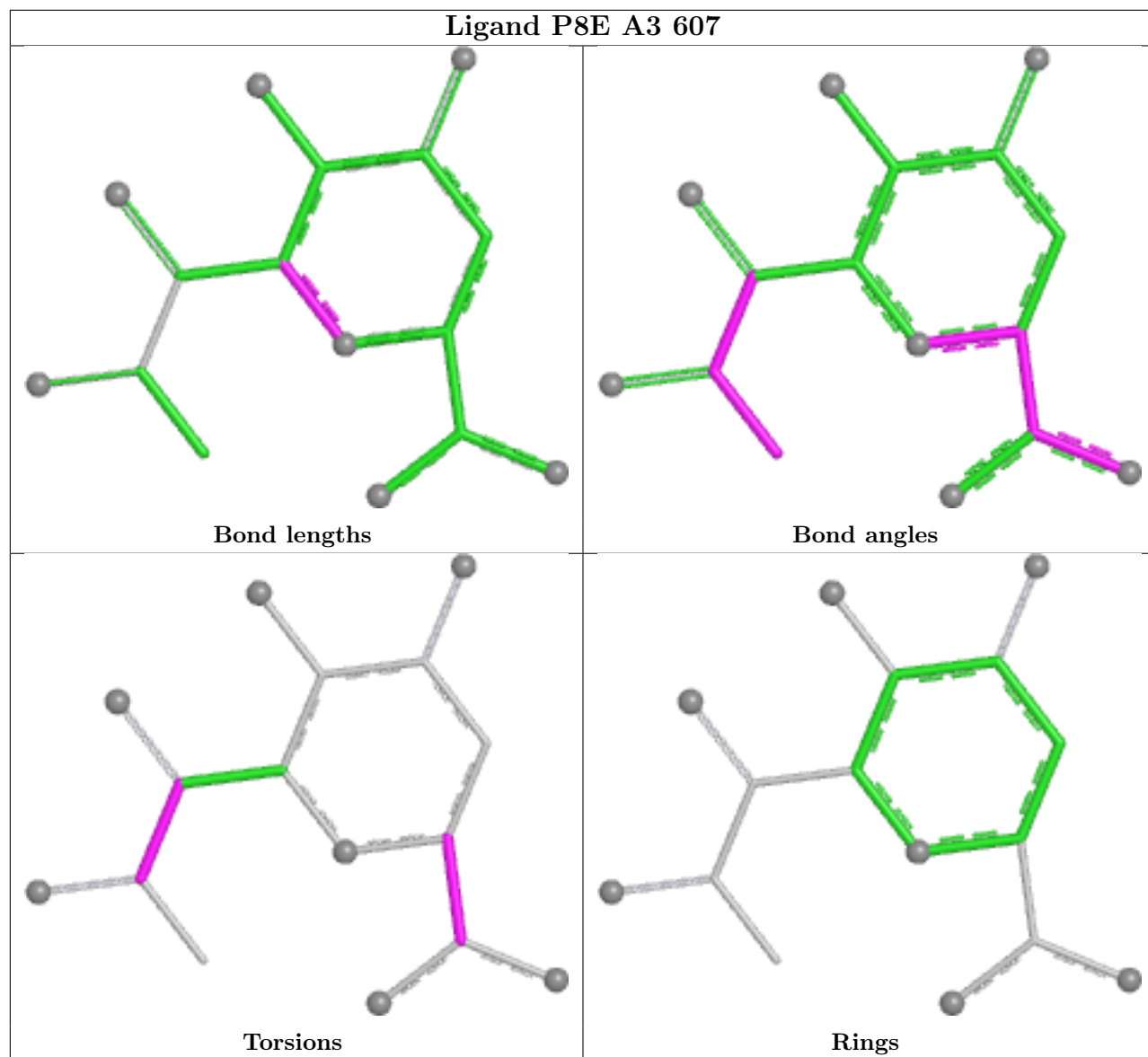




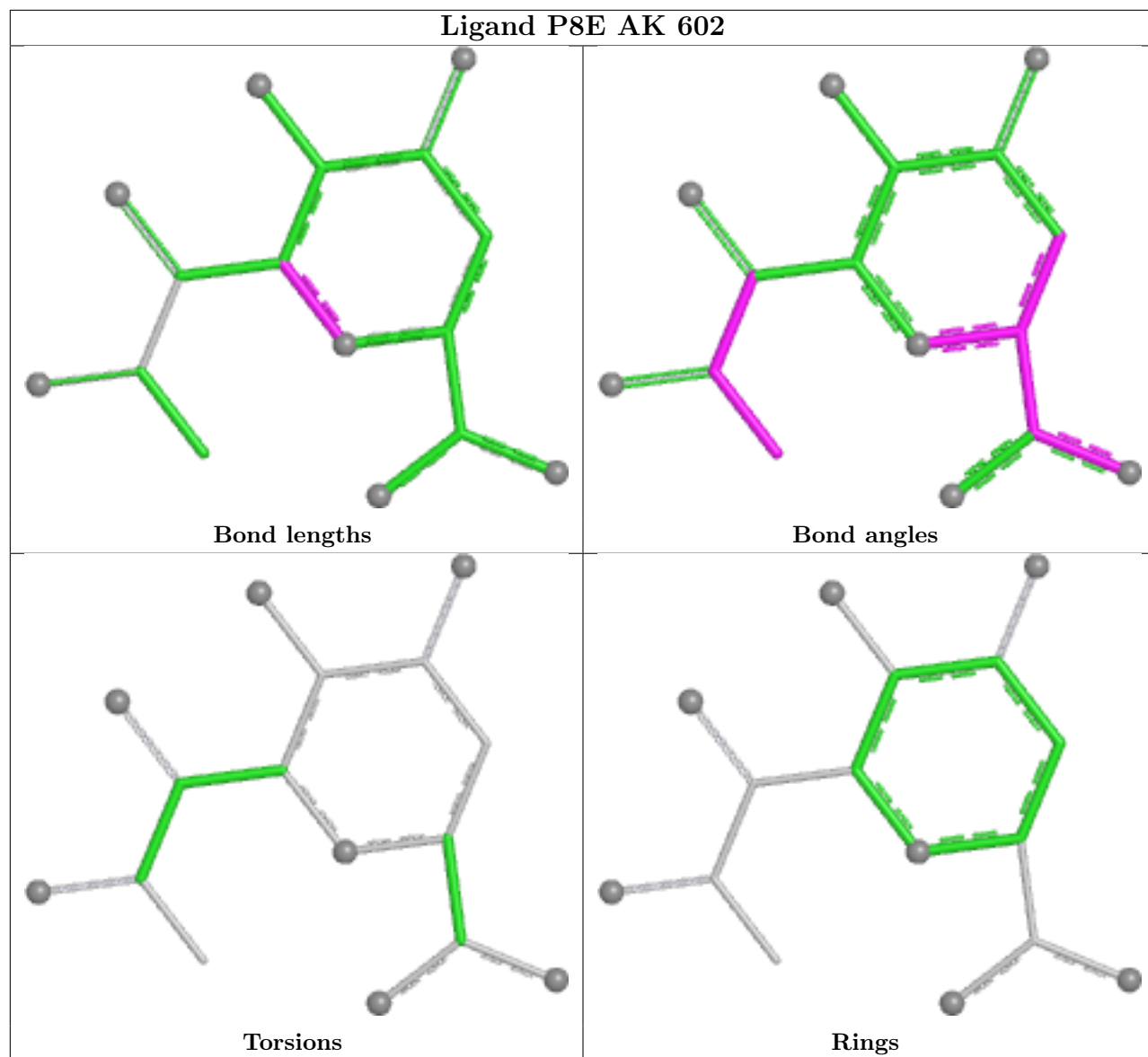


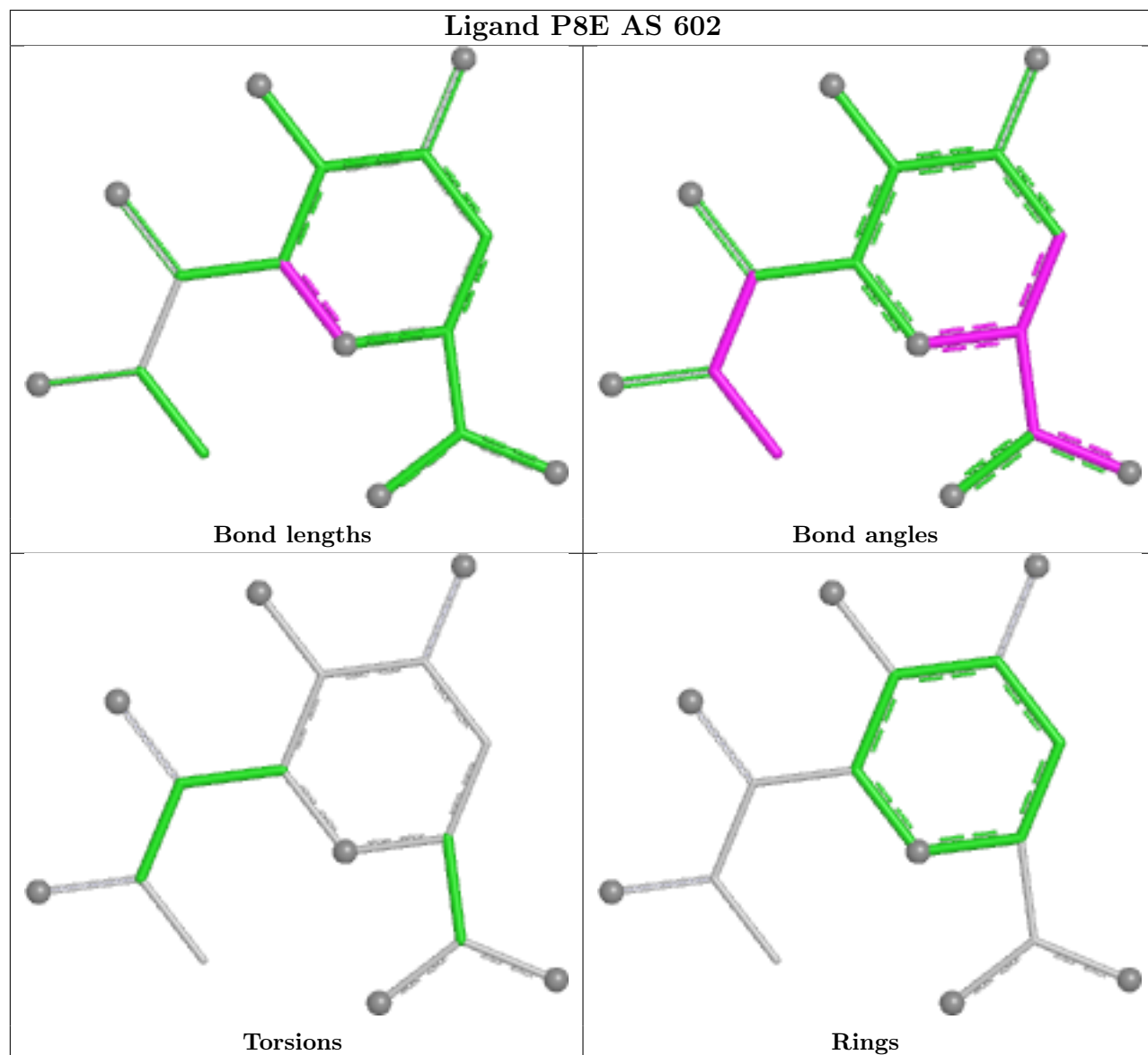


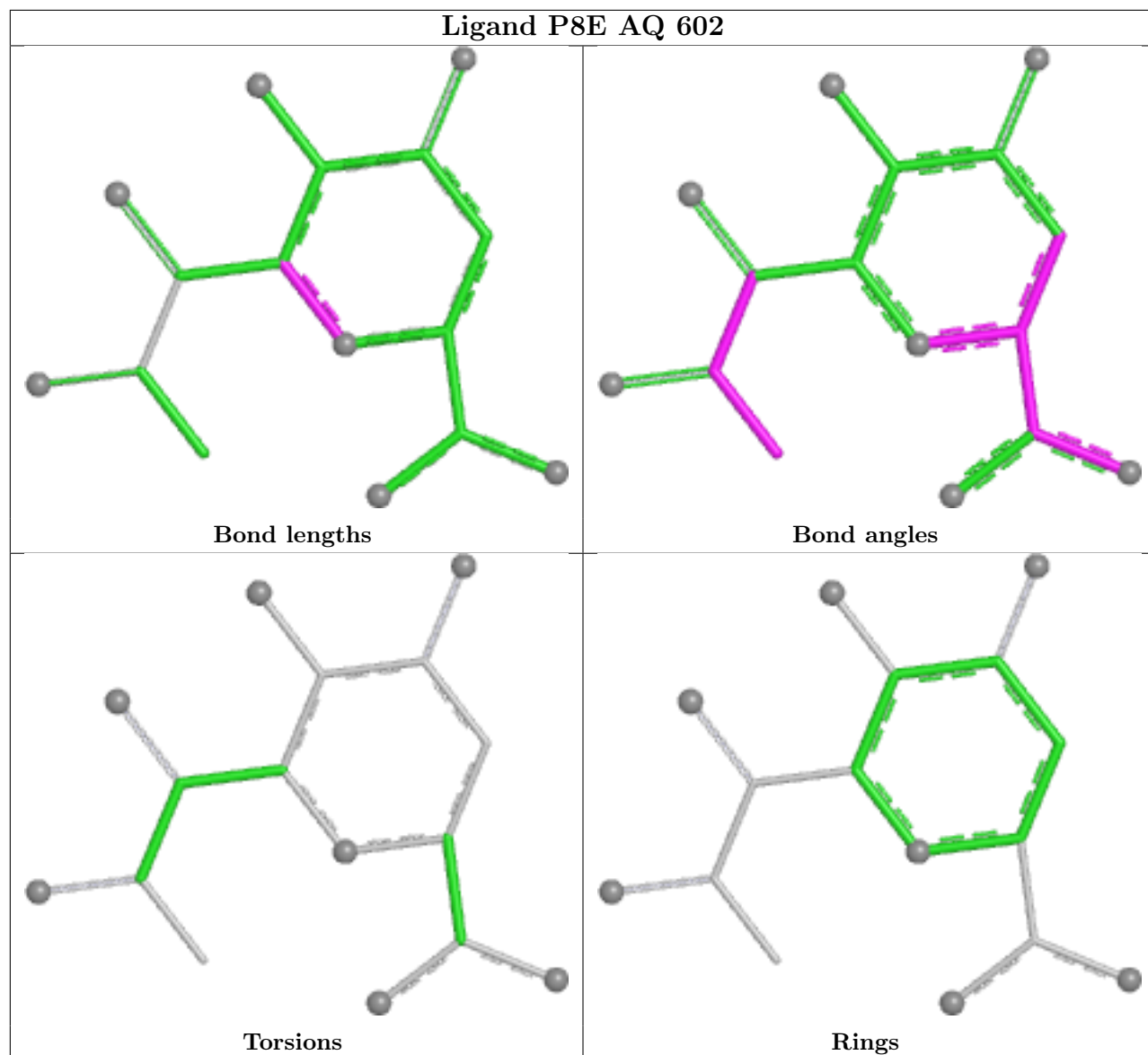


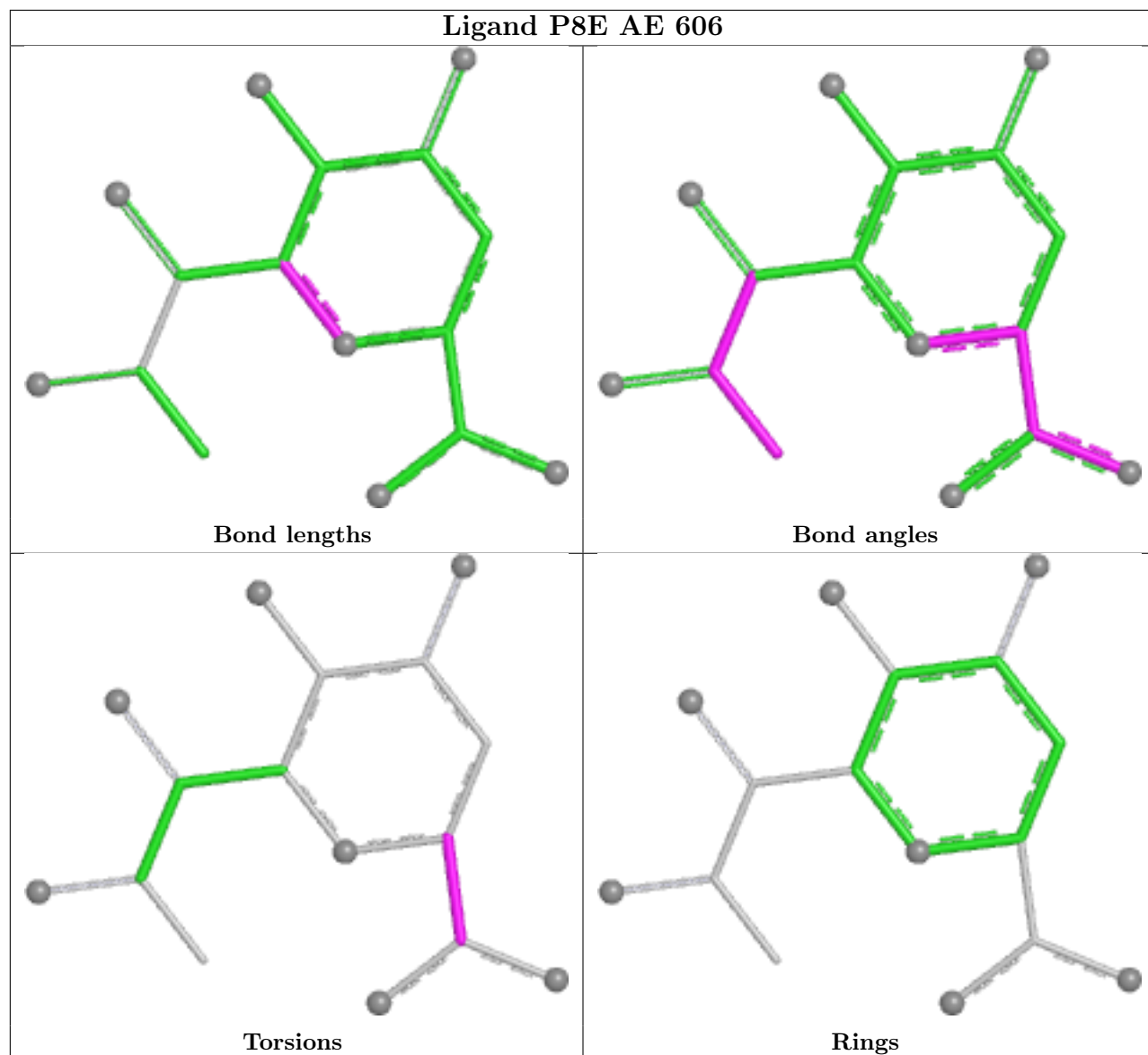


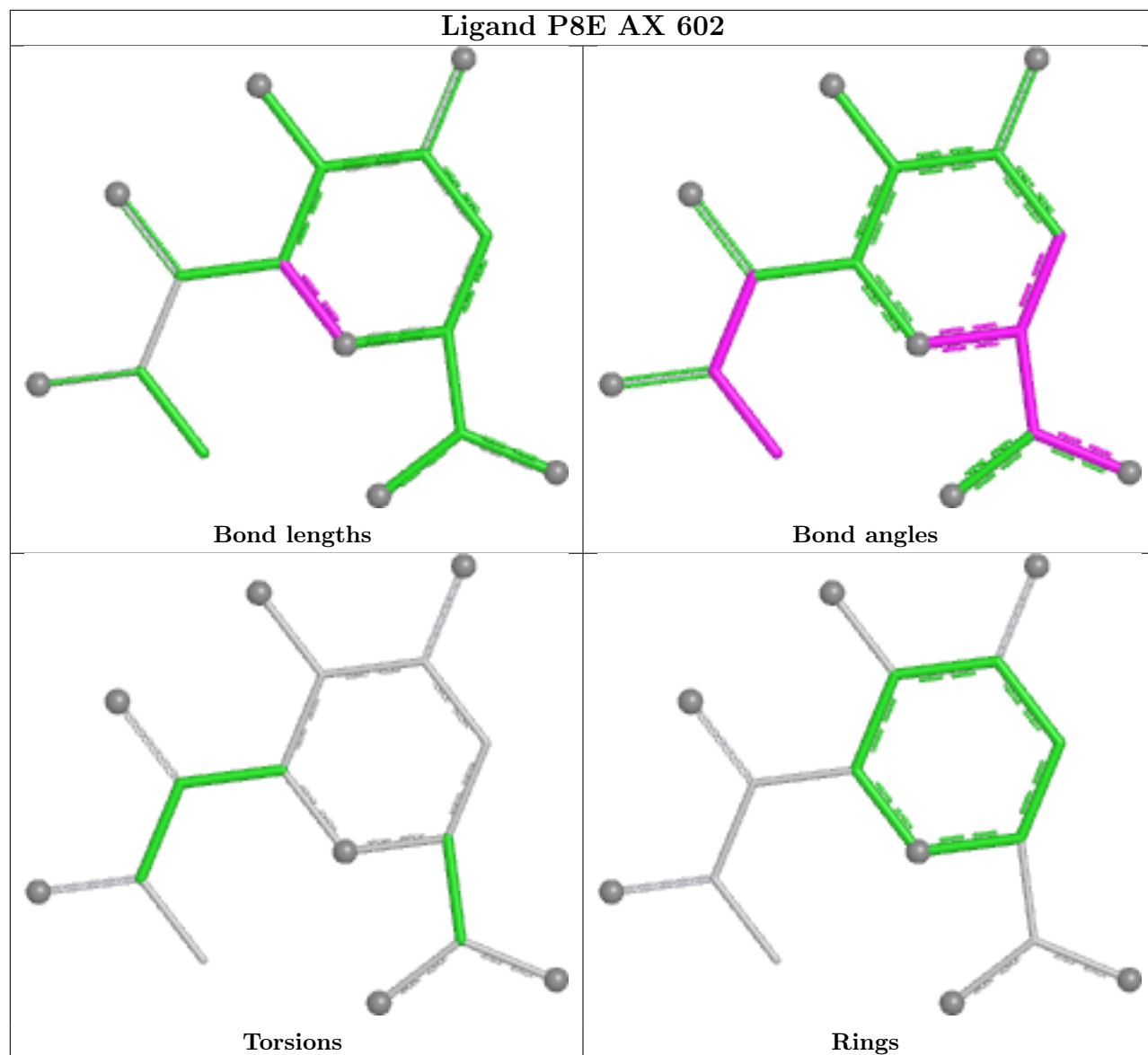


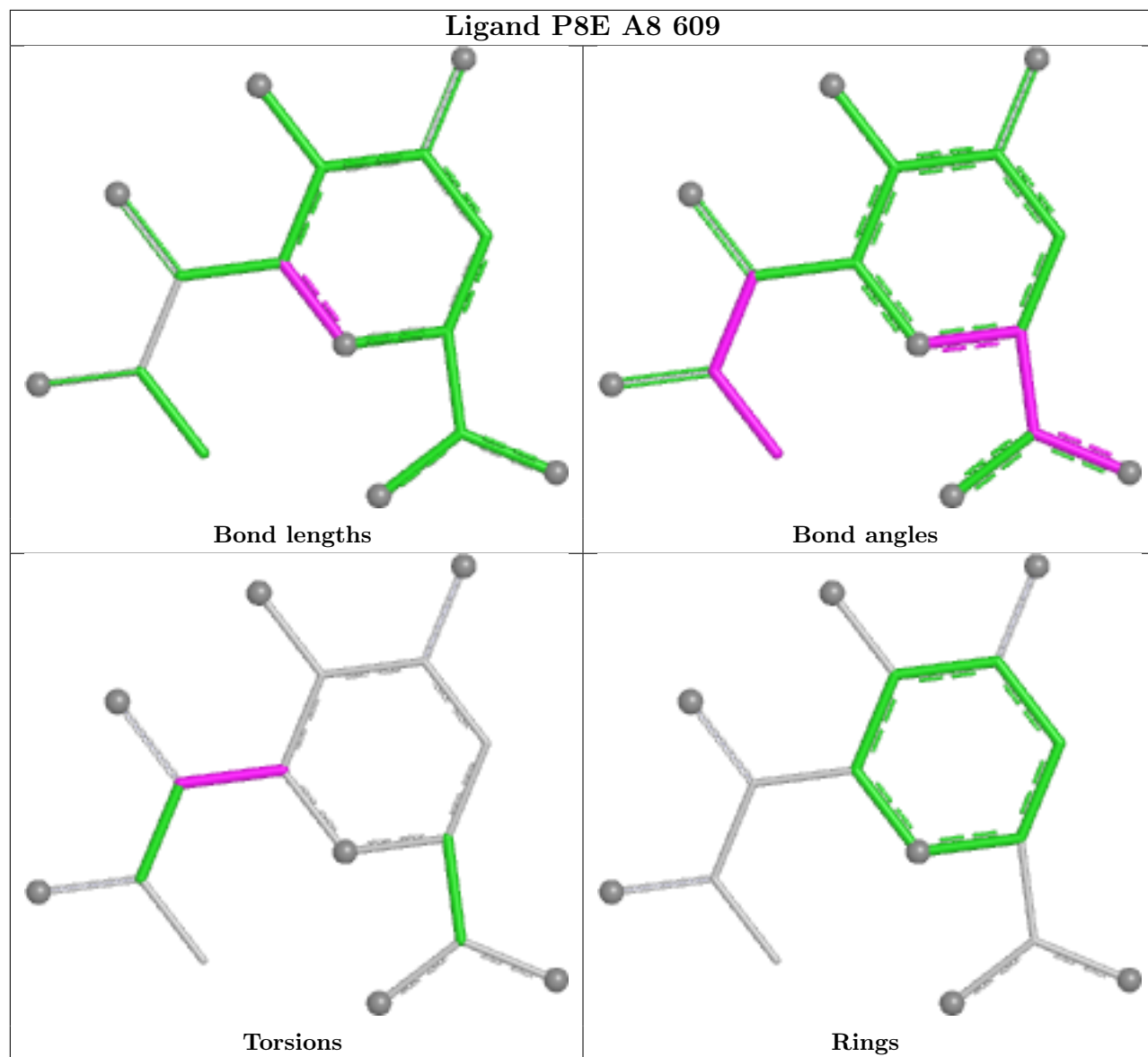


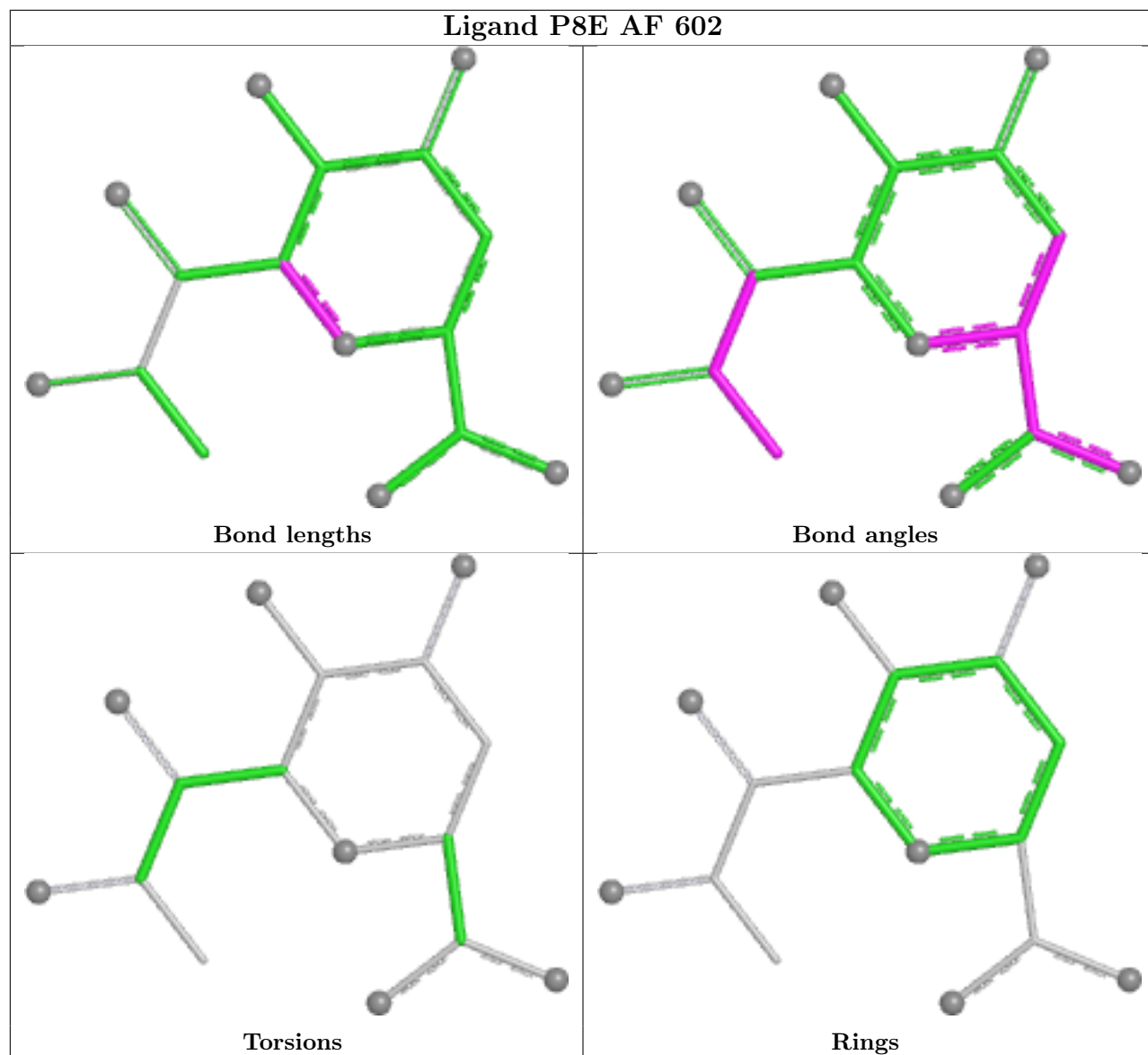


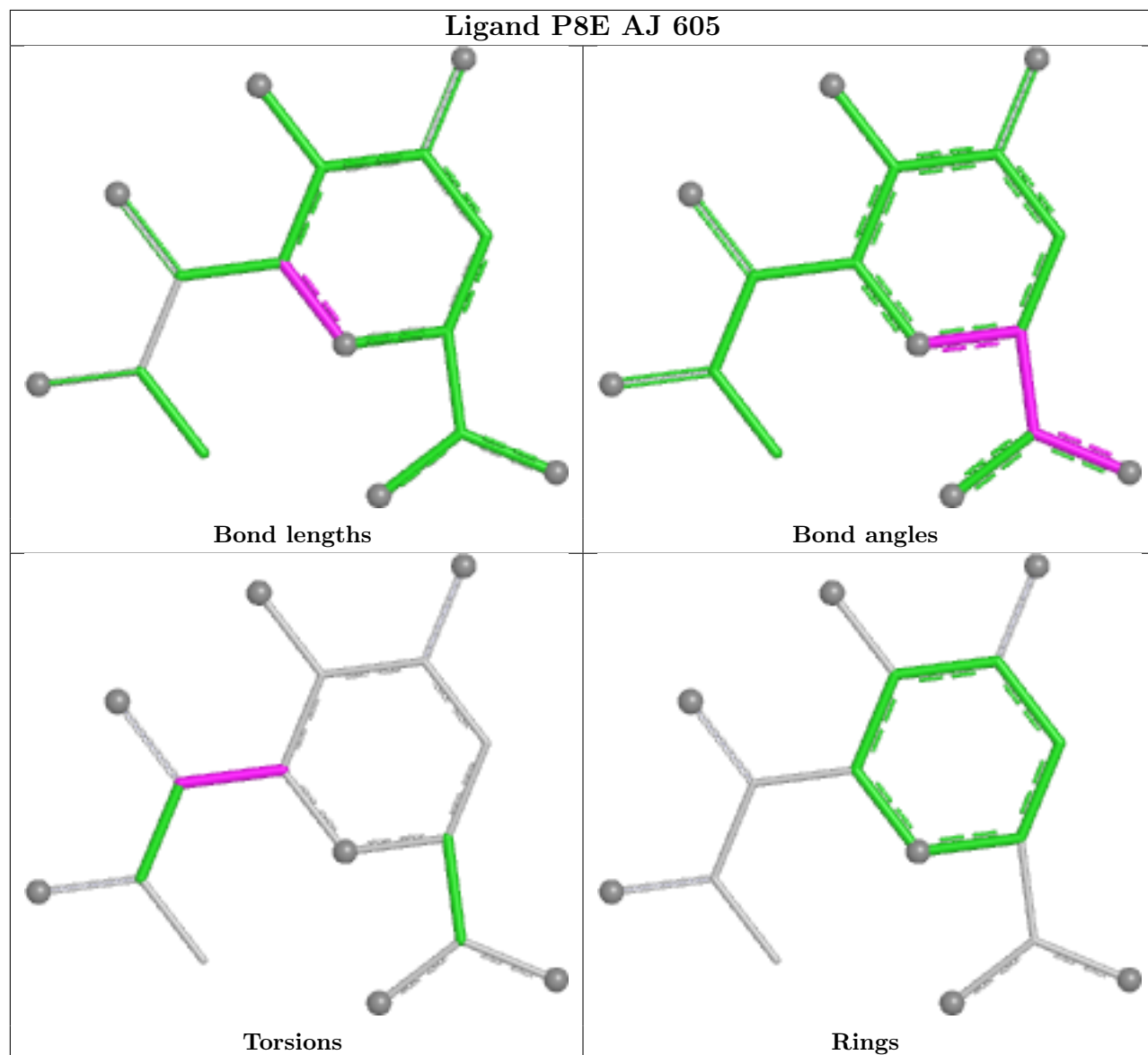




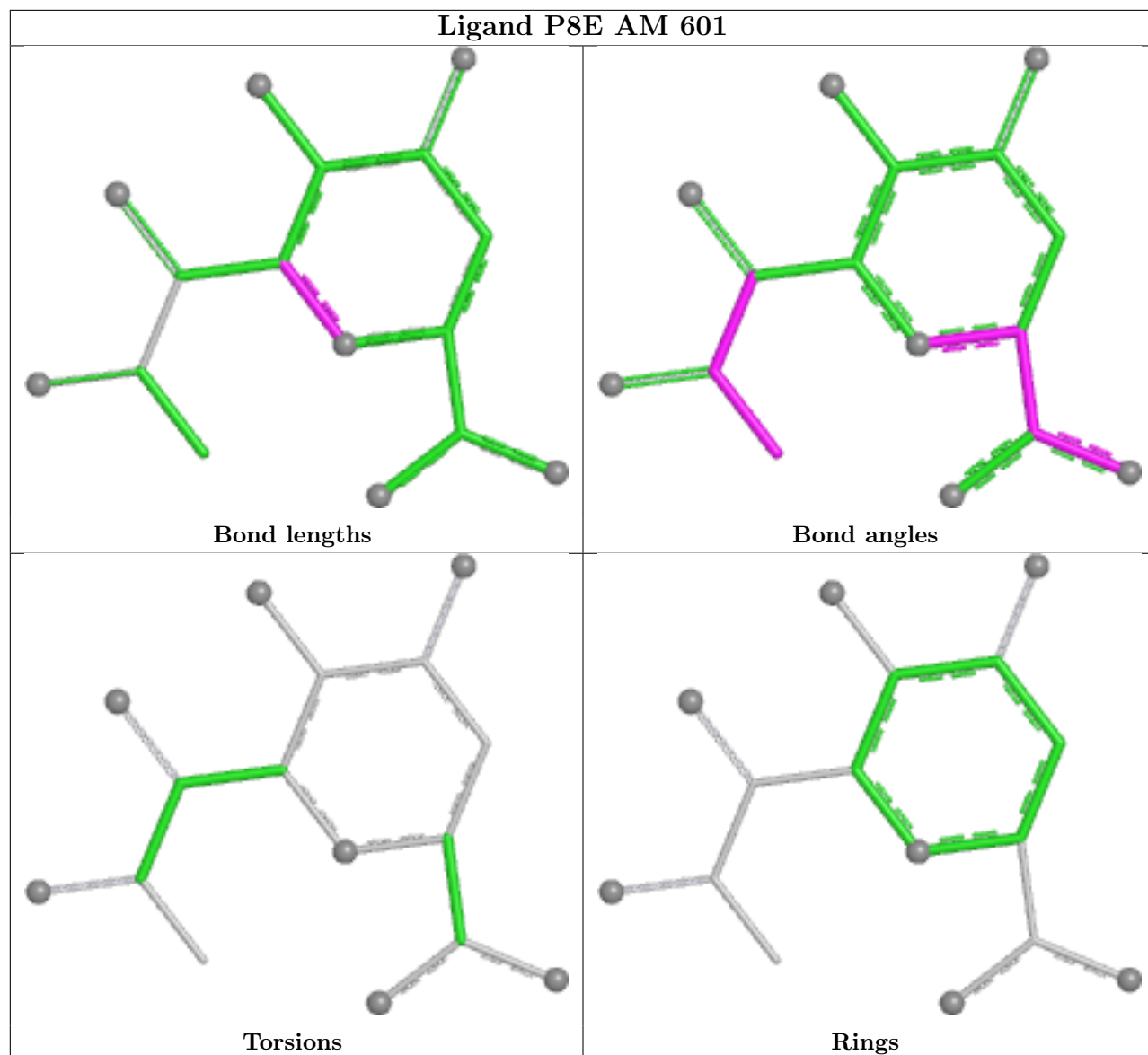


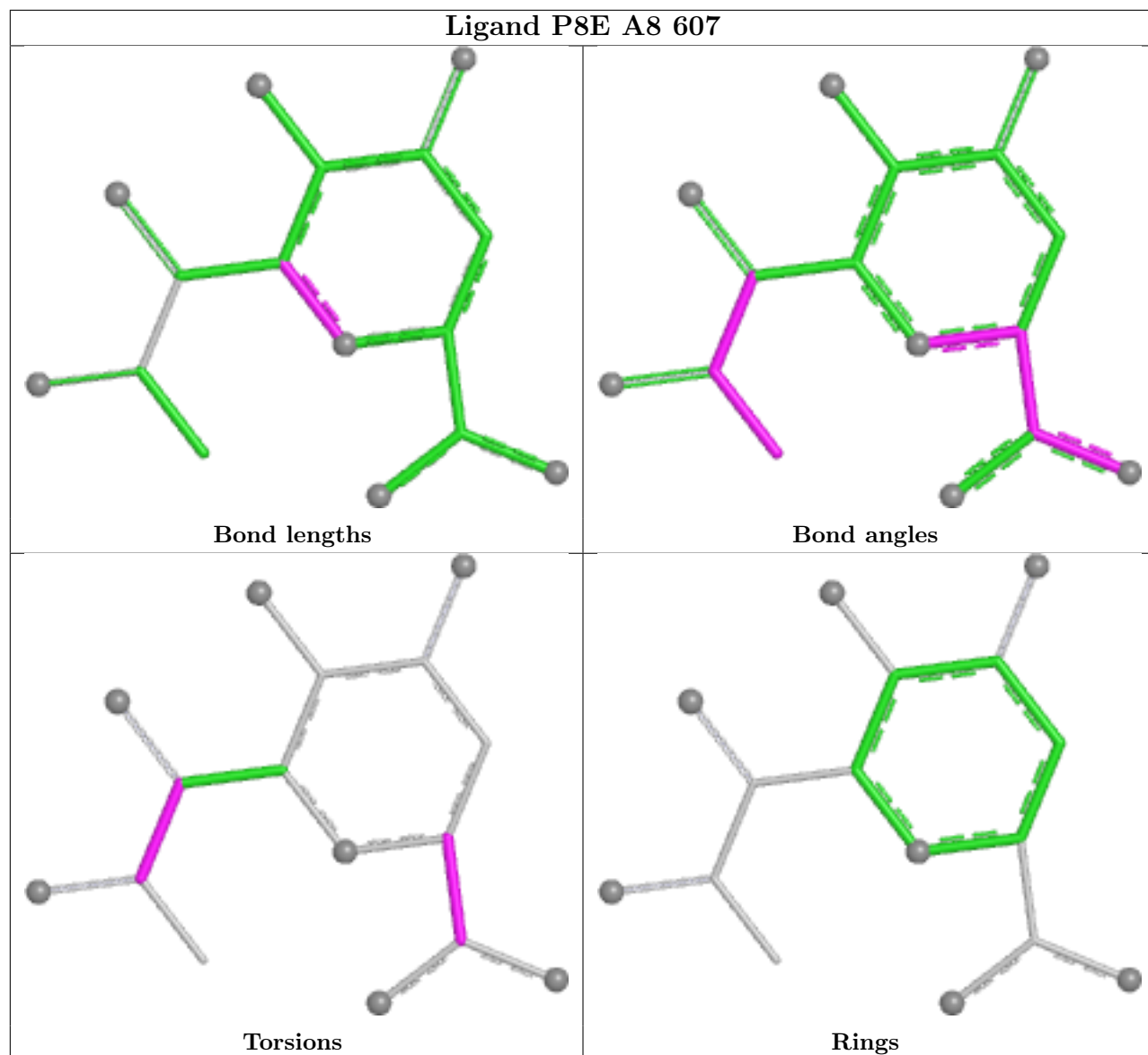


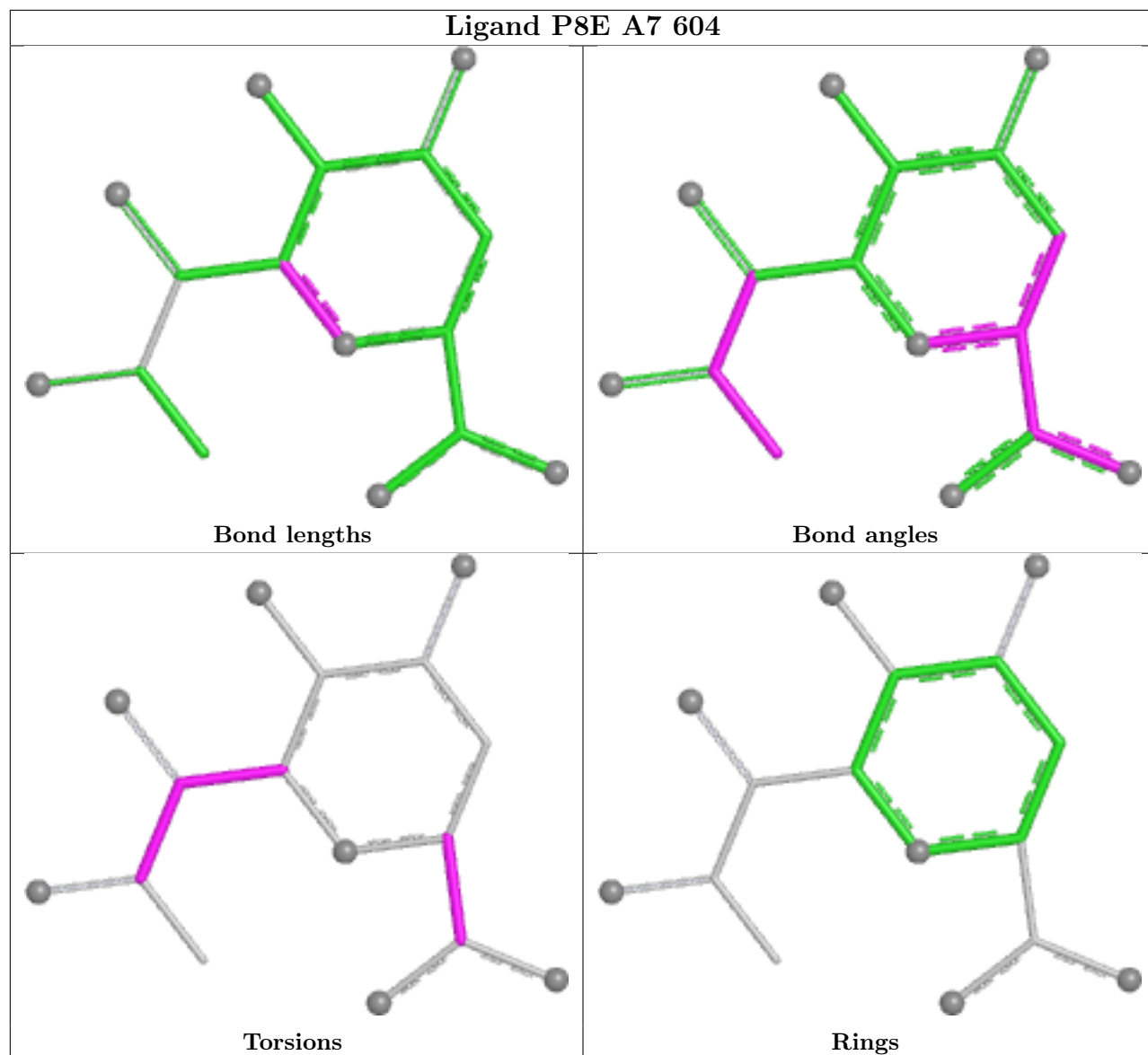




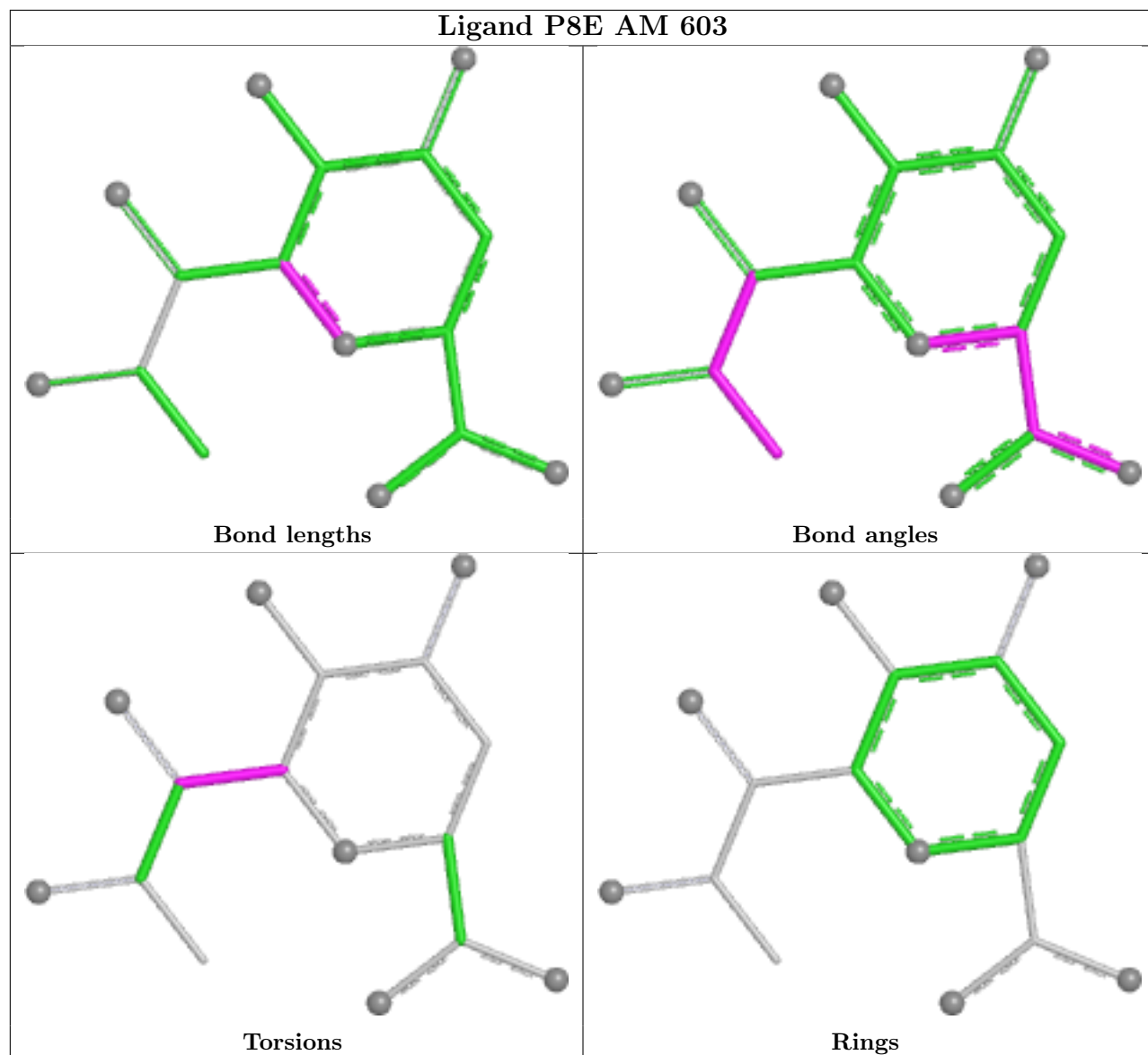


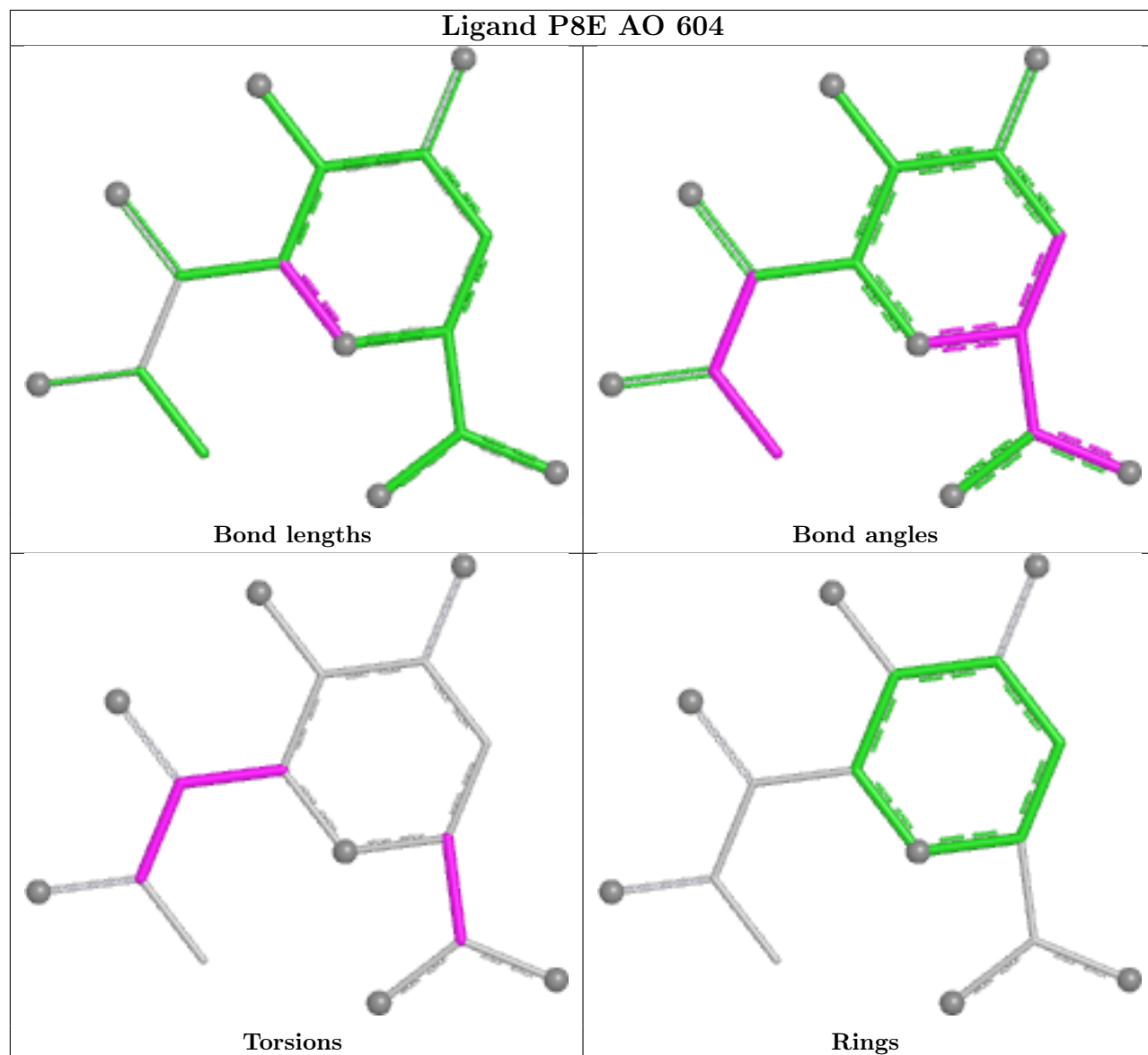


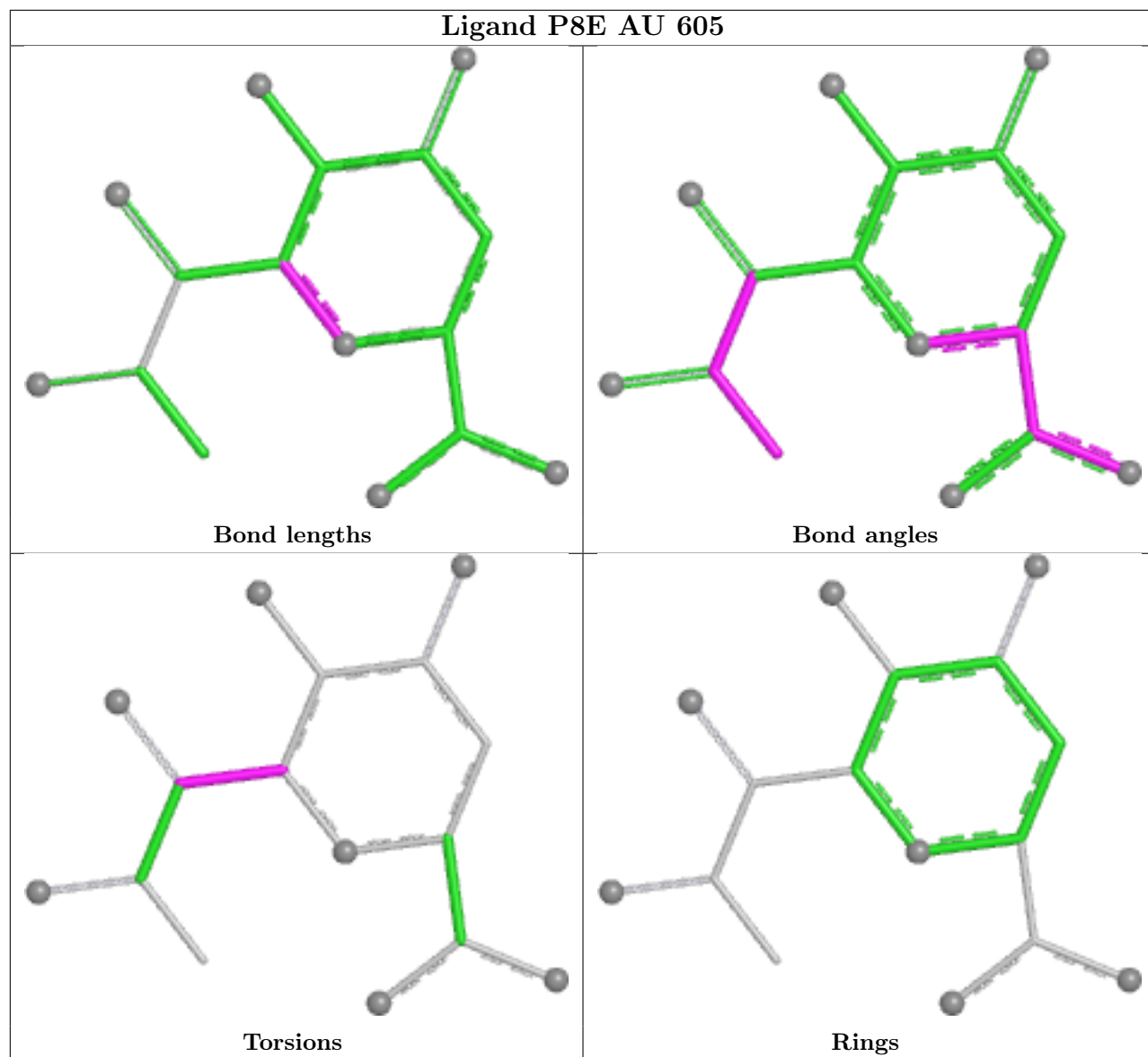


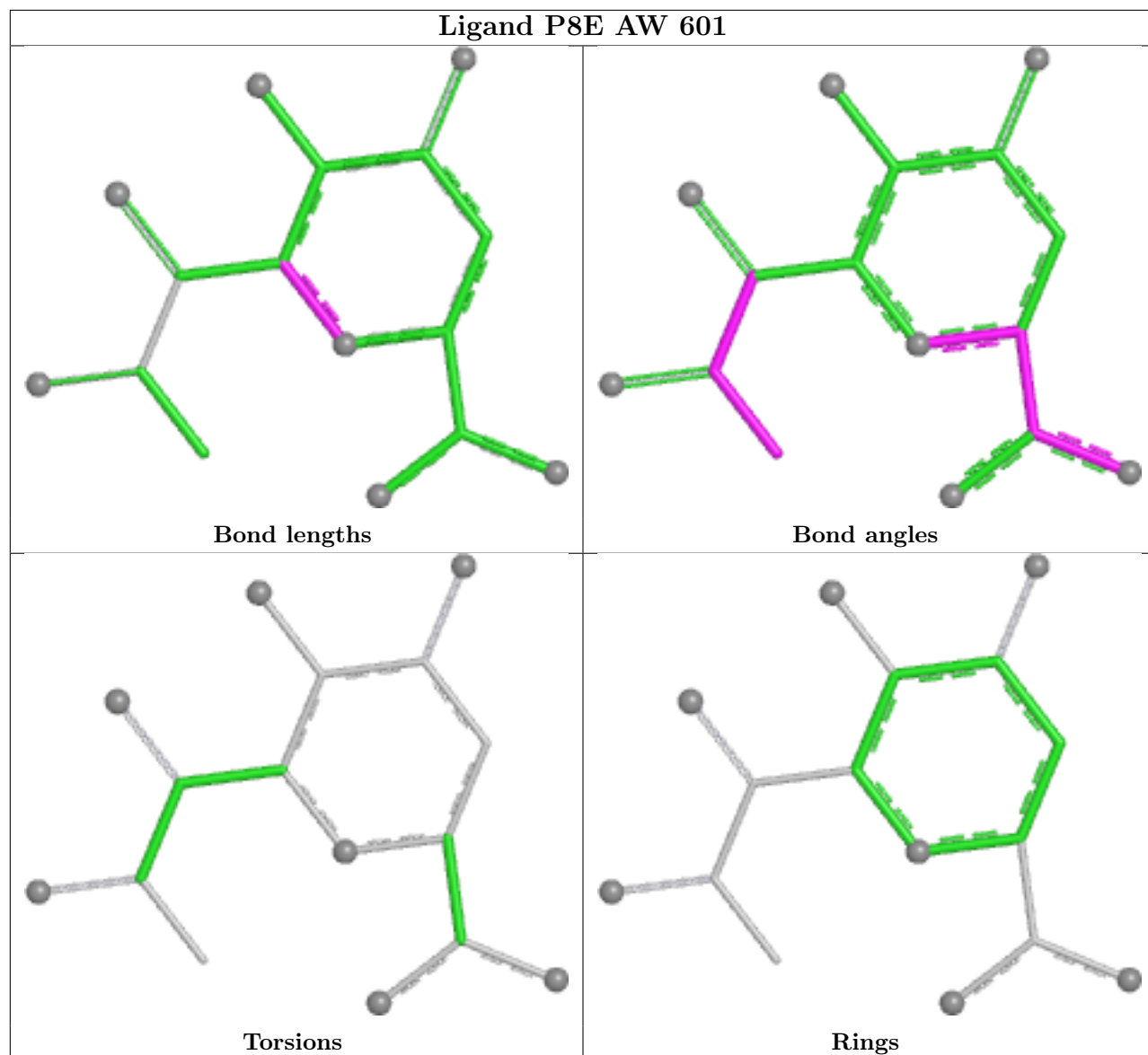


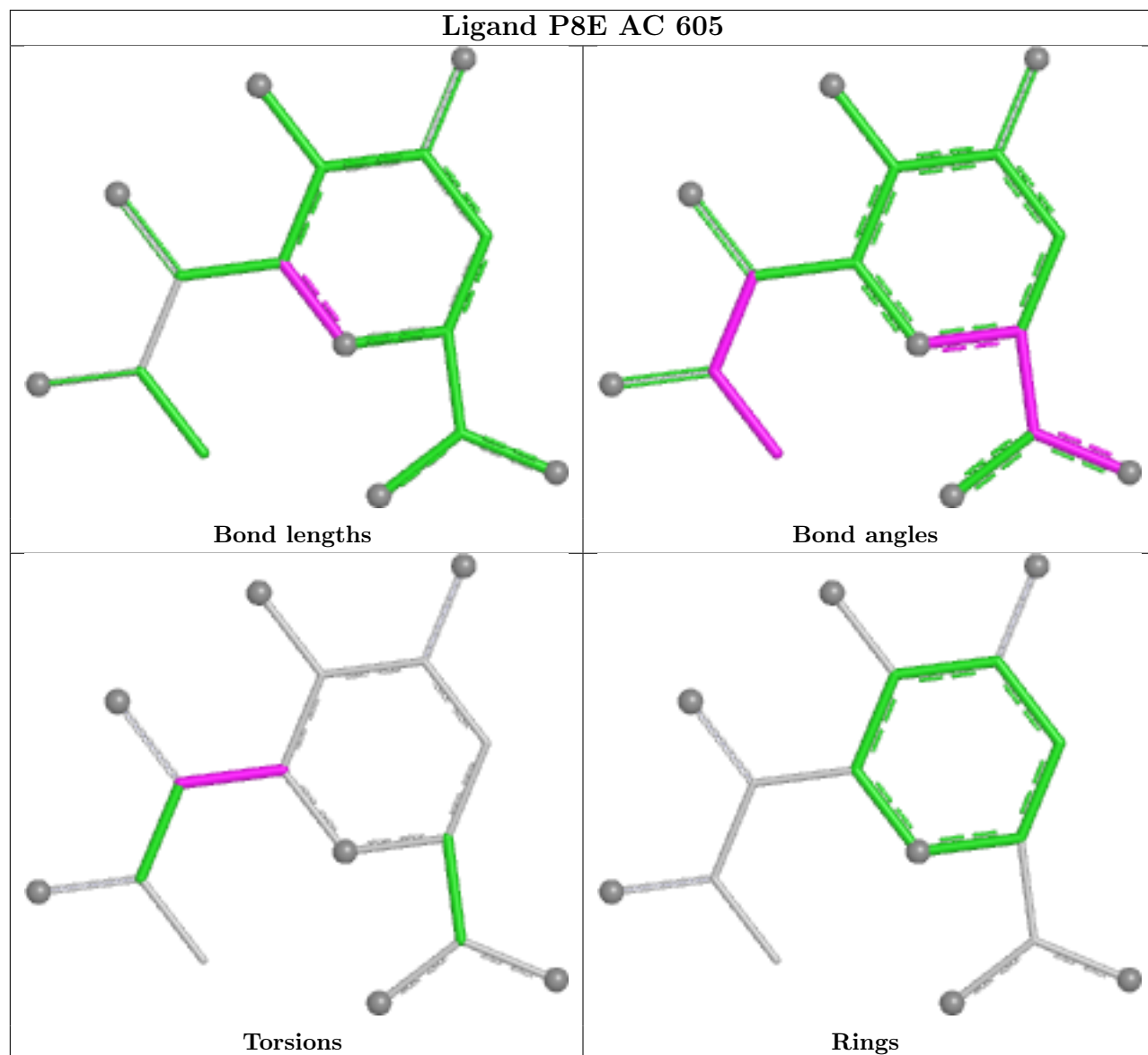
## Ligand P8E AM 603



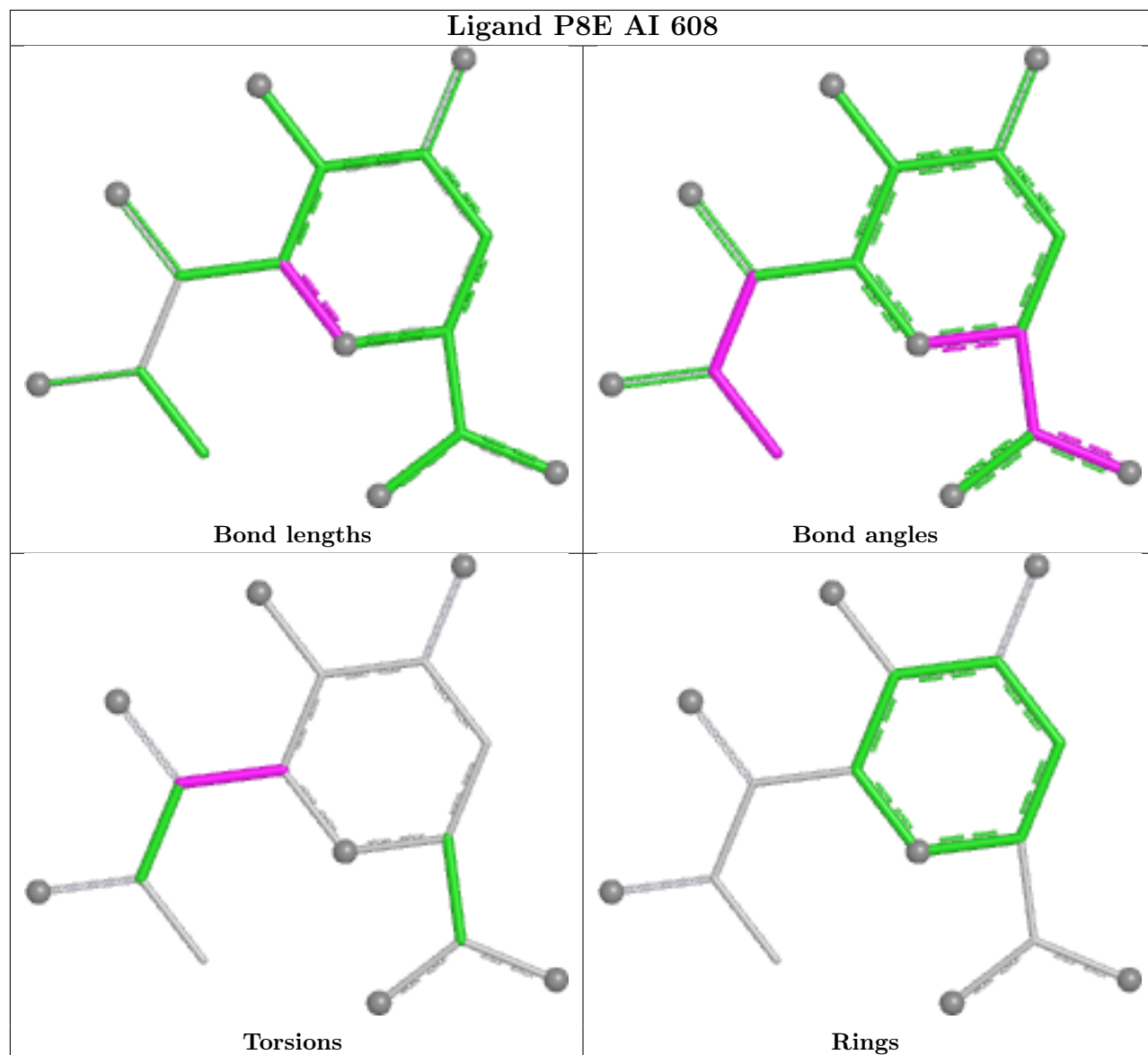


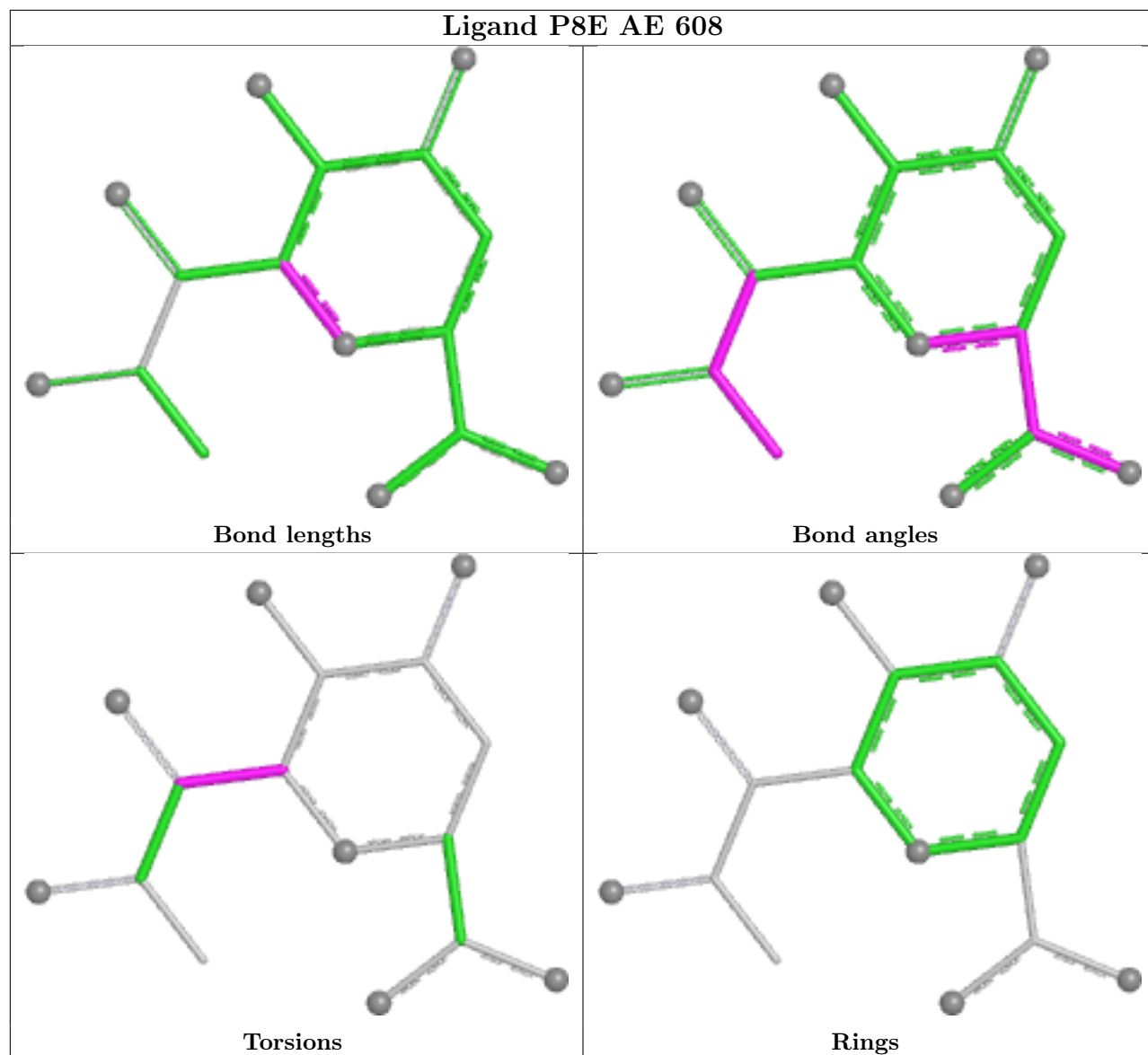


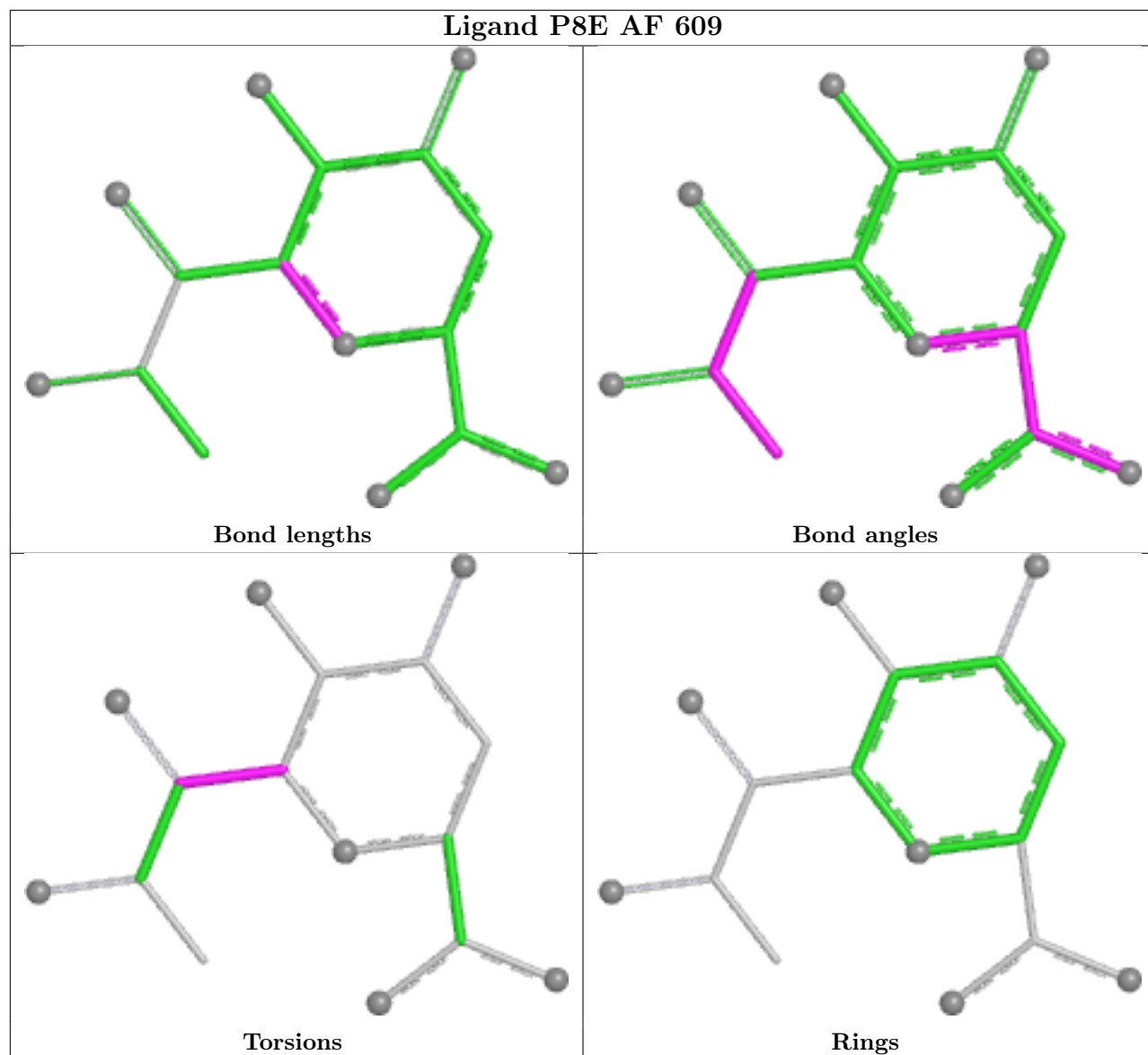


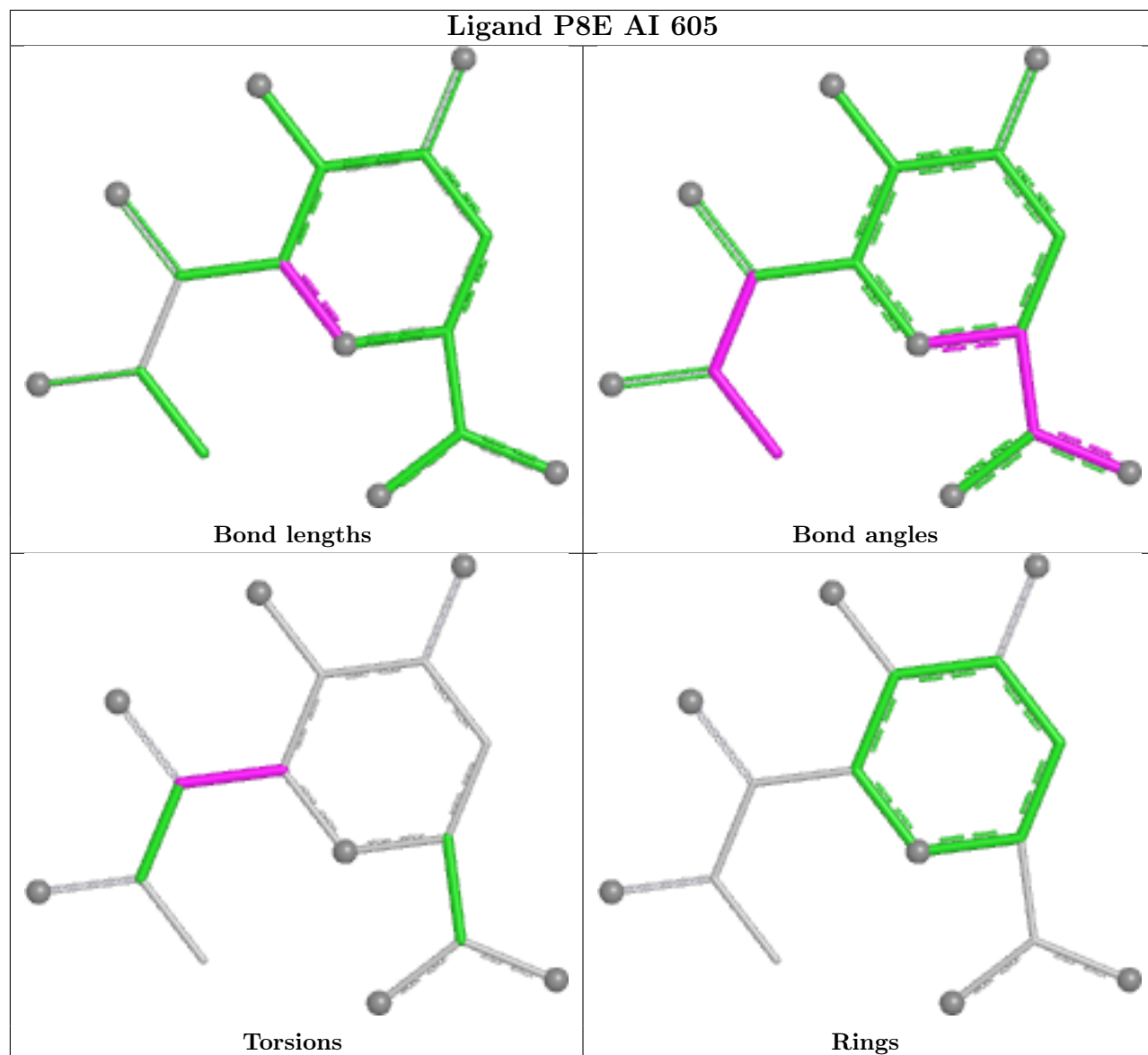


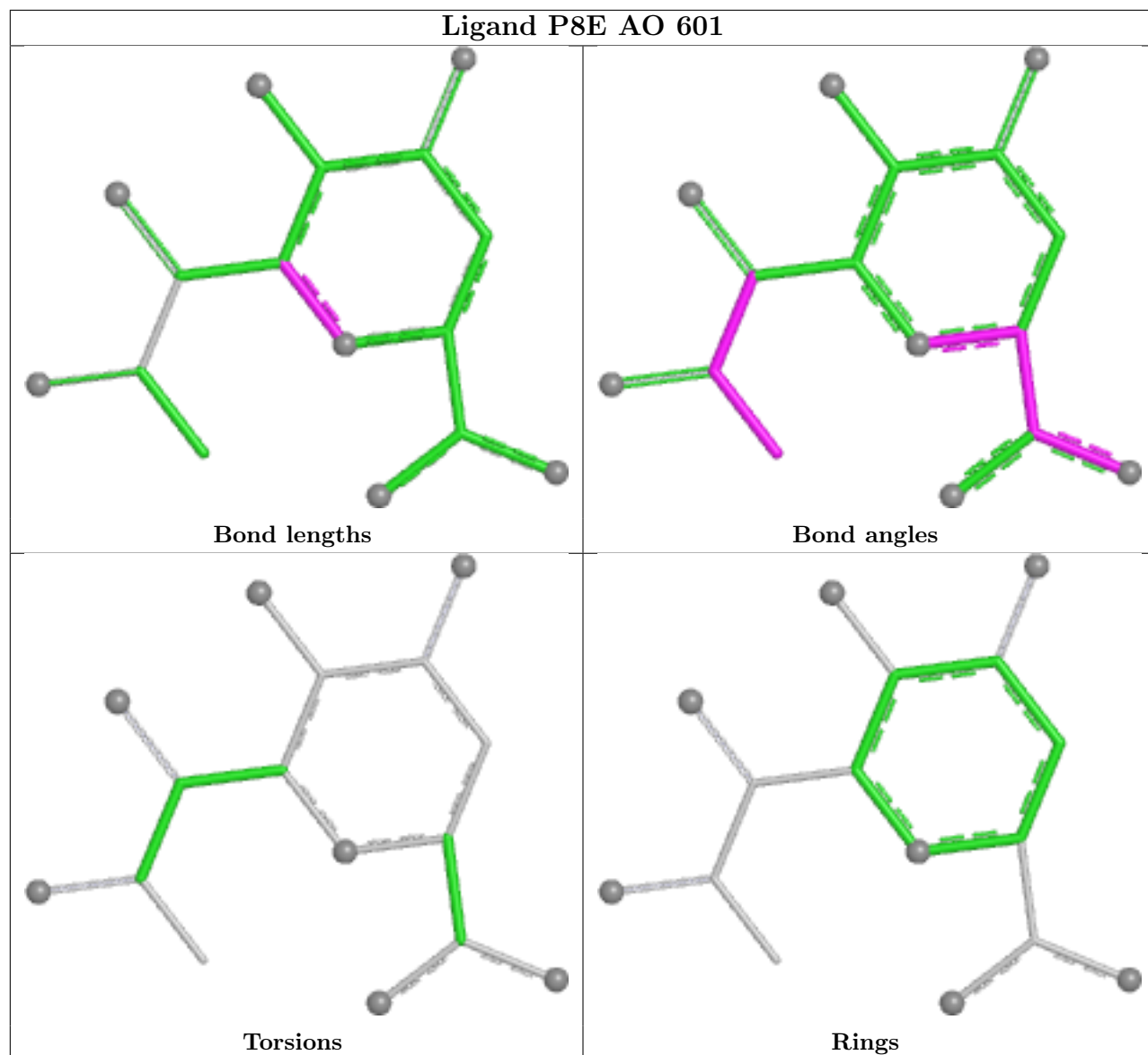


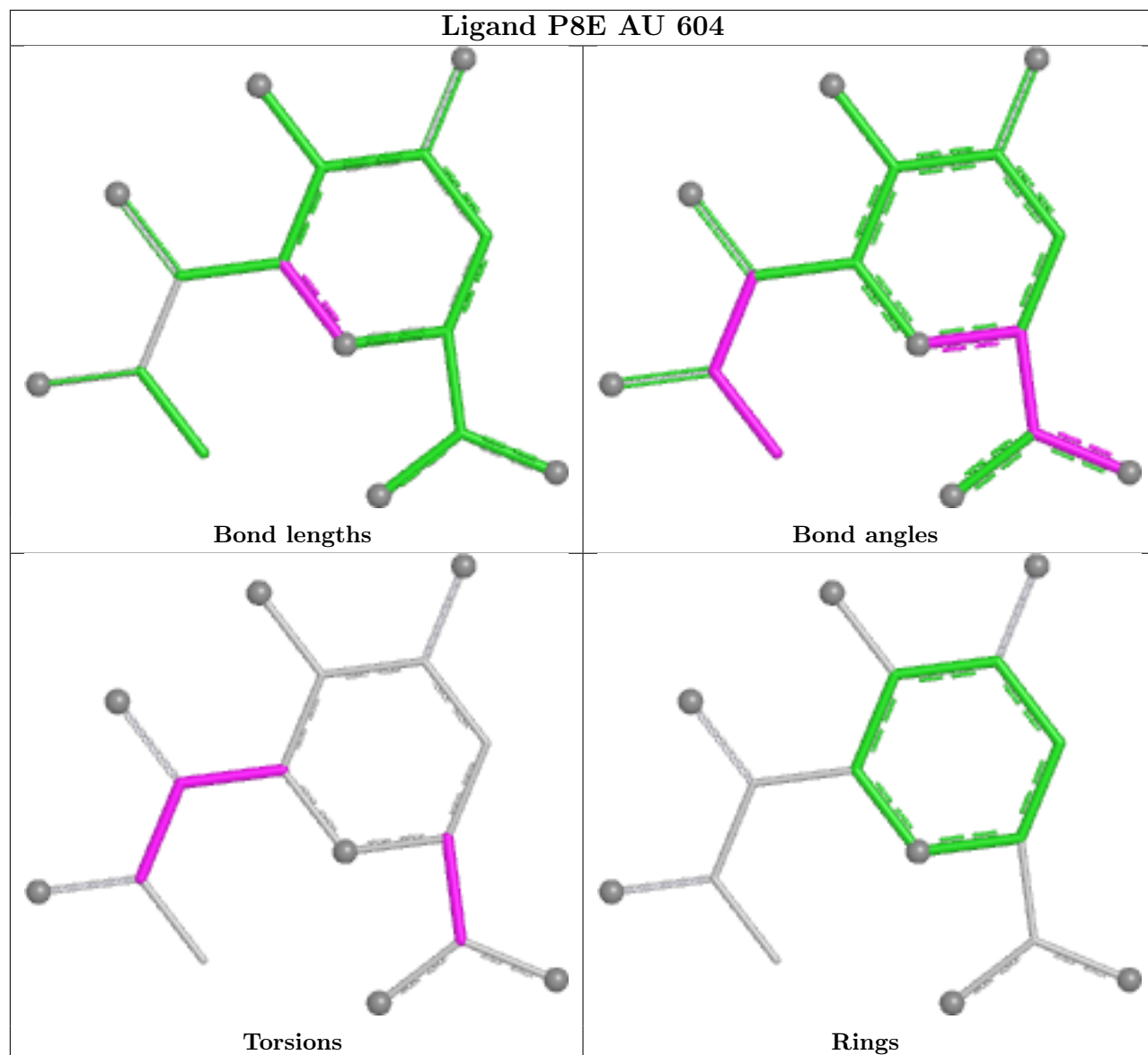


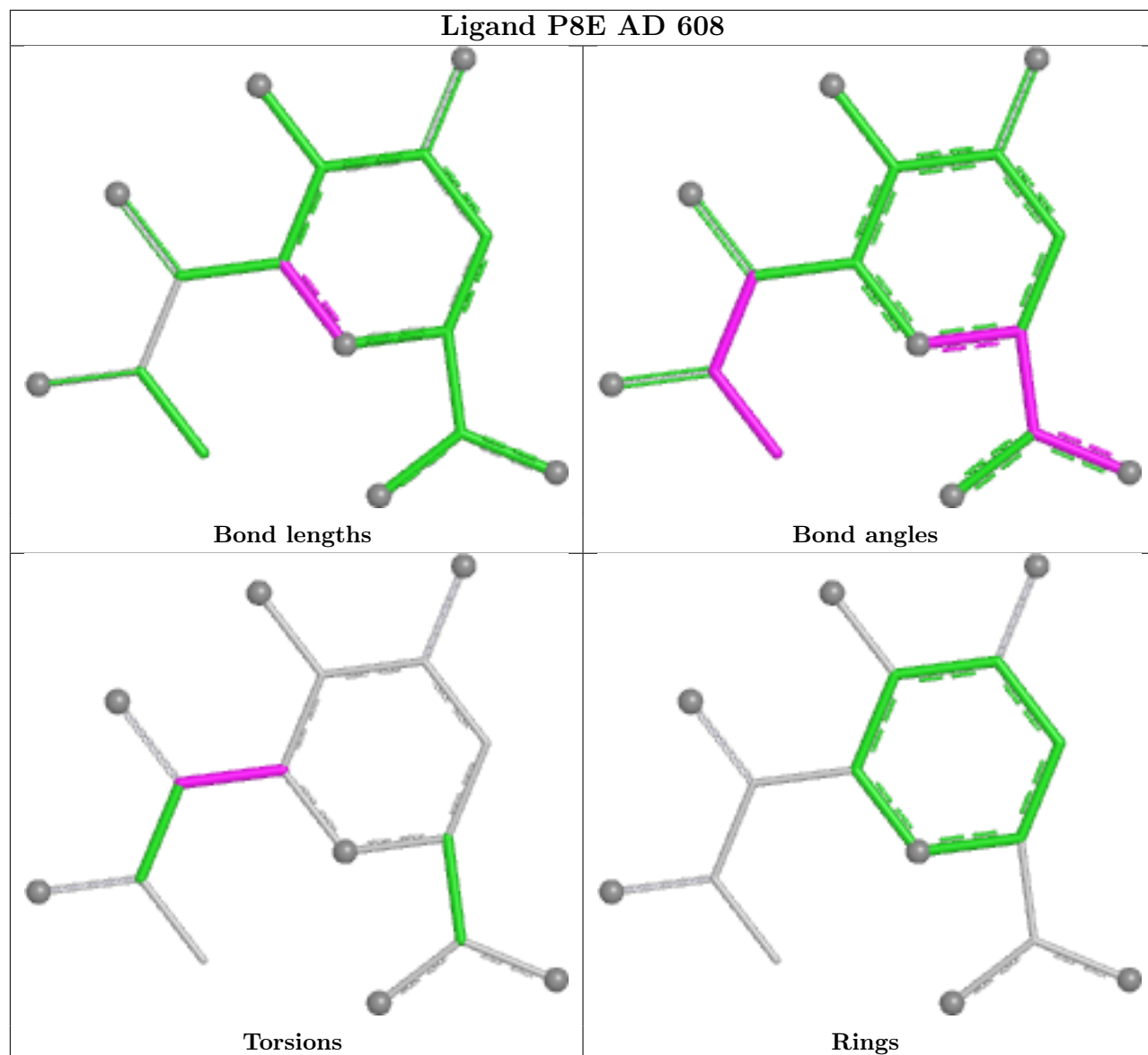


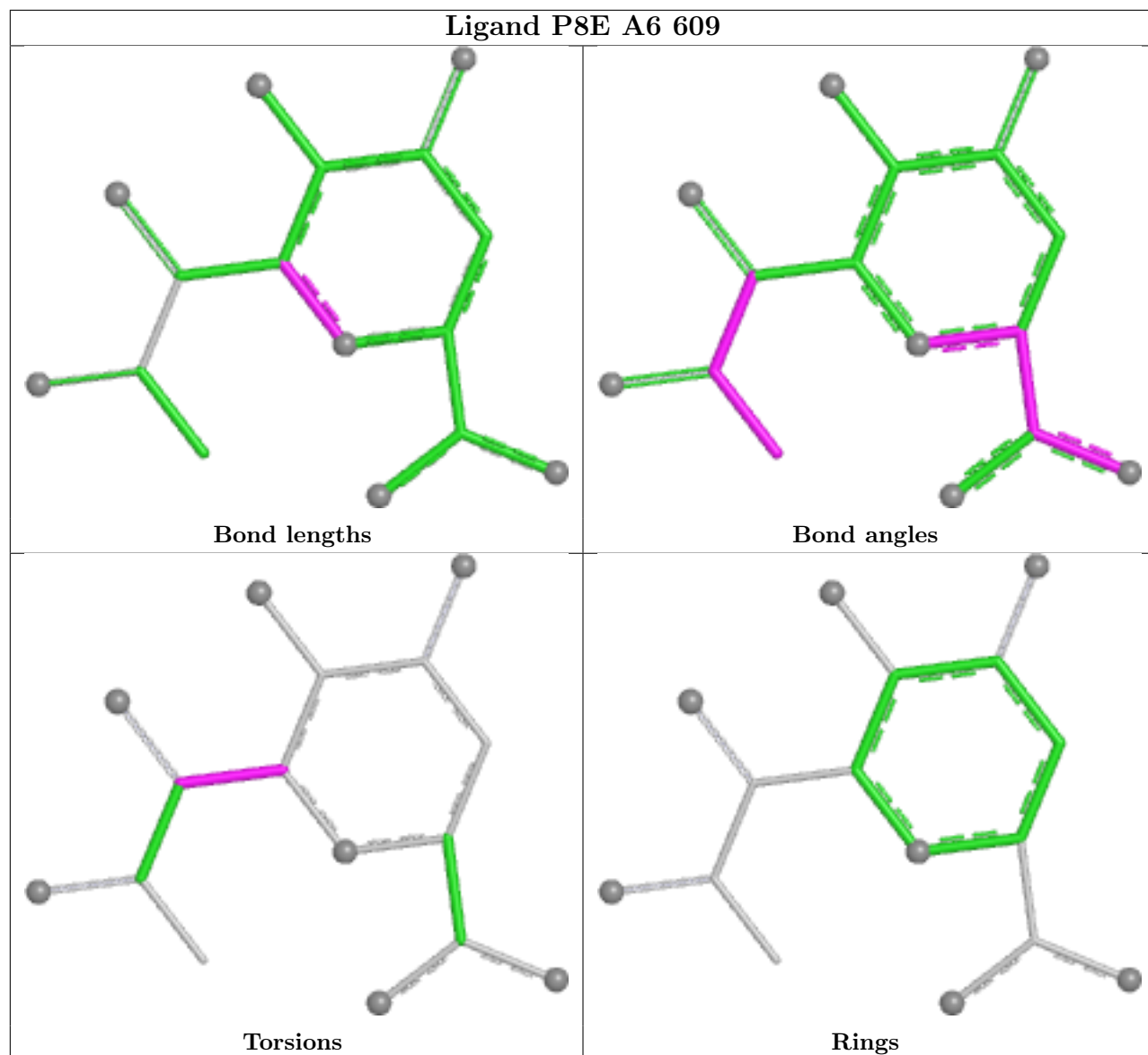




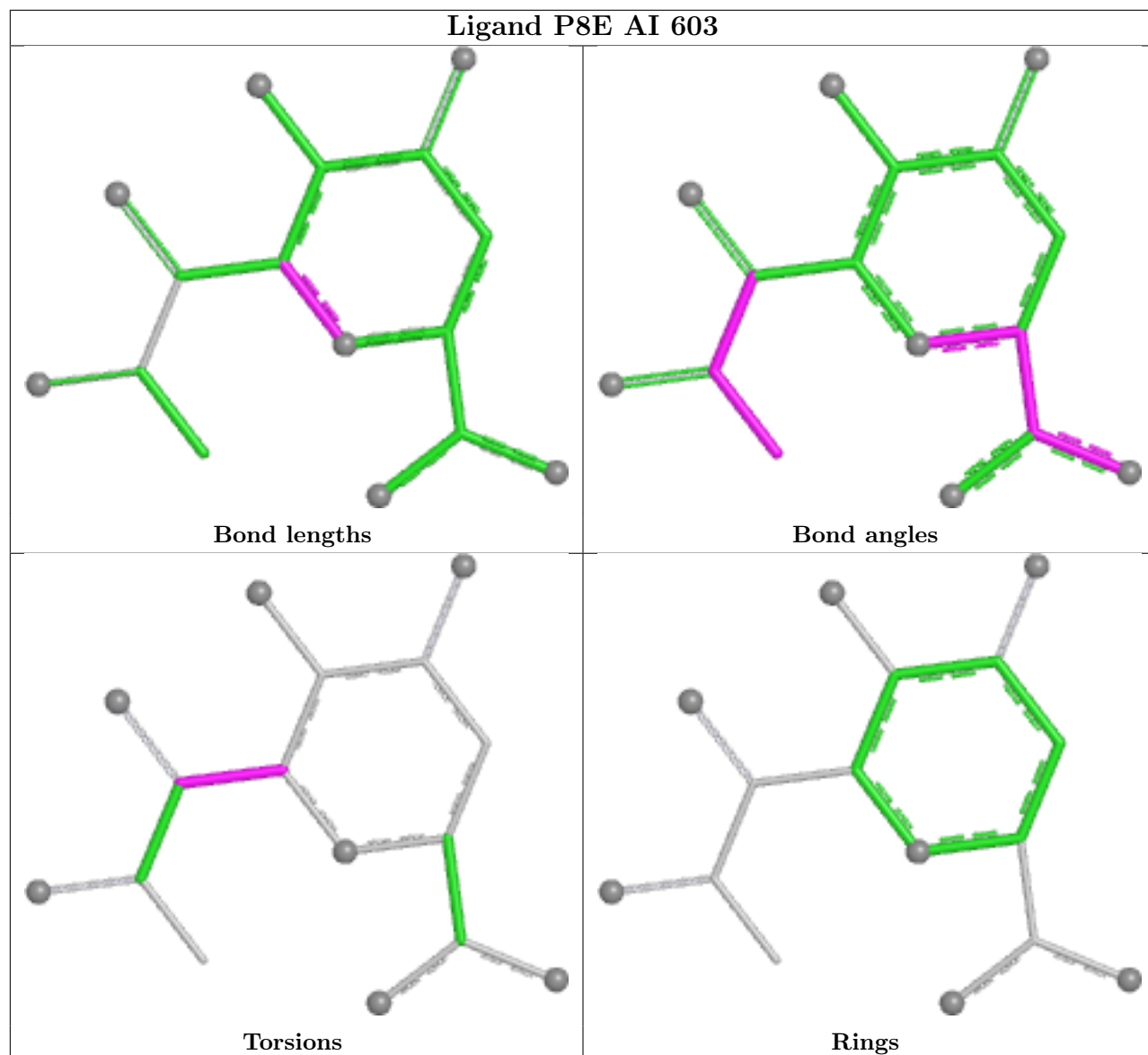


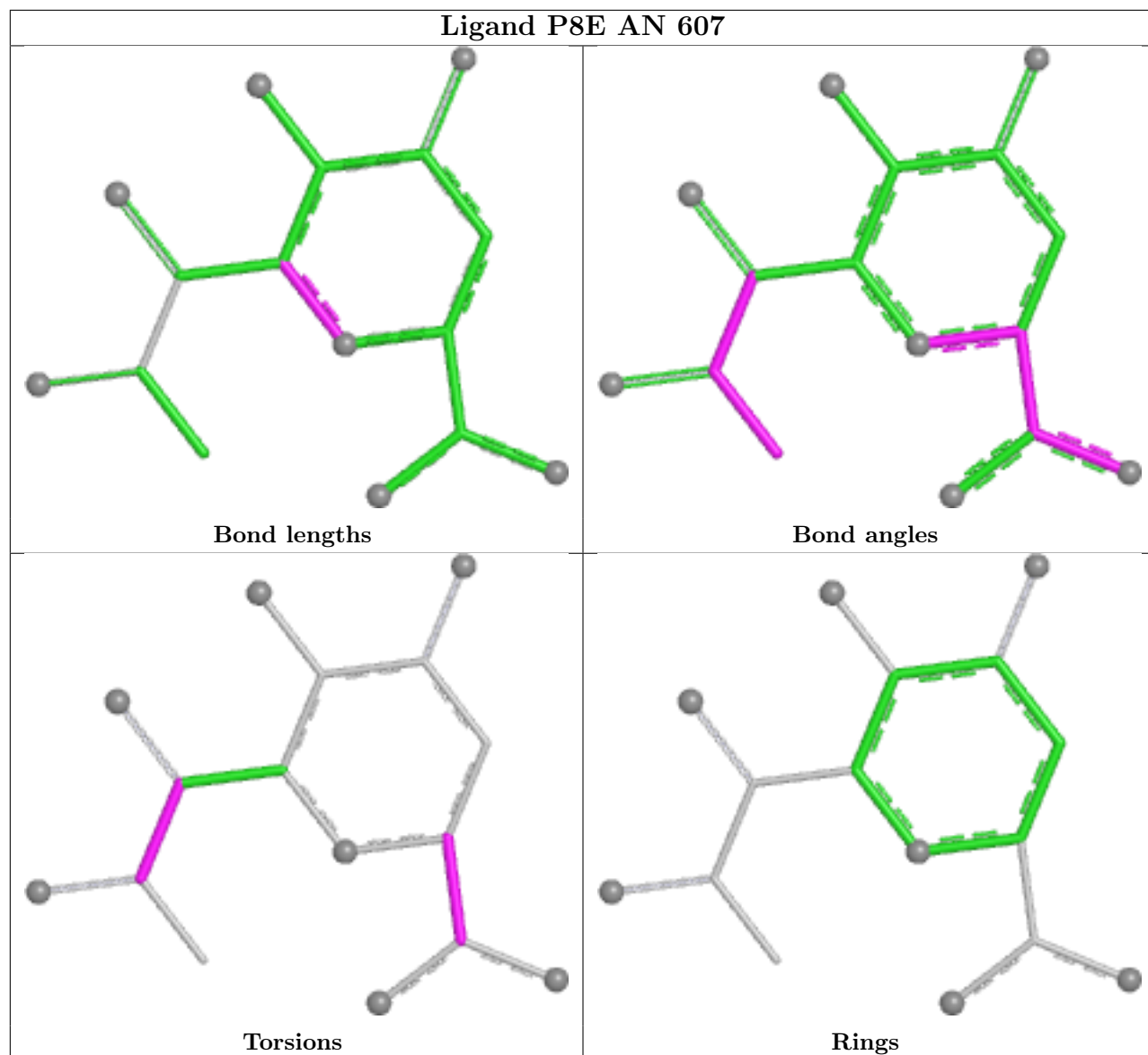


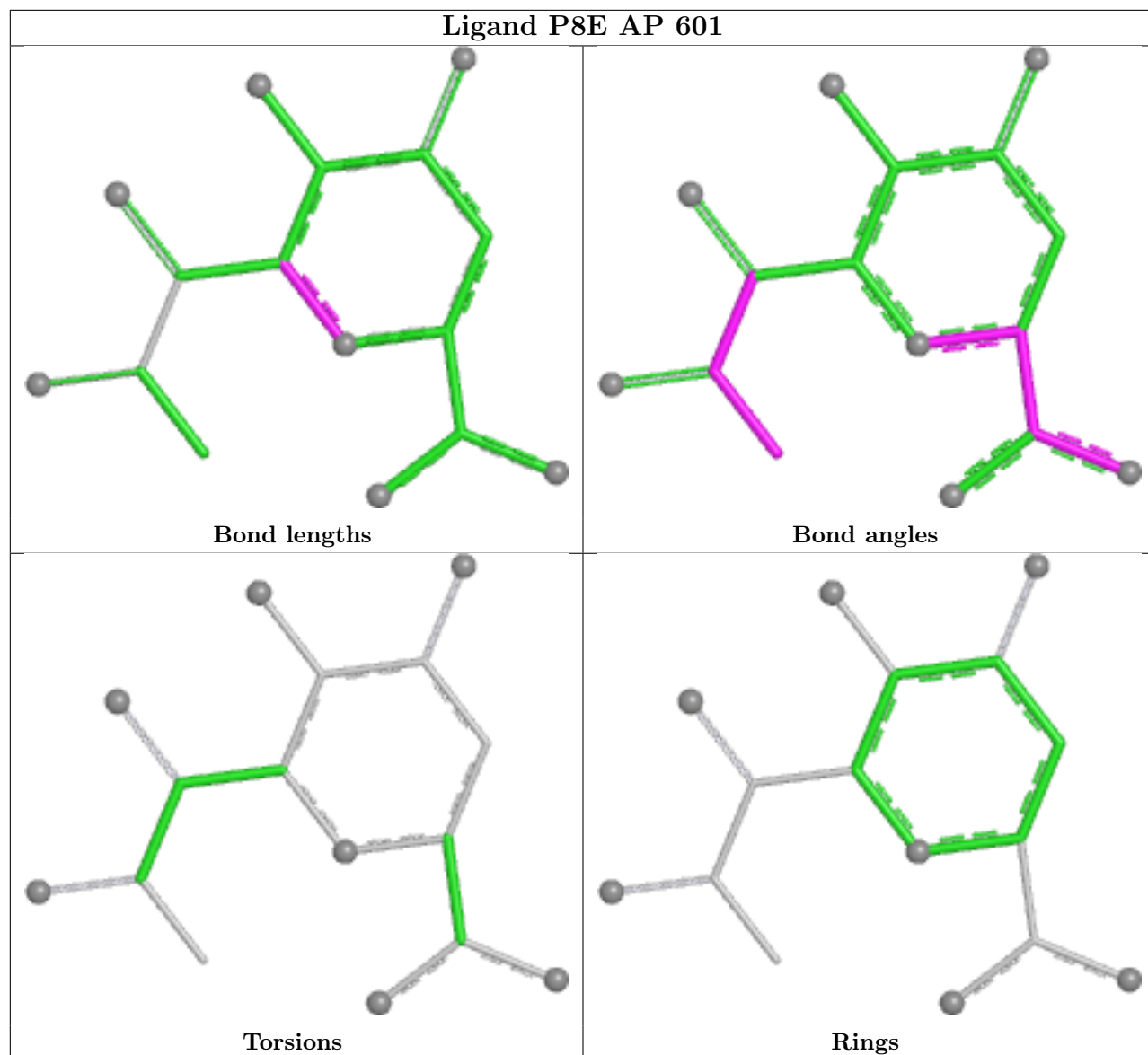




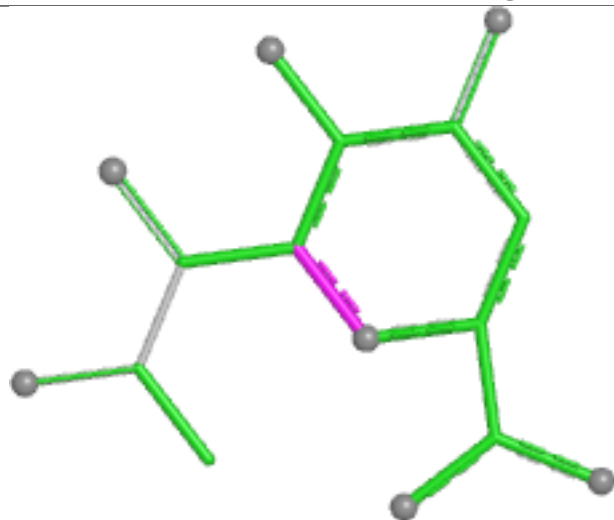




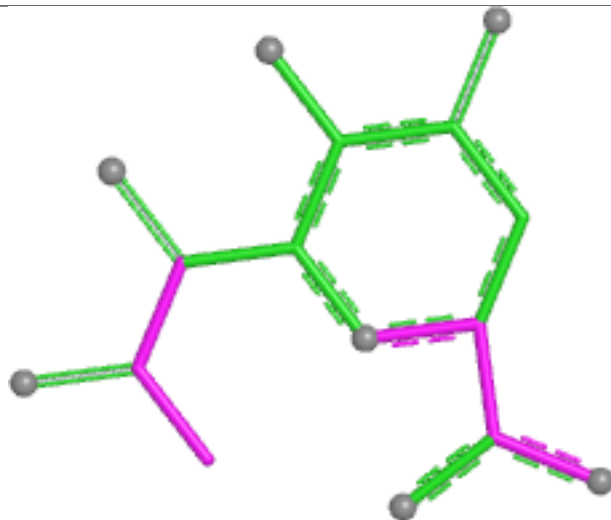




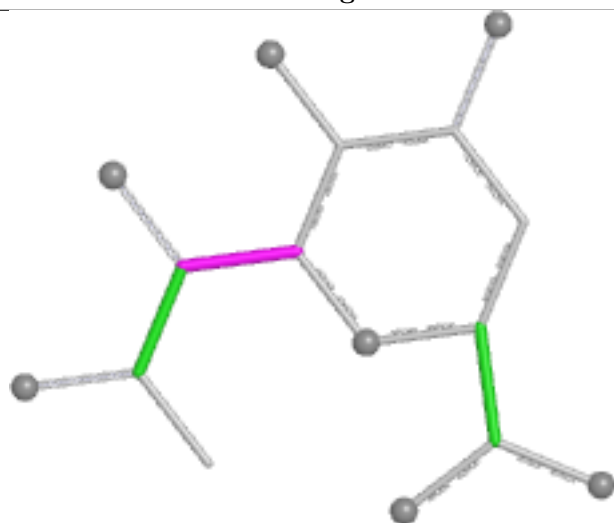
## Ligand P8E AW 603



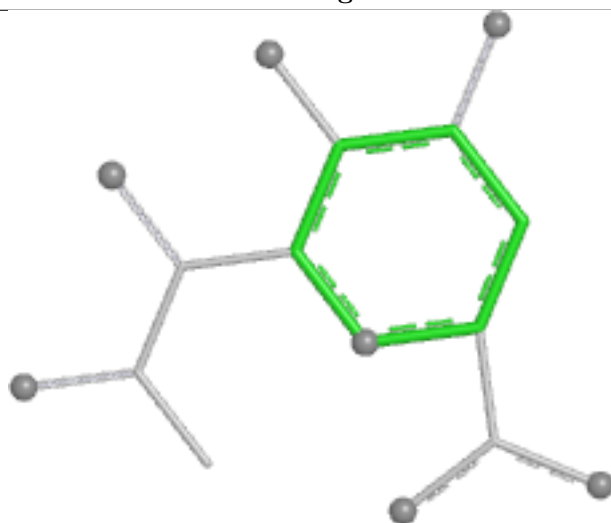
Bond lengths



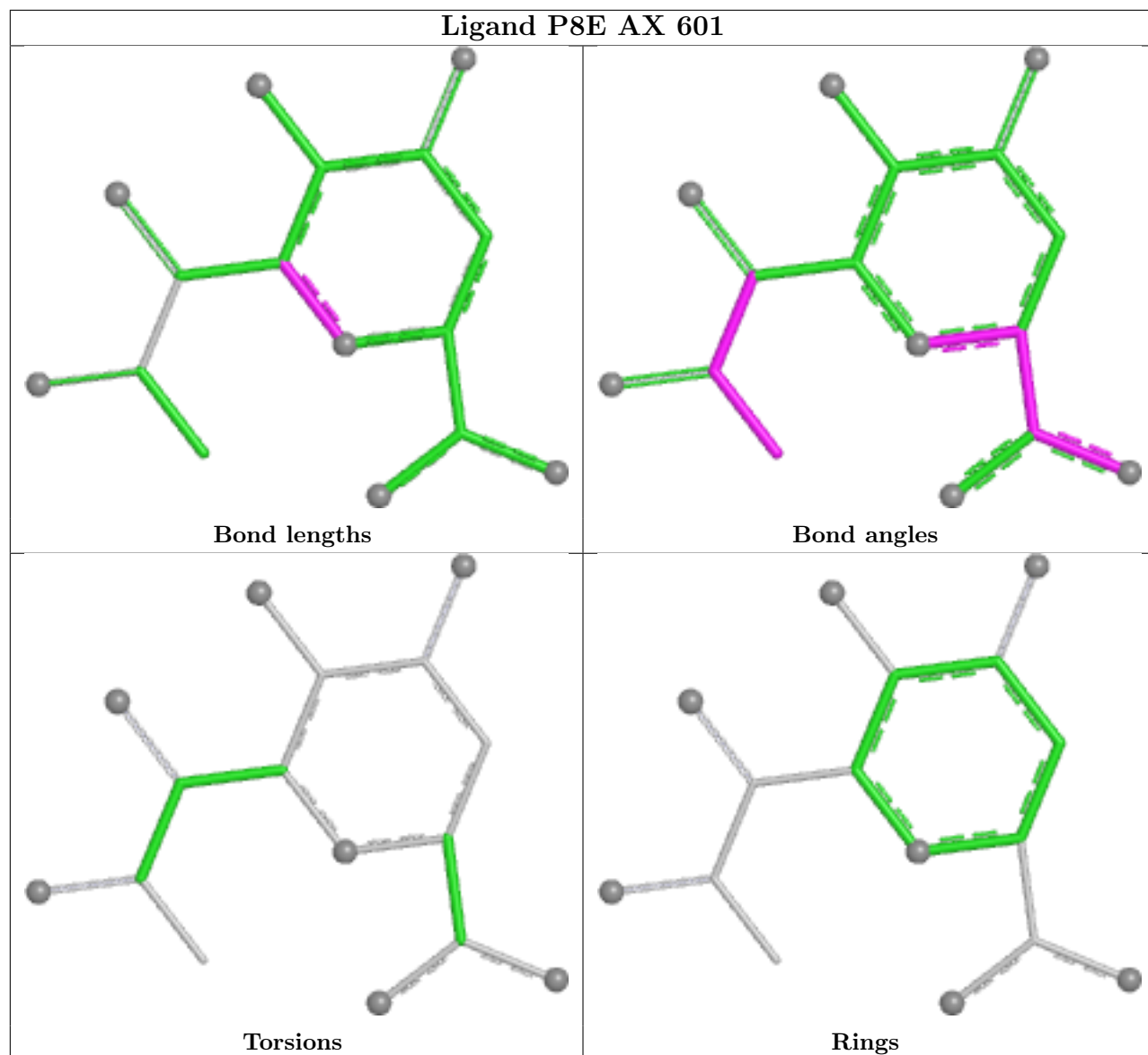
Bond angles

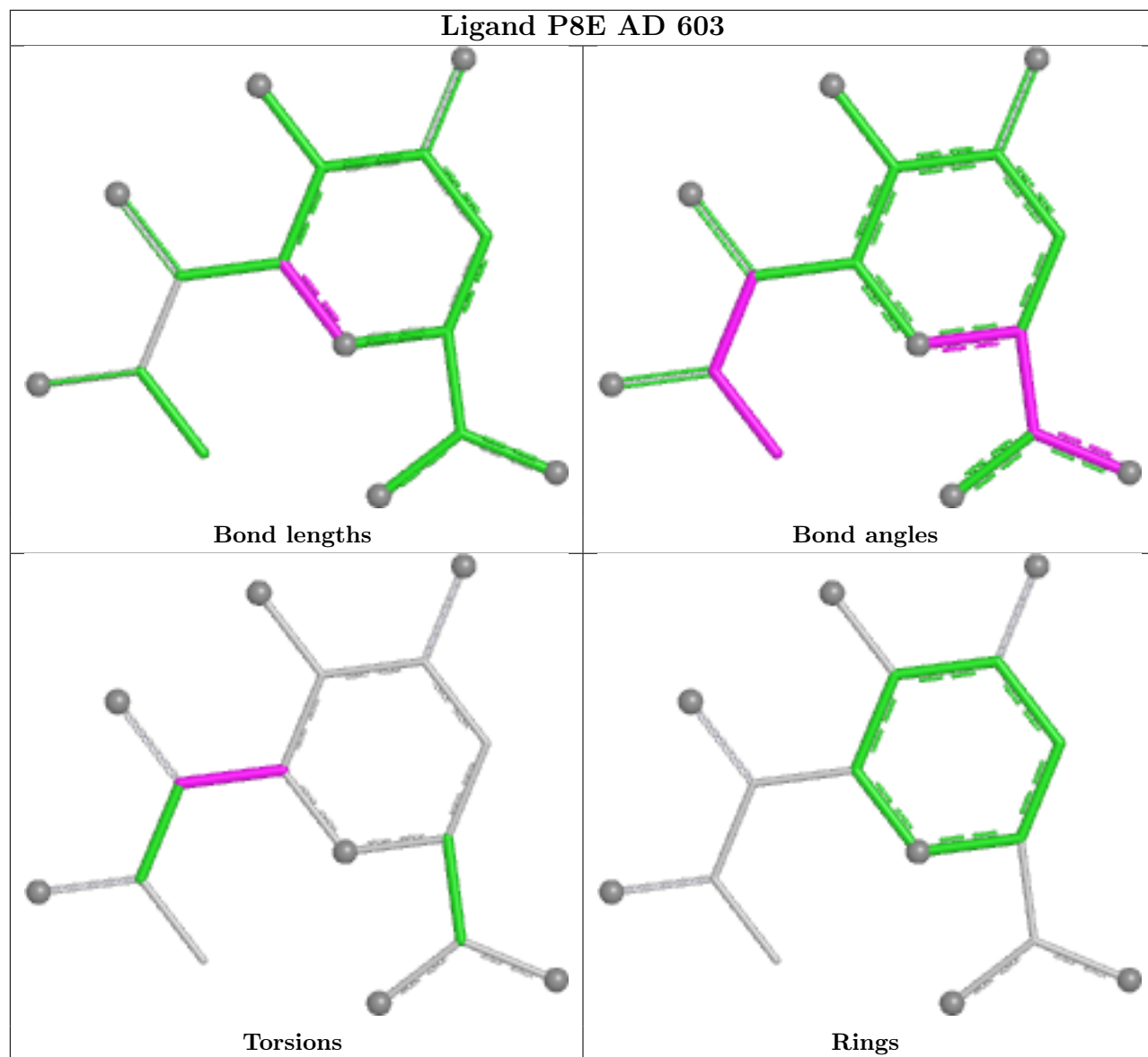


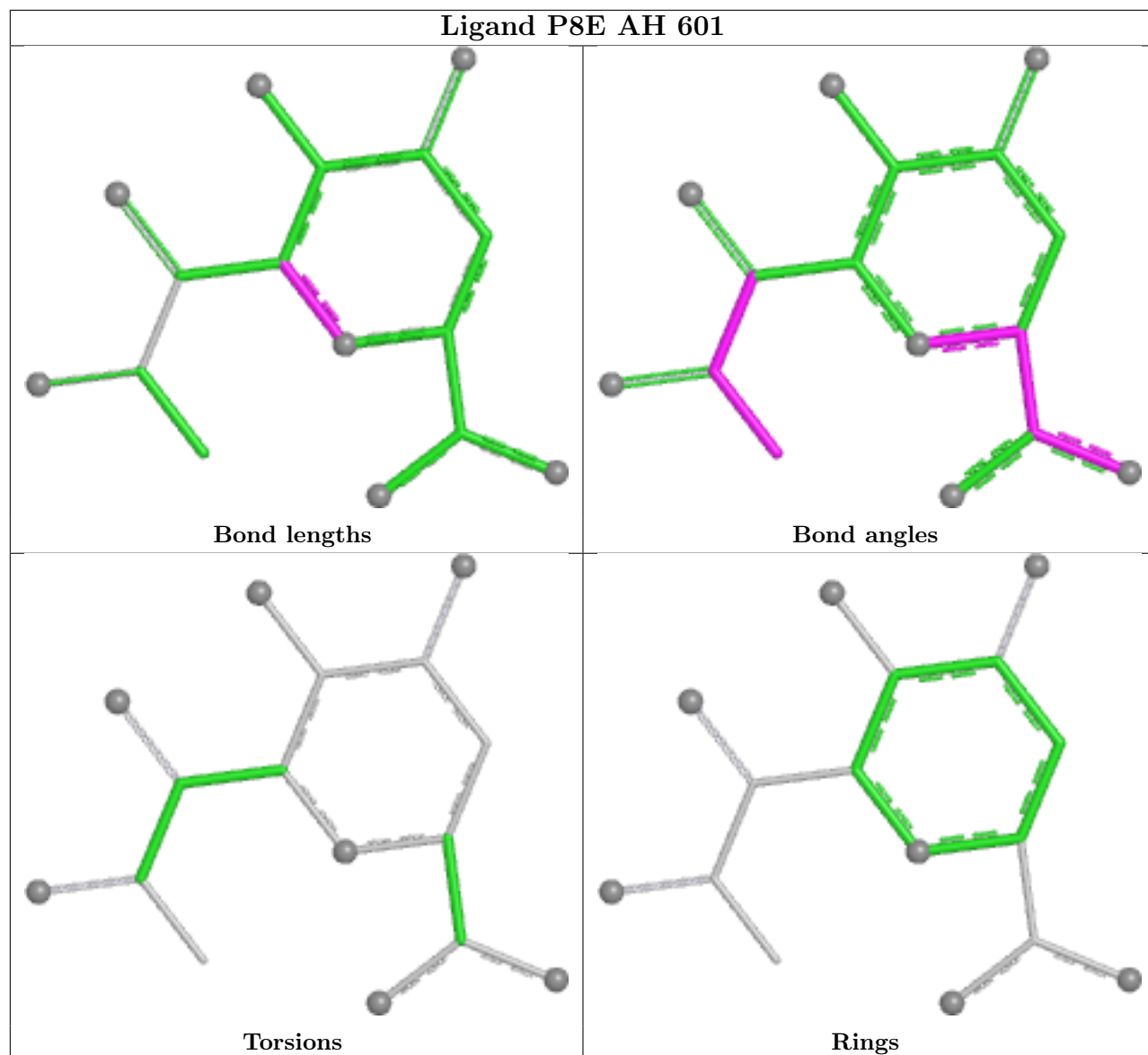
Torsions

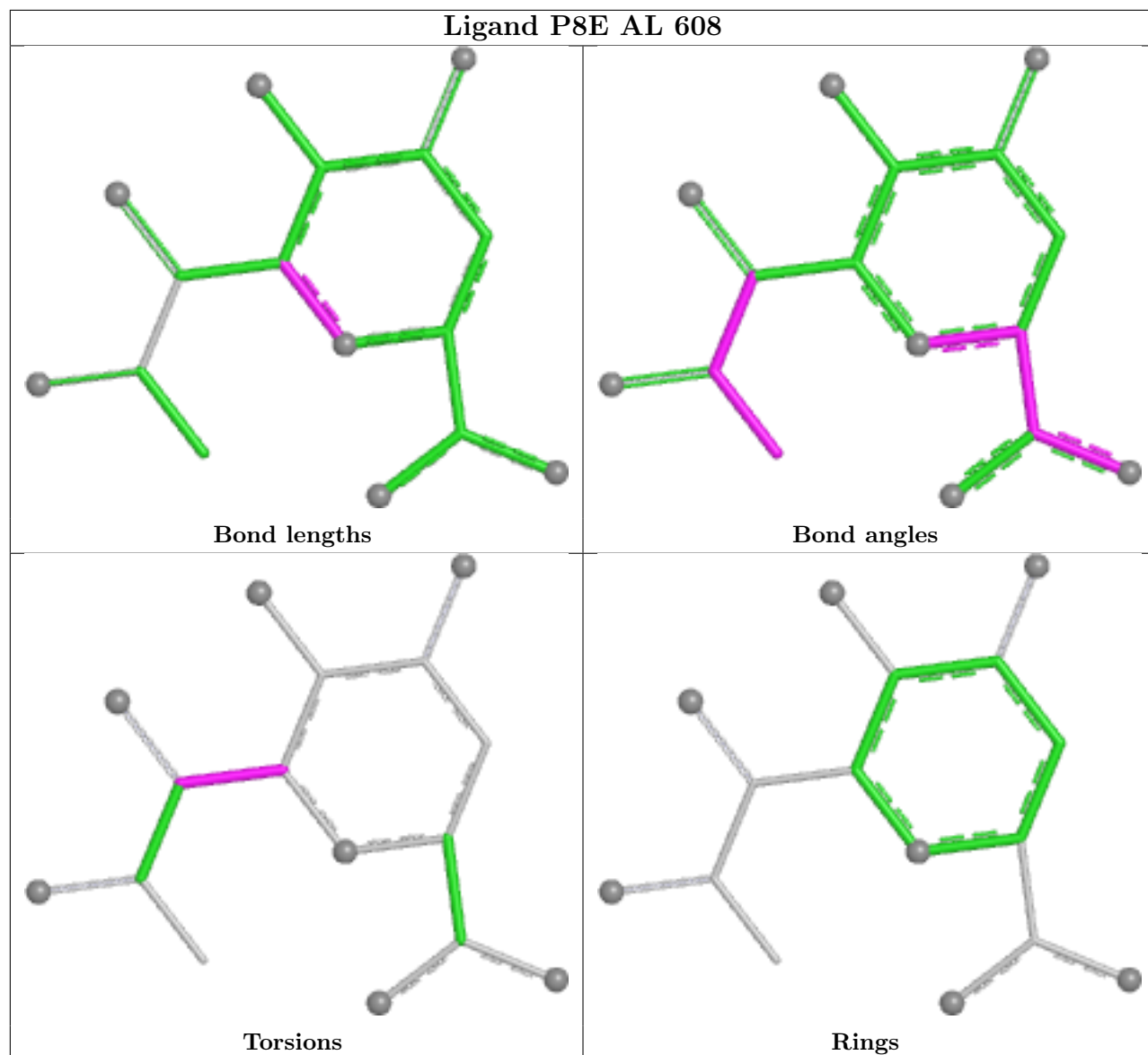


Rings

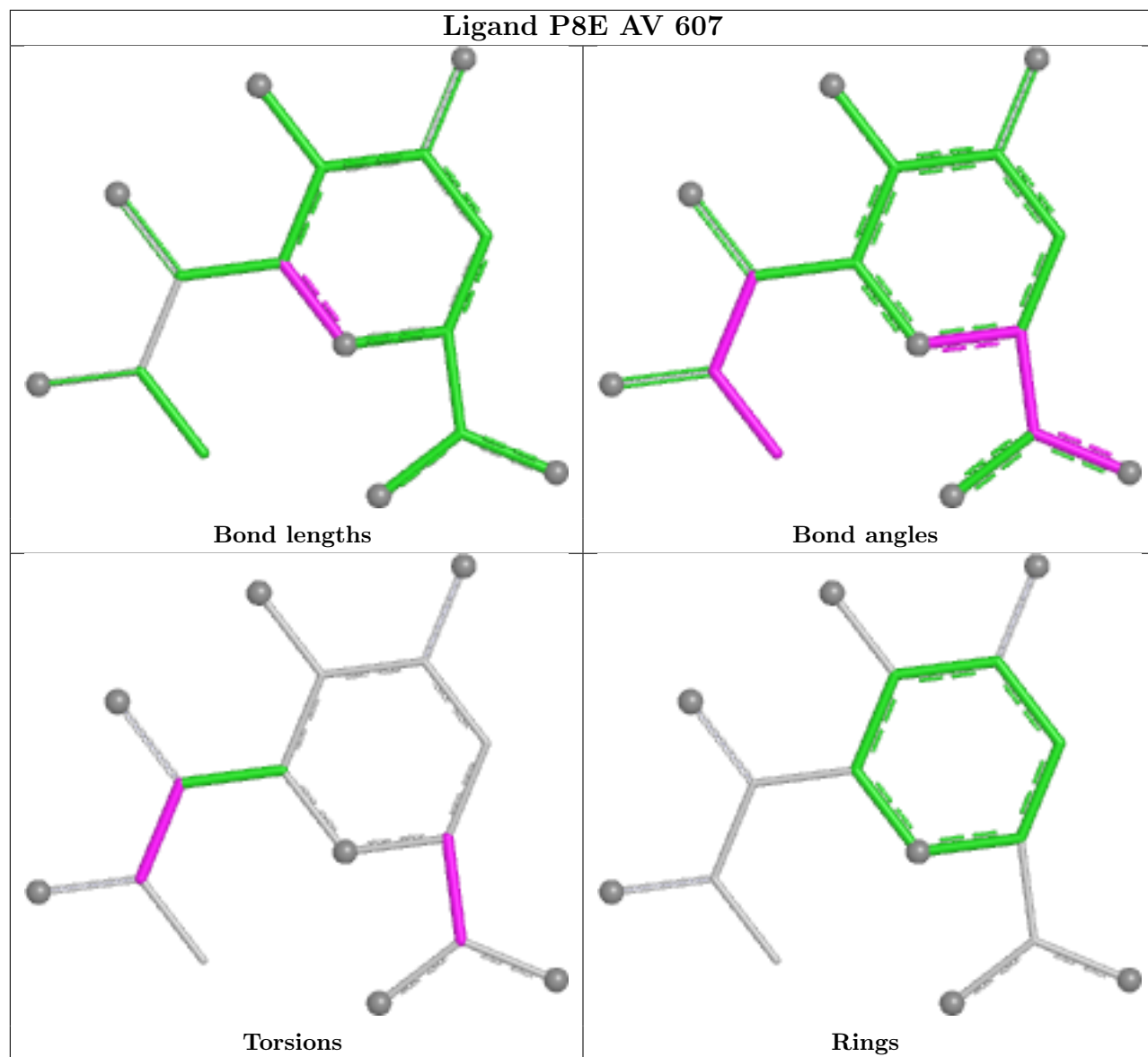


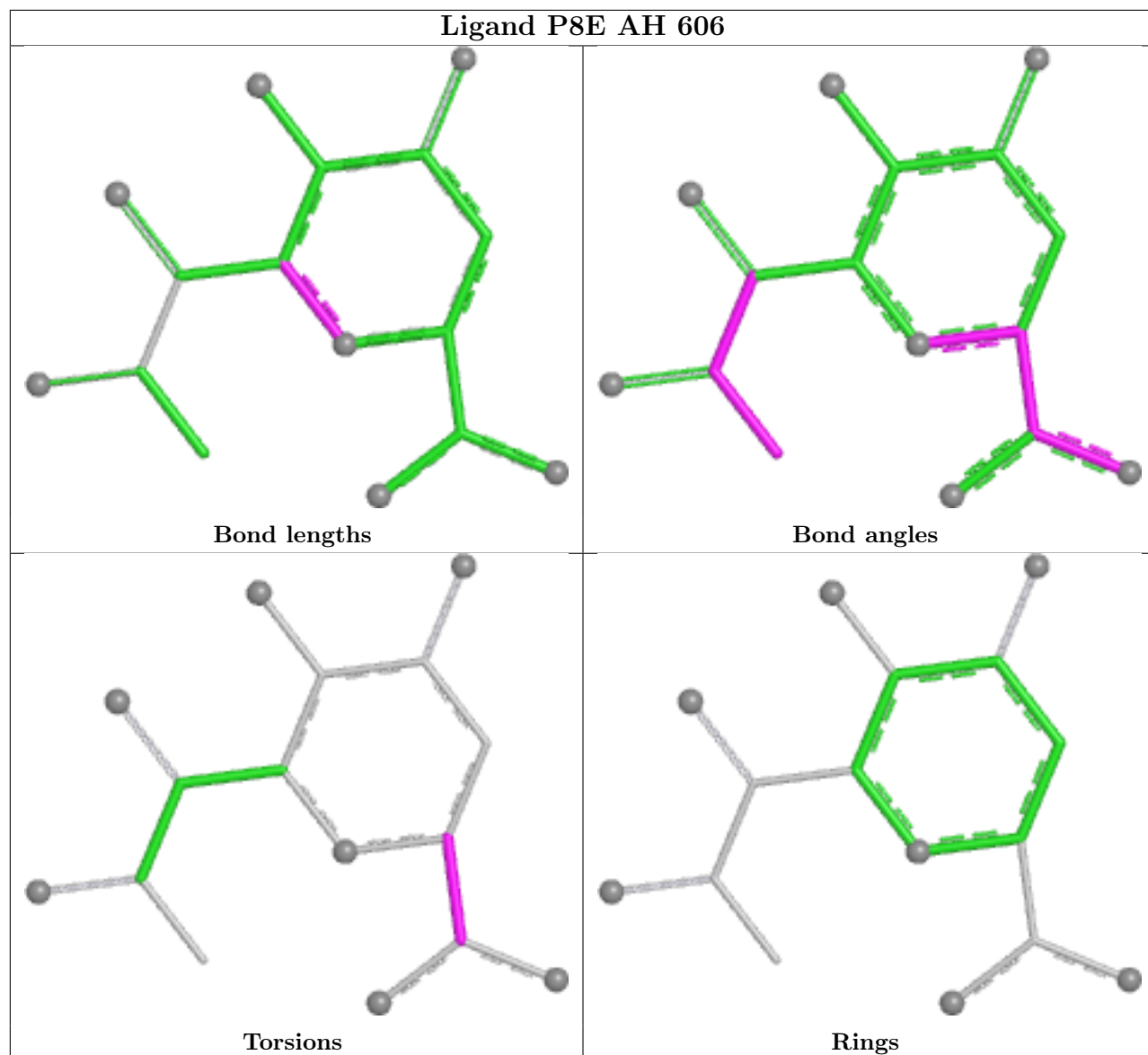


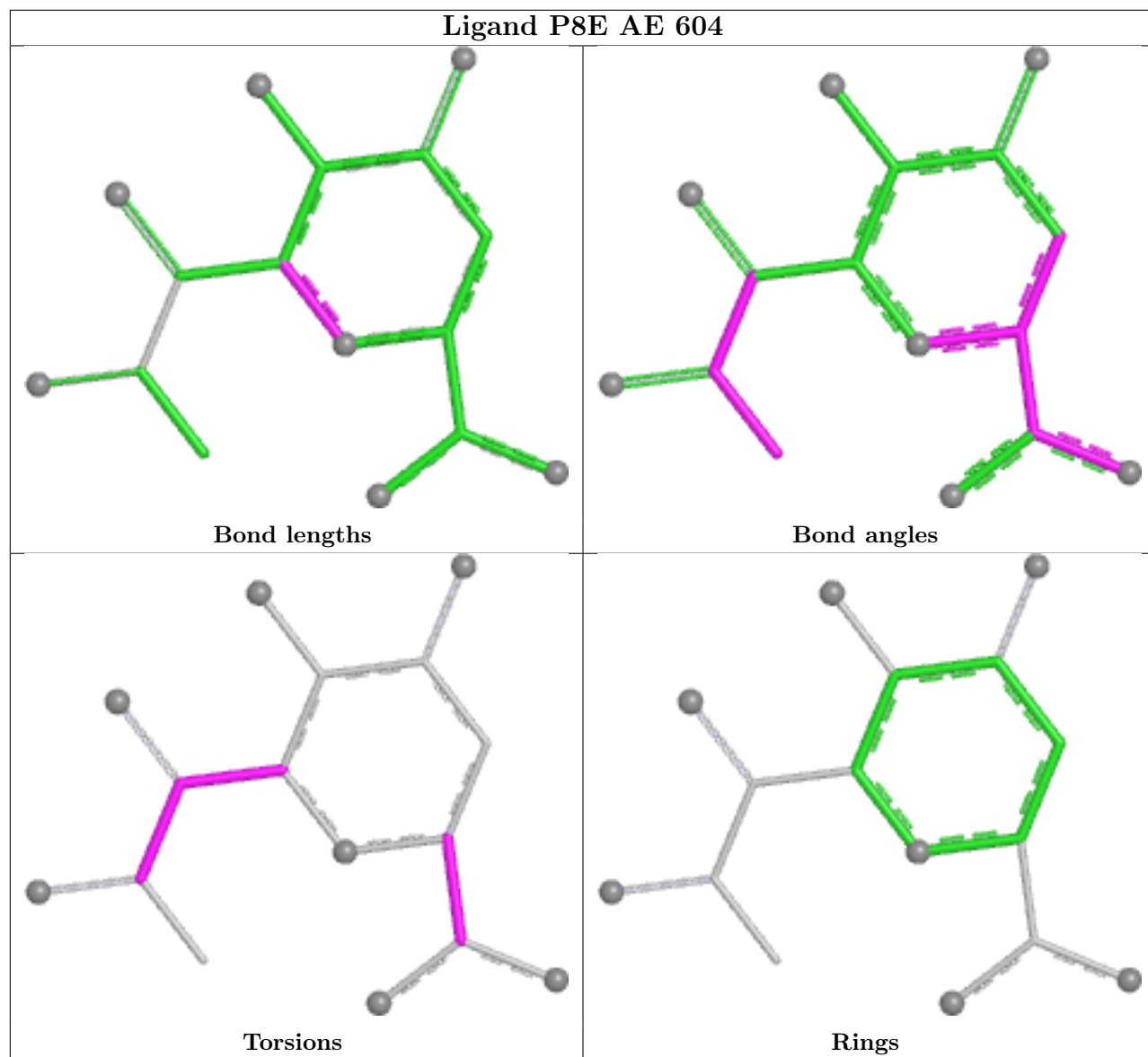


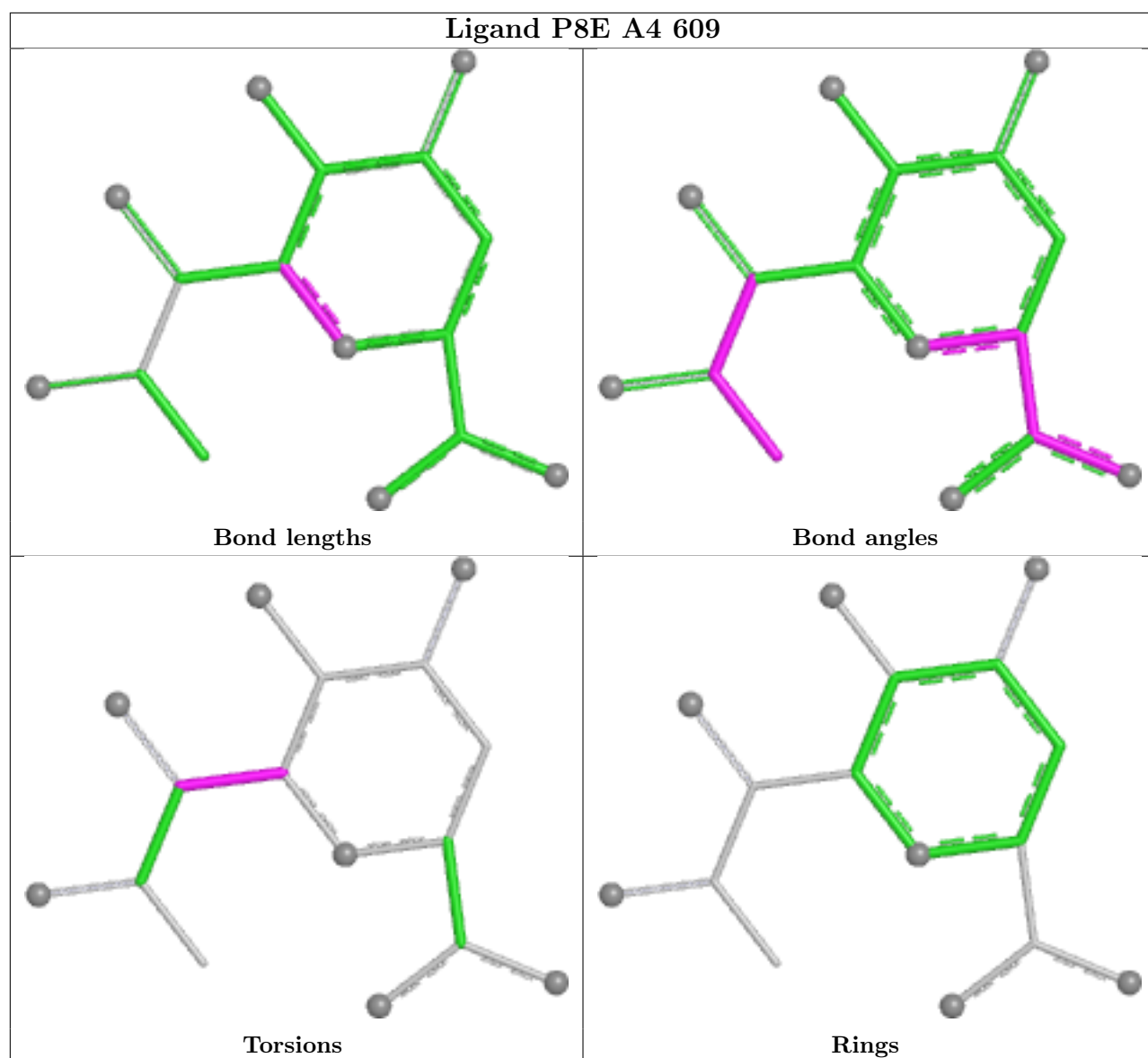


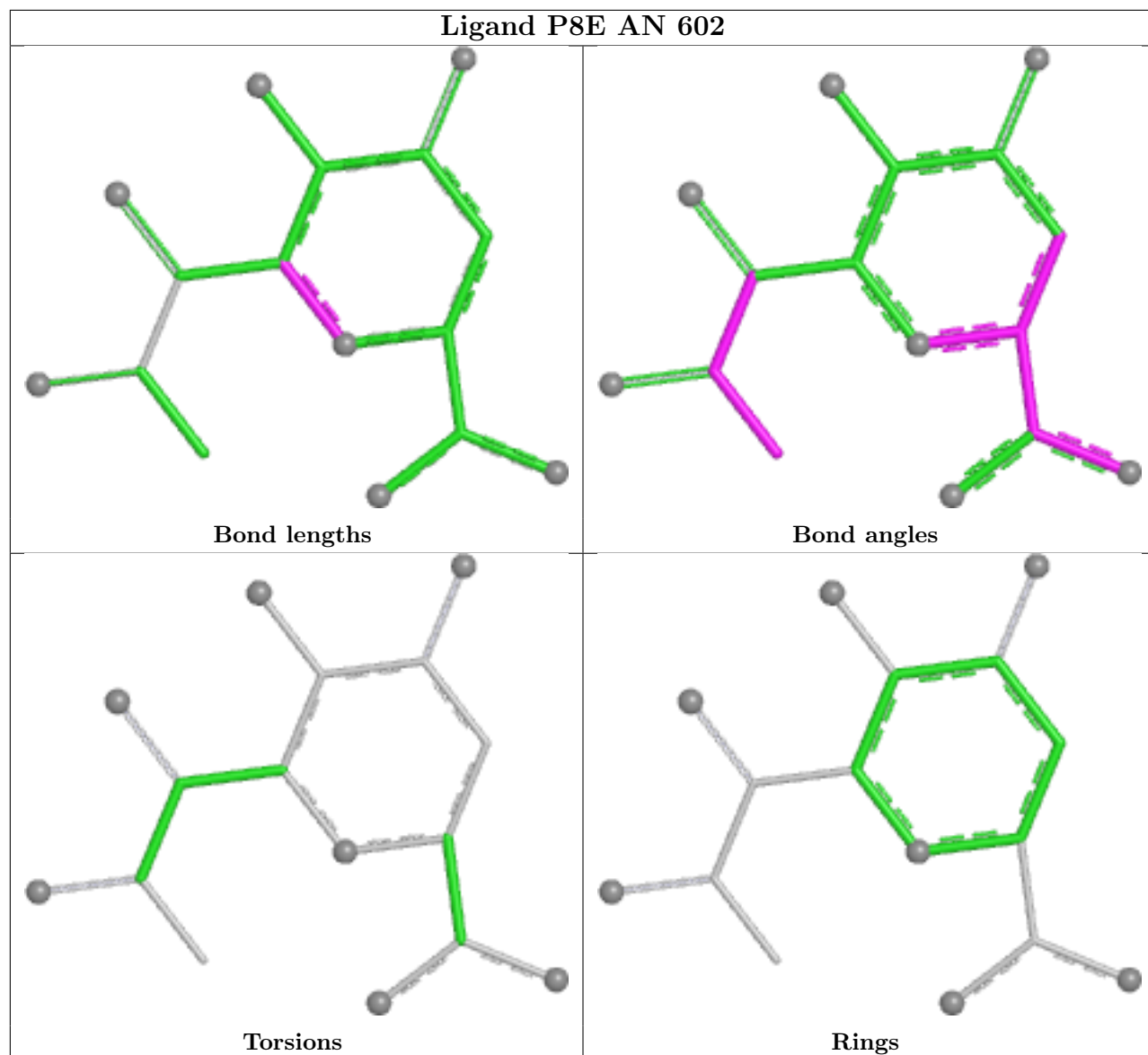


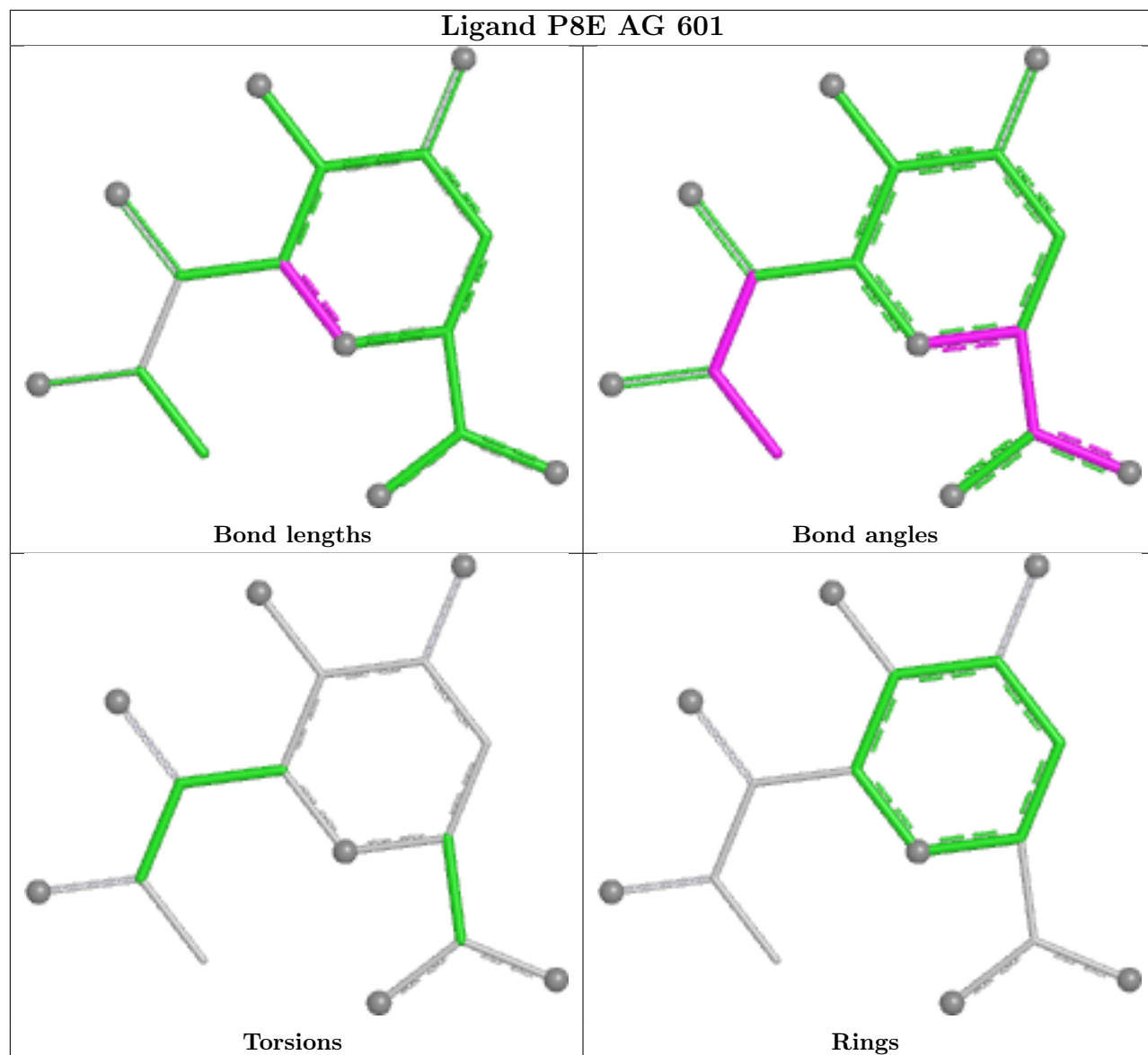


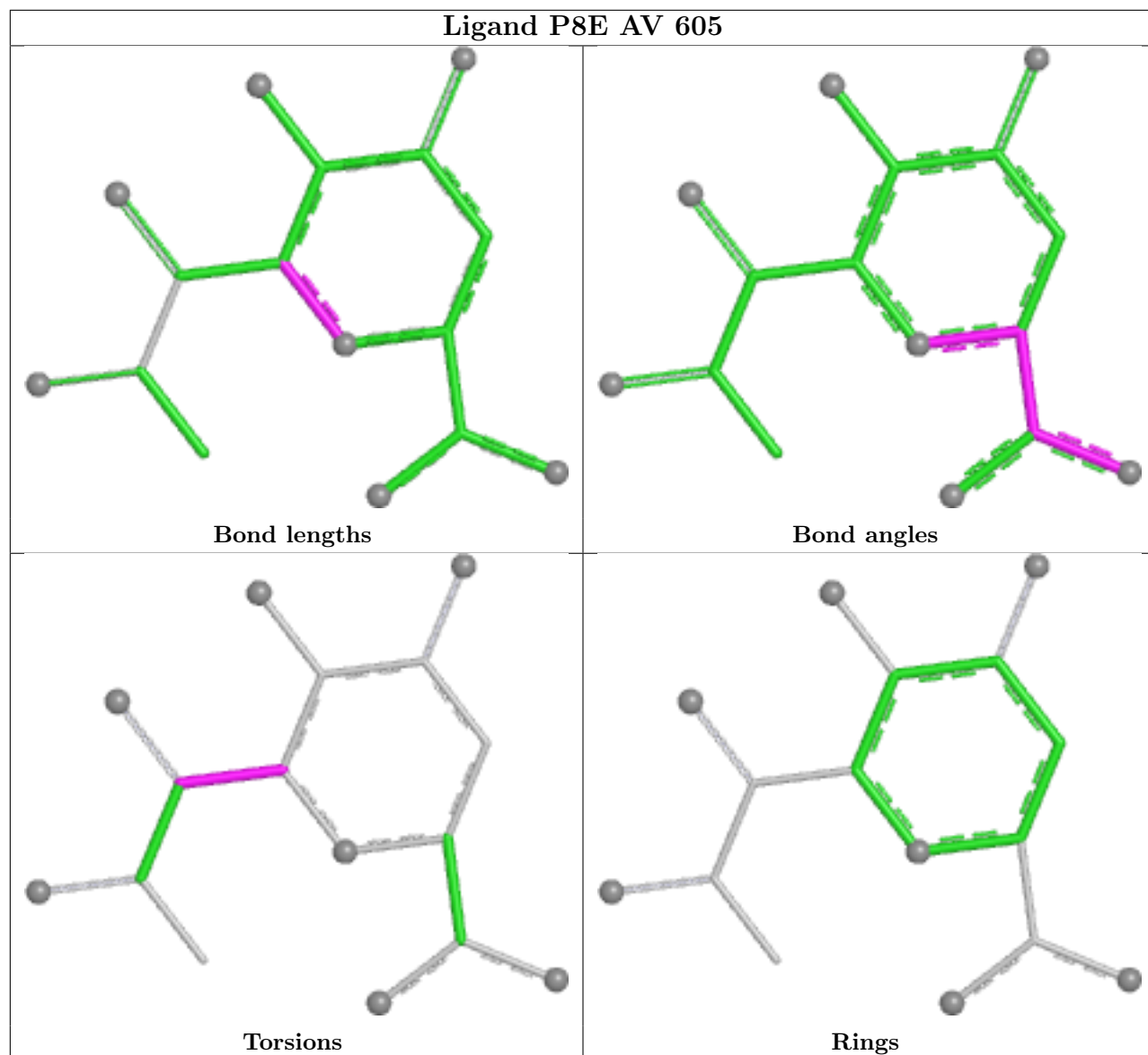


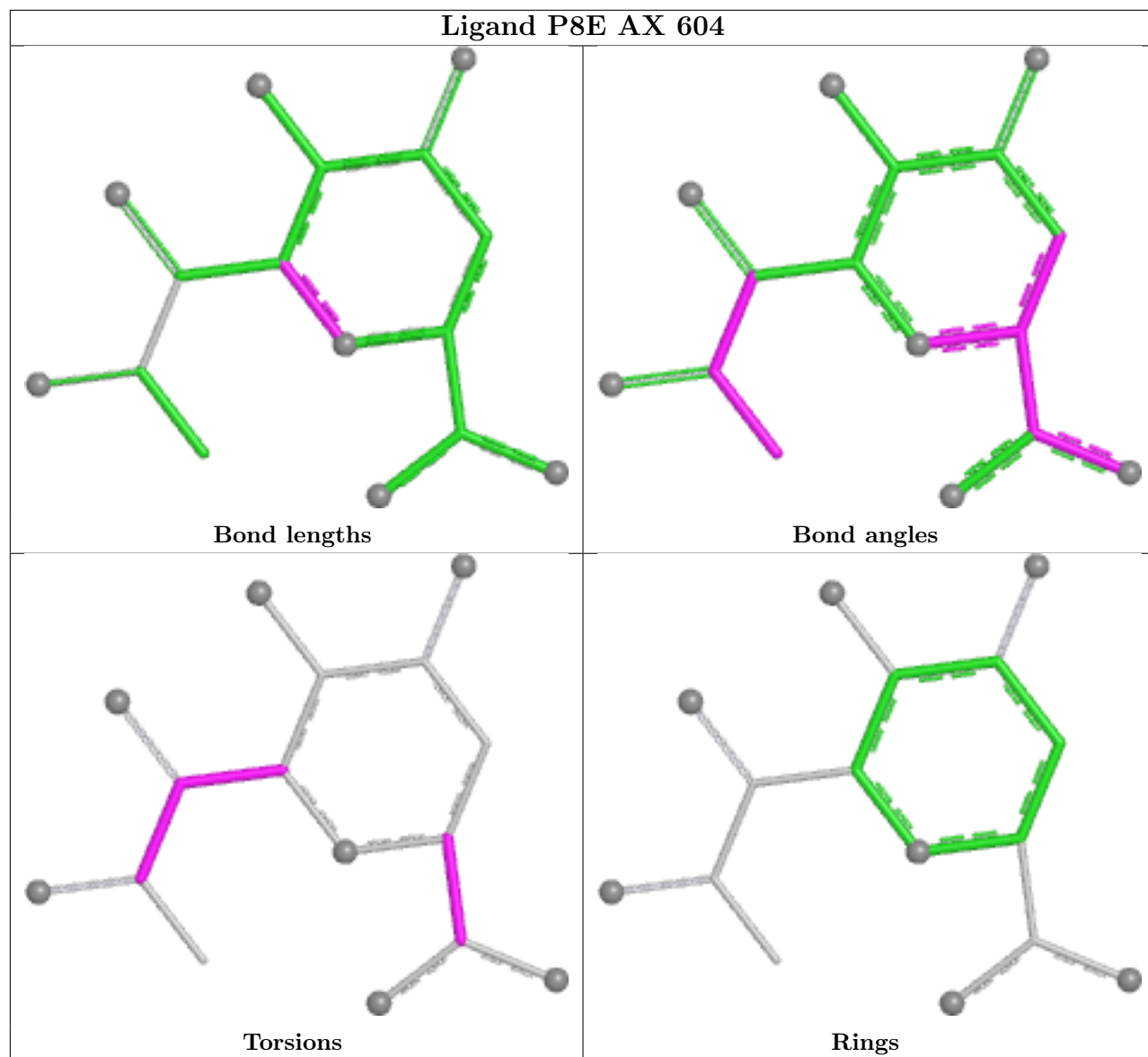




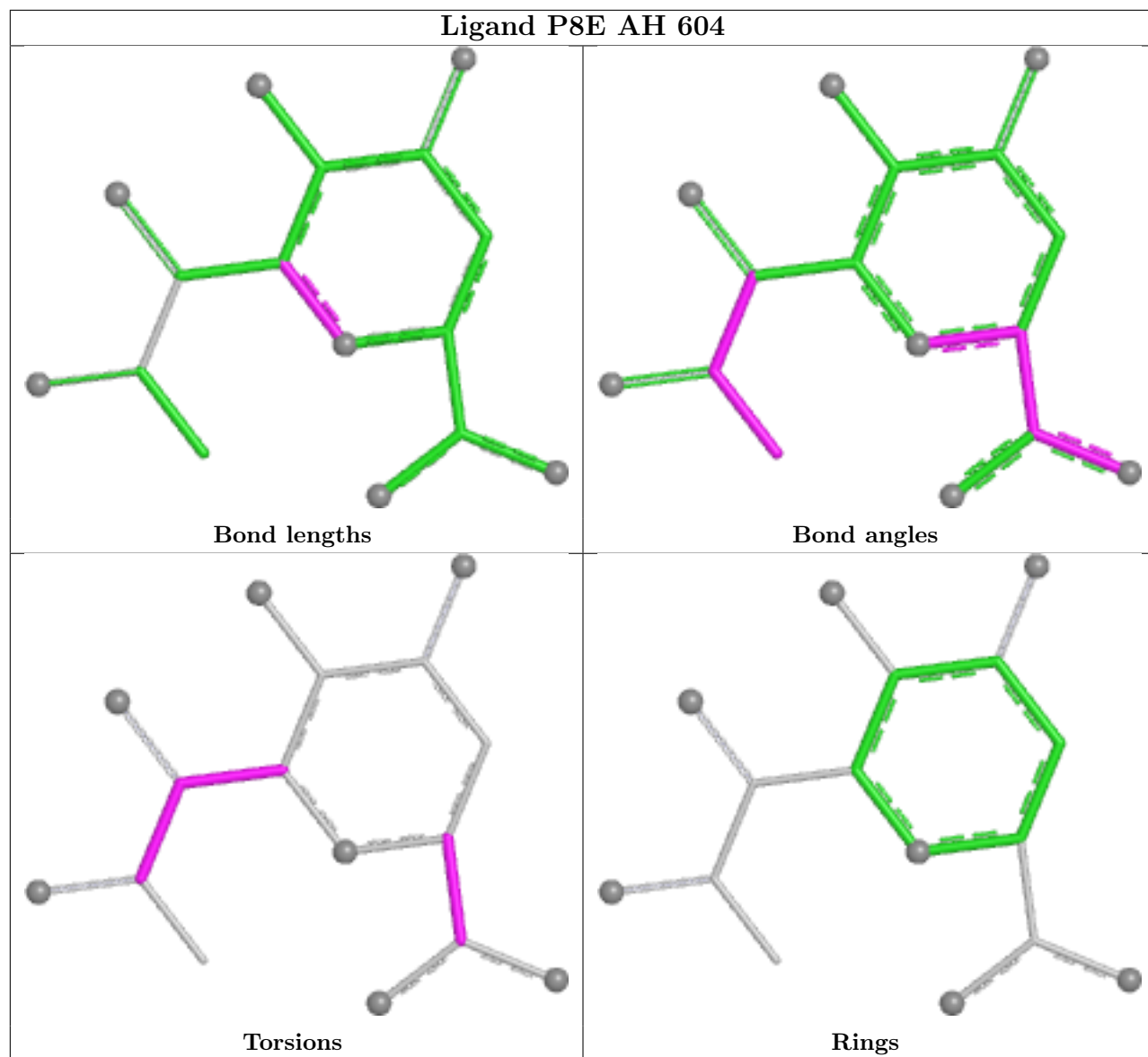


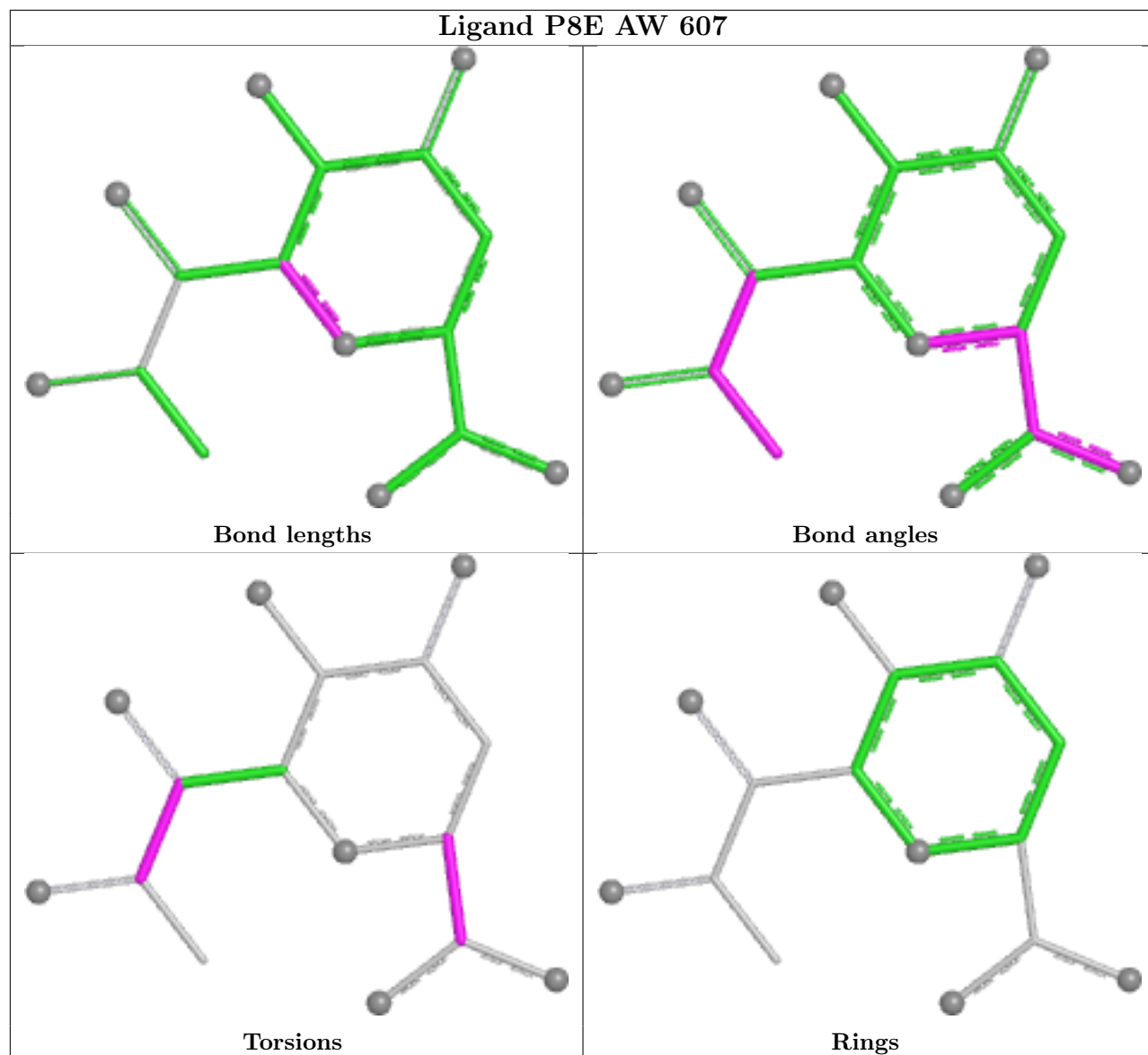


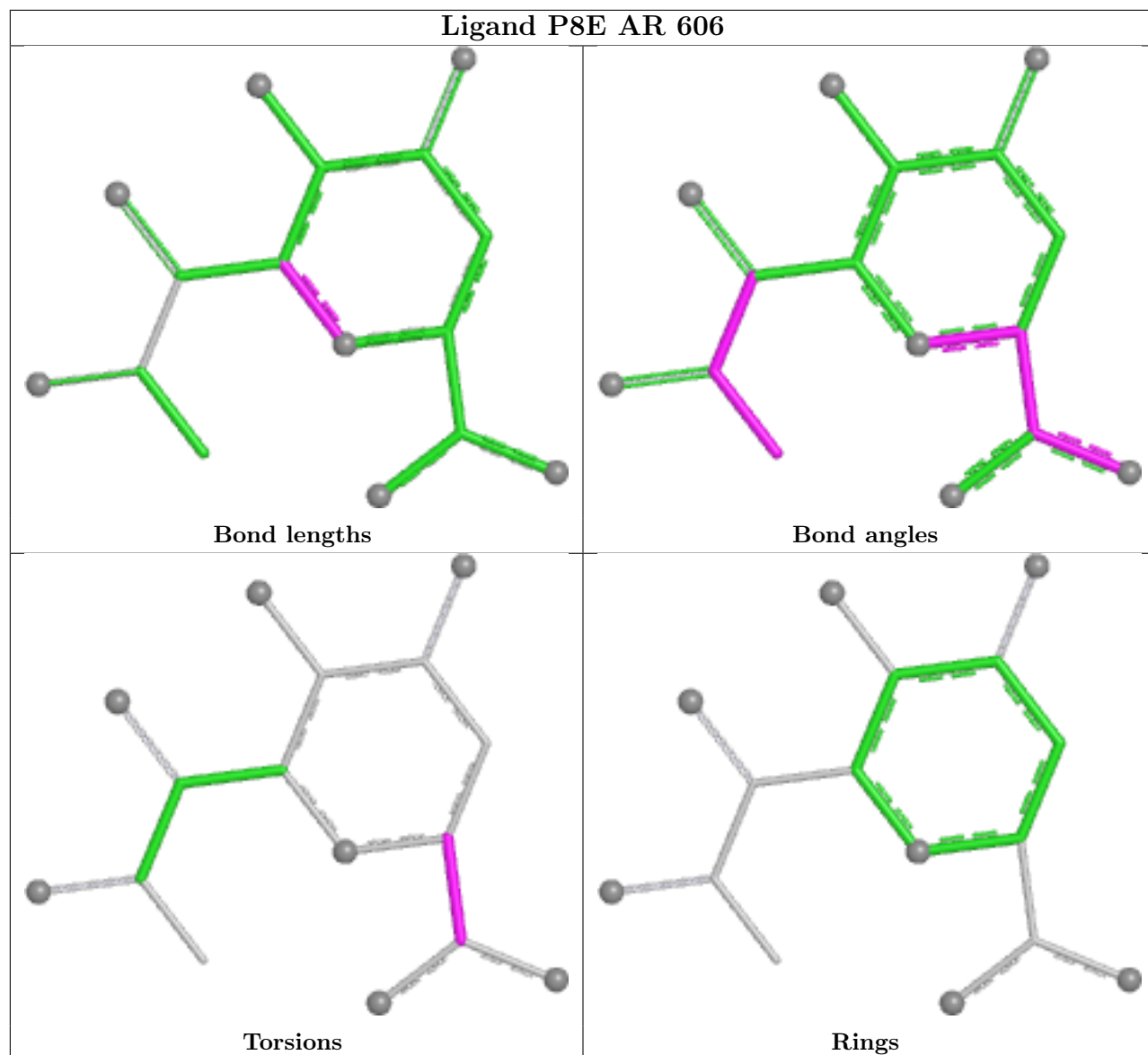


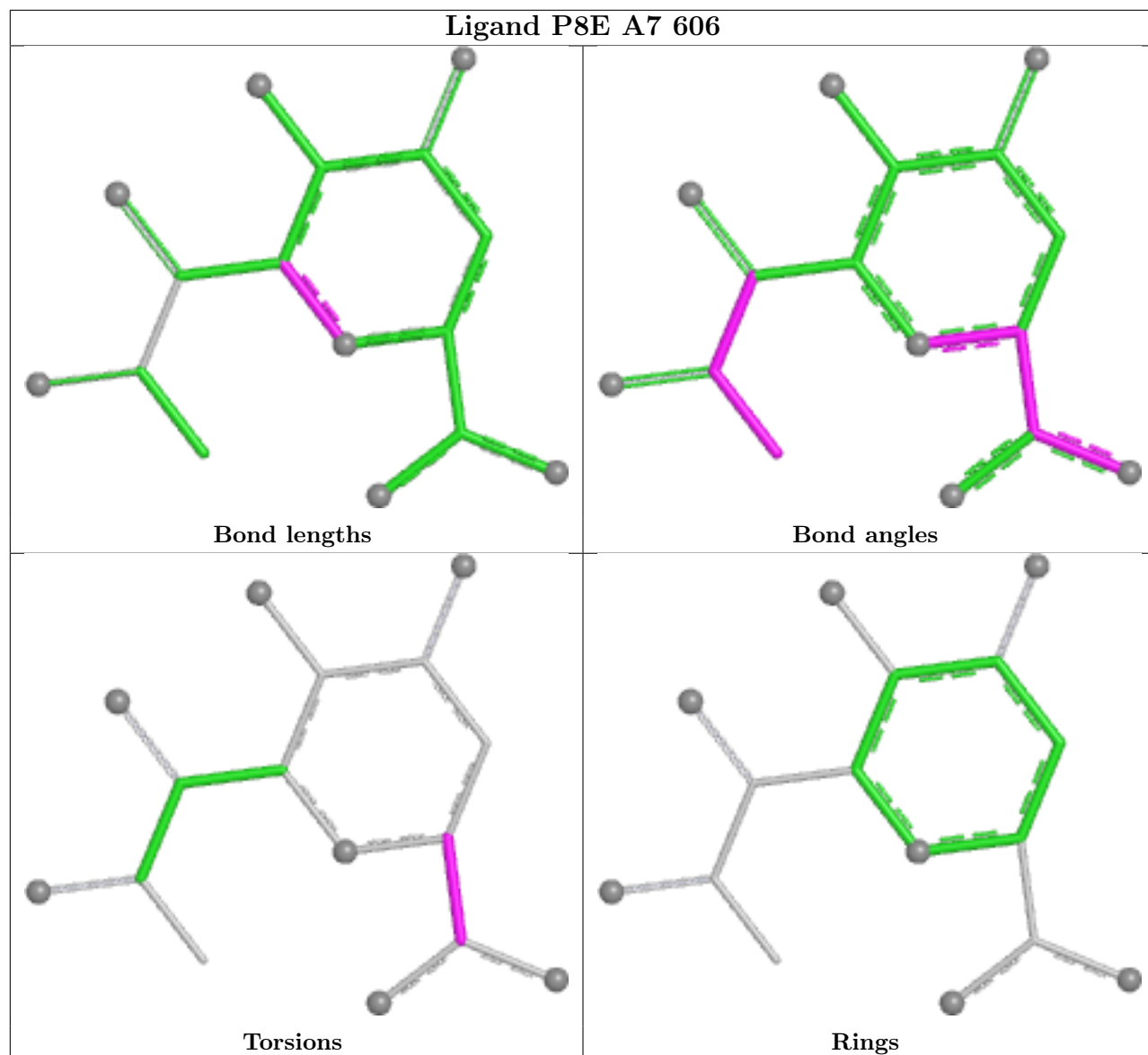


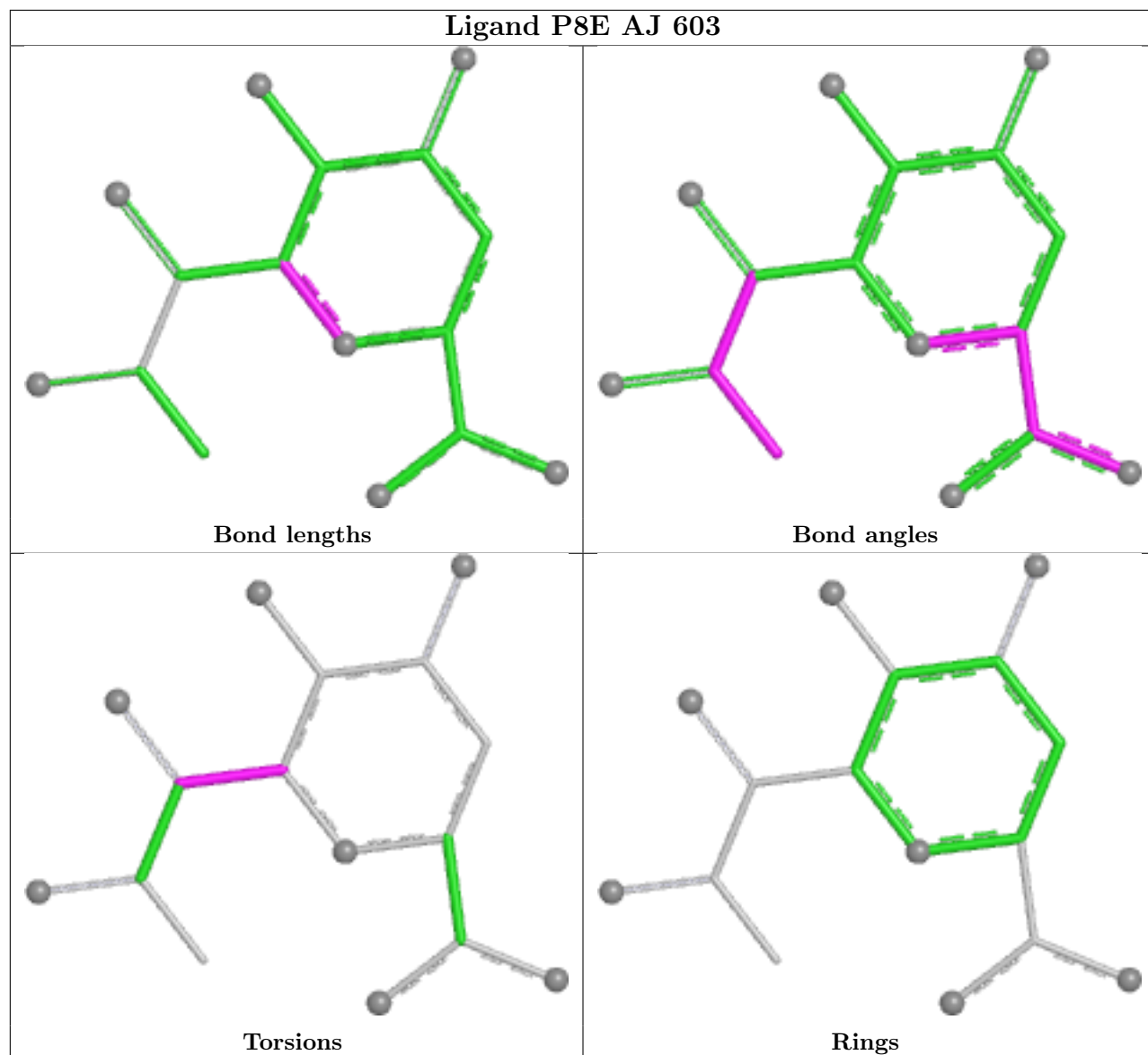


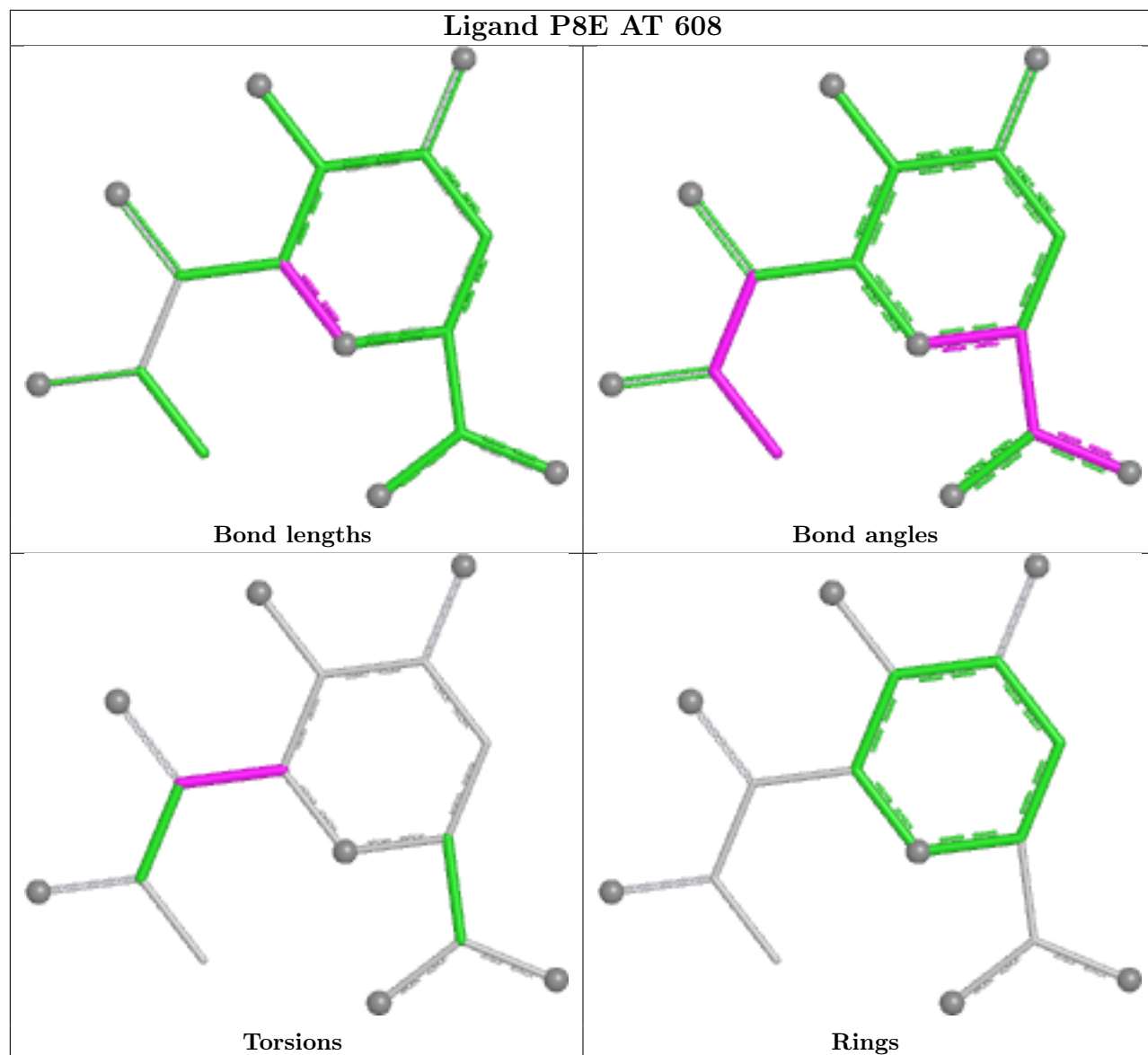


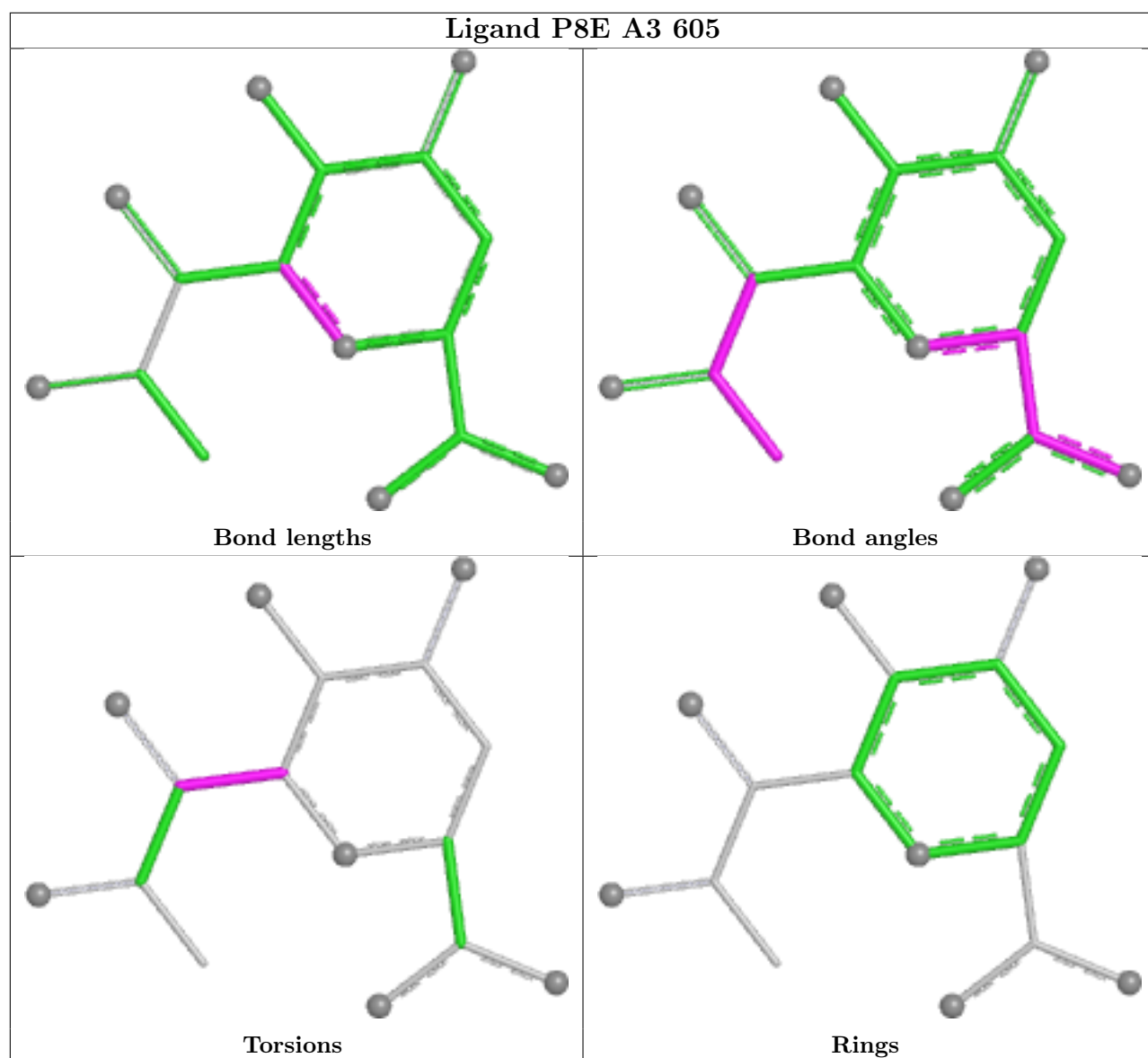


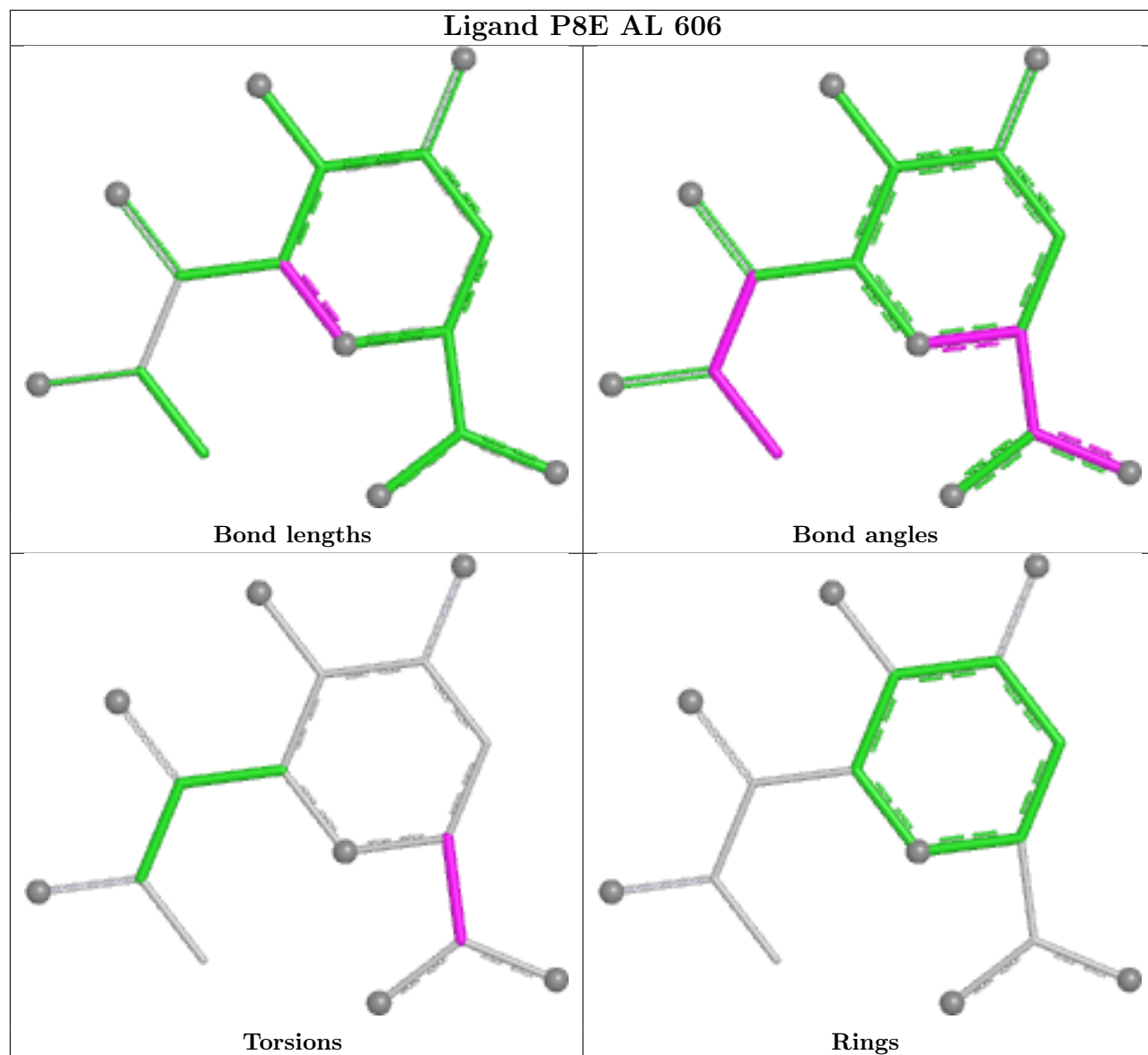




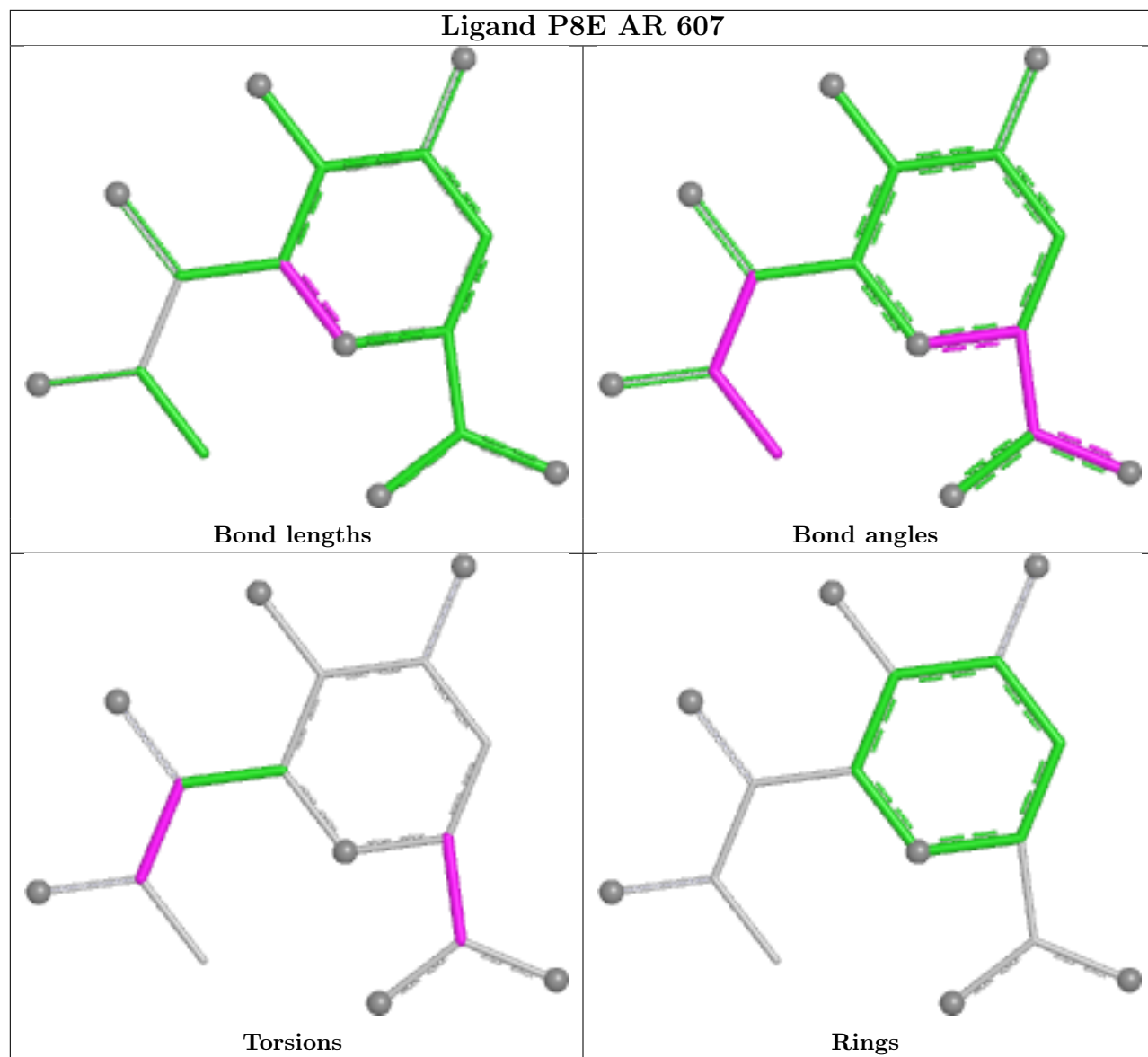


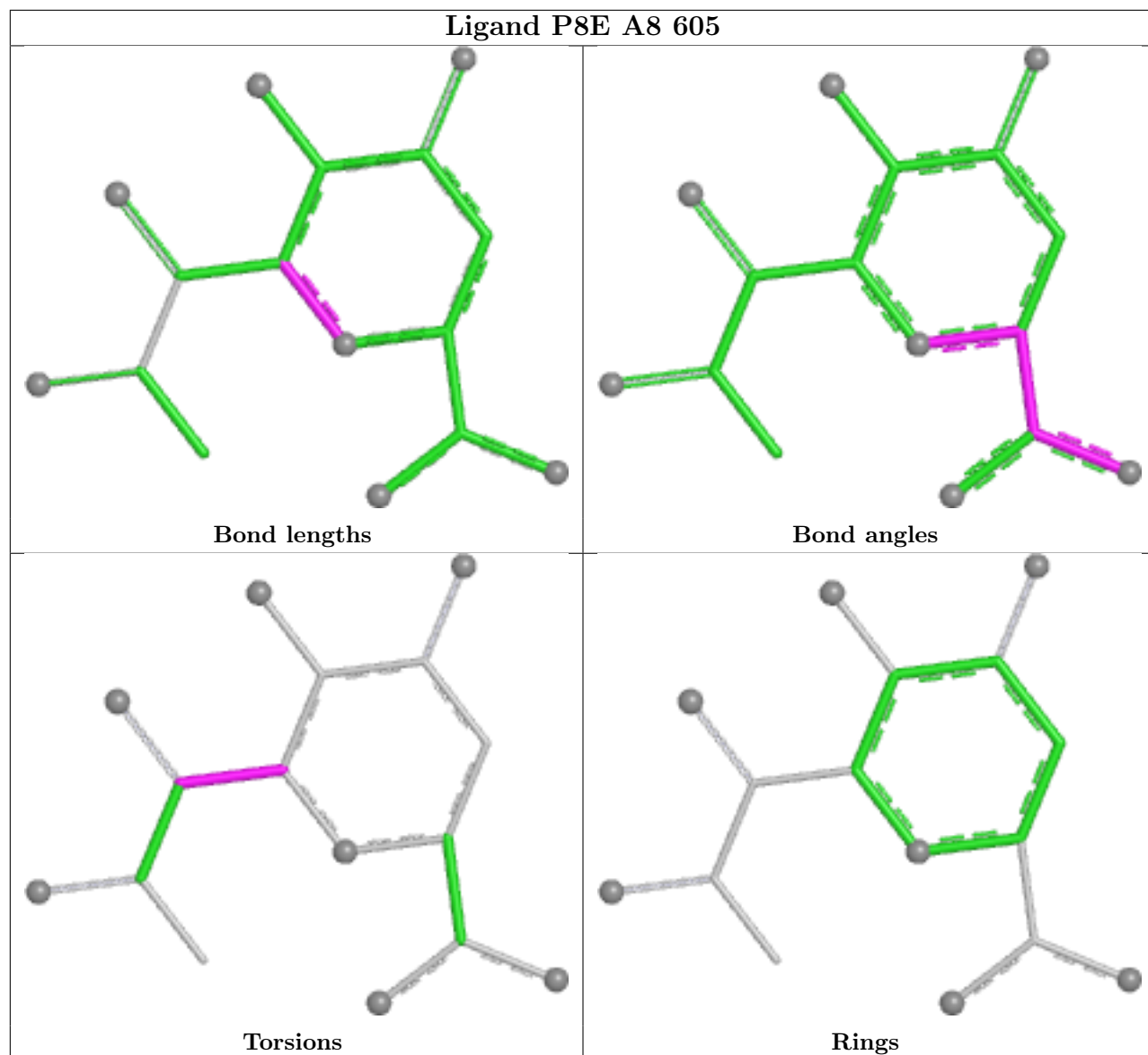


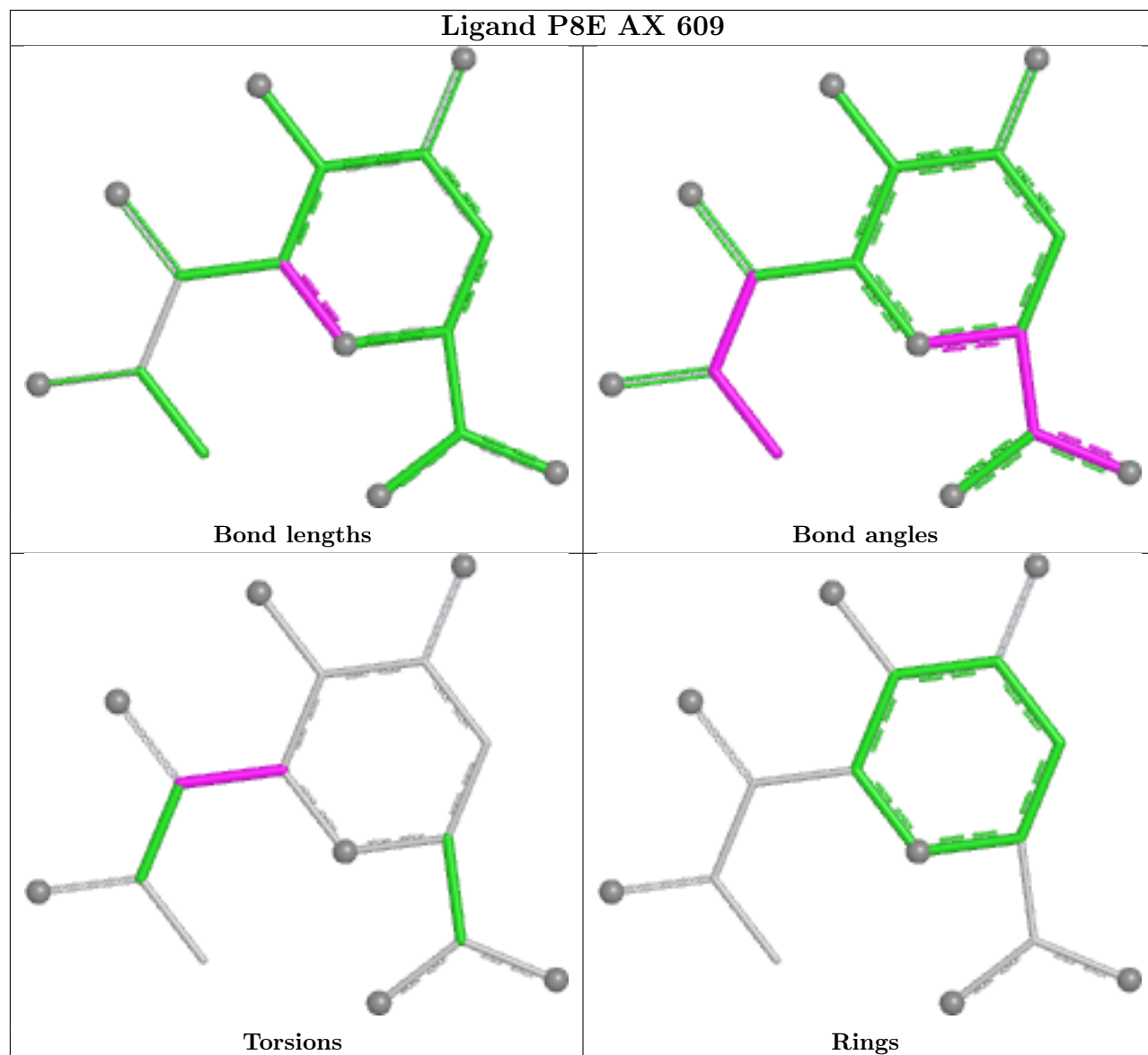


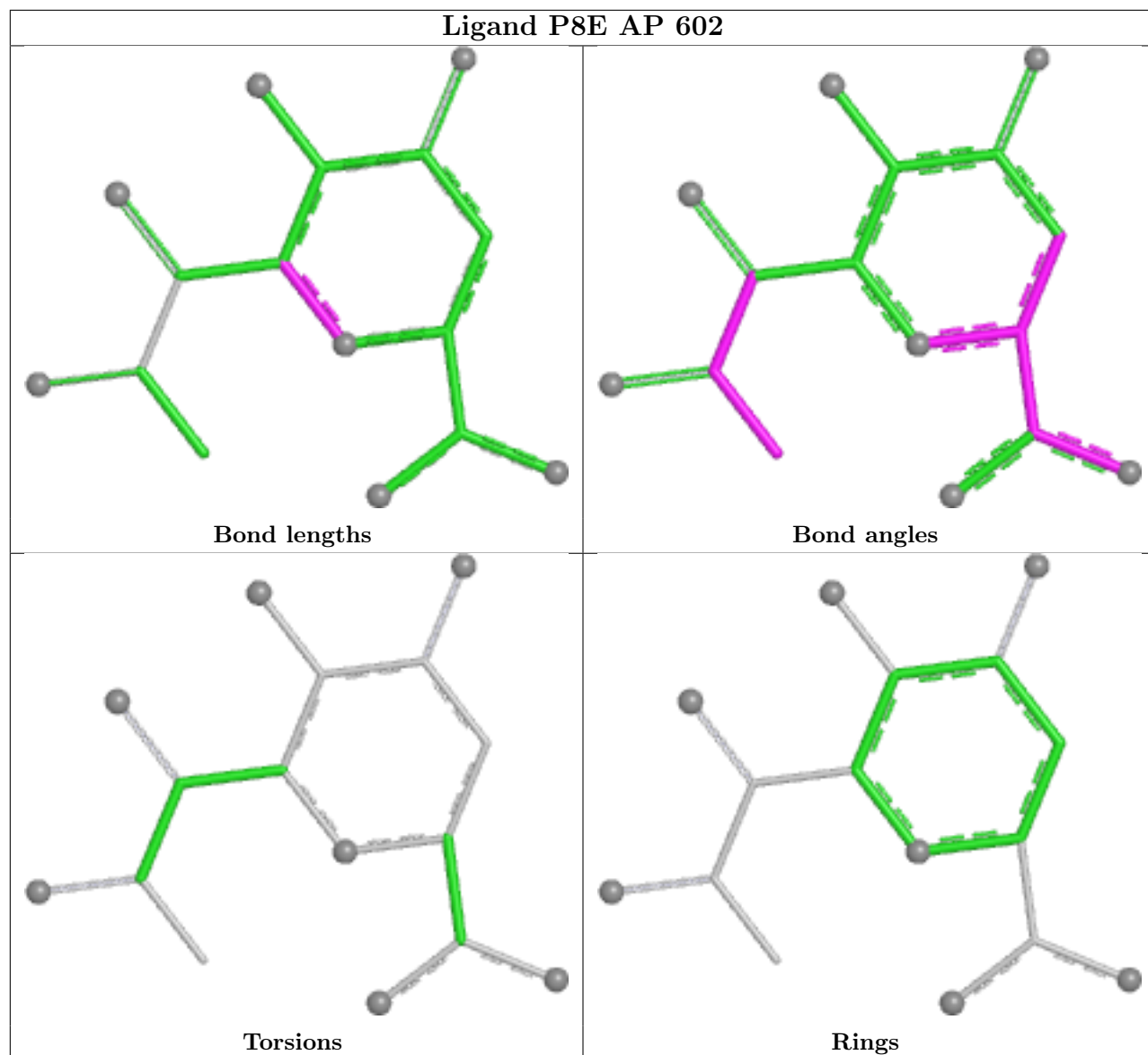


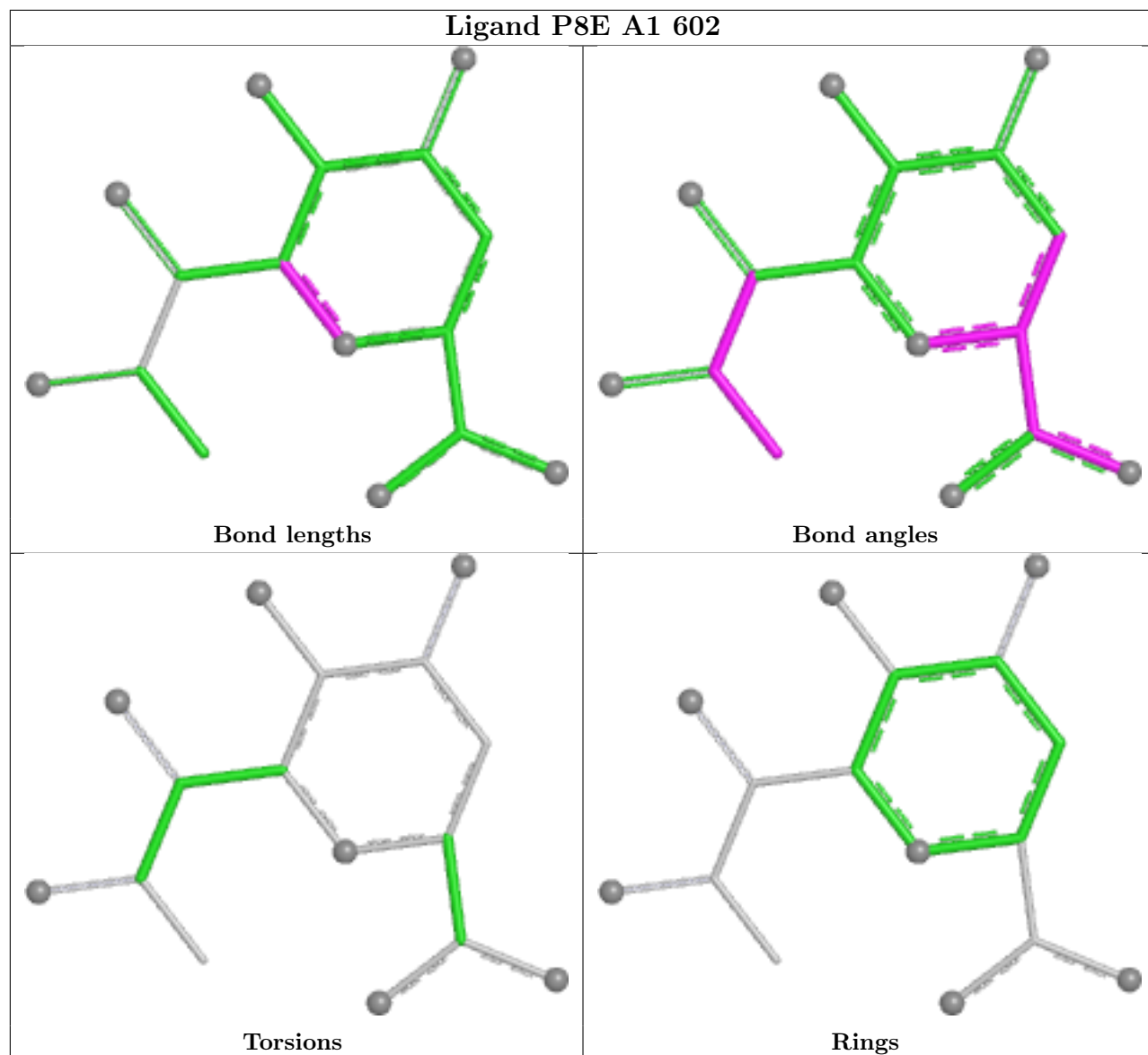


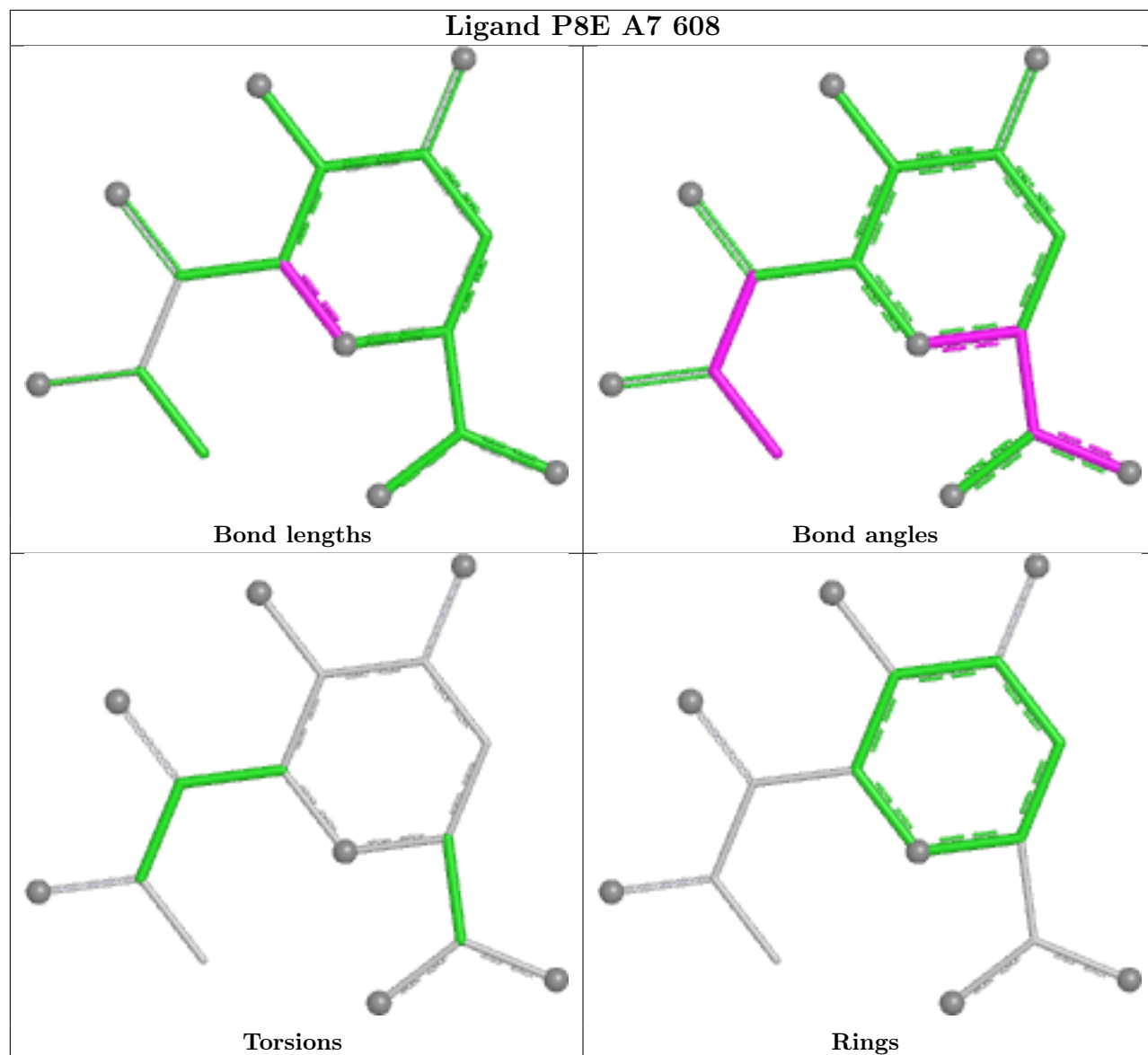


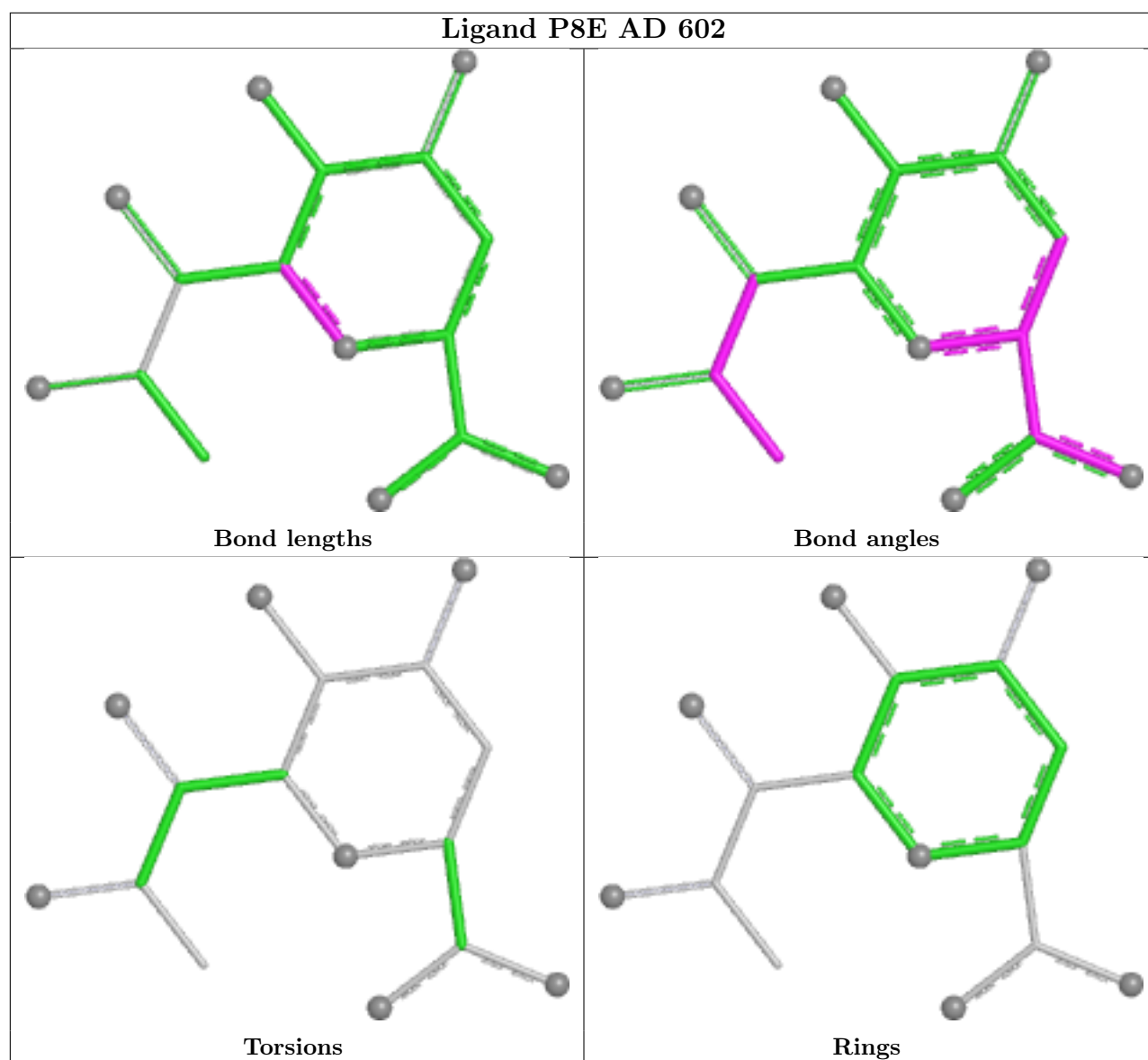












## 5.7 Other polymers [i](#)

There are no such residues in this entry.

## 5.8 Polymer linkage issues [i](#)

There are no chain breaks in this entry.

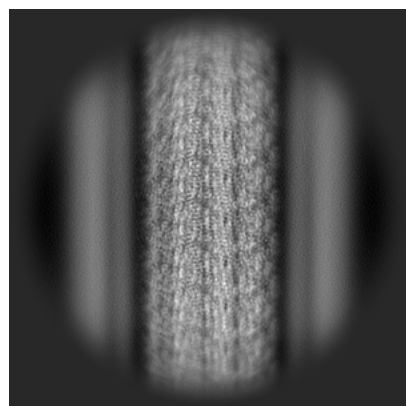
## 6 Map visualisation [i](#)

This section contains visualisations of the EMDB entry EMD-72948. These allow visual inspection of the internal detail of the map and identification of artifacts.

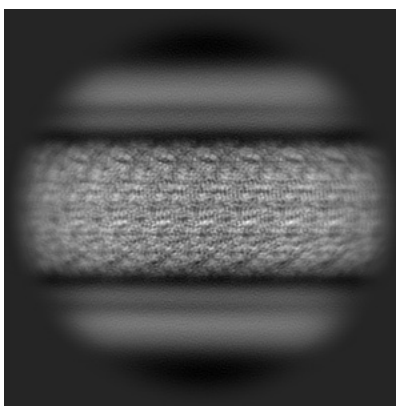
Images derived from a raw map, generated by summing the deposited half-maps, are presented below the corresponding image components of the primary map to allow further visual inspection and comparison with those of the primary map.

### 6.1 Orthogonal projections [i](#)

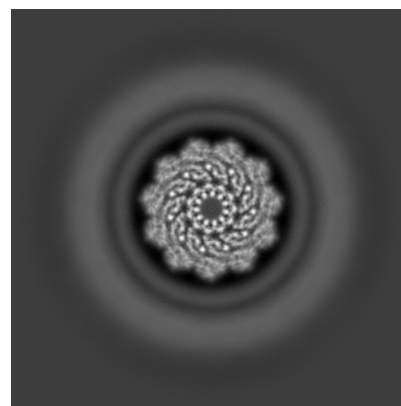
#### 6.1.1 Primary map



X

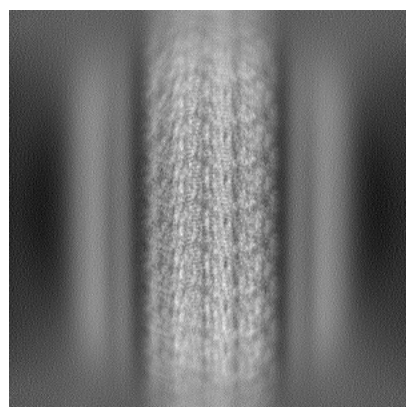


Y

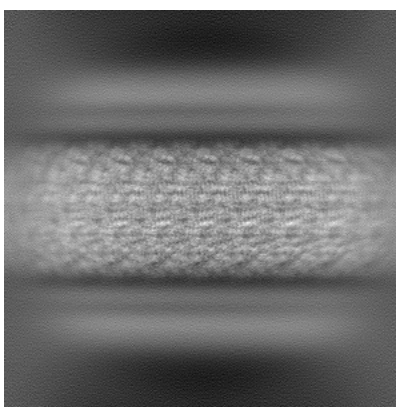


Z

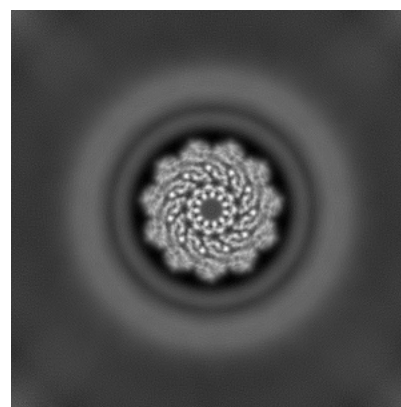
#### 6.1.2 Raw map



X



Y



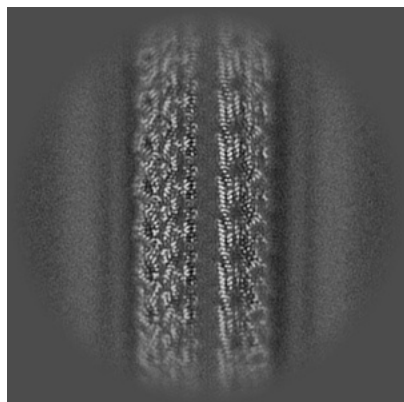
Z

The images above show the map projected in three orthogonal directions.

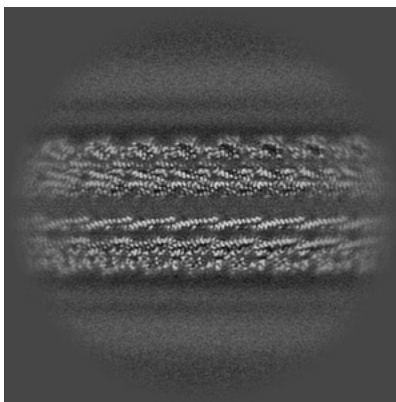


## 6.2 Central slices [i](#)

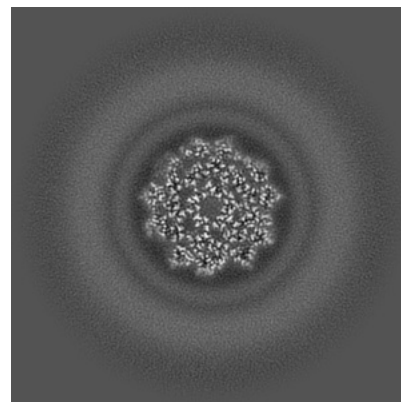
### 6.2.1 Primary map



X Index: 224

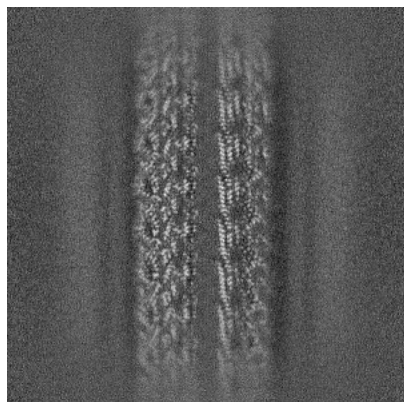


Y Index: 224

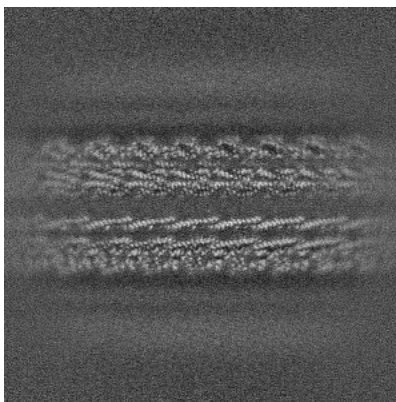


Z Index: 224

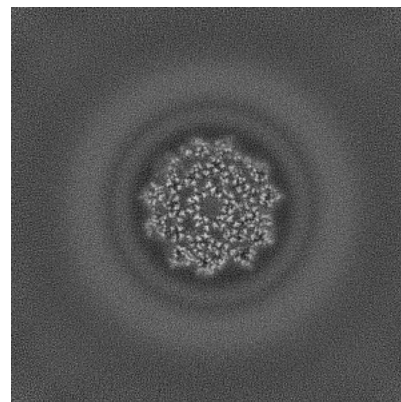
### 6.2.2 Raw map



X Index: 224



Y Index: 224

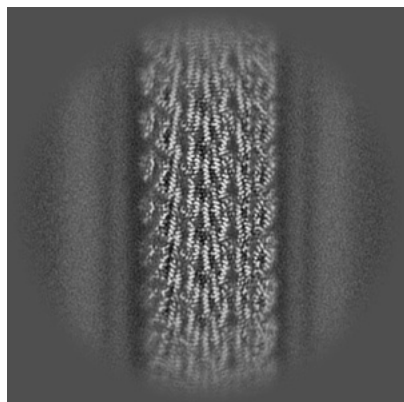


Z Index: 224

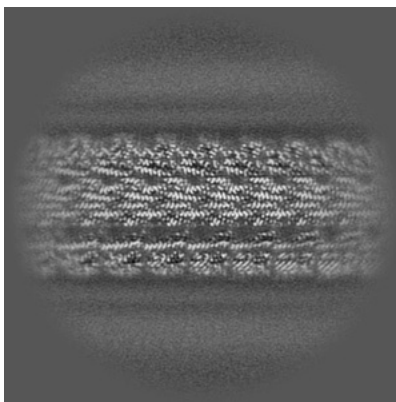
The images above show central slices of the map in three orthogonal directions.

## 6.3 Largest variance slices [i](#)

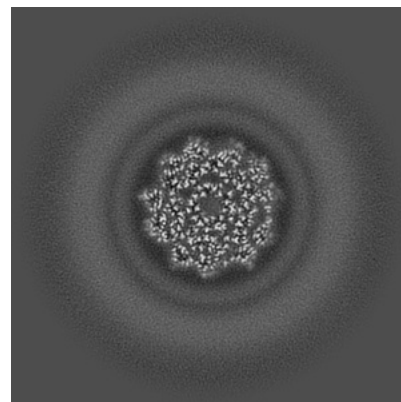
### 6.3.1 Primary map



X Index: 207

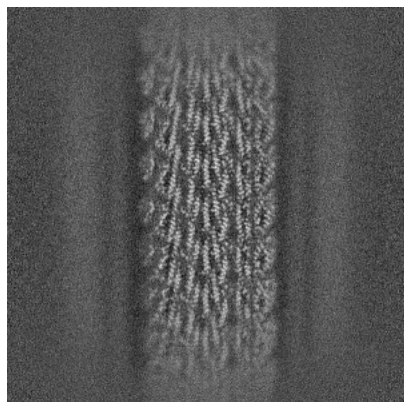


Y Index: 239

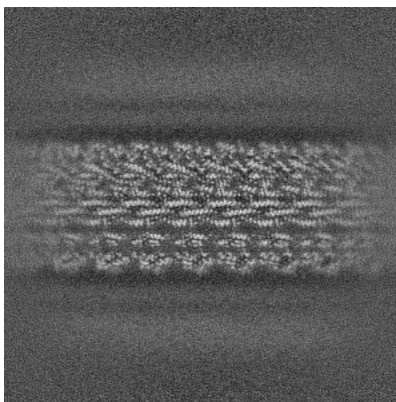


Z Index: 218

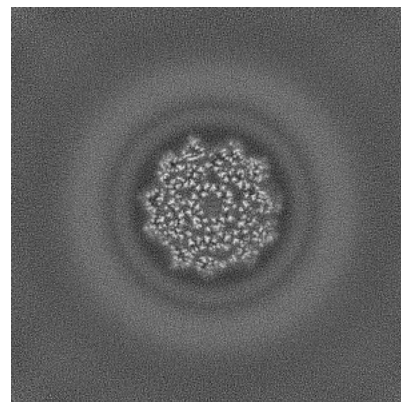
### 6.3.2 Raw map



X Index: 207



Y Index: 207

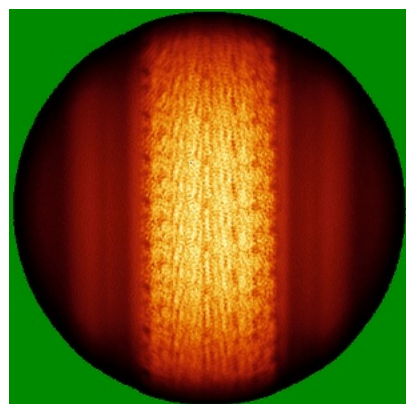


Z Index: 214

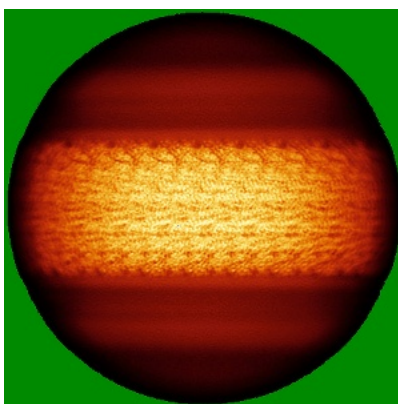
The images above show the largest variance slices of the map in three orthogonal directions.

## 6.4 Orthogonal standard-deviation projections (False-color) [i](#)

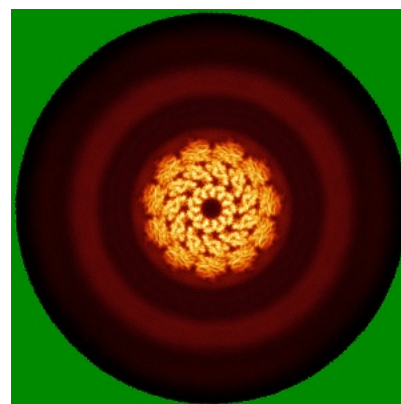
### 6.4.1 Primary map



X

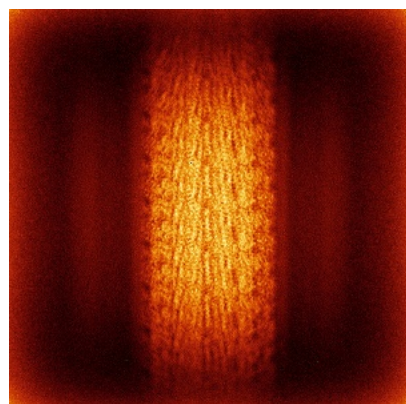


Y

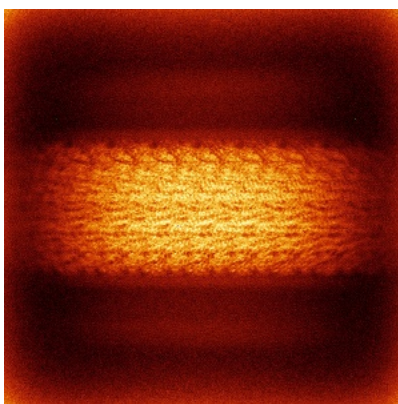


Z

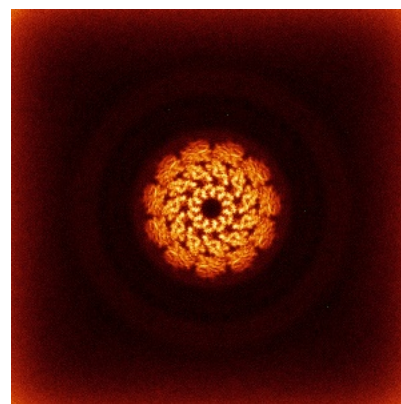
### 6.4.2 Raw map



X



Y



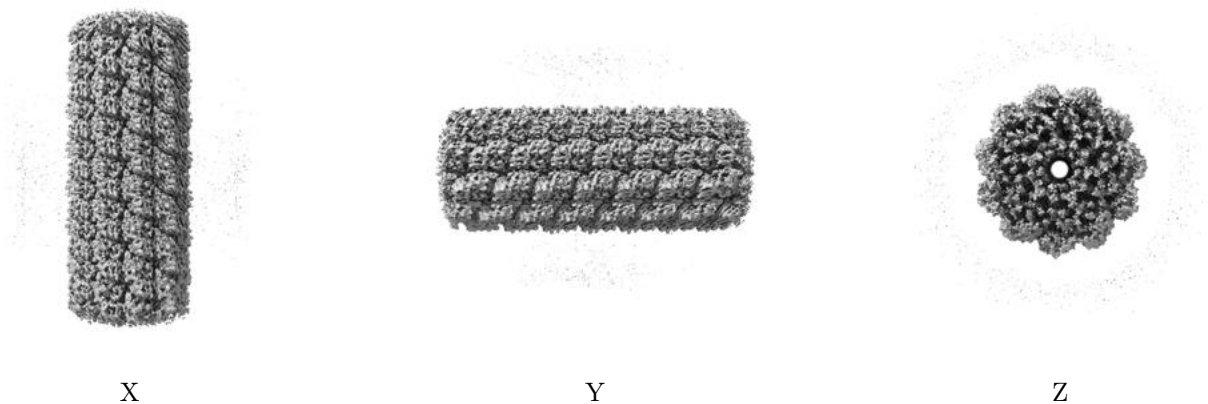
Z

The images above show the map standard deviation projections with false color in three orthogonal directions. Minimum values are shown in green, max in blue, and dark to light orange shades represent small to large values respectively.



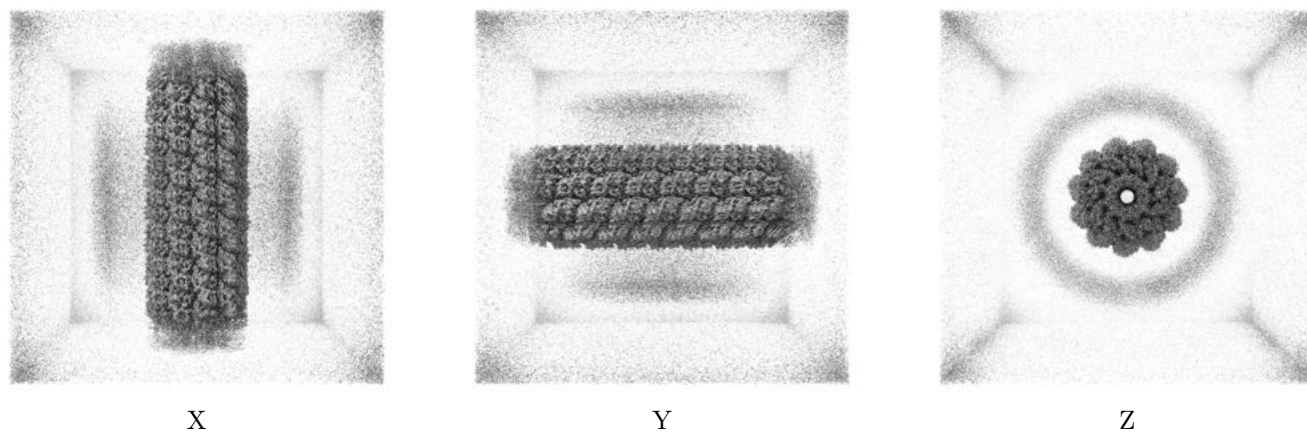
## 6.5 Orthogonal surface views [i](#)

### 6.5.1 Primary map



The images above show the 3D surface view of the map at the recommended contour level 0.052. These images, in conjunction with the slice images, may facilitate assessment of whether an appropriate contour level has been provided.

### 6.5.2 Raw map



These images show the 3D surface of the raw map. The raw map's contour level was selected so that its surface encloses the same volume as the primary map does at its recommended contour level.

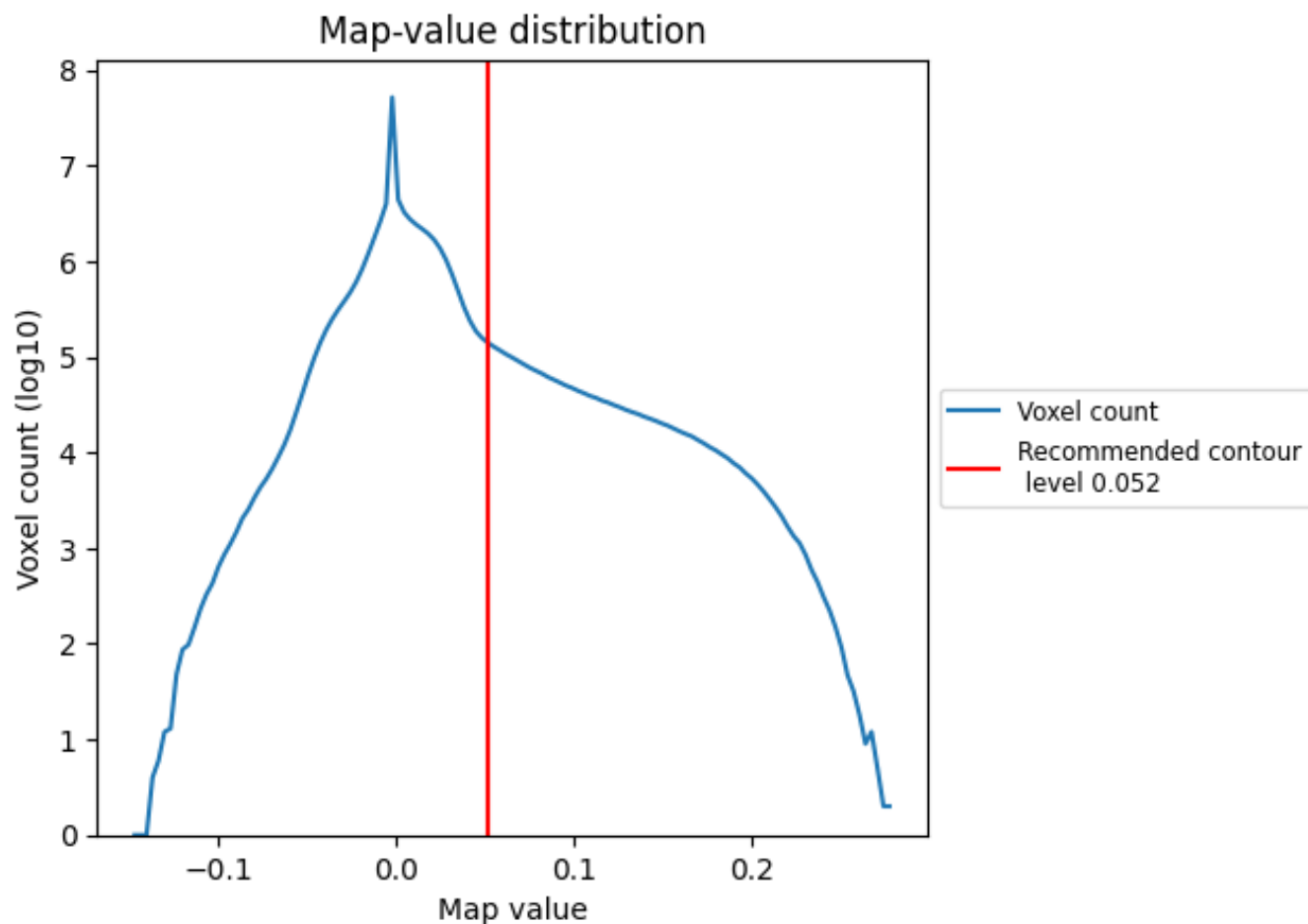
## 6.6 Mask visualisation [i](#)

This section was not generated. No masks/segmentation were deposited.

## 7 Map analysis [i](#)

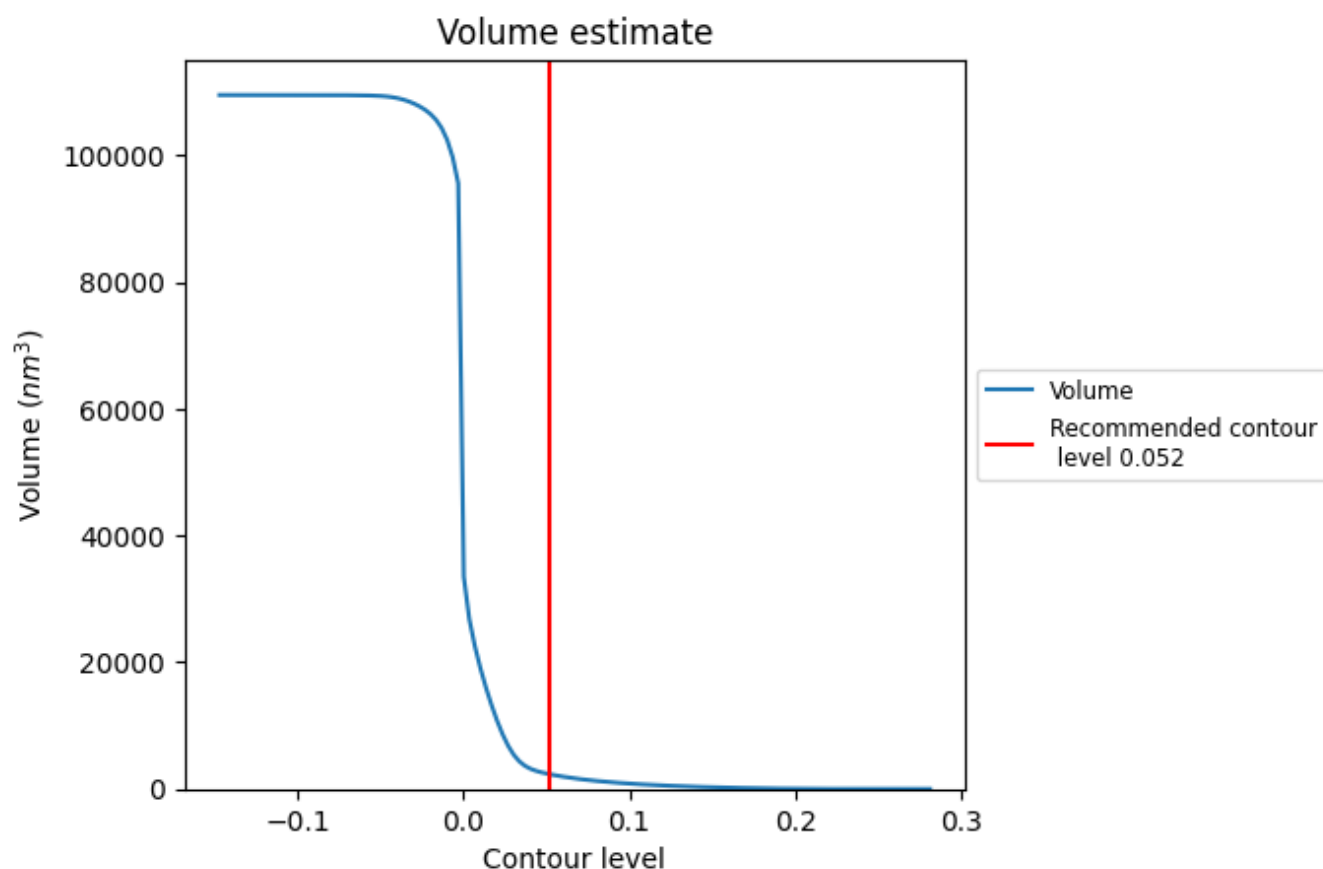
This section contains the results of statistical analysis of the map.

### 7.1 Map-value distribution [i](#)



The map-value distribution is plotted in 128 intervals along the x-axis. The y-axis is logarithmic. A spike in this graph at zero usually indicates that the volume has been masked.

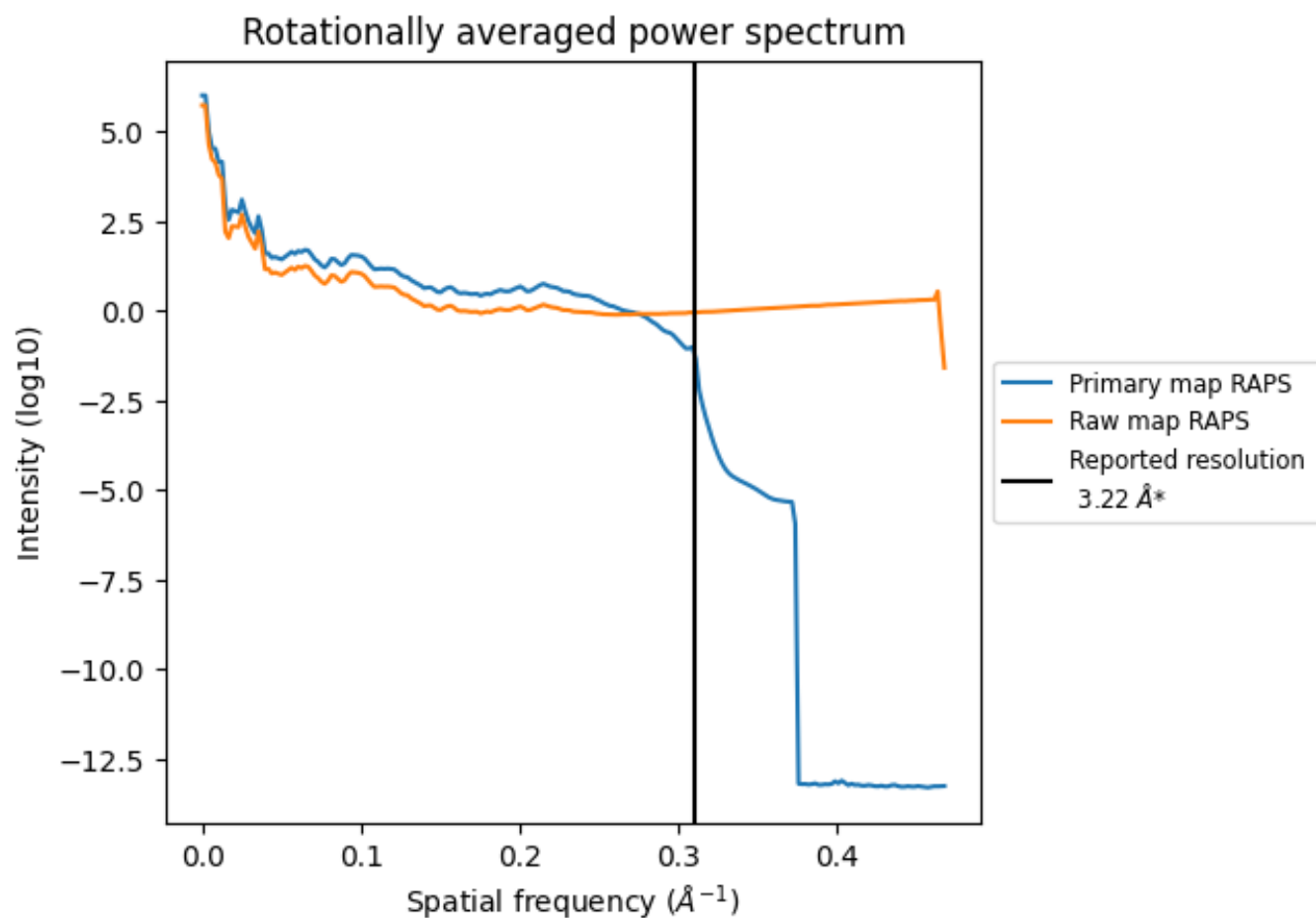
## 7.2 Volume estimate [i](#)



The volume at the recommended contour level is 2330 nm<sup>3</sup>; this corresponds to an approximate mass of 2105 kDa.

The volume estimate graph shows how the enclosed volume varies with the contour level. The recommended contour level is shown as a vertical line and the intersection between the line and the curve gives the volume of the enclosed surface at the given level.

### 7.3 Rotationally averaged power spectrum ⓘ

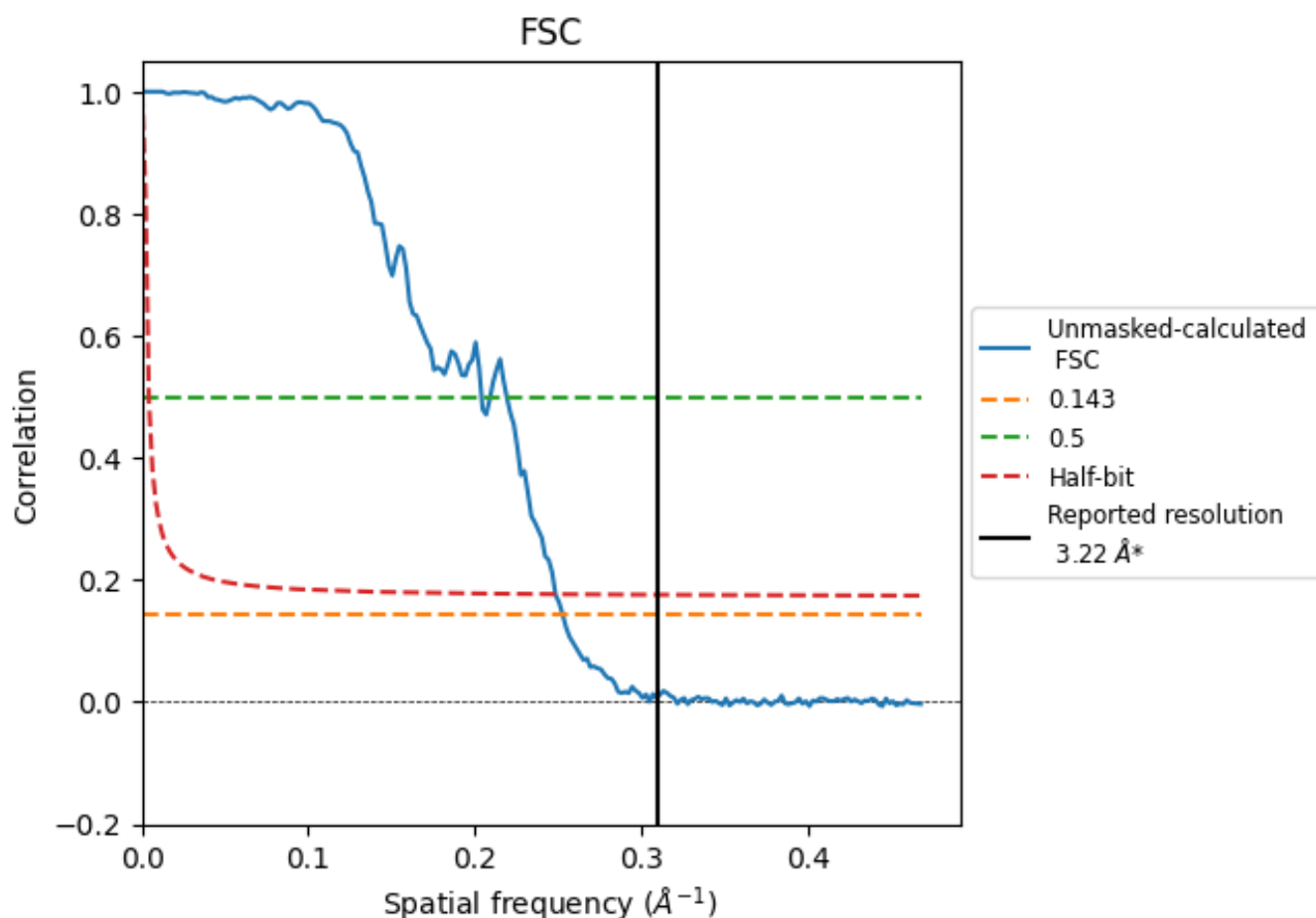


\*Reported resolution corresponds to spatial frequency of 0.311 Å<sup>-1</sup>

## 8 Fourier-Shell correlation [i](#)

Fourier-Shell Correlation (FSC) is the most commonly used method to estimate the resolution of single-particle and subtomogram-averaged maps. The shape of the curve depends on the imposed symmetry, mask and whether or not the two 3D reconstructions used were processed from a common reference. The reported resolution is shown as a black line. A curve is displayed for the half-bit criterion in addition to lines showing the 0.143 gold standard cut-off and 0.5 cut-off.

### 8.1 FSC [i](#)



\*Reported resolution corresponds to spatial frequency of  $0.311 \text{ \AA}^{-1}$



## 8.2 Resolution estimates [i](#)

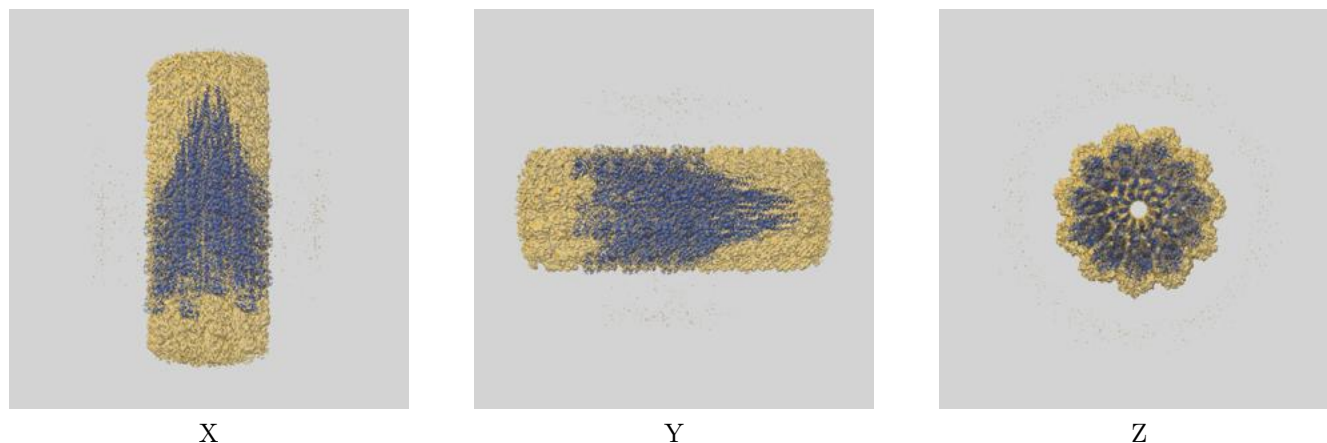
Resolution estimate (Å)	Estimation criterion (FSC cut-off)		
	0.143	0.5	Half-bit
Reported by author	3.22	-	-
Author-provided FSC curve	-	-	-
Unmasked-calculated*	3.95	4.90	4.02

\*Resolution estimate based on FSC curve calculated by comparison of deposited half-maps. The value from deposited half-maps intersecting FSC 0.143 CUT-OFF 3.95 differs from the reported value 3.22 by more than 10 %

## 9 Map-model fit [i](#)

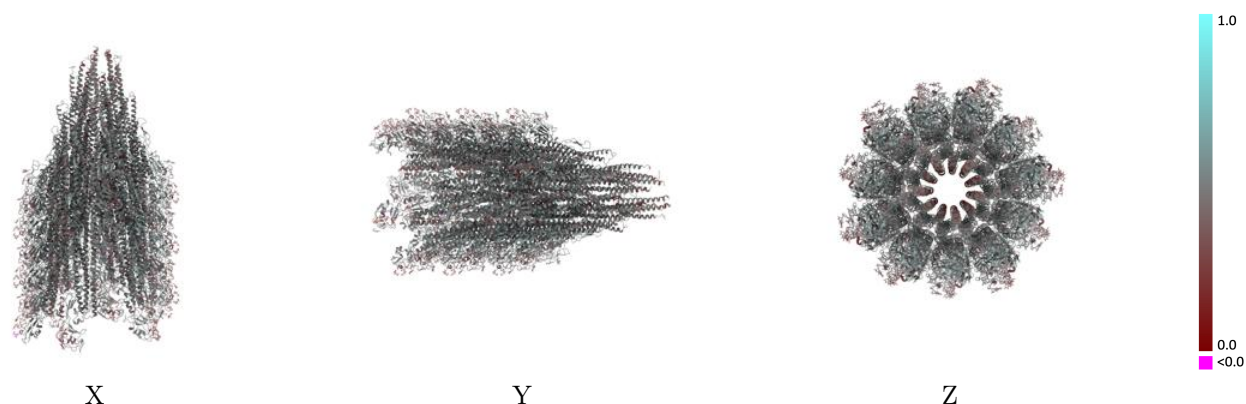
This section contains information regarding the fit between EMDB map EMD-72948 and PDB model 9YH1. Per-residue inclusion information can be found in [section 3](#) on [page 23](#).

### 9.1 Map-model overlay [i](#)



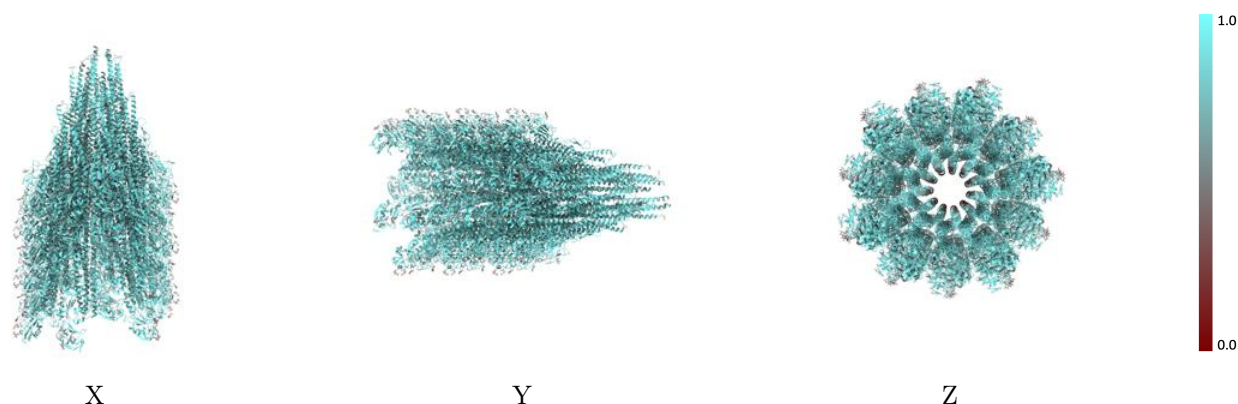
The images above show the 3D surface view of the map at the recommended contour level 0.052 at 50% transparency in yellow overlaid with a ribbon representation of the model coloured in blue. These images allow for the visual assessment of the quality of fit between the atomic model and the map.

## 9.2 Q-score mapped to coordinate model [i](#)



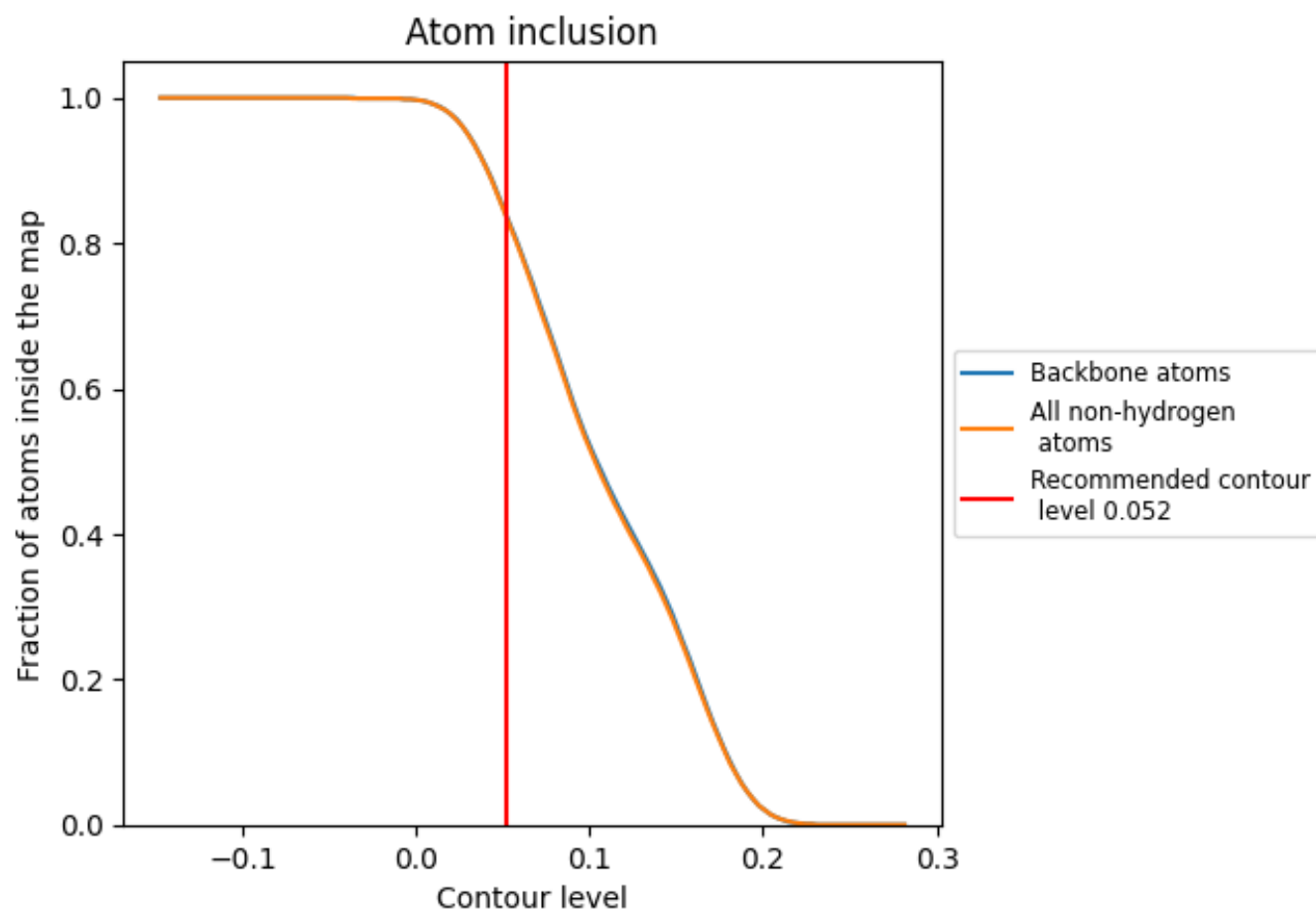
The images above show the model with each residue coloured according to its Q-score. This shows their resolvability in the map with higher Q-score values reflecting better resolvability. Please note: Q-score is calculating the resolvability of atoms, and thus high values are only expected at resolutions at which atoms can be resolved. Low Q-score values may therefore be expected for many entries.

## 9.3 Atom inclusion mapped to coordinate model [i](#)



The images above show the model with each residue coloured according to its atom inclusion. This shows to what extent they are inside the map at the recommended contour level (0.052).





































































## 9.4 Atom inclusion [i](#)



At the recommended contour level, 84% of all backbone atoms, 84% of all non-hydrogen atoms, are inside the map.

## 9.5 Map-model fit summary ⓘ

The table lists the average atom inclusion at the recommended contour level (0.052) and Q-score for the entire model and for each chain.

Chain	Atom inclusion	Q-score
All	 0.8370	 0.4740
A1	 0.8420	 0.4780
A2	 0.8450	 0.4800
A3	 0.8270	 0.4580
A4	 0.8390	 0.4740
A5	 0.8440	 0.4730
A6	 0.8450	 0.4790
A7	 0.8260	 0.4560
A8	 0.8420	 0.4720
A9	 0.8430	 0.4790
AA	 0.8380	 0.4710
AB	 0.8350	 0.4700
AC	 0.8380	 0.4680
AD	 0.8330	 0.4670
AE	 0.8300	 0.4630
AF	 0.8470	 0.4800
AG	 0.8520	 0.4800
AH	 0.8510	 0.4800
AI	 0.8500	 0.4790
AJ	 0.8380	 0.4710
AK	 0.8490	 0.4790
AL	 0.8420	 0.4690
AM	 0.8480	 0.4820
AN	 0.8510	 0.4810
AO	 0.8440	 0.4760
AP	 0.8520	 0.4770
AQ	 0.8470	 0.4810
AR	 0.8500	 0.4810
AS	 0.8510	 0.4780
AT	 0.8490	 0.4800
AU	 0.8470	 0.4770
AV	 0.8320	 0.4700
AW	 0.8420	 0.4750
AX	 0.8220	 0.4560

